

Table 3

1/1077

>Sequence 1

AGGTACATGACTGTGTGTGTATGTGTGTGTGTGTATAATTCTTTGTTGTT
TTGGTAAAATCAGAGGAGTGGGTATAAGTGCTAATTTCCCTTGGGAAATT
AATGAACTAGGGCAAGTATAGCATCCCATGCATAAAATTAGCACAGGGAC
ATCAGAATTGTATGGGTCTTCTTTTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTGTAGAT
GGAGTCTCGCTCTGTTGCCAGGTTTGAGTGCAGTGGCGCAATCTCAGCTC
AGTGCAACCTCCGCCTCCCAGGTTTAACCGATTCCCCTGCCTTAGCCTTT
CGAGTAGCTGGGACTACAGGTGCACGCCACCACTCCCAGCTAAATTTTGT
TATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCGCCTGTATGGGTCTTTTCTTGGAATGG
GGGTTACACCCCCATTTTTGTTATGCAAGAAAAGCATTGGAATAAAT
GTAACAT

>Sequence 2

GGGCGAGGCAATCGACTCTGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGCGGC
CGCCCGGGCATGTTACAGGCACGTGTCACCATGCCTGGATAATTCTTNGA
TTTTTTTGGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTCATT
AAACTCCGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTCCTGGG
ATTATAGGCGTGAGCCACCACATGCGGCAACCCACAGTTTAAACAGATT
GTTTATACTTTGATTTGGTTTTGCAGATGATATGCATACTAAGGCTTTAA
AAAATTATCTAAATGTTTAATAATTTTTTGTGATTGGGAATTAT
TTACTTCTGGGAGTCATGATCCTAAAGAAACAGTAAATTGGCTGTTTGA
GTGGGAAAAAAAAAACTTCAGGTAACCTTGTACTTAAATCCTGTCTCTTA
ATTCATAGGTTAAGACCTTAATTTTGCCTCTCTCGGTTTATGACAGTACC
TTCG

>Sequence 3

AGGTACCACGACATCTCGGGAGATACTTCAGGGGATTACCGGAAGATTCT
GCTGAAGATCTGTGGTGGCAATGACTGAACAGTGACTGGTGACTCACTTC
TGCCACCTGCCGGCAACACCAGTGCCAGGAAAGGGCCAAAAGAATGTCT
GTTTCTAACAAATCCACAAATAGCCCCGAGATTCACCGTCCTAGAGCTTA
GGCCTGTCTTCCACCCCTCCTGACCCGTATAGTGTGCCACAGGACCTGGG
TCGGTCTAGAACTCTCTCAGGATGCCTTTTCTACCCCATCCCTCACAGCC
TCTTGCTGCTAAAATAGGATGTTTTTCAATTTTTTCCAAANNNAANA
AAAAANAAAAGGGTACCCTGGCCCG

>Sequence 4

AGGTACCATATAGATCAAAAGCTTTGTAACCACGGGAAAAAATAAACTCT
TCCATTCCTTAAAGAATAGAATAGTTTGTCCCTCTCATGGGAATTGGGCT
GTATGTATATTGGTCTTCCTCCTTAGAATTTTAGAGATACAAGAGTTTCT
ACCTAGAACTTTTTAATGGACACAATTTTTTACCAACCTTTCAAGATGCC
TGATGTAGAGCCTATTGGGGAAAAGAACTTTCAAAAACCTCAGGAATGTT
TTGCTAGAGAGCCTTACCTGCTTAGATATTATCCTTGGGAATCCTTATATG
TTTGTCTCTACAATGTAATGTTTAGAATGGTTCCCTAGCTTTTTTAAGCT
TTTAAACCCATTTCAAAAGATTTCTGCCCCCAATATCCCCAACAGTCC
AAAAACTTGAAATCTGCCGTTGGTTGGGGAAAGCCCAGCAGGGGCCTTTT
GGGAAAAGGAACCCATGGGCTTGGGGTTTAAAAAAGGGGTGGGCTTGGA
AAGCCCCCTTCCGGGGAAAAAATTTTTTTCTCCAGGTTTTTTTTTTT
TTATAAGGGG

>Sequence 5

CCGGTCTGGTACCTCAACATATTTGCCTTGATAGCTTAACTTAGCTTTTC
TAATATACCTTAATAGAGTTAAGTTATGTAATACTCAATTCTGATTTGGA
AAAGTCTAACTTTTCTTTTAGCTCTGGTTAGGATGAGTGTAAGGTGGGAT
GAGTGGGGTTTTGTTTCTGCATGTGTCCACACTAATTTTAAACACACATC
TGAACAATAGCTTTTCATTATCTAAGTTGAATATCTTAGATACTGAATAT
TACTAAAATTTACTAACAATATTAATACTAAATAATACCATCTTATACTT
ATGCAAAATGTTACATTTGCAGAGCTCCTTCTCACACGTTTGACCATTAC
AACTTTCTAAGACAGGCTGGACAAGGAAACTGGCTCTGGCTTTCAGAGG
AGAAGAGGTGTCTAAGTAACCTGCGGCTTTTCTGCTGAGCAGCTGTACCT

>Sequence 6

Table 3

2/1077

AGGTACTGTAACTTCTCCCCCTCCTGGATCTTTGTTTTACTAAATCAGC
CCTAACCCTTTCTCTTCAGTCTCTTTCTCTTGACTTTCCCCTAGATCTTG
CCCCTAGACCATCACTCAGCTGGTTCCTCTTCATTGCCTCCATCTTAGTT
CAAATGTTTCTTCTTTGGACAGTTTGGAGTTTGTCTCCCCCTCTTCCCTG
CCATTCTATAGTAGGTTTTTTTTTTCTTAAAATAGTGCATATCATCTGGG
TGCGGGGGCTCATGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGGGGTG
TATCACGAGGTTAGGAGATAAAGACCATCCTGGCCAACATGGTAAAACCC
TGTCTCTACTAAAAATCCAAAAAAATTACCGGGGAACCTTCCCGGGCGGC
CGCTTTAGAACGGGGGTCCCCCGGCTCGGGAAATTTTATAAGGTTTTTT
ACCCCCGCCCCCGGGGGGGGGCCCCGCC

>Sequence 7

CCGGGCAGGTACAGTCGTTTGAGCTCCATGGAAAACAGTGGGGAAATGTT
TCAGTGGCATTACTGTGAGTATTTCTTGAGTTTGGCAAGTCCACTACAG
CATGCTCATTGGTGGTCGAGGGCAGGAGAAAGGGGAGGTCTTGGTGCATT
GCTCTCAAGGGAGGGCTTTTGCTTCTAGTGCCTTCCCCAAGACCTCATGG
ACCGTTGACTTGTTTCATCATGTGGAGCTTCATCTTATGCAAGCTGAAGA
AACAGTATGCCGGTTTCATTGCTGCAAGATAATTGACCCCTTGTGACTTC
ATCCAGAAGGTAGCAGCAACATGTGCTCTTAGTGAAAGATC

>Sequence 8

AAAAATCTGGATCAGTTGGAGCACCCGTGCGTGATATATCTGTGTTTACG
TGATTGAGTGGACATGATCACTCTGGATACCACAATGAATGAAATTTAAA
TGGACTAATCCAATGAATGAAATATAAAATGAAAATAAAATGAGAAATGT
AAGATACAGGAAAAGAATACTTATTTTTGAAATCACAGTGTGGTGGTATT
GGCTGATAAAACCTATCTAATAGTATCAATAGGTTCTTTCACATTCTCCA
AGGGTCATAGCTGTACATTAAGTGGCTAAATTGAAAATTATGGTAGAC
TCCAGATTTAGAATTGCACTATCTCACTTATCATATAAATAACTAAACCA
TATTCTAACATATAATTTTTATTTAATCATTATATTACAAATAATATAG
AAATATTCAGAACAAAAGTGGCATGTTATACACAAATCTAACCTGTATTG
CACAATTTATACAATATATGCAATTCTACTCTACAATTTACTTTTTCTTT
CTTTTACCATTACCATTCTGG

>Sequence 9

AGGTACTTTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTTTTTGATACAGAGTCTTAGT
CACCCAGACTAGAGGTGAGTGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTCTGC
CTCCTGGGCTCAAGAGACCAGCCCACCTCCGCCTCCAAGTAGCTGGGACT
ACAGGCGTGCGCCACCATGCCCGGCTACTTCTTGTATTTTTTTGTAGAGAC
GGATCGTCACCATATTTCTTAGGCTGGCCTTTAACTTCTGAGCTCAAGAG
ATGCACTCCCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGGCCAGGCC
TATTTTCAATTTTCAAGTATTGCATATCATTGTGAATAACATTGTAAATC
CTTTTATATTAAGTAACAGGTAGTTAATCCATTCTAATGAATAATTTT
AAGGTTTTAATCCTTCCAAGTGACCTGCCCCG

>Sequence 10

AGGTACTAGTCAGTATGCTGTAGTATTAATCAGTAGGTCAAGTTCAGTGA
AGTAAAGGAGAATTGAATCTTGAAGTTCACATTTAGGCAAAAATTTGGC
GTTTTAGGAGGTGAGTATAAGACATGATCTTTATAGAAAACGCTGATGAT
AAAAACAGCGCTCTCTGTTAGGTGCCTTTATGCTTGACTCCATTGTCATC
TTTTCTTAAGAACTAAGCTCAGGACTGGGTGCAATGGCTCATGTCTGTA
ATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCTATAGGATCAGTTGAGCTCAGGAG
TTCAAGATCAGCCTGGGCAACATAGCTAGACCTCGTCTCTACTAAAAAAC
AAACAAACAAAAAACAACAAAAAACCCCCAAAAAACCAACAAACCAGCT
TGGCTGGGTGGGTGCGTGCCTTGTGGTCCCAGCTGCTCAAGAAGCTGAAG
CGGGAGGATAGCTTGAGCCAGGGAGATCA

>Sequence 11

CCGGGCAGGACGCGGGGGGCTCTCAAAAAATGGTGGCCATTATTATTATT
TGCTCATGGACCAGTATTTCAATGATGGAAATACTTTAGTGCCTCTAAAA
ATCAGCTCTAGTGTTAACACACTTAAGGAAACCCAGTCAGGTACCTCTG
ACTCTGTAAAGCATTATAAAGAAAATAATGAACTCATAAGTGAGTTCTTG

Table 3

3/1077

TGAGTCATTCAGGTTTTAAGAAGCCACTGCTTTGATTTTGAAAACAGACA
AAAAAATCTCAGAATCTACTTGGACTAGGGTTCATTTATTCTGCCTGTTT
CAAGTCAGAGCAAATACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCCTGAGTTT
GAGCCGATCCTATTTGGCACTGCAAACAGGGAGAAGTGGAATGTTTGAGGA
CAGATGGGAGGTGCAAAGTGGAGACAAGTATTGGGCCCACCTTCCACTAT
GAGACTAGCAGGGCC

>Sequence 12

GAGGAGAGATGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTGCGCACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAACTTAGAAAAGTTCCTCCTGTTTCCTGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAATAGATTTTATAATTATGATACAACTTGATATCTTGAGATAAA
TGTTTAACTTTGAAAGTTAAACATGGTATTTTTTAACTTTATCATTTTG
TGTTTCAATTTGCACATCTCTATACCTCCAATTTTGAAAAGAATTTCTTCC
AAAGTTATCTTTATGTTATCTTTACTC

>Sequence 13

CCGGGCAGGTACTCATCGCCGTTCTTTTTTAAAAATGTAGACAAATTATAT
TTTTCCCCTCAACTTTTTTTCTCCAGAGGTGTTTATTTCCCTTAACTTTC
CTCCTTTGGAACCCCGTTCTCTTATTTCTTAACAACCTGATCTAGATTGCT
CATTCAAACCAGGGCTGAAAATCAATCAGAAAAAGCAGTTCTGTTTCCCT
TGAAGAAAAGGCTTACTTTTTTAACTATGCAAAGGTGAAAGGGGGAATAT
TTGCAGTCCATTCGTGGTAAATCAATTATAAAAATAGCTAGTATTTATTG
AGCAACTACTCTGTCAGTTACTTGTCTACATTTTCATAGAACTTAAAGTT
CTACAAAATAGAATTTTAAAATAGAAGTTGGTTGGGGTGTCTGCTGGCTCACC
ATTGTAATCCCAGCACTTTTGGAGGCCAAGGCCGGCCGGATCACAAGGTC
AGGAGGTTTGAGACCAGCCTGAC

>Sequence 14

AGGTACATGTCTGTTGGTATACTTTTTAAGTATCTGTTTGCAATTTCTAG
AAGTGGAACCTTCTATTCAAAGGGCTGTATACCTAATTTTGACGTATAATG
CTTAAATATCCTTCAAAAAGGTTGCATCCAGTTACTTTCTAACTACCATC
ACCTAAGCAGACCTGTTTCCCTCATGCTCTACCAATACCAGTATTAAAG
CTTTTATAGTAAAATAAAGTTCACCTTTAAACACCACCTCAATTGCCAAA
CGCAGCTCAAATTGTCCAGTGCTTTTTTTTCCCTCATGCTGTTTACCAAT
CCAACAGAGCCCTGGCTAGGTGACCCATGGGGAAAAGCATGCTTTTCACA
GGGATTGCTCTACTGTTTCTTGCCTCTTTAACACAAACACGTGCAT
GTGCTCAAGGATTCACGAACAAAACCTTACTAAGATATGAAGCACCTTTT
ATCAACTATCTNCAAGAGAAGGCTAATCAT

>Sequence 15

AGGTACAGATTAGGATCAAACACAGAACATGTTTCAGATCATACATTTATA
TCTGGTGTGAGAATCCATCTGCAGATATGGCTGTTAGCTCCCTGGAGGTG
AACTTGAAAGGAAAAACATGTAAATTACATCATGCTAATTGAATAGGAGA
AAACACAGTGGCAGAGCCTTTCTTGATACTTAGCCCTAAGTAAAATTCAA
AAACAGACGTTGCTTCAGGAGCTGCTGAGGTCGTTTCAGGGCTATTAGAAT
GGTGCCTCCGCCACACTTAATCCATTCTGCCGAATTCAAGAATATTTATT
TCCCTGAAATGAACTCACAAGTTGCCCTAGAGGAAAACCTTGGAGAACTAG
AGCTGCTCACTGTGCAGATGCCATCCTGATGACCCAGAGATGTTTACAT
CAGTGAAACCTCTGGGAATAGTGAGCCCCCTGGCTAGTTTTCAAAGGACT
TGGGGAAGAGGGTAGAGCTAAATCCTGTGTTCTCAACACAGGAAATAATA
TAACCCCCATTGGGATGAAAATTCATTCTTGGGTGGTGACAAAATCTTAG
ACGTTATAATGGTTTGTGGTCTCTAAGGGGCCACAGCATTAAAATCTCAT
GGTGGGTGGAGTTGGGCTATTAATTTCTCAGAATGCTCACGGGGCATGTG
ATAATGAAAAAGAGACTGAGAAACGCTGATCTAAATGCCAGNGACATCCT
TGGGTTATTCGTATACCTCATGCTTTAGATTGCTTTTGGGTCAGGTGCC
TGGCCCTAGAACTCTGG

Table 3

4/1077

>Sequence 16

GGGCGAATAAGAGCTACGTACTGANGGCGCAANNNGGAGCTCCACCGGGGG
GGGGCGAGGTACCCAGCCTTTTTTCTATTTTGTCTTGTCTTGTATT
TACATTTTATAGCTTTTCATGTTTCTGAAACCACTTACCACATTTAGGCC
AAAAGGCGAAATAATAAAAAATAAAACCAACCTCACCTAAAAAAAAGTTT
AAGGATTAAGTATTTCCATATACCAGTGTTGAACAGATTTGAACAATATA
TTTGATTTTATGCTCTCCAGTTGCTAAAGTGAGGAAAAGAAACAGAACCA
TATTGTTTTTATGTGCTGACACCCCGAACCATGTTTCATGTAAACTTGGGC
CAAAACCCAACCTGTTTCCGGAAAACCTTTGAACAAAAAATTTATT
CGGGGGGCCTTTTTTTTAAAAAAAACCTTTGGAAAAAACACCCCTTTTTT
TTAAAAAAAATCCCCGGCCCCCAATTTGGAGGGGAGAATAAAATTTCTTG
GGGGGGCAAAAAAATTTAA

>Sequence 17

CGGACATGGCTTATCGACTTCGGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCG
GCCCCGCCGCGTCCAATTTGGATTTTTTCATAATAGGTGATAACAGA
CTAAAGGCAGGTTGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTTGGGTGATAGA
TGGTGAGTGGTCTGTAGTGCTGGTTATTCCATATAGACTTTTGCCAAAGC
TCATGGAAGTGTTTGTTTAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACT
TCACTAGTGAAATCTTTAAAAACTATGCTGGTGGCTTCCTGTCATCTTCT
GAATAAACCTGATTCTTCTTTTTCAAGGTAAACAAGAACTTCTGGTGTG
CCTTCCACCTTTCCCATACCTCCCTCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCAC
TTCAAATTGCCATCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGC
TCTTGCCTCTGGGTCTAAAGTCTGCAGCGCACTCACCCACCATCCTCCC
TTCTGCA

>Sequence 18

AGGTACTGCGATCCTGCAACAACAGGAGAATGTCTGAAGGACAGTCCCAC
ACACTGGAAAGCTGGGCTATGGGTGGAGATGCACAGAGATTCGGGTGCTG
ATGAAGAGAGGGCACAGAAACAGTGAGGACGATTCACACATGCATGCACA
CTTACGCTCCCCCTTCATTTGAGGGTTTACACACACCTACCTCACAGGTC
TTTGCTAGGAACCTGTGGGGGTGCAAAGAAGAGCCTGCCCTAAAAGGAATC
AATAATCTATTTGTGGACACGGTCTATCGAGCGGCCGCCGGGCAGGTAC
TATGCCTAGCTAATTTTTTTTTTATTTTTTGTAGCGATGCATTCTCACTATG
TTGCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGGCCTAAAGTGATCCTCCCGTCTTT
ACCTTCAAAGGGTTGGGATTACAGGCCTGAACCACTGCACCCAGTCCCAT
TTTACTTAAATATCAAATTCAATCTTCAGTGTT

>Sequence 19

ATGTACTATTTGAAAATCATTAGGTTTGGGCATATATGGATGAACAAAAC
AAGTCCCCTGCCCTCTTAGATATTATAGATCATTGAGGGAAGAAACAAAG
TAAATGGCACTTTTCACAGTAAGGATCGATGAAGGAAAAGAAGAGCGTGG
ATGAGAAGATGGCAAGGGAACCAAAATTAGAACATGGAATTTGGGGGATG
CTGCCAGGGAAGCTTAGCTACGTGGAAGTAGCTAATGGTGAAGCTCATTC
TGTAAGAAAACCATATGTGAAAGCACAGATAATGAGGGGGAACAAGACTT
GGCCTCCAAGTAAGAAATAATACTGGAAAATAATTACCAAGAATACATAG
ATGAGGGATGGAGTTAGAGAGGTAGGCAAGGACCAAAACATTTTATAGCAC
GGGGACCTTAGAGGGTCTTTGTAAAGAACCTGTCTT

>Sequence 20

CCGGGCAGGTACCCTGGAAGCAACATCTACATCTTTTTTCAGCAATCTAGA
TGCTGGGGACACAAGGTCCACCTTCCAGGAATATGGCCATGACACCAGAA
ATCACAAACATGATGAGAATGGAATGACTGGGGAAGAAGTGCCAGATGCT
TCACTTGTAATGAAGACCCAGCCTCTGGGGATGCAGATACCACCTCCCT
GAAGAAGCTGAATATCTGCAGATAAGTGGAGTTCACCAATGATGAGGAGC
GGGATGGAGAAAGGAGGTAGGGAGAGTCATCCAAGGAACATGAGCAACAT
GTTAAAAGAATTGAACCAGAGTCCGGTGAATATCAGCACTGGGACCAGTT
AGCAGAGGAAN

>Sequence 21

AGGACCCAGCCTTTTTTCTATTTTGTCTTGTCTTGTATATTTTACATTT

Table 3

5/1077

TTTTGCTTTTCATGTTTCTGAAACCACTTACCACATTTAGGCCAAAAGGC
AAAATAATAAAAAATAAAAACCAACCTCACCTAAAAAAAAGTTAGATTAAG
TATTTCCATATACCAGTGTTGAACAGATTTGAACAATATATTTGATTTTA
TGCTCTCCAGTTGCTAAAGTGAGGAAAAGAAACAGAATTATATTGTTTTTC
ATGTGCTGACAGCCGGAAGCATGTAAACATCTGCAGAAACCAAACGTTTC
CTGGAACATAAGCTTGAGCAGAAATCTATCACGTGGACCTTTGTTTAAAGA
ACCTTGTGAAAAACCAACAGTTATGTAAAAGATCCAGGAGCGCAGTTTCATG
TGGATTAGATTCTCTAGGAGGCAGAGAGTCTAAGGAGATCAAAGAAAACA
ACGACTTGGGAAGTGATGTGCTGAGCGCTGGAGCCAACTAGCAGAAAG
GAGTTTTAGAGGCACTGAATCCAGGTCTCTGGTTTTTTGGGGACTGTAATA
AAAGAAAGAGTTGAGGCCTGGTGCAGTGGCTCATACCTTTGGTCCCATT
CTTTGGGAGGCTTANNGCTGAAGATGGTTTGAGGCTTGAAGTTCAAACA
GCCTGGGCACAAAACAAGACCCTTTTCTAAAAAAAATAAAAAAATGAAG
TGATGGGTGGCCTGAATCCTAACTACTCAGAAGCTTAGGCATAGGGTCAG
GAGCAAAGCCGATTAAAGTTTCAGAACTTTGCGGTCC

>Sequence 22

CCGGGCAGGTACTACCTTATTGAATTCTTACAACCTATTATTGTTCCATAT
TACAAAGGAGGAAACCAAAGTCTGGAGTGGTCAAGTAACTTGCCCAAGCC
CATATAGCTGGTAAATGCTGGTGTTATAATAACCAACCCAAGCCTACTGG
CTCTTGACCACTTTGTTTCTACTGTGTCCATTATCATGAAACCCAGGTTT
CTTCCAGCTCTCCTTTAGAGTAGCCCCGGACAAAAAAAAGAATGGTTTC
TTGAAAATAGAGAAACCCTACGTTCTTTCTTCTTTCTATTTACGGGGGGG
GGCCCCCAGAAAAACCTTTTTTGATTGGCCTTTTTTTGGGGATAGAAAA
ACGGGGGAAATTTAATCTCCCCCGGAAAAGGATGTAATCCCCATAAATAT
CTCTTGGGGGGGGGAAACCCCCCCCCAAAAGGGGGCCCCCTTCTTTTGCTGA
ATTCTTGGGGATGGCCCCCCTAATATGAAATTATGTCCTTGGGCTTTTTT
TGTTGTTAAATGCTTTAAACCTGGGTTTATACCATTGCCCAATTTAGAAG
TACT

>Sequence 23

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATATTACTTTATTGAACAA
GTATTTGCTGAATGCCTACTGTGTGCCAGATGCAATGCTAAGCACTAGGT
GAACAGACACTGGTCCCCACCCTCCAAACAAGTAAGCATACATTTATCAC
TGCAACTTGTAATTATTTGAGGGAAAGTAAATCAAGGTGCTATGAGAGAC
AAAAAGAGCTTATGTTAGTTAGACTTACTGAAGAGGAAAGGCAACTTTGA
AAAGGGACACAACCCAAGTAGAGAACAGGTGGCCAGGTGTGGTGGCTCAC
GCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAG

>Sequence 24

CCGGGCAGGTACTCTCGAATGCTGTTTACACAGTGTTTTATACTTGCAAA
GGACTTTACGGAATGTTATGGCAGTCTTAGAGAAAGGTGGAGAAGTCCTG
ACAGGGGTGTAGGTGTATGTTTAGAACTGCATGACTACCTGTATAGTGTT
TGTCTTTTGGATTATGAATATAGTAAGCATTTTCCATGTTTCATAGATTC
ACATATTTGGTCTTGTTTACCTTCACAACCTCAAAGTGAACCTGCTATGG
GAGCACTATCTTCCATGCATAGGCAAACCTTGTCCAAAGTCACTCAGCATC
CTCGATCCATGGAATTATAAAATGTGATGGTTATCCAGTTCAGCTCCCCA
CTGGCTATATGAATCCCTGACAGTGTCTCCTTTAGCTTCACCTCAAAGC
TTTCCTGCCATGAGGAAAGCTTTTAGACAGCATCAGTCTTTTAAAAACAA
CTTTT

>Sequence 25

AGGTACGGGGCAGTCCTGCACAGTCTCACTCTGACAACCCAAGTTGGAAA
TGCTGCAAAACCAAGGCCAGGACAGTGTGTGGATTATCACCAGAGACC
TCAGCCTGCAAGGGCCTTCAGGTCACACAGGCCTGTGCACAGCATCCTCT
GGAGTCAGCCTCTGCATGGACATAAGGAGCACTCAAATACTTGCTCGTG
GCAGCCTTGACTGCTGTGAATCCAACACACCACATAACAGCTGCCTCCAC
CTTGCCTTCCACAGGGGAGTCCGAGTATTTGGGGAGGTCACAGCCTCTTC
AGGCTCAACATCCGCTCTTTTCCCAACTCCACACACACCCAGGGGGTTGT
AGCAAGTGTGCCACCTGCATCCTTCGTGGAGTGAGCGTGCAAAGGGCAA

Table 3

6/1077

AAGGGGTGGTCTGGTCAGTGGAAAATGCCACGGGCCTTTTTCTTCTTTCT
TCTGGATAACAGCCCG

>Sequence 26

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAGTTTTGCTCTTG
TTGCCTAGGCTGGAGTGCAATGGCGAATCCCGGCTCACGGCAACCTCCGC
CTTCCAGGTTCAAGCAATTCTCCTGTTTCAGCCTCCCAAGTAACTGGGAC
TACAGCAAGTGAAATTACTTTACTTTTAAAGAGAAAAATATCTATTAGTA
GCAAGACAGTTTATTGGGGATTGAGCTTATTATTGAAATTAACAAGTAT
GTAATGCTCACATGATACTCTCAAATGAACTTAAAATTGAATGGAGGCAG
ACAAGTTCAAAATAGTTGAGAAAATGATCGTACCT

>Sequence 27

CCGGGCAGGTACTTAAGTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTGGAGACAGGG
TCTCGCTGCACTCCAGCTTGGACGACAGAGTGAGACCCCGTCTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAACTAAAAAACTGAGCAATGGCTGACTAGGACCTTTATA
AGACAAATTAGGCCTCAGAAGTTTTCTGGGGGCGCAGCTTGCCTTCCTT
CCCATCCTCCATGTCTGTGACTTCCACTAGAGGCCAATTCAGAATGTCTG
GGGGTGGGGCTCATTTAAAAAGTATTTCCAGGCCGGGTGCGGTGTCTCAT
GCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAGGTGGGCAGATCACTTGAGG
TCAGGAGTTCGAGACCAGCCATGGCCAACATGGGAAAATCCCTTTTCACA
AAAAAAAT

>Sequence 28

AGGTACCAGCTCTGGCTGTTGCCCCCATGCTTATATTCAAACCTCTTTTGC
TTAACTACAAAAGCCCTTGGTTATCTAGACCTATCTATGGCTTCGACCGA
ACTCATTGTTTTCTCACTTTTCTCCAGTAAGATGATATATTGCTATCTTT
GCAACACTTTCCTTTCAGCTCCACAAACATGTGTTTCTGAATGGTGGAGT
GAATTAGCAAGTAATTTACATTCCATTTTCTCAGAAGGAGATGGAGCTA
GGAAAAATAACAAAACCTCATCTAATAAAGATGACGCTACTCTTCCAGAG
GGGCAAAGAGGCAACCTGGATGGCAAATGTAGGGTGTTTTTTATTGCCTC
TCAGCTACATTATAAATCTCAGCTAACAAAATAAGTGCCCTTTCATCAAT
ATGGGGTTGGACTGTGGCTCAAAAAAAAAGCCTG

>Sequence 29

AGGTACGCGGGATTTTTTTTGATTGTTGTTTGGCAAGAAATATTAATAGTA
ACTTTTGTGTGTTTGATTATTTTCGGGGCCGGAGCAGCATCTGTCCAGCA
CCTTTGGGATTTGGTGGTTATTGATTAAAGCACAGGGCTTCTAAGATCAG
AACTTGGTTCTTCTTCCCACAAGTGCTCTGTTCTGGAAATGTGCTAATGA
CACACATTGAATTATGTCAGAGGTTTGTGGCCTTAAGTTGTGAGGGAGG
TGTTTTCATTTGGCGAGAATCTGTAATTTGTGGAACAATAGGATTAAGTT
CTAAAGGAAATAGGCCCGATGAATCTGCATAGATGGCTAGCTTCGCAAAG
TAAAGCACATAGCCCGTGAACCTGGGGGCAAACCTACACGTTTTGGATAATG
TGAGCCTAAAAAGAAAAACCCTAAAACCTTTTAAATAAATTTCTAAAAACC
AAAACCTTTAGTATATGGAATTG

>Sequence 30

CCGGGCAGGTACAGAATACCTGGACAAAGACAAAGGTCAGCCTCTAGAAT
TTGCCAGAAATGGGCCAGCAAAGTGCAGCATCTTAATAACTGAGTGATAC
TGGCAGGAAGATTTCTCAAAGACTAACTATGGTGTTTGAAATACGCCTG
TAAATTATTTGACACTCATCCCTTCAAAGGTGGGGACTAATTTCTGTCC
CTTTGAGTGTAGACTACCCTTAATGACTTGATTCTAACAAATAAATTGTG
ACAGAAATCATGGTTTATGATTTTCAGGGACTACATCCTAAAAAGCATGTC
TTACTCTCTCTTCAATCACTCACTGTAGGGGAAGCTAGATGCCATGTCAT
GAGGACACTCAGGCAGTCCTATGGGGACATATCGATGGCAAAGAGCTGGG
TCTTATTGACAATAGCCAGCATTAGCTTTTCAACCACATGAGTGAGCCAC
CCTTGAAGCAGTACCT

>Sequence 31

GGCGACTGAGCTACTCGAATATCGGGCGAATNGTAGCTCCACCGCGCTGG
CGGCCGCCCCGGGCAGTTACTATTAAATTTATTGAGAGGTAATTTATGCAC
CGGCAGGAAGTTCAAGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCT

Table 3

7/1077

ATCTCCTCTCACCTCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGTCTCTCT
CTTTTATAAAGTGCTTCCAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATC
CTTCCTAAAGAGAGGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATA
AACTTTCCTTATTAAGATTCTTCATTCACTCATAATCATCTCCTTTTTCC
TCACTGCTCATTCATTTATGGAGATAGCACCCATATCATAGCTACTTGGT
CAAATCATGGTGATACTCCCCACTTAGGAGAGGAAGATGACTAGGTTATA
GCTCTTGCCTTTAGGAAATTA AAAAACCCTGTGGTGTAATCTACATTACAC
AGTGGAATATGGCATATATCATGAAAAAATCCTATGCAGTTTCT

>Sequence 32

AGGTACATCTGAATTACATAGATGTGCTAAGATGGTATGTGTCGGTGTGT
ATTCTTTGGTTGCAAGCACCAGGCATGAGTTTTGGTGAATTTAATCAAGA
GAGTAATTCGTTACAAGAACTTGGGGTTTCTGTGCAACCCAAGAAAAGTC
TGAAAATAACCAAATTTAGAAAATGTAAGGAATCAGGGGGTTTCAAGACT
CTAGATAGCAAGAAGTGGA AAAATCCTGTCTCCAGGGAACCTCCTCAGGGG
AGAATCAGCTCCAGCTGGTTTATATCCAAGTGCCATTCTCCCCAACCTCC
AGGAGTGAGAGTTTCTTTAGTATGTCTTGGATCCTATGCCCACTTTGTGA
CCAGGGCAAGAGGGCACCTTGATTGACAGCCCCACCCAGACCACATGCAA
AAGGAGGGGGTGGCTTCCTTGGGAATTAAGGTGATACTGCACACAGAAGA
AAATGGATGCTGAGTGAGCCCAGACAA

>Sequence 33

AGGTACAC^ATCTCATTTTTGTTCTCTCATATCGATCCCCAAAGAGGCTG
GTATCTATATTCCCATTTGGCCAGATGAAGAAGCTGCGGGCCAGCAAGCAT
GTTACGGCTGGAATAATTAGCTCAGCAATCACTGTTTCGAAGAATTGCAT
CAAGGGCACTTTTGTATCATGTATATTGAAGGCTACCTTCTTTTGGAAAG
GTGGGGACCAGTATGAAGGCAACCAAAGCCCTCTATGCTGGAGTTTACAA
TTTGTTCCAAACACATAGAAATTTATAAATCCCCAAAAGCGGTTGGGCCC
CCTAAATTCCCCTGATTTGATCACTACACATTTCTATGAATGTAACAAAA
TATCACCATGTTTCCCATAAAGGTGTAAAAAAATTGTGGATCAAGAAAAA
AATTTAACTTAAAAAGACCTTTATGCAAGTGAAGGCTGAAATTTTGTAT
GCTCCTGAAAGGGGGGAAACATGAGAAAGGACCTTGGGACAAAAGGCTAA
AAAATGGTGGAAC

>Sequence 34

GGGCACCGACTCACTCGAATCGGAGACNGTAGCGGCAAACCCCGGCGGCC
GAGGNACAGAGTAAGCAGGCGGGGGTGA AACCAAAGGGATCGAACCCGGG
ACCAAAANGACAGGAGGGAGAGGGGCGGAGGAGGACGGGGGAGGGCCTGC
AAAAACACAGGAAAAAAGGAGCCCGGAAGGCACCGGAGGGAAAAACCGTA
AAGGGAAGGAGAGGGAAGAGTCAGCACAGGAAAAGGGACCGGGGCAGACA
GAAAAGGGGGCCCGCAGGGAACAACAAGCGGGCAGCGCCCCGGGAAAAGAA
ATAAAGACCAACAGGGGGGGGGGAAGGGAAAAGCCAAAAGCCACCGGGAGA
GAAGAAAAAGGAAAACCCCAAAAAACGGCAAAGGGGGGGGGGAAGGAGAAA
AGGCAAAAAGGGGAGGGGGGGCCGGGGGCACAAAAAAGAAAGGGCCCGAGAG
GGGGA AAAAGGAAAGGGCCGAAAGGAAAAAAGGGAAGGAGGGGCGGGCCCAA
GAAAATCAAAAAACAAACCGGGGGGAAAACCGGCAAGGGGAGGGAAAAA

>Sequence 35

CCGGGCAGGTACCTCCTAGCCATCCAATTATAGAGGCTTTCCTAGGATA
CTGCTTGCCCTTGCAGGGAATGAGATCTACACAGCCCATACACCTTAAGA
GTCCAGTATTGATGTCGGTGTTCATCATTCTCAAAGCCATTTCTGGA
CCATTCTTCTCTAGCCCCTTATAAAAATGCTTGTTACCTGAGCTCAAA
TCAACACTATCACCTTTTACCAACTATTTCTCAACTGTCTACCTCTTCAG
TCACTTTTCCCTCCTTCATTAAAGACTTTACACCCATATCAGTCCTCCTCA
CCACCTCAAAGTTTGCCATTTAACAGCTTGATCTTTCTCTTCTTGACCTC
TTATCACCAGCAGGTCTTTTCCTTTTATCCTTGGTTAGGGAATTTCTCTG
CCAAATAGGG

>Sequence 36

AGGTACTCCTTTACATTCTTAAAAATCATTAAGGACCCCAAAGAATGTTT
GTTTACAAGGGTACTTACATTGATAATTACCACATTTGAAATGAAAAC

Table 3

8/1077

GAGAACTTAGTATTAATTCATTTAAAAGTAAGAAAACAATTACTTATCT
ACATAAATGAAAAAGCTATTTTCCAAAACAAAAAATGAAAATTTAGTAAG
ATGAATAGCCTTGCTTTATGTTTATACATCTCTTAATGTTTGGCTTAATA
GAAAACTGGTGGATCTTAACATTGCCTTTGGATTAAATTCTGGTGGAAAT
GGGGTGGTCCTAACTGGAAGGGTATGAAGAAAAAGGGGCATTTACCACCG
ACACCGTTTGGGAAAAAGGAAGGACTTAAATGGGTTTTTTTCAAATAACT
GGGGACATTTTTTTTTTTGGTTCTTCCCCCAAACTTAACAAGGGGGGGGT
TTTTTAAAGGGGTAAACTTTTACCATAACCTAAGGCCATTCTAAGGGACT
TTN

>Sequence 37

AGGTACAGTCTAACTCTAGAAGACAGGGCTGGGGGGCTGCGGAAGTGGGAC
TCTGTTCCCTACTACACTGGTCAGGCTGGCAATGGCGCCTTATGCTACAT
GTTGGTTCTCTGCAGTATGTGACTAATCAGGTCCTACAGCAAACCCAGNN
GGAAATCGGTTTAACTTCCCCATNGGGACANNCCCAAGAATCANNTCTGA
ATGAGGTTANNACTAATATCCANNAGGAGCAGACCATAANNTTTGTTCTC
CAATTCCCCCACCTTTAGTGTGGCAACCACTNCAAATACTCACACATACT
GTCNNCAGCAGCNNAGGAAGTAACCCACACNNAGGCAGGNNAGTGGTTTC
CAACCTCCCAAGAAACAGTCTTNNTTTGTGTGAGAAATCACACAGNNNAC
GTTCTCAAGCNNCTGCCACTTTGTGCTTTCTGAGNGNNTGTCTGNNGTGA
AGCCCCACTTCCAGAATCCNNNCACTGNNCTCCANATNNGCTTCCTTAAT
GNNCGCTCAGNNNAAAGTCTCAAACNNAGGCATTNTCTGCNCTCAAACAA
TNNCTGAANNNCCCAAAATGGAAGAGNNGAGNAATAGNGANATGNNGCAC
NCTNANNAAGTTTTCTTCAAGAACTTTTCNCAANAGAAAAGCATGNNGA
CTTNTCTGACTTTACANNAGGATCTAGNNTTGAAAAGAACCCTGGTGAN
ACATTTTCCAGCATCCAAAGAAATCCTAANNACCTTGTTAACTTGTTAAA
GAAAAGAAAATTTTTGAAAAGAATGAGGTCTTTTATATTTCTAGCAANNC
AAAATACAAGCTGCTTCCCATGAGTTGGACAATTCCAAAAAGCCCTTTGA
GTGNTCTATCCCAGAGCCTTACACCTTAGGGGTAAAGTTAAGAGTTCTAGG
GAAGATTACTCACTTGGCTCCAGTTGTGAAATACTCAAGAAGGGAGATTG
ATATACAGCCCN

>Sequence 38

TTATGGTGGTCGCTAGCATTCTCATTTTCAAGACCACTCTGTTTCCTTTCT
TAGACCATGTTTCTCATCTTAAGCAGTCATGCCCCAGCTGGAGACAGGAA
ACCAGACAGCAGTCTGCCCTGATAAGGGACAGCATTGTCTGAAGGCGGGG
AATAGCCCTGCTTTTACCCCCAACTCAGCTCTCTTTGCTTGAAATTTAGT
AGTCATAGAAGAGGCACAATGCTGTTGACAGTTTCTGAACCAAACTAGG
ATTCATTTCTTCCAAAGCAAAAAAATAGTGTCT

>Sequence 39

CCGGGCAGGTACATACATTCTATGACAGACTCTAAAAGTTCTCTTCATGA
CAGGCATCATTTGTAAACATTAGACAATTGTATGATCATGCATATTTTACA
TGTTTAATGCAGTATCTGTTATGGCAAGTAGCAGGAGTATTGTATTTTGT
TTGAAATGTCATATTTATTGTTGTTGAGGACGACAACATGTTAGATATTT
TTAAGAGAGATACGTTTTGAAATATGCACGATTGAATTTTTTCGTGTATA
TGATTTGTTTTTCTGCTCAGTCACCGAGTTAATGGCCACATGGACATAA
AGATCAGCTTGATGTAAGAGGGTTATTGAAGGTTTTCTATTAATAATGTTT
TTTTTATAACGTGTCTGCTTTTAAGTTGAATTGCTTGCAAAATAAGGCTT
TTTTTTAAAAAAAGATTTAAATAAAAAAATTTGGATATCTTCATATTAGG
GGATTTTCCATTGAATTATTATT

>Sequence 40

GGGGGTGGTAGGAGCACTACGCTGCATATTGCACTTTTAAAAGGTAGGTG
ACCACTTGACACAATGAAACACAGTAGTTTGTGAATTAGGGCTCTTGACA
GTAACCTGATTGGTATTGCCTTGTCACAAGACTACACATGTGCCTTGCCTA
GACACCAAACTAATTAGAGTAGTCTATTGTCCCATGGAAACCTGAAGAC
TTCAAGAATTACTTATTGTCCTATATGTTACTTTTTTGAGGGGAGTAGGA
GATTTAGGGAGGAAAATGTTACTATGCTGGGGGGGCACATTGTTTTATCAT
TCACTCAGAACAGATTACTAGGAGAATATGACTTAACTCTTAAGTGGAAT

Table 3

9/1077

GTTAGATGAGACAATACCACTAGCCAATTTCTGAAGGCCAAAACAACTTT
TTACAACAGTAATAATGGTAATAATAATTACTAGCATACCTGAATGCCTA
CCGGAAAGCTTATTCTACTAAGCAATTGCCTGCATTATCTTTTTTTACTG
GCTTAGAAATTCTGGCAG

>Sequence 41

CCGGGCAGGTACTATTACAGGATTTTTTTGAGATTTATAATAGGGATAGCA
CTTAGCCTATTCTGGGTAGTCTTAAGAAAGCATATAGAAACACAGTGAA
ACACTTTTGAGTCAAGATTTTCAGCATCATGGGTTTCTACGTAGTGTGATT
CTCAGTGGTGTCTTATTTTAAAAAGGATACGGCTGGGTGCAGTGGCTCAT
GCTTGTGATACCAACACATTGGAAGGCTGAGGTGGGAGGATTGCTTGAGC
CTAGGAGTTTGAGGGAGCTATGATCCTGCCATTGCATTCCAGCCTGGTCA
ACAGAGTGAGATCCTGTCTCTATTTGGAAGAAA

>Sequence 42

CCGGGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGA
GACTTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACC
ACTGGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTC
TTGATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCG
GATTCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCC
CTGGGATGTCCCTGGACAAGAGACAAAGAGAAGGCCTTAAGATCTACTGG
GGGAGGTGCGAAGAGCAACCTTTTTTTGTCCCGCTGGGACCCATGGTCCA
ATGGAGGTTCCCTATGCTACTTTTACTGGGCATCCTATGAATACACCCAG
GAGAAATCCTTGAAATTGCAAGGTGTCTGGGTTCATGTCTAAGCTTGTTT
CACTATCCAGAATC

>Sequence 43

ACGCACACAAAAGAAAAAAACCTGCTTCTCTGTGTTTCATGCATGACGCA
CACACAGGACTGGTCTAACAAGTCCTGATCTCTCAGGCCAGGCCGCCTCC
TTCTCCTCCCCCATTATCCATGTGCCTCTCCAAGGCCCTCCACTGGGACA
GATCACACTGAGTTTTCTCTAATCCTGAGAAGAGACTGAGTTACTTACCT
GGATCCCTGTGCAACCTTGCCAAAGACACCTCACCTAGCCCTAAAAGGAG
AAAGCAGGGCTTTAGGGAGAGGCCGATAAGGAAACAAAGATAAGAGGGAG
GGGCAGAAAAACAGAGGAAGGTGTTAGACTAAAGGAAGGGGAGAGGCCAA
ATGCCTTTCTCCTTCCTACAAGAGGAGAGAGATCAGGTACCTGCTCG

>Sequence 44

CCGGGCAGGTACTATCACCTGGCTATAAGTTCTGAGTTTAAATCTTAGGT
GCAGAACTTTCTAGCTCTATGGCCTTGGGCAGATTGCCTAACTTCAGTGA
ATCTCAGTTTCTCTTGGCCAATGCAGACAGACCAGCTACACCTAACCTGG
CGTGAAGTTTAAATTACATGGGATGACAAGAAAGCATTTAGCACCCGCTC
TACACACAGCTACAAATAACCAAGCACTGATTATTATGGTCCAACAAAGT
GGGAGAAAAAAGAACAAAATATGGTTTTTAAGAGAAATCTACCAAACGC
TTCAGTAATCTGAGGAAATNTTAGCTTGAGTTTGACAGAAATCTCAAGAA
TGCTCAGAGTCGTGGCCTCTTTCTTTAGAGGGTTCCTTGACTCCTGCAAT
GTGAGCCTCACCATCATGTACCT

>Sequence 45

AGGTACACACAGGCATTCACACCCCCAATACACACTTCCTCCTTCTATCT
CCCTGTCTGATTTCCACTCATCCATTCTCAGCTCCTGTTTGTCTGAGGCC
ACATGCAACTGGATTTGTCAAGCCCCCTTTTCACAACTTGTTGTCACAGT
CCATTACCAAATTGCATATAGTTATATATTCCACTAATTAGGCTTCTAAA
ATATCATTAACATGTCTCTTGATCATTAGCATAACGTATGAGGCGACGTC
GTTAGGCACGACTCGAGTTTGTTAACGTGGTAATGAAAGGCACAAGGCAG
GCTCTGCAGGAACCAAGAAGCACAGAGAAGTGGGGAATATCCAAGCACCA
AGATGCTAGCCACAAAGGCATAGACAGAGACACAGAGAGACAAAGGCAAG
CACAGAGAGGAGATGCAAGGCACGAGGAAAAGGCA

>Sequence 46

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCATCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA

Table 3

10/1077

CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATGACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGCTACTAGAAAAGACATAAGGGTAGATTTTACATCTTTATTGT
ATCCTAGATATACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTTCTGTCAACAT
AGCATAAAGAATGGGGATTTACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 47

AGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAAGAGTAA
ATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAATTCTTGA
AAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCTAGATCT
TGAGTTAGCGAGAGAATATTCTGTCAGGTGATTCACTGACCTTGCCTATA
ACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCTTTGAAGTC
CAGGGCAAAAAGACANAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGCATCCTGAT
TGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATTGACTCTTT
CCACAGTGAAGAACTTGAGGTTGGGAGCTTTGGCCTCATCTCTAATAGGG
TTCATGCTGATCTTTCTGATCTCTACAGGAGGGAAGGAAGGGTCTTTTCT
GCTCCCCTTCCTCTGGG

>Sequence 48

CCGGGCAGGTACTTAGGGTAAGCATTAAACAATATTATTCAAATGTTATA
TAGAGTTCAACTGTATACAATAGAGCATTTATTAAAGTGTGTCCAAAGCG
CTTATAAATAAAGCATCTTCGAGGCAGGCGGCTCACTTGAGGTTAGGAGG
AAAGCAGACTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTGAAAATACAAA
AAAATTAGCCAGGCGTCATGGCGCACCCGTAGTCCCAGCTACTGGGGAGG
CTGAGACACGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGGGGAGGTTGCAGTGAGCC
AAGATTGCACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGGGACTCTGTCT
CAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAGAAATAACGCATTTTATGTAGGAAGTTT
GGAGAAATAAAAAATGAAGCAATTTGGCCAGGCACGGTGGCTCACACCTG
TAATCTAGCACTTTTGGGAGGCCAGCCGGTTGGAAT

>Sequence 49

CGGCGATCCTGACGCATACNGGGCGTTTTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG
CCGCCCCGGGCAGGTACAAAATGGTCCTCTGAGAATTTTGTTCCTCTTTGT
CATTGCAAAGAGATGCATTCTAGCTGGATGTTTTTCATTTATACTCCCAA
TTCTAAGACTCTTGTTTCTCCTCCAGTGTTTCACACAGATGGTTAGTGAA
AAAGTCCTTTCTTTCCCCCGACCAAATAAACTTGATTTTCTGTCTGGTC
CTATTCGGTTCAGCTTAGCAAGTAACAGGGCAAATTTTTTTTCTTCTTTG
GGACTTGAAGTATGGTGTTTTATAATTCAGTGAGTGATTACAGAGTGCCC
AGAACTTTATGTAAATTATTTTTGTTTCTCATAACTCATCTGTGTAGTAG
ATATTAGTGTTCCCATACATAGATGAGGAAATAGAAGCTCAGCAACAAA
AAGTAATTCATAGCTGGTAACAGAATTTGAACCTATGTTTTCTGGCTTTA
AATCTACAATCTTTTCACTACTCAAGGTGCTAAGG

>Sequence 50

AGGTACATAGTATCCATTTATATTATTTCTCTATGTTTCCCATCTTTATA
CCAGACTACATTTCTAGAAAATCCTGGACCTCTTTACCACTCAGCAATG
ATTCTCCAAACATCGTATATAATATAGGACACAGTCCCAAGCTATGAAAT
CTGCTTACCCTTTCTGGCGTTTTAAAGAATTCAGAGAGCTCCGTTAATAT
CTTCTTTCAAGTATTCATGTTCTACGAACTGCAGTAAGACAATCTACCCA
GGAACCCACAATATAAGCCTCCCTAAGTTTTTCTCCCTCTTTTAATTTTT
AAAATAGGATTTTTTACTATTATTATCGTAGAGACGGAGTCTCACTATCT
TGCCGCGTGGTCTCAAACCTCCTGAGCTCAAGTAATCCTCCTACCTTGGTC
TCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTATGTACCTGCCCCG

>Sequence 51

AGGTACCTGGGATTACAGGTGCATGCCACCACACCTGGCTAATTTTTGTA
TTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAAC
CCTGACCTCAGGTGATCCACCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTA
CAGGCGTAAGCCACCGTGCCTGGTTTTGTCTGCCATTTTTAATGTTCACT
CTGAGAATCAGAGGGGCGCATCCCAGGATGAAGGTGACTCTGGGACATGCT
GACCGCAGCTACCCTCCCTGACTTACCACTTACATAGATCAGGCCATGGG

Table 3

11/1077

CTCTCCCCTACTTTCACTCAGCCTTCAAACCACCAGCTCCACCAGCTTCC
TCATCAAACCTTGCTTTCTCCAGGCACATCCCTGAGCAGAATTCACCTAAA
AGTTACTGATGGAAGAAAAACAGAGCAAATCAAGGCACCTGTAAGTTAT
GCCAAGGCACCTGTAAGTTATGAAA

>Sequence 52

CCGGGCAGGTACGCGGGGCAAAGCTGGCCTTCCTCATGAAGCTCTGAGAG
GGATCTGGCTATCTCACAGGAAGTGTGTGACATCCAACCGTGACCTTACA
AGCTTGTTTCTTATCAAGTTTTAAAGCTCCCCATCCATCATAGGACTTTC
AGTAACTTCCTGTTTCTGGATAGAGGGACCAGTAGTTCTCATCTGCAGAG
GGGAGAAAATGGACATGACTTCCATTCAATAACTGATCAGCTCATTTCAGG
CCCTTGTTACCTCTTACTTCCCCAGTTGCTTTATTCACCTGGCAGAATCC
TGTGCATTTTTAGATACTCAATAGGATAGTATTTTCCCAGGAAATCTTTT
CT

>Sequence 53

GGGGTATGCATCAANTTCGAATTGCAGGCGACTNGGAGCTCCACCGTTGT
GGCGGCCCGCCCGGCAGGTACTTCTTTTTTTTAACTGGGAAATTATCAGA
GTATATACTTTTTCTTATGAAATTAATGTAAGTACGGGTGTTATAAGTT
CATAATCATGCAATATAAAAATGGCTCACTGAGTAAATAATTATCAAGTG
TCAGGCAGAGCAGGCCCTAGCAATACAACAATGAAAGATGCAGTTCTTGA
TCTCTGCATAAAGGAGACAGATAATTACTTATAATCAGTGTTATTATAAA
GACATAGTCAAAGTGCTAAGAATATGATAGAGAAGAGCAGATTTGATTTT
GTGTGGTCAGGTTGTCAAGGAGGGCTCCTCAGAGTAGTCATTTGTGTAAG
CTGAACCTTAGTAGGATCTAGTGTTAAGCATTGCGTTAGAGAGAATACT
GACTGGCTAGACCAGGGGACAAACATGAGCATAATCCCAGAGGTGTGGAA
GAAGTGGTATATTTCAACAATTCAGAGTGATCCAGTGAGGACAGAAAGTA
GGGTGGGGTAGGATGTTCTGTGGGGTCTAAATACCGTGTAGAAACATGGA
TTNTATTCTGTGGCCACAATAAAGATGGGGTTGAAGCCATTACTGGAATA
ATGGTNGAAAACCTGGTTTTTCCATTAACAGGTTACCATTTTTTTATACA
TTTTAAGGGCAAGACCTTGGCCCTTAAAGACTAGGGAATCCCCGGGCTTG
AGGAATTCGAAATAAACTTATGAATCCGGCAACCTAAGGGGGGGCCGGG
ACCCAATTTTGTTCCTTAAGGGGGGTAATGGCCCTTGGCGAAAAAAT

>Sequence 54

CCGGGCAGGTACTTTCAAAGTGAAACCTCCTCTCCTCCACCCAGCTTGCC
ATCATCTCACACTGCTTAAGCTCCTGCTGCCTTTCATGTCTGCACATTGA
CTCCACCAACCTCATCTGGCCTTGTTAGTTAATCTACATGTCTCCTGGAG
GAGAACCTCCAAAGGGAAGGATCTCTAACTTAGACATTCCACTATCTTTG
TTGTACCTCACACAGTGGGTTTTATGCTCAAATATTGGTTGAATGAATAA
AAGTAGTCAAATTGCATATAAATGCACACAGGAGACATTTATCCCCTCTC
TGACCCTGATGAGTTTTCATTTCTTCAGATAAATGTGTGATAGT

>Sequence 55

AGGTACTCATACAATAAGACCCTATACAAGCATTAAAGTAACGATGCAAT
ACAATATTTACCAAACCTGACGACATGTCCATGTTATATTGCTAAGCTACA
AAAAAAGTCATATAACACATACTCTAAGATTCCCTTTTTAAAATAATAT
AAACATGCCCATATACAAAAGAATAGGAAGATAAATATATCACTGCATGG
TATTATAGATTACTATTTTCTTCTTTTCATTTATGTATATCGTCTCCATT
TTCACAGTGAATATATACCTATTAGTAAGAGAAAAATCCAATGAATATCTT
TTTTCTTTTTTTTTGAGATGGAATCTCACTGGCTGCCCAGGCTGGAGTGC
AGTAGCGTTGATCTCAGCTCACTGCAGCCTCCACCTCCCAAGTTCACGCG
ATTCTCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTTGGATAACGGTGCCTGCCACC
ATGAGCA

>Sequence 56

AGGTACTCGGGGGGAGATCGTCAGAAAGTCTTGAATTGGCTGTTGTCCTA
CAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGAACTCA
TATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTATTCTG
AATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATTACACCTGAGTATAAACCCCCAC
GGGTCCCTCCCTGTTTAAAAATGGGCCATAAAAAAATTTTTGTCCAATT

Table 3

12/1077

TTTTTTTAAAAAGGTTTTGGGGGGGGGGGGGGGGTTTTTTTTGTGTTTTGC
CAAAAATTTCCCCCCCCCTTTTGGACACCCCCCCCCCTTTTTTTTTTTTG
AAAAAGCCCCCAAATTGGGGGGGGTTTAAAAAAAATTTTTTTTTTTTTT
TAAAAAAATTTGTGGGGGGGGCCTCTCCCCCCCCCTCGCCTCGGTTATTT
TTTTTTATCCAAACACAACCCTTAAAAAG

>Sequence 57

CCGGGCAGGTTCTCACTTTTGGGTCCTCTCAAATATTGTCAGATAAAG
ATTTTTCCGGGCCATGGATATAATAAATAACCCACTCTTACCGATAAAGG
GAAGTTAGTGTTGTAAAGGAACAAATGGTGATTTCAGGTTTGGGAGACTTT
GGAGGTATTCATTCTCCACTAAGCTATATCCCAATACCATCATTATCTGG
GTCAGCCTCCGATTTCAGCCTCATCCTGTGCTTCAGCAGTGGGGTAAAACA
AATGTTACTTGTTAGCTGCTTCTTCATGACCTTCATAGACTATGCATTAA
TTTGAAGCCCTGCCCCCAAAAATAGTGCTTGGGGGGGAAATGAGTTAGTG
ATTTTGTGAAGATAATGGGAGTTGAGGAAAACACTTAAGTTTGCTTTTTT
GAGCTCTAGCTTTATTTTAATTGTTAGTCTTAGGATTTTAATTGTCTTCA
CTGGTTTTTCTAACTTGGAAGGGAATCAGATGGGCAAAGGGGAAACTT

>Sequence 58

AGGTACCATTAAGGAAAAGAGATTTAAATGCAATGTGCCTACATTCTATC
TAGAGGGGCCATTCTTCAGTTCTGACTTCAACAACAGGACTAGGTTTACT
GGCATTTCATGTCCAGTGAAAGGAAGGCGGTTAGGAGGAGTCGCAATAACT
TTCTCTTCTGTTAAGAGCTCCCGTAGCACTCAGCCACTCCTGGTGGTGTA
TCCTTGTGTTGGGTAAGCTACCCATATGCCAAATGCTTTCTAGTAGAGGT
CCAGACACATACAGGATTGAGGTCAGAGTCATTACAGACATTCGAAGAT
ATGAATAAAAAAACAAATCCTCTCAAATACGCAGAAGATAGGGTAGGGT
TCCATTATC

>Sequence 59

GGGGGTACTTGGAGCACCACGCTCCAAGCCGGCATTAAATGCTTAGAAA
TGTATGGGTAAATGCTTTCCATACATGATCTTGTTTAACTTATGATG
ATCCTATGATGTAAAAATGTTATCTCCCTTTCCATGATGGGAAAACAGAA
ATGTCAAGAGATTAAGTAACAACTGGTAAATGATAGCACTGGGATTTGA
CCCCAGACTCTGTGGTCCTAACCATTTTTTTTTAGGGTGGTCCCGGGTCTG
GGTTTGTGTTGGACAGCCCTGGTTGTGTCTGTTGTCTCAAAGTGATTGTTA
ATAGTAATAATAGAACCTGTTTTCAATCTTAAACTGTCACAATTTGTAT
GATAAGTTATATGATCACTTTAGTGATTCTGCCCCGAAGATGAGAAATGG
TGAGTCATTCAATGGACATTTATAATCAGAATGCTTTGGGAAAGGCCCTT
GGCTATGTGTTTAGCCAGCCCTGGTAGCAGAATTCCCAGATGGTGATTG
ATCTGCAGACAGTGACT

>Sequence 60

AGGTACTTCCTCTGGATGGGTGATAAAGTTGAGCTTTGTAGATGGGGAAG
CAGGGAGCAAGGAGAACAGGAAGAGGCTGAATTCTATATTGACTTTGGAA
ATGCTATTAGTTCCCTGGCCTGGGACAAACAATCTGTTCTTCTTCCCAC
CAGCAAAGGGTTGTCCTGGAGCAGGAAGAAGAGAAAAGTGGAGGCTGGGG
ACCTACCTTGTAGTAGTCATAGAGCAGGCCGAGGGCAGCAGCACTGTCCT
CATCACCATTAATGCTCATCATGGCCTTGGTGGCTGCTGTCAGGGGATTC
TCCAAGTATGACTTCCAGGCTTCATCCTCACTGGTGTAGGCTCTTCGGGT
ATTGAATGGAGGGTCACTGGGCATGGGCACTAAGGCCACTAGTCTTTTAT
TACTGTAAAAACAAGAGAAATGTGAGGTTCAATTTTCAGAGAGAGCAAATT
TTTACCCTAATAATATACATATTACATGACTACAAACAN

>Sequence 61

AGGTACAAAAATTAGCTGGGCATAGTGGCACATGCCTGTAGTCCCAGCTA
CTCGGGAGGCTGATGAACAAGAATCACTTGAACCTGGGAGGAGGAGTTG
CAGTGAGCTGAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGAGCGACAGAGCAAG
ACTGTCTCAAAAAAATAAAAAAGAAAAAATAATAAAAAGGAAAACAAAG
CCTTTAGAAAAACAAAGCCTTTGAAAAAGGATGTAAAATTGAATATATAG
ATACAATTATTTTTAAAAAGTTTTATAGAAAAATATCCTGGATTGGTTGA
TGTTGTTTTAATATATTTTAAATCATTTTTGTATAATGGCATGTATAATAT

Table 3

13/1077

GTTATAAGGAAAGTAAAAAAAAAAAAAAGGTCTTAGCAGAACAGGCAGAAA
AATGCCAAACTCAGTGCTTTTAATTATTTTGAATGGGGGAAAAT

>Sequence 62

CCGGGCAGGTACTCAAGCACAAAAGTGAGCACAGTGTTGAGCGATTCTGA
CACTGACTGCATGACAACCACAGACTCTGTATCCAAACACTCGCAGACAA
GAAGCTAATTGCAGTGATGAAAGGCACTCCACTAAAAGCATGAGTAATCG
CTGCAGTGATGCACAGATAAACCCTCTCTCCTTTACTACCAGGGTGCTGCG
GCATTTATCTCAAACCTGTCTCTACCCAATCTGACAACCTTTTGTCTCTC
TGACCAATGGAAAATGGAAATGATTTTTCACTACTGTTCCCGCAGCAGTG
AAGGGTCTCTTCTGAGTGTGGAGATTTAGTTCAACAGTTGAGTATAAAAC
AAATGCAAAAGCTGACATTTGACATCCATGGCAGAAATAAAAGGCTAATT
AATGAGATCTGTTGGAGTCCCTTCTCC

>Sequence 63

CCGGCAGGTACATACTGAGTTCTTAATAATGTTTATTGAATTAATAGATA
ACCCAAAGTATCATTTTAAAGTCCAATTAGTATTTCTTGGAGAGGGTGGT
TATTTTCGTTAACTTCCAGTCCTTCTAAGACTNTTAAAATTGTTTAGTCAC
AGTTCAAATTGAAATTTATTATTTCTNCCTCTTCCCATTACTCTCTTTAC
CACTTAGAGATGACCCTGTCATACCTCTCCCCTGATGGCTCCTTCATATG
TTTTAAAGGACCCATCCTGGCTGGGTGTGGTGACTCACACCTGTAATTCC
AGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATCACTTGAGGTCAGGAATTTGA
GACGAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTCCTAAAAATACAAA
ATTAGCCATGCGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTAATTGGGAAGC
TGAGGTGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTCAGCTGG
GATTGCACCACTGCTCTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTCTGTCTCG
GANAAAAAANAANAANAANAAGTTCCT

>Sequence 64

CCGGGCAGGTACTCTTACTTGGCATGCAGACATGTCTGACTCCAGAGTTG
CTGCTTGGAGAATAGGAGAAAACAGTCCCTTGAAGATTAACTTGATAAT
TTGAGTCATGTCTCATCTTTGAACTAAATGCTTAGGTTTCTGGGGTCAA
AAGAAGTGAAGACAGGGAAATGATTACTTTTCCAGATTTTGGGCTTCAAG
TCATGAACCTCTGTAAGACCCTTGCCCTGTTTTCTGTTACTAGAACAACAT
CATACTCTTAGCTCTTCTTCTCCTCATTCTTCAAGAGAAGAATGGATCATA
CATTCTAAAAAATCCACCTGGTAGAGGTGCCGAGCACATCACAGCCATC
ATTAACAAAAAATAAAAGGATAACAGCCCTTGGACCAGCAGAAATGAGCA
GCTGGCATTGTAAGAAGCTTCTATTATAGCAGAGGCTCAGCATTTTTAGC
AGGGGGAATTACATTCAAATCTTGATGGGCCTGATATTATTAAAGATGCA
ATTTGGATTATAGTACCATTTTTGAATTCTCTGTCATTTTAAATATTACA
GTATTCGGTCCGTAGCTATAGGACATTCATAATTAACAAATTAGATAACC
ATTCTCGTTGTCTAAGTTGCTCTCTATAATGTGTATGAAAATAGTGCAAT
CATAATATCAAATATAGTTTTTCATGTGTGATTAGATATATTTAAAGGTTA
CACTATTATTTATCCATTGACTAAAGAATGATATATCTTATGTATAATAA
CCATTGTTTCATGAATTGTACGTTTCGCTTAATTTAAATAACAATCATTTA
ATAACGATGTATAACGTTTGTAATATCAACTGTTGGAAATACTATTTTG
ATTAATATATATGCGAAATCACTTGACC

>Sequence 65

AGGTACGCGGGGGAGATGGAGGCTTGCAGGACCTGGTGGTTGGGGAGGGC
CAGTGACCAGGTGTTTAGAAGCAGCACCTCCTGTGATTGGGGCTGAGGGT
GAACTCTGCTTTCAAGCAGAGGTGGTTTGTCTGTTGGGTCTTCCATGATGAC
ACCAGGTCAAGAGCCTCCAGATGCTCAGAGTCTTGCAGGCTCAGAACAAG
AATTGTCAACTTGCCAAGATGAATCTGTCTCTCGGGGGAGGACCCACACA
GAACAAACGTTTGAAGCAGAAGTTTGCTTGGTAAACATGGAATCGGAACA
TGGGAATTGGGCCACTGGGATATTCAATTGCGTCAGACCATTGTAGCTGA
TACTCCTGGACAGAGGGGCTTTGCCAACTGGACAGAATATTAAAGTGTTT
GCTTACCGAGCTCCTGCTCTGTGTGGGAAGGGTA

>Sequence 66

AGGTACTGGTCTATAATTAGAAAAACTGTTTTAAATTAGATGTTCCCAT

Table 3

14/1077

ATTTATTTAAACAGCTTTTTGCTGAGAAAGCTTAGTGGATTAATGAGGCA
GAGGGTGTGTTTGAATCCAATAAATAGTTCCACAGGCTGGGTGTGGTGG
CTTATGCCTGTAATCCCAGCACTTTCGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCATG
AGGTCAATAAATTGAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCT
ACTAAAAACACAAAAATTAGCTGGGCAGTGGTGGCGCACACCTGTAGTCC
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATAGGCGTGAACCCGGGAGGCA
GAGCTTGCAGTGACCGCGAGATCATGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCCCA
CAGTGCAAGACTCCATCCCAGAGAAGAAGAGAAACGGAGGTGCCTGCCCCG
GGCGGCCGCTTAAACTAGG

>Sequence 67

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCATCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA
CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATCACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGCTACTAGAAAAGACATAAGGGTAGATTTTACATCTTTATTGT
ATCCTAGATATACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTTCTGTCAACAT
AGCATAAAGAATGTGGATTTACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 68

CCGGGCAGGTACTGGATTAAACCCAAAGTATAAAATAAATATGTCCATAG
TGATATAAATAAATAGAAATGACAACCTTTCCTTTTAGAATTCCAGTTA^A
TAAATGCAGAAGGAATACAGAGAAGAGACCATCTCTGCTAGAACACTACC
ATAAGAATTGCGGCAGATGCATTCTAAATGGATGCAAAAACCTAGAGGGAG
AAGTTTAAGGAGAAACAGGATATTTACATGGTCTCAAAGTATCTCTCCCC
ACTTAAAAATAATTAATTA AAAAAGAGAAAAACAGTCACTTTATAATGAAG
AAATCTGGCAGATACCACCCTGACAATGTGATTGAGGTTAACATGACCAG
TGACACGAAAAATAGCCAGAGGGGAACGTAAGGTCAGAGTGCTCACTCAA
AACTCTGCCTCCTTTATACTCACAGCGTCGTTAAAAAAAGAAAAACAAACC
AAACATTCCCCAAAATCTG

>Sequence 69

AGGTACGCGGGATACTCATTTGGGTATATACCCAGTAATGGGATGGAGAC
TTTTCAATACAAGTTCTTTTCCATTGGGAGCATTGTTGGGTGCCAATGGCAG
GGCATTCAAGGGAGGGGAGCGAACTCTTCGTGGGGCAGTCCTCTGTGTCTC
AGGCTGCTGAAACATCTAAATTCCTTCTCTGTTATAATTGGGCACCAGCC
TGCCACTTTTTCTTTTCGCTGTAACCTCCAGCAACCAAAGTTAAAGCCCC
TGCCTCCCAGCGGAGGGAAATTACAATGTCAGGAATACGATAGAAGTAAA
AAAAAAAAAAAAAAN

>Sequence 70

GAGGAGAGACGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTGCGCACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAGAACTTAGAAAAGTTCCTCCTGTTTCCTGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAATAGATTTTATAATTATGATACAACTTGATATCTTGAGATAAA
TGTTTAACTTTGAAAGTTAAACATGGGTATTTTTTAACTTTATCATTTT
GGGGTCATTTTGCACATCTCTATACCCTCCAATTGTGAAAGAAATTCTCC
CAAAGTATTCTTATG

>Sequence 71

AGGTACTTGGGTCTGGAAAAGTTTGGTTTTCAAGGGGTCCCTATTAGAAT
GCAAATATTTGGGAACCCAGGTGTTCTTCAGCTGATTTTCTTGATTAAACA
CATTTGTGTCAGAGGATGTCTGAGCAGTGAGGCAGTGTGAGTCAGATCCC
TCAGGTCCTGATGGTTTTACTTGATTGTTTCCTGGGAAATCTAAATTTTAC
CTTCTCTTATCTATTTCAAGGAAAGTAATTTATTAAATGTAAACTGAATG
TAATTCATTTGAAAAGATTTGCAAGATTTAATATAGTGAAATCCACATAT
CAGAAAAATAATTTATCAAGCCATTTTTCCCAATTTTTCTCTGTAGAAAN

Table 3

15/1077

>Sequence 72

CCGGGCAGGTACAAAAGCTTGTCCAAACAAGGAACTTGGCAAATTTTTC
AGAAGAAAAAACTTAAAATAATAAAAGAGATACTGCTATTAGGGTGAGGT
TTGGCATGCAAAGTTTCAACACTGAGCAAGTTTATGGCCAAGCTATATG
TCCTTAAAAATAGGGCTTTATAAATGGAAGCACTGGCACAACCTTCACTA
TAGTATTGCAAACAGTAACGCTATTTTATATAACCTAGACAAGAACGTCT
TTTTAAAATCAAAAAGCTGGTCTATTTTAATATGTTGGGCTCAAAAATTT
TTAACAAAAATAATTGGAACCACTATTTTGTTTAAAATATCAAAGGTGAA
AAGTCCTGGAACAG

>Sequence 73

AGGTACAGTCTTGTTGCTTGTTGCTTCTTTTGTGTTGTGGTTTGCATCCAG
CTGTGCAAATTGCTGTTCCCTTTGAGTGTACACCCTTAATTTTCATGAG
ACAGTTGTCTTCAGGAAAGTCTGTTCCCATGCCCCACCCTCCAGGAACC
CAGCTAACACCCAGAGCTTAGCTGTCAAGACAGATTTCTAATTTTTACCC
TTCGATGGCAGAACTTTAATGTTGTGTCCCTAGAAATCCTTCAGCCCTAG
AAAATGTGGAAAGTGGGCCAGGGGCAGTGGCTCACTCCTGTGATCCTGGC
ACTTTGGGAGGCCAAGGTGGGAGAATCACTTGAGCCCAGGAGTTTGAGAC
CATCCTATGGAGGACTTAGCAAGACCCTGTTGCTACAAAGATAAAAAATAA
AGATCAGCTGGGCATGGGGCGGGGCACCTATAGTCCTAGCTCTTTGGGAG
ATGGAA

>Sequence 74

AGGTACAAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCAGGCGCCTGTAGTCCCAGCT
ACTCAGGAGAGTGAGGAAGGAGAATGGCGTGAACCTGGGAAGCAGAGCTT
GCAATGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCAA
GACTCTGTCTCAAAACATAATAATAATAAAAAGGTATTAGTGTAAGT
CTGTGTGGAGAATGAATTAGGATGGCTGAAAGAGTGAACACTGATTTACC
AAATAGGAAGTTCTCACAGTAGTTGAAACACAAGTTATGGTGGCTAGGAC
TGGGAGGGGACTATGAAGATAAAAAAAGCGGTCTATTTTGAAATAGAAA

>Sequence 75

AGGGTGGATCTTTAAAGTGTTCTTATCTACACAAAAAATTTTCAGACTCCC
AGGAGAGAGAATCAGGTTGGCTTAAGTAGGTTCAAATATCTACACCTATA
GGTTGGATAATGGGTCTGGAACTAGAGCTATTGTAAGTACCATTACAGT
GGTCTAGATAGGAGATGATGGTAATTTGGATTATAGTTGCAGTGGAGACA
GAGAAAAGTGGATGAATATGTTAATGGGCAGAAAGCCATCGGGATTTATAG
AATAAAGTGATTGTGAAGATAGAAGGAAAAAGGAAAGAGAATCATGAATG
ATGCCTAGATTTGGGGCTCAAATAACTGGTGGAAAGGTGGAGCCATTTACT
GAGATTGGAAAAATATGTAGGGGGGATTTTGTGTTTGGGGTGGGGGAAAAA
CGGAAAATTTTTTT

>Sequence 76

CCGGGCAGGTACTACAGGAGCATGCCAGAGTGCCCAACTAATTTTTTCAA
TTTTTTGTAGACACAGAGTCTTGGTTTGTGCCCAGGCTGGTCTTGAACC
CCTGGCTTTCAAGCAATCCTTCCTCCTAATACTCCCAAAGTGCTGAGATT
ACAGGTGTGAACCATGGCACCCAACCCCAATTAGTTGTCTTAAATGTATA
TCAGAACATGCTTCTCCTCTACTTAAAAGTAGTAAAATAGGCCAGACACA
GAAAGAAATATACTGCATAAATCTTACTTACATGTGAAATATTTTTTAAA
AAGGTTTGCATATATAAAAAACAGAATAGAAAAGGGGGTCCCAAGAGTGA
GGAAGGGAGGAAGAGATTCAGGTCAAAGGGGTTGAAAGACACATTTATGG
GGGATGAATAAATTTAGACAATAATGGATAGCATAAGAACTGGGGGTTG
TAATAAAGTACCCCGGGGAAAGCACC

>Sequence 77

CCGGGCAGGTACTGACTGTCTCAAATTCTTTTATAGCTGTCCCTCATGTC
ACCTAGCTGCTGAGAGCTTTGTGATCCTAACAGGTGATGACTCAGACCGA
CACTGCATTGGTAGGAATTCCACAAATAGGTGCCTCAATGTGCCTAGATT
GAAATATCAGCCTTTCCCAGACTGACCTGATGGGTTGACTTCAGGTGTGG
TGTAACACCTACATTTTAATGTAAACATTTTCAGTGTAATCAATGAGAAC
TATCATTCTGCTTTAATCACCATGAGTTCTGAAATAACAAAGGATTTGTC

Table 3

16/1077

TGACATTCATTCTAAGAAATTCATTCTTACCTGACTAAGAAACTTTTTTA
ACCTGGCACAATAATAAGAAATGACCTGTAAGTACCT

>Sequence 78

CCGGGCAGGTACCTTCCAGCTGTGACAACCAAAAGTGTTCCCAGACATAG
CCAGGTGTCCTCTGAAGGGCAGAATTGTCCCCAGTTGAGAACCACCTGCAT
TAACTCATAGGATTAGCAGGATACATTAATAACTGTGTGAAAATACAAG
ACATCATGGTTGTCTTCTCCTTCTCTGGCATTCCAGTCTTCTCTGATTG
TCTATACTTACGTAGAAGCAGAAAGAAGAAACAGCATATTCTATCCACAT
CCCTATGTGGTCCAGCAAGTGACTTGTTACGTCCATGCTTTCACATCATG
CGATTCAGGTAAGTTTGTCTTTTCTAATGGGCTTGATATTTACTGTGTG
TGAAGAGCCA

>Sequence 79

GGGTTGTATCGGTTCACCCACGCGTCCGGATTTTATGGTTTTAAATATCA
ATAAATATTCCAATTGTTAAATAGTGCTAAAGTGTTGGTAATCTGAAAAAT
GCTGACCATAAATATTAATAATGTTTATAAGAGAAATGGACTTCTAAAACC
CACACACAATACACACAATACAAAACCTCACACTCATACCAAGAAACAAAT
AAATTATTTCTATAGTAATATTGTTCTTTTCAATGTACAGAAAATTTTCC
AAGAAATTAATAAATACAAAATGTTAGGTCTGTAGACCAATTACACAAGTA
CATAAGTCTGTAGATCAATTACACAAGTATATTCAAATCTAAATATAGTT
ATAATATGCTAATATATTAATATCAATGAAAATATTATTCTAATATTTGT
GAAACTATCAGACAAAAACAGCAAAGTAAATACAGTATTTTGTTTTAATT
TATTGCCATTGCTTTATGCAAAACATTTTTTAAGAAAGGTAGAGGCTGGT
TATGAAATTGGGAAGAATAT

>Sequence 80

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACTGTGGAGATTTTACAAGTAGGAACTTAA
GATGCATCCCCTGGAGGTCTTGCCAGCAGCGAGTGACTTCATTTAATTCA
ATAGATAGTCATGTTAAAGTATTGGCACTTTCCAATGGTTGTTAACAAGA
GGTAGTGGAAAGTGCCTTAACCTTTCTAATCAGAAAGCATTTCATCCTGTTG
AGTCAAGGTCCTCATAGGAAATAGATGGCACACCGAAATTAGGATGAGTG
TGATACAGCAGACCATCAAGGGACATTGCAGTAACCCATATGTACCT

>Sequence 81

CCGGGCAGGTACCCCAAACCTAAAATAAATGTTGGAATTAAAATAAAACT
CATATTAAGTTTTTAAAAAAGGGCTTTGTATTAGGTAATTTTACCTAAAC
GTAGGCTAATGTGTTCTGAGCATGTTTAAAATGAGACTAGCCGGGCCAGG
TGTGATAGCTCACATCTGTGATCCCAGTGCTTTGGGAGGCCGAGGCGGGC
AGATTGCTTGAGCTTAGGAGTTGAAAACCAGCCTGGACAACATAACGAGA
CCCTGTCTCTACAAAAAATGAGCTGGGTGTGGCAGTGTGCTCCTGTAGTCC
CAGCCATTTGTAGGGCTGAGGTGGGAGGATTGCTTGGGCCTGGGAGCTGG
AGGTTGCAGTGAACCAAGATTGCACCACTGCACTTCAGCCTGGGTGACAA
AGTGAGGCCCTGTCTTCAATATTTTACTTTGTCAAAAAAAGTTCCTTGGC
CGCTCTTAAATTG

>Sequence 82

GCCCGATCACCAATTATCAATTACTATAAGGCGAGTACGCAGCTCCACCG
TGGTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTACATGATAAGATGGGAGGATATGGGGT
GTGTATGCACTGTTGGGAGAGCATCTGAATTTGGGGAGACATCTGTTGAA
GCCTGTATAGAAGGATTAACATCAAAAACATTGGCCATTGACTCTGGAAC
AAGGGGGAAAATCAAACCATCTCACCCAAACACTGTGACAGTGTTTGAAG
AATATGTGAACCAAACATTTGACTATATCTTCATCACAGCCCTCTCTCT
TTTATAGAATTGCCTACTCCTAATATTGAAGAACACAATTGTATTCATCT
TATGGATCTTCAGGGGAATTATCCAGTATCAGGTTTTTAAAAGCTGGCTC
CTGTGACACACCTAAAAAATTCCACTCCCTAGTGATATGAAATAATAAAT
GAATGAGTGAAATGAATGAAAACAGATGAACTGAATGAGAGAAATCAAA
TAAT

>Sequence 83

CCGGGCAGGTACATCTTTTCATTTTTTTTCAACGTTGAATCCTGTCAGTGT
ATTTTCTACCCCAAAAATTAATGTAAAAACTTCATCTGCATTTACACCT

Table 3

17/1077

ACATCAATAGTAGTGTGTGTACCCACGAGCAGCTGCTTGGAACGTGCCC
TCTCTGAGAGGTTACAAATTGGTCTGTGCCACCTCACACACAACCGGGAT
GTCAGCATGGAGGACAGAGCTGGAAGGAACCTCAAAGGTCAGCAGCAGGA
TGATTTCTAAGCCTGGCTGAGAAACATAATCACCTGAGGGAGCTCACTAA
AAACACAGGTTCTTGGACTCCGACCCAGACCTACTGAAGCAGAACTTCCA
GGTGGAGCCCAGGAATCAGTGGTTTTTTTCAGCTATCCAAGTTAG

>Sequence 84

AGGTACAGGAAATATCAATATTGGGAGAGCCAAAGGACTTTCTAAGAACT
CTAGACACCACATATCCTACAGGAACAGGTGACAAAAGTAAGAGAAGAGG
GTAATGCACTGTTTGTATTTAATATGGGAAGTAAAAACAGATGAGGCTCC
TATTGAGGATATGAATCTCACACAGCACATGAGGGAGAACTGTTCAAAA
AGTAAAATTACTTCTCCATATTCTCCAACCTTACCCATATCCCTTTCCCA
ACGCGTTTCCCCTTGACTCATCGTAAAGCAGTGTGAACGTAATAGAAAAT
AACATTCTCTTCTTCTTCCCCATCACAGTGTGAGTACCTGCCCCG

>Sequence 85

AGGTACATTTTTGTCTTCCAGGTGTAACCTTCAACATGTTGTTACTTTTGA
TCCCTCAGTTTTTAATTCAGTGTCTAAAGCCTGAGAAATGCCAGTGGCCTG
ACAGCAGCAGACATTGCACAAACCCAGGGTTTCCAAGAGTGTGCCCAGTT
TCTCTTGAACCTCCAGAATTGTCATCTGAACCATTTCTATAACAATGGCA
TCTTAAATGGGGGTCATCAGAATGTATTTCTAATCATATTAGTGTGGGA
ACAAATCGAAAGAGATGCTTGGAGGACTCAGAAGACTTTGGAGTAAAGAA
AGCTAGAACTGAAGCTCAAAGCTTGGATTCTGCCGTGCCACTCACGAATG
GCGACACAGAAGACGATGCTGACAAAATGCACGTTGATAGGGAGTTTGCT
GTTGTAACAGGAAGACTTGACAGGACATATCAGAAGCCTCTGTCAGAGGTT
TACAGGAGATATGAAAAACAGTAGT

>Sequence 86

CCGGGCAGGTACTTTAGGGGTCTTAGGTGGGAGGATTGCTTGAGGACAGG
AGTCAGAGACCAGCCTGGTCAACATAGCGGAAGACCCTGTCTCTACAAAA
AATTTAAAAATTAGCCAAGCATAGTGGTATACGCCCGTAGTCCTAGCTAC
TCAGGAGGCTGATGCAGAAAGATCTCTTGAGCCCAGGAGGTGGAGGATGC
AGTGAGCTATAATTGTGCCACTGTATTCCAGCCTGGATAACAGAGCAAGA
CCCTATCTCTTAAAAAAAGAGTTCTTAGGACTATTTTCACCCGAAAACCTG
AAAACACACAAATCTTTGAAATGAAATGCCTATGCTACCTACTCCTAGAT
TTGCCAGATTTCAATTTAAAGTTTAAAAAGTGCTATCCTTTTTCAATAGC
AGGTAATAAAATTGAGTTTATAGAATTATACATACTTTTCCCATTCCAGA
G

>Sequence 87

AGGTACTTTAAGTATAGCTATCTGGAATGCTTGGGACCAGGTGTGTTTTA
AAAATTCAGGTTTCAGATTGTAGAAAGGTAATATGCAGCATATACCACAT
AGATTGTGATATCTCCACTGGGATCAGATGCAGCATCCGGTGATCAAATA
ATATTAACATTTCTGCAGTGAAACATGAGTATTCACACTAAGAATAAGAT
GAGGACCATTAAAGGCCTTACACCAGTCAGGTGCAGTTTGGCTGCCCTGG
GAGTTTAGGACTGTCTGAATACTGCCAAGCGAGTTTTATCATAATCAAGT
GAATTATGATTAAACTTGATTTCGAGCTTTTTTGGATTTTGCAGATGCAGG
CGTTGTAGGAATAGCACTGTCCTGTTGGGCGGCTGTCAGTTTTTGCGCCCC
TTAACTTAAAGGGTCAACCTACTTGGAACGTGAACAGTTTGGATTATAAT
TCTCTTTTACTA

>Sequence 88

GGAGCTCGCGAACGACTATTTTGGCGATTGACCTCCACCGCGGNGGCGGC
CGAGGNACAAAGGCTGGGGAGGTTGCTTAATGCGCAACACCAAGGAAGNG
ATATGAAATAAATAGGGNTGGTATCCACCAACGGATAGAAATTTTACAA
CTATGTGTGGGGAGAGACAGTGCAAACAGAAAGAAACAGAATGAGCTAAAA
CACGAAGCATGTTCCAGCATTTTTTGTCTTTTGTGTTGAAGTATAGGGTAT
GGGAAGAAGTAAGACTGGAGAGACTAATGCCATTCTTGTGCGAGTCCTAAA
AGCAGACTTAGGACTTAATTCAATAAGCAATAGGAAGCCATTACATCTTT
TGAAGTCAATGTGGCATAGTTACGGACGTGCTTTAGGAAGGCTGCTT

Table 3

18/1077

>Sequence 89

CCGGGCAGGTACCTGGAGCCACCAGGACTCCCTCTGAGCCCACAAAGGAG
TGTCTTCTCACCACCCCGATTATACTGGTCTAGTTATGCTTTGGAGTTAA
AGCCAGGCTGCTATTGCAGGGCTGCTGCAATCCTTGCAAGCACAGTTGTT
CTTTGCTTGCGCTTGCTCTCGCTCTCGCTCTCACTCTCACTCTTGCTCGC
TCTCTTTCTCTCTCTCTGACTTCAGTTTAACTTTTTAACTTCAGTAATA
AGTGTTCTCTCAAAATAGATGGTCTTCCTGGTTGTAGGTACCT

>Sequence 90

CCGGGCAGGTACCACTTCCTGACTTAAGTCAGAGATGACCAGCATTCTGA
GTTAGGACATAATCACTCAGGGTCCTGACCCACTGGTGAATGGATTGAGA
GAGGTAGTGTGGCTGCACTTGCATCAGGAGCAAACCTGACATGACTCTAA
GCTCAGCTGCTTTTCTCCTTCTTCTCAGAAAAGCTCAGCTGCAGCCAGGT
GCAGGGGCTCATAGCTATAATCCCGGCACTTTGGGAGGCCAAGGTGGGAG
AATCGCTGGAGCTCGGGAGTTCAAGACCAACCTGGGCAACATAGTGAGAC
CCTGTCTCTATTTATTAAAACATATTAATAAACAACANAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGTACCT

>Sequence 91

AGGTACATTAAGCAAAACTCTTTTAGTTTCATTTTCCAAAGATCTATTTG
ATTTTAATCAAACAGCCCCAAAAACCATAACGTAAACATGAACCAGAATC
AGCGTTTTTATACTCTTAAAAACTAGGGAAGCTTTGCCTTAAGAATGGCTA
GATTCACAGGCTCAAGGAAATTTTCAGGACACCGTATCTCTCACCTCTCA
CCTGTTTTTCACTTAGTTGGCCCTGTTTATTCTCAGGTAAAATGAATGCC
AACAACATGCTTGACCCCAACTCCAAGTTTGTAACAAAGAAGGGA

>Sequence 92

TGTATTTCTGTAAAGCATAAAATATTGTTTTTAAGTTAGTTTTCATATCA
TGTTACTTAATTCATCATTTCAAGATTAAATCAGTATCTAGTAAATTGAT
CTGCCTACCTAGCGATTGGTTTCCATCACTAATGATAAAAGTTTTGATGC
TTCTCCCTTTNTCAAGGTGCTACATACTATAATCCTTAGAACATCTTAAG
AAATAAAAAGGCAAGGCTGGGCACAGTGGCTCACACCTGTAATCTCAGCA
CCTTGGGAGGCCAAGGTGGGCGGATCACGAGATCGAGACCATCCTGGCCA
ACACAATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCCAGGCATG
GTGC

>Sequence 93

TGGGAGTATGAGCTATTAGTACTCCAGGGCGAATTTGAGCTCCACCGCCG
TGGCGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAGTTCTGGGATACATG
TGCAGAACGTGCAGGTTTATTACATAGGTATACATGTGTGGGAAGGGGAG
GCAAAACCATGTAGAGTTGTGCAGGCAATTGTCAGGGCTTTAGCTTTGAC
TCTGAGTGAGATGGAAAGCTACTGGTAAGTTCTGAACAGAGGAGTGGCGT
GATTTTTTTTTTTATTATCTTTTCAGTTCTGGGATACATGTGCAGAACGTG
CAGGTTTATTACATAGGTATACATGTGCCATGGGGGTTTGCTGAGAATGA
TGGTTTTTCAGTTTTATCCACGTCCCTGCAAAGTTCTTTGTTTTTTTATAA
GAGCAGTAATTTCCATTTCATCCCGCGTACCTGCCCCGGGCGGTCCGCTTA
GAATTTAGGGGATTCCCCCGGTTGTTAGAAATTGGTTTCCAACCTT

>Sequence 94

AGGTACATCAGACAAGGTTCTCTAGTGTCAAGTGTAATAAAATAATTTTA
AAGACTGAAGATCCCTAGCAATGAGCAAACCTGAAGCTACAAGAGATTATG
TGACTTAATGTTACATGATAAATTAATTTAACCAATATCTATTGAG
TTACCATTAATATTTATTACAGTCCTTGCTTTATAATCCACAGATCTTTC
TACTTTACTACTCAGCCCTACATAGCTGATAAAGCAATGGGTGGGGATAC
TCAGAATCCCTCATGTTGCAGCCATTAATTTACTGTTGCTTGTCTCCAAA
CCTACTCTTCTATTTACTATTGTCTGTGATGCTGGGGCTAGGACTGATCA
GATCACATCTCTTCTTTGCCAGTGAATTCTGTGAGGTTTCTGCCAAGATG
AAGGTACTGGAAAGAGCCATCAAGGTCTGGAAGAAGAGAA

>Sequence 95

AGGTACATGCCATGAAGGACATATACAAGGTAATGGAACCAACCAATAAA
AAGTAGTCTTACTATCCTTTTGTGTTTGGGCATACAAAAGCAGATTAAGGA

Table 3

19/1077

TAATCGTCTTGTTCAATTTATTTATCTATATACTTATTTATATTCTGTCTC
TAGGACTGAAAAAGCCAAAAGATCAGGGACCTAGTTTTGTTTCTTGCTCT
TTCTCAAGCATGAGGACACTGCCTGGCACATAGAGGGCTCACAGTAAATA
TTTCCTCAATACATTTGTTGATTAAGTGAAGGTGATAGAACTGACAGGG
ACCTTGAACAAGATTAGAGTATTTTATCTGTATCTATATTGCATTTGTTT
TTGAAATTCTATCCTTATTTGAGCTAATACAATTTTAACAGAAGACATTT
TTTATGTGGAGAAGCTATAGGAAATAAAACCTCATAATGTTGTAACATCAT
GAGAGCTAGGATACATGTTTGAACAAATATTCTTGGTTTGTCTTTATTTC
TAGATATGACATTTGCTTTCTTTTTTACAATTCACCTAAAGGCTGCTTAT
TTTTAAATGTGTATTTAAACTTCAAAGTTGCGAGACTATCTTTTAGAAT
AATTAGCTATAAAGAATCAAGGACTTTCAGTGATCTAATTTCAACGGTCT
TTTTTTTCTTCAAATTTAAGAGTTGGCTGGGCTGCTGAAACACAGTTTA
ATTTTAAAAATAGCCAAGTATATCCGATAACCTTATCTGAATTTGAAGAG
ATAAAAGGTTATATTGGCATATGGTACGCTTGAAGCTTAACATTTATTCG
AAAAAGGTAAGGGATGAATCCCTAAAAAAT

>Sequence 96

AGGTACATCATGTAGAGAGGCAGACTCGTCGCTGACAAAAGGGCTGACCC
CTGGAAAACCAGCACAGAGCCAGCTCTTCTGTCTGAATCCACTCTCTCCA
AAACATAACATAAGTCATGGAAAGAAATGAGTCTCAAGAAATGAGACTCT
TACCGTGATGAGAGGGGGACATTGAAAAGCTACTTTAGTGATTAGGGAGA
GAAGTCCCCTTTTGCATCCCAAATCAAGCAGAGGACTGGTAGTCCAAATA
TAATTTTGAATAACCTGAGTCACCTGGGCCTTGAGGAATCCTGGCCTCT
TAGTCCACATTTGCAGAAATATCAGGAGGTCAATCAGGAAGCTGTTTAGG
CATCTCAACACAGGGTCAAAAAGCTCCTAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 97

AGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTTAGCAGAGACAG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTAGGTGAT
CCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGCCACTGC
GCCCCGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGATTTTCAGT
GACTAACAACTAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTATATGATACATTTGCA
TTTTAGAAAACCTGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAAATGGAA
GGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACT

>Sequence 98

AGGTACAGTTTTTTCAGTTTAGTTCTCTTAGACTTAAATTGTCCAACATCT
GGAGAGCAGAGAGAGGCACTCACACATTTATACACATTCCTTTTGAGTGG
ATTGAAGGGAAGGTGGGCAGCCATTGCTTTGGGGGTCATCTTCCAGACAG
CTGCCTGCTAGGGAGCCCTTTGCATTTCGGCGATGCTGCTGCTGTTTATTG
TCTGGCCATGGGAGTAACAATTTTGGACATCATTGATGATGTCTGGAATT
CTTTGGTGTCTAAGTGCATGGTAGTTTTTTTTTTCTTTGTGTTAGGCTGGT
TTCAAAAATGGACTGTCACCATATTTTGTGCTAGCACTTAACAGTGAGC
TTTTAAGAGCCCTCTATGTCTTGAATTTTGGGCTCCATAGCCCCTTGTC
CCAAAGTGAGTCATTTCTTTGAAAGAAAAATAAAAGGAGGAGGATTTTGC
TTTGGTTTCTATTTCTGTTTTTCATCTTGCTGCTTCAGCTTTTGCTGTAA
AAAGGTTTATGTAAAGCACTCACAAAAATGCCCTATGGTCTTGCACAACA
TTTAATAGGCTCCTATAAGACCTAGTAATTATATGTGTGCCAGTCTCAG
AGTTTTTTAAAGACCTGTTTCCCTTGCTTATTACTTTTAAAGAAATATTC
CTAGTTATCTTGCCAAAAAAAATGACTGTGTGCATTTTAGAATTCAAAT
TATATCCCCAATTGACGTGTTTACACCCTGACTTTGTTATAGAAGCCCTC
GTTTCTTGAGATCGAAAATGCCTTCACATGACTTATCATAGAGCGGTGT
CCCATGCACCGCAACAGATATGATCGTTGCCGTGCTGCCTTC

>Sequence 99

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTTCAATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT

Table 3

20/1077

TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTA

>Sequence 100

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACGTGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGGAGGAACCAGCAGATAGATATTGGCCAAGATGACGGGCAG
CGGAGAGTCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCT

>Sequence 101

AGGTACTAAAGCCCATTCTTGCTGAAAATCTAGGATGACAAACAACCTCAC
AGGGCAAACCCCATGTGGTTAGGTGGGTGTTTGTGTTTGTATGCGAAGCCTC
CAGTTTTGTTCCTGTCTAGGCCTGTCCCACAGTCATCTGACATTCCTGCA
AAAACCTTGTCTTTATTTTGGATGGACACACAAGCAATGGAATTGGCACTG
AAATTTTCAGCTTATGGTGCAGGGTATGTTAGGATACAATTTCCCCCTGAA
GTAAATACTGAAACACTGACATGTGGGTTTGTGTTTACTTTTTTACTTCTA
AAAATTTGCAAACGGGCACGGCGGCTCATGCCTGTAATCCCCTAGTTTG
GGAGGCCCAGGCC

>Sequence 102

CCGGCCAGGTCCATCACCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAC
ACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCA
CCAACCTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGTTCTCC
TCCAATTTGGACCCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCT
GAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCC
ATGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGC
ACCCAACACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCA
GGACAAAGCCCAGCCAGGCCCCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATA
TTGAGGATGCGCTCAACCAACTTTCCGAAACACCCACATCAAAAAGTAT
TTTTCG

>Sequence 103

CCGGGCAGGTACGCGGGGACAGTAGTAAGCCTCATTACTCAGTTGTGAGG
GGGAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAG
CCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAGC
AGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAG
TGTCACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGTCAACCGGAAAGGAACTTGG
ATGATGGCAGCCTTTACAGATACAAGTAAAGAAGGTAATTGGCCCAATTT
GTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTAATCCAAACCGCCTGTCTCTGGAAATA
AGAAAAGCTCTGGAGGGTCTCCAAAGTTACCAGAGGAAGGCCTGAATTTT
ATGGGTGATTGATAAATATTTCCAAGCTTATGAAGAAAAAATATCATTA
GTCTTTCCATGGTAGAAAAG

>Sequence 104

CCGGGCAGGTACTATATGGACACCAACATGGAGCAGAAAATGAGGGCAGC
AGTGTCCAATCTCATTCCAGGTGAGAAGTTGCACAGTGTCCAATAGGTGC
ATACATCTCCTTAGTAAGTAGTTGTGATTAAACAATGAAATAGAAATGAAA
AATATATTTTTTTATTTATGTGTATTATATTTTTCAAGCAGCTAATAAGT
TGGTAGGACATAATATTTAATTTCGTTGGGGACCTAATTATTTATAAATTG
AATGGTTAGATATTTCTTTTGGCCTAAGCCACCATGAAAAAATCACTGAG
GCGCTAAGGGAAACATGAACTAAGAAGCCCTTCTGAGTCTCTGTTTTCTC
AACTGTAAGATGAAGAAACCTGCTCCACCTTCTCTTGCGATTGTTGAAC
GGCAGTTGAGATACTGCGCAGAATGGACCTTATTGATGGCCTACCCAACA
TCCATTCTCTACTCCCTTTAT

Table 3

21/1077

>Sequence 105

AGGTACTCCCTTTCCCTGACTCAGCCTTTTATTGATGAAGGCAGGGATGG
GATGGGGAGAGCTCACCTGGCAAAGACTCCACACAGGTGTGCAGCACACC
CTGATGGGGGCCAGAAAATGTCAGTGTGAGCCCTAGGGGTGAAAGACACAG
TGATGGGCTGCTGGGCAACTACCAAGTGTAGAGATCCTGAGTGCCCAGAG
AGTTACCAACCACTTCCCTTCCCTGTGCAGATCAGTGGAGGCAGATACAT
ACACAAAATGGGAAGGGGAAAGAAAACGGCTTTTAGATCTCCCCACCATA
GAGACTATAAGATTATTCCAGAATGGCCACAATTTTTTCACTGCCCACTC
TGGGCCCAACAGTGTTTCATACACTACCGTCATTCTTAATAAAGGGTACTT
AATTCCATTTTATGAAGAGGACATTTAGGCTCAACTTGGC

>Sequence 106

AGTAGACCCTATATGACACACTATCNGGCGAATTGGATTGCCACCGCGGT
CGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACGTTCTTGGGGAATGGCTGCAGGGACCCCT
GGCTATTACATTTGCATGTTTCTCCTTGTGGTCAGTAGCGAACTGTAGG
GAGCATCCTCATCATAGGCTTGCGGGCAAAGATGATCTTGTTATAGTTTT
CAGTTGGACAGTCTCTGGAATCCGCCTGTAAGTGTGTGGGTTCTGGGATC
ATGGTAGGAGCCATGGCCAATACCGAATAAGCGCCCCACATTGATAACGT
GGATTCTGACAGCGTGTCCCTGAACACAGCTNTGCCAGAAGACTTGGAAG
ACTTCCTCCTTTTCGGCTGAATGACGCTGGAAGGTTTATTCTGCCTTGAT
GCCCAGGGTCTTTCCCTCGAGGGCACGCATGCATTCCAGTTCTCTAGTTTT
GCTTTTCTCAATGAGTCTTTTCACTGTCTGAGAGGTATAGGTGACATAGG
CCCGGCCAGGGTCATGTTTTTTAAGTAGCTTTCGGGGAAAGTCAGTGTTT
TCTGTGAAGTCCTCTTCTTTCTTCAATCCTCTTGCATCCATCTTCTTTTT
AATATTTACTGAATTTTTTAACATCACAAGGTTCAAAATCCCTGATGAAA
CTTCCTTCAAGGGATGGCCCCGGGCAGCGGCTTACGCCTTGTTATCCCAAC
GCTTTTGAAAGGCGGAAAACGGAGGATTCTTTTAGCCCCAGAATTTTAAA
CCATCTTGGCAATTTGGGAAGCACGCTTATTTTTGGTAATTGGAATCCCA
AAATCAGGTGTTTATAGGCGTGTTTTCTTTTAGGCTCTTTTTTTT

>Sequence 107

CCGGGCAGGTACCATGGATGGAAGTGGGGCTTTGGCAAAGGCCCTAGCAT
ATAGGCCTGGCACTGTGGACTCGGTGTTGTCTAGCAGAGAGGCCTTGAGG
AAGTGGCCCAGCAGTGTGCTTGCGTTTCAAGATATCTATCACCCAAAAGA
CTTCGAGATAGACAAGCTTTGTTCCCTGCCAAAGTGACAAATGTCAGCTT
GCTGGAAAAGTTTGAACGAAGTGAGAGTGGTGGGAAGATTATGACCCCTG
AAAGCTTATCATATCCAAGTTGTCTGAAACACGACAGTGAGATGAAGCCC
CAAACATCTCCAGCTTGCCAGGA

>Sequence 108

AGGTACGTATGTTGAAAGAGGTAAATAAATGTATGAAAATATAAAGCATT
CAGAAGACAATTGTCCATAAAAAAGAACCAAGTGGGTATCCTGGAAATTC
AAAATACAATGTCTGAAGTTGAGAATTAGATTTGTTACAAACCAGATGGC
ACACGTCAGAAATCTGAATGAGAAAACCTCAGAAGCAAGTTAACAGAAAAT
ATCCAAACTGAATCACAGAAGAAGACTAAAAGAGAGCATGGGAGTTATGT
GAGACACAGACAAAAGTTCCAACATCGATGAAATTGGAATCCTGGAAGAA
GAGAGAGGGGAAGGGCAAGAGAAATATTTAAAGAAAAAAGTAATTGAGAA
TTTTCCAGATCTGATGAGAACTTTAAATCACTGAATCAAAAAGTTCACT
AAGCCCAACAGGGTGGACACAAGTGCACACACAAACATACACACAAAACC
CATCCAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 109

AGGTACCTGGAAAGATGAACAGGATTGCAGCAGATAGAGACAGGTAGAAG
GAGAGAGATTCCAAGTGGAAGGATAAAGGAGAGGGGAAGAGAAGCAAAGAG
CGCAACTTCCAAGAAGATTTTCTGGTTTCTGGCACTGGCCATAGATAGCT
CGTGCAGAATCAAGCAAAGAGGTTTATGCTGAGATATTAATGGAATGACA
TTTTGAGAGTCTTGAGAATGGGCACAAAAGTGGGATGTGAATTTCAGTTT
GGGCGAAGACACTGAGGATGATGTAGATTAGATGAATCTCTCCGTTATGA
TCCCGCTATATCCTAGTAAGTATAACCCTGGAAAGATCTTGAGATGCTTC
CCAGCCTTGTTACAGATCCCCTGGGCCAGAACACTTCTTATGAAAAACAG

Table 3

22/1077

TCTGCTTCCTATTTTGTCTGGCCCTCGATTGTTTTTTGATATCAATTAATT
ATTGCGTTTTTTTTTCTTAGTAATAGGGGGAAATATTTTGTAGGATTACT
ATTCGTTTTATTAT

>Sequence 110

AGGTACTCCAAGGCTCTAGCAAGAAATGAATTTAGGGACCTCTGCCTTTG
ATATGTGCTTCTTCACACCCCACTCTCTAAAGGAAAAACACACAGACC
ACTGAAAAGAACACTCTTAAAAAGATTCTGAAAAGTAGCAGTGAAGAAAG
TTTCAACTAGTGCTTCTCATATTCTCTAACTGTAGAATCCCTTTCTGAG
CATATCAGGCCCCCAAACCAATTTCAAGGGGCCTCTGAAATTTCTAAATT
GGTTTCCAAAATAAAATTATCAAAATATTTACAGAAAAACCCAGATTTC
TGTCTTCTCTTGCAAAAATGTGGATGTGCAGGCAGCTGTGGGCTTGTATC
TCC

>Sequence 111

AGGTACCTAGTCACTTCTAAAGCAGAAGGGAGCATTTGGCTGGGAAACCT
AAGAATGGAATTCATAGGTTTTTCTGGTCAATTGTGTCTGCTAGCTCAC
AGGGAAACACACTGTATAGGTGACCATGAGAATGGCCTTCAGACTAACCA
TCAGTAGGTATTTCTAATTGTAAGTACTGATGGGAGAGTTCCAGTTGAAC
ATCGCAGAAAGAAACCTCACTTGACATGCACATCTTTCAAGTATCAAAA
CACCTGTTTCAAGATCCCTATTGAAAGGGAGACAGGATGACTACTCATTTG
TGTCTGCAGGTGTTTCCACATGTCTCCAAGGCTCACCAATTAATCCAT
TTTGTCAAATCCTCAGAGGAAGTATGAGGTAGAGGAATGAGCTTGCAAT
TGGCAGCCTGAACAACCTCTATTCTCTAAGCTGGACTCTGGGTCTTGGCTT

>Sequence 112

GCGAGGTACCTAAATCAAATAAAGGAAACATCAACCAGACACAAATCCAG
GAACAAGTGCAAATGCCTCACTTGTCTGTTCAAATGCTAATATAAGAA
AGACAAAGCAAGAAGCAAAGAATCGTTCAAATAAAAGGACGTGGGCCAG
GCGTGGTGACTCATGCCCCGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGC
CGGATCACGAGGTGAGGAGATCAAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAAAC
CCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCGGGCG
CCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGACAGGAGAATGGCGTGAACC
TGGGAGGCGGAGCTTGCAAGTGAAGTGAAGTGCACCACTGCACTCCAGCC
TGGGTGACAGAATGAGACTCCGTCTCAAAAAAAT

>Sequence 113

TGCCCCGGCCTCTCTCCAGTTTCCAGTTGGAATCCAAGGGAAGTAAGTTTA
AGATAAAGTTACGATTTTGAATCTTTGGATTCAGAAGAATTTGTCACCT
TTAACACCTAGAGTTGAACGTTTACATACCTGGAGAGCCTTAACATTAAGCC
CTAGCCAGCCTCCAGCAAGTGGACATTGGTCAGGTTTGGCAGGATTCGTC
CCCTGAAGTGGACTGAGAGCCACACCCTGGCCTGTCACCATAACCCATCCC
CTATCCTTAGTGAAGCAAACTCCTTTGTTCCCTTCTCCTTCTCCTAGTG
ACAGGAAATATTGGTGATCCTAAAGAATGAAAATAGCTTGTACCTCGTG
GCCTCAGGCCTCTTGACTTAGGCGGTTCTGTTTATCAAGTGACATCTTCC
CGAGGCTCCTGAAGTGGCAGATGAAGGAGACTAGTTAACCTGCCTGAGG
GAAAGC

>Sequence 114

CCGGGCAGGTACATGTGTGCTTTTTTGCATGTGTATTACATGCCAAGGGC
TTTATATATGTTATGTCTGATCCTTCTGACACCACCACGAAGTAATATTA
ATTGTCCCCATTTTATAAATAAGCAAACCTGATGCCCAAAGATTCAATCA
AGCAAGGCTGTGCAACTAGTAAATGGCAGGACCAACTTTGGCCTGATGTT
CTTTTCACCGCACCAAGCTACCTCTTTTCAAGATGTCCAAGATGGAGCCACA
TAGCTTGGTTATGGGGTTCCATTAGTCTGCCCTCTTATCTTATTTTCAAGCA
CCTACCCTGTGGCCATGAACCATGATTCAATAATTTTCTGTAN

>Sequence 115

GGTGGTCAANTTCANACTGCAGGCGTCTCGNAGCTCCACCGTGCTGAAGG
CCGCCGACTGAAGCGGNTNGGAATTTTCTGATGAACAGGACACATATTCG
TGGCTGGGATGAAACGAGGNGCAGATGTGAATAGACCATATCAGAAAGA
ACCTTGAGGCAAGGCCAAGGAACCTTGAGCTTCATGCTCTAAGCAGTCCCC

Table 3

23/1077

ACTGAGGGCTTGCACCCTCCAGAGTGATGGGGCAAGATTATAGCTGGCAT
GCTCAGAACCGTGCATGAGCGAATGAACCTCTGAATGCACATACATATGA
GCATGCACATTAGCAGGAGAAAAAGGTGCAGGACCACAGCTGAAAGTAAC
GGNGAAGCACAGAGGAATTTAAGCAGGAGGGTGCCATTGTTAGCTTTGTG
TTTAAAAAGCCCTTTCTAGTTATAGTATGGAACATGGGCTGGGTAAGGCA
GGGAGATTGGGAAAAGGCAGGAAGTGGGAATGGGAGACAGGGAGAAAAAGT
TTAGGAAGTGGTGATAGTCAAGGCAAGAGGTGATGAGGCCTGAACCAGGA
AAGAGATAGAGGAGTAAGAGGGAGAGATGGATATTTTGGGGACTAAAGCT
ACTATTGCTTGGGGGGTCAACTGTTGTGGGGGTGAAAGGAAGGAGGTGGC
CGGGTGAACATATGGTGTCTGGATTGAACACCTAGGCAGACGTTGGGGCTA
TTACAAGAAGAGTTTTGGTTAAAGCAATGTAACCTTTGAAAACTTGGAGG
AATACCGTTACTTCCTTCAAAATACCTGCCCCCGGGCCGGTCTAAAATA
GGGAA

>Sequence 116

GGGGCGTAATCGAGCCATTGATGTATCCGGGCGAATTTAGCTGCAACGCC
GTGGCGGCCGCTTATTCAATTTCTAACAGGGATTACACATTCTTANGCT
ATCTTGACAGAACATGGGAAAAGGCAGTAATAGACTTGTATATCTAGGAT
ACAATAAAGATGTAAAATCTACCCTTATGTCTTTTCTAGTAGCTCATATA
TTCCGCATTTGAAATGTGGTGATGATATAGTCACTTATTCAAAAAACACA
GGAGTGCCTACTGTGTGCTTGGTATGATGCCTGGTGCAGAAGTTGCAAAG
TGTATATTCA^TGGAGACAGCCAAGCCAAGCAGGGCTGGGACACAAATG^TG
TCCTGAATTGCTGTGAGGTCCCAAGGATGAAATGCCTACCTGTTCTTTGC
AGAATCAGGAAGGCTTTGCAGAAGAGGTGGTCTCAGAGCTTGGAGTACCT

>Sequence 117

CCGGGCAGGTACTATGAATGTTCTAAGGCCCTTCCAAACCTGTAAATTCT
ATGATTCAATGAATTACAGAATATATTCAAAGAATTATAGAACAGAACAT
ATATTCCACGTTTCATGTGCTCTACCAGAACACATTTATTTGCTCTATTCA
ATTCAACAAATATTTAGGTCCGGCATGGTAGCTCACGCCTGTAATCCCAG
CATTTTGGGAGGCTGAGGCGGGTGGCTCACTTGAGGTCAGGAGTTCTAGA
CCAGCCTGGGCAACATGGCAAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAT
CAGTTGGGCATGGTGGCACGCACCTGTAATCCCAGCTACTCTGGAAGCTG
AGGCAAGAGAATGGCTTGAACCTTGGGAGGCACAAAGTTGGCAGGAGCCAA
AAATGGACCACTGCACTTCACATGTGGTGACAGAATTG

>Sequence 118

AGGTACCTGGTGTGATTAGCCTGTGTGAGAAAGATAAGGAGAGCTGGTA
ATTATAATTGAGCATGTGCCATATGCCAGGCGTTATGTTAACTGCTTTAC
ATGCATTACCTCTTTAATCCTTATAATCCTCATAGTGCTATTATTATGAA
TATTTAACAGCTGAGGAAACATAGGCCTACAAAGGTTAAGTAGCTTGCTT
AAAATCATTCAAAAGTGATGTGGTCAGAATTAAATTCTAAGCCTGTCAGT
TCTCAGAGCACATGTTATATAAACTCTCTCTGTTATACTGTCTGCAAGAT
AGGCAGCTTTTAATATTTGAAGGCTGTCAATAAAGATTATATGAGAGTAG
TTCCAG

>Sequence 119

AGGTACATGAACCTTGAATGGAAATAAAAAAGGTAAAAAGCAAGTAAGTGGT
GCTAACAACAACAAAAAGGAACAAATCTGAAGAAGTGGGAACGTGATGAA
CAAACCCAGCCCCCTGAGCCTCGGGGACAGCACAGATGCGTGTGTATTG
CAGCACAGAGGGGCAGGGACTAAGGACAGAAGATGCATTTGAAGACATGG
TCTAAACTTCCCAAATTTGGTGAAAGACAAATTTATAGATTCAAGATGC
CAAAGTGCAATAAATGCAAAGAAAATCACACCGAGGCACCTACGTGCAAA
CTGCTAAAAACCAAATCTTTAGATTGTTAAAAAAGAAAAAAT
AAATTAAGAAAAAGAGTCAACCCATAATTCTAGATATCCAGCAAAATACCC
TTCAAGAATAAAGGCAAAATATAAATCTTAGAGAAA

>Sequence 120

CCGGGCAGGTACTGTTCATTCAATTTTCTGAATATTTGAAAAATTTTAA
CATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGT
GCAGTCAGTGTGGAGAACAGAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAGAGATT

Table 3

24/1077

CAGCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGCAGAACTTAACAGATTGGG
CCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAATG
CACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGGA
AGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGGC
AACCAACAGAAAAGGAAGGGACAGACTGGGCTGGGAATCATGAAGAGCTG
GGTGTGGTGGAGACACAACCCTTGTTCAGTTTGAGTGGAAAGGGACA
CTCCATGTGGAGACAGTGGGGACACCAGAGT

>Sequence 121

AGGTACGCGGGGATTTTTTGAACAAAGCGATATTATTTTGACATCCTT
AAAATAGTTAGCATTTGCCTTCTATGTATTTGTGAATGAGATCTCAAAAT
ATAATACTTTTCATAAGAAAGGTTCGAGAAATAATATATGTCAGCATTTT
AAGAAGGGGTATGATTCGTTTTCTATAATGCTAATCAAGTAAAATGAGAG
TCTCAGTGAAGTGGCACATAATAAAAATCTTAAAATTTTTCATATCCTTT
TATCACAGTAAGACAAATGTTTGTAAAGAAGGAAAGAACTAAGAAAGTA
TTTGAGGTCCTAAGTGAGCCCAAGGCACAAGGCAAATGCAAAAAATCCTC
AAGTCTTTGTATCTTCGATCACCCCCATTATGTTGCAGTAATTAAGGGTG
AAACAAAAAGAAGGTCATGTTTAAGTGAACCTAAAATTCTGTTAACGGCC
GCTCTTAAACG

>Sequence 122

CCGGGCAGGTACAGACAGGGAAGGACTTGCTGTTGGCCATCTTTGGAGAT
TGCTGACCCTGGTTTGCAGATTCTTCTTAGGAACTGTGATCTTTGTGGTT
GGGGAGTCATATGATCTGATTCTTTAACCTGCTGAACCTTGAGAAGCTAA
GAGCAGCAAAGAAGGGGCCAGAAGTAGAGAAAGAAAGAAAATTAGAGAGG
CACAGAGGAAAGGATAAAAGGGGAATGAAGTCAGAGAAGTGGAGTCTCAG
GAACCATGGATATGCAACTTTGTTTACAACGAACTTTCTGCTGCCTTTCT
AATCTTCAAATTAATAATTTATTTTGGCCACCTTATTCCTCAAGGGGCATAG
CAGATCTGGTTCCTGACCAGTTCACCTTATTGGACCAATAAATCTCATGT
GTCACATGATCCACTGACTGTTTCTCTTGACTTTGTCCTGGTCTTGGT
CATTTTCCTAATGAGAT

>Sequence 123

TGACCTAAGTGTATATTTATCCAAACATCTAATTTATTCCAGCTTTAGAT
CTTCTCGCATCTGAGTTATTAATAACACATTTAATTTACAATACCTACT
AGTATTTATCAAAAATTTACTGAAATTATTCATGGTATTTGGGGGGAAAC
ACTATCTAAAAAGGACCCATGATTGATTATTTGTTTATTTATTTATTTAG
TGCACTTGATTTTGCAGATGAGTCTGGAAGTGTTAGTTGCAAAGATATGC
ATTTACTTCTCTGGCTACAAAAAAGAATAGAATTGCACAAAGCATAGCAT
TGTGAAAAAGAAGAGGCGATGACCCCTACACCGACCAAAGTCCCGTGCTC
CACTGCCCAGTGCCTATGTCCCACCACTGTCGCTGCCACCCTGCCCCGAGA
GAAAAGCTGAAGGGGATGCTAAAGGAGATAAACCAAGGTTTAGTAAGGAC
TGCATAGT

>Sequence 124

CCGGGCAGGTACTCCAACCCAAGCAACAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAC
AAAACAAAACAAAACAAAACAAAAAATGAGGTAGGCATGTTTTATTCC
CATCTTACAGATGAGGAGACTGAGGCAATAATAATTCAATGGCTTATCTA
AAGTCACAAAGCTAGTAAGGAGCAAATCCAGTTCTGTCTGCTTCCAACCC
ACCTTGTCCCACTTGCTTCTTTATTGGAGAAGGGGCAGATATTTACTCTG
CAGTCCAGGGAGCATGGAGAGTCAAGTAGAGAATCAAAGTCAGCAAAGCT
GAACACCACTGAGAGACTGAGAGGAATGACAGATGACAAGAGACAGGGTT
GGGAATTAGTCCATTAGGAGCCAGCCCTTAACAGCACTGTGGAGCTGGGT
TGGGAGAGGGTGAGGAGCCAGGCCAGGAAGAGCAGAGGAACAGCAAGTGA
AGGAAAACATGACATCACAAACCCCTG

>Sequence 125

CCGGGCAGGTACATCACCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAC
ACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCA
CCAACCTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGTTCTCC
TCCAATTTGGACCCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCT

Table 3

25/1077

GAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCC
ATGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGC
ACCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCA
GGACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATA
TTGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAGCAGCATCAAGAGTTAT
TTTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAGGTCTGTCCCCAACAAGCACCA
CACCGGGGTGGACTTCCTGTGTAAGTTCTCGCCACTGGCTCGGAGAGTAG
ACCGAGTTGCCATCTATGAGGAATTTCTTGCGATGACCCCGGAATGGTAC
CTCGGGCG

>Sequence 126

AGGTACCTGGATTTGAAAACATTACCTGAGAGAAAGGTGAATTATTGGGG
TTCAGGTCAATTCTGGGCAGGATCTCATCAGAGTCAGAATGTGGTCACAA
AGTCCTTCATAGTGGACAGAGGAAAAGTGAATGTGGTTGATGAGATGA
GGGGAAAAAAGAATAGTGACATGAAAGAAAATCTTTGCCTAAATAACA
ACTTTATATAAAGCTAGCTTTGTGCCTCAGAAGGGGAGAATTTCTGTCTG
CTTCCCTTCTGCCAGCTGCCAGCATTACACAGTTGGTATTGATGGTTAG
GTTTCTGTGGGCTAATCTGGGATTGTAATTGCCATTTATAATTCCAATTC
CAGAGGGAAAN

>Sequence 127

CCGGGCAGGTACGCGGGGTCTTGAAGGAATCCCTTATTTGCACGTCTCCC
GTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT
TTATTCTCAAAGTTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCATTCT
TAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCAC
TGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAAGAGAAAGGAGCCCT
GTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTTTTTGCCCTGAATGTGGTCGAT
GCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAATCATCAATGCGTTGAAACAACTTGG
CATGT

>Sequence 128

GCACGATGGGTAATACGACTACAGGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGG
CGGCCGAGGTACGCGTTTAATCTATACATTTCCACTTTTTGTAAAATCCC
ATAATTTTTCTATAGGGAACAACAGATCTGTCATATACTAGCTTATGCTT
TTCTTATTCTAAGTGGATTTTACAGTTTAGAAAATTCCAAGTAATCTTGA
CACATCATTATTACCCAAACAATTACTTCCAAGTCATTGTTTAAATAGAT
GAAACCCATTACAACAGAGGTCTCAGACCTTCTTGCCTCAGGGGCCAGAG
AGATGACATAACTGAAATAGCTCAGCTTTAGCCAGCAATTGCTTAATGGA
AATGTGGGATCTTTGTTGCTAGCTCTGATTTAAAAAAGACAGAAAGAAAG
AAAGCCAGGTAGGGCATGGTGGCTCATGCCTGTATTCCCAGCACTTTGGA
AACACTTTTGGAAGGCCAAGGCGGGCAGATCACCTGTGGTCAGGAGTTCCG
AGACCAG

>Sequence 129

CCGGGCAGGTACAGCCACTATTGTGCGTCCTTTCAAGGGACATCAGGGCA
GCAGCACAGCTTACCCTGGGGTCCCCCTGGGCACCCAGCATAAGCAGTG
ATGTGCTAGACAGCCACCAAAACCAAGTATAACTACAAAACCTTGTTCC
AAAGGGTTCTGGGGGAGATTCAGGGGGGAAAAGTTACATATTCTTAAATT
TTGATCACTGGTGGATGCACTCAAAATCCTGCTCCTCTCTGGGAGCGATT
TTCATGCTGTTCTGAAAGCTCAGAAAGAATAGGAAAATTTTATGTTTCA
TGATAGATGGGCTAGACAATGGGAAACCTGCACTGAACCAGACACAAAGG
ACCTAGCAGAGGTGACGCTGCCAGGGCTGTGCACCTGTGTTTTCTTAAC
ATCTGCTGGGACCCCATAGTAAGTTTCTATGAAAATGAATTAGACTGTG
TGCCTTTTGGTCTTGCGGGTCAA

>Sequence 130

AGGTACCACATGATCATTCAAACACTCAAGCTTGTTTCTGTTGAAGAGGA
GAGTCAGAAAAAGTAGAGCCTAAAAAGTCCCCAAACCAGTTAAGTCACAC
TGAGGCCAGAACTGTCATATAGTATACACTCCAGGGACAAGAAATTCC

Table 3

26/1077

GAGGGCTCAAACAGAAGACTCCTCAGAGTGGCTCAGCATGGTCTGTGATA
AACAGACAGAAACACTATGAGGAAGTGCTCTTCACACTACACTCAGAGGT
TTCCCTCCCCTTACACATGATTGTTGCCATCTCAGACTTTTCATAGTA
AGTTTTTTTGTTCGTTTTGTTTTGTTTTGAGACGGATTCTCACTCTGT
CCCCAGCTGGAGTGCAGTGGCGGTGATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATA
GCCGGAAGT

>Sequence 131

AGGTACATATACTTGAGGCATGAATTTAAAGGAAAAGTCAGCCCATGGTT
TGGTGCAATTCCATTTTCTACTGTTAAATAACCAAGTTCTTTTTTTTCTT
TATCATCTTCGACAGGGTCATCAGACCTTTTTTTTTTTCAGAACCTGAAG
TGGGACATGGGGAGTGAACCTCGATCTTGCTCTTTTGCAAATTCAACGACT
AAAGTATGACCTAAAAGTTTCAGTTGATGGAGTCTTGTCAATGCCTTTAT
AGCTGCTTTTCATNTAGGGAATGTGGCAAAAGCTGTATGTTTTTCAGTCGC
CCCTTATCTGACAGGACCCGCACAGACTGAGCCCCGAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 132

GCCAGGATTCAAACCAGGGAGTCTGCTCCAGCACTCCGGCTCTTAACCTC
AACCGTCTGCCTCTCCACAAACACCAGGATCAACCACCTAGACCAAAAAA
ACAGTCTCACAAACCATCAAACATTGCACTTGGTGGCTCAGGACCTTAGC
TTCGTCTTAAAGGTCCCTGTTATGCTTTTTCTGAGTGCCCCAGTGTGGAG
TGGTCTTCGTGTTTGTGAGTGCAGGGGTCAGGGGTTGTGTCTTTTCTTCT
TGTCCTTCCAAGAGGTGACATGTATC

>Sequence 133

CCGGGCAGGTACAGGTGGTAACTGCAGGGGTGATTAAAATGTCTAAGCTG
TCTAAAAGCAGGAAAAGCAAATAGATTTTCATCTCTTATGTTAACACCAAT
GAGAAAGTAGTGAGTATGAGTTGAGTATGATTCTTCTGTGGGCTGGAAGG
AAAGAGCTTGCTGGGGGTCTCTGCTTCTTGGTCAGGAAGAATGGCCTCAA
CTTCACTTAGCTATCCCTGTTTGAAAATAAGTTCTTTCCTCTGTAGATGT
TTTCCTTGTTAATTTCTGTGCATGCCTTTAGGACCTCTGCCATTTCTTTC
CTGTCCGCTTTTCACTTTTTTCTTACTGTTGAAGAACCTATCTCTGCCAG
ACTTCTTTATTTCCAATTGGTTGATTCTACTGCCTTGCTCCATTTGA

>Sequence 134

CCGGGCAGGTACCTATAGCACAAAGCTGATGATAGCTGGCAACTGAACATT
TGGCTTCAATGTCAGAGTAATAGAGTGTGGCAAACCTGCAGAGCTCATGCT
CCGCCTAAAAGGGGCAGCTGCTGCTCAGCTCCTGCCAATTACCACCATGC
CGGAAATTGGGCCTAGGGGTGCTTCAGCTCCTCCTGTTTTTACCCAGAAG
CTAGGGAAATCTGGGTTTTTTATGTGGAAATTGGTCCTAATTTTTTTTAAA
ATGTTAAGCATTCCCCTTCTTGAAAAAAAAGGCAAAAATCACCCGGT
GTTGGGCCCTAAAATAAAAACTATTTTGCTTGGCCCCAAAATGCAAAGCC
TTGATTTTGGCTCCTTGTTTTTCAACCCCCCTTGGCACCAAGAAATTTTT
GGTTCCATTATCTTCTACTTTGGTGGTGACCCTTCGGCCCCGCTTCTAGA
AACTAGTTGGAATCCC

>Sequence 135

GGGGCCATTGAGACTGCCATGGTAGACTTGTTTGGTATCGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAAGAGCAGTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCCACTGA
AGTTACTTATGCTACTTTTACTGAGCATCCTATGAAATACACCAGTGAGA
AATTCCTTGAAATTTGCAAGTTGTCTGGGTTCATGTCTAAGCTTGTCN

>Sequence 136

CCGGGCAGTTACACTGATTTATTCTCAGGAGCAATTTAACTCTCAGTTCA
TATTTGGGAGAAAGAGATTCCATAATATGCCAAACCAAAAATGAAGTTAT
TGTTTAAATGTGATCATGTCCATAATTTATCTCCCTGGGATCCCTTATGG
TTGGTTTCTATCTGCACCTGACCAAAGTGTTCTATCATAGGATTCAAGGG

Table 3

27/1077

ATTTATGGGCTGGGCACAGGGGGTTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGG
AAGGCCGAGGCAGGCAGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCAATACCAGACTG
ACCAACATGGAGAAACCCCTCTCCACTAAAAGTATAAAATTAGCTTGGC
ATGGTGGCGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAAATCTGCT
CTTTAATTCTAGAAGTAACATCAATAATTTTTTTTAGATAAGTAGATGAAC
AGATTTATATTCATCTCAATTTT

>Sequence 137

AGGTACCGCATGCTGGATATGGACAGCAGCCTTAGTTCAGAAACATACTC
CAAGCAAATCATAGAGAATGTCACCTCCTTTAAGCTTCCATTTCTTTATA
AGAAAAAAAAAACATTTTGTAGGGTTACATAAGAAGGCAATAAAATAATA
AAGAGAAAGCATAGAGCCTGGCATATACTACATGTTCAATATGGGACAGA
ATGTAAGCAGGAGCAATAACAAAAGTGGTAGAAATTTGGATAAGTCAAAG
AATAAGATGTGGAACTCGGGAAAGGGAGCGATTAATTCTGACCTAGGCT
GCACCTAGCCATTTTGGAGAAAGTGATACAAATAGAATTTTC

>Sequence 138

CCGGGCAGGTACCATGGATGGAAGTGGGGCTTTGGCAAAGGCCCTAGCAT
TTATGCCTGGCACTGTGGACTCGGTGTTGTCTAGCAGAGAGGCCCTTGAGG
AAGTGGCCCAGCAGTGTGCTTGCCTTCCAAGATATCTATCACCCAAAAG
ACTTCGAGATAGACAAGCTTTGTTCCCTGCCAAAGTGACAAATGTCAGCT
TGCTGGAAAAGTTTGAACGAAGTGAGAGTGGTGGGAAGATTATGACCCCT
GAAAGCTTATCATATCCAAGTTGTCTGAAACACGACAGTGAGATGAAGCC
CCAAACATCTCCAGCTTGCCAGGA

>Sequence 139

CCGGGCAGGCACTTCTTCCAAGGCAGTGGTCATTAGGGCAATGTGGTATT
GACACAGGGAGAGACAAATAGGCCAATGGGACAGGATTGAGCATTGGGAA
ACAGCCCACACAAATATGGAAGCTTGCTGTGTATCAGAGGTGGCCTGCAC
ATCCTGGGAAGAGCATGGACTTTTCAATCAAATGTTTCAGGAGCAGTTGGA
TACCCACACTGGAAAAACATTAAGTTGGACCCTTAATTACCTCACATCAT
ATACCAAAAATTTCATTCTTGTCAATTCTAGGGGATTGAAGACCTAACTATG
AAAAGCATAACTATAAAGGTCACATGACTGAATATAGAAGAATATCTTAN

>Sequence 140

AGGTACAGTAGTTGGATGTCGAGGTTTGATTAGATTCTGGGGTTGGTTTG
TTTGTTTTGGTGGATTGTTTTTGAGTCGACTTTACAGAGGGTTGTTTATC
CACCAGAAGGCACATGTGCTTGCCTGTGTCTTTTTTTGTTATTGTTTTGAG
ACAGAGCCTCGCTCTGTCTTCCAGGCTGGAATGTAGTGGCACAATCTTGG
CTCACTGCAACCTCCACCTCCCAGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTTAGCC
CTCCAAGGTGCTTGGATTACCGGGTGTGGGCCCACCATGCCAAGTTAATT
TTTGGATTTCCAGAAAAAAGGGGGGTTTTTGCCCTGTTGCCCAGCCTGGT
TTTAAAATTCCACCCCTAGGTGGACCCCTTGCTTGGGTCCCAAAAGGG
TTTGAAATTACGGGGGGGACCCCTTTTTTTTTGGCAAATTTTAAAGGATTT
TTTGGAAATTTTTTTCTTTTTTAAGGGAAACAA

>Sequence 141

AGGTACCTCTGTAAAATGACCTTACACAGAATAAAAAGTCTAGGCCTTATG
AGTTTATGTGAGGTAAAAAGTTAATGTGATGCTGAGAAGTTATGTTAAAA
GTATACTTTTATGTAAGATTTTGTCTCCCTCCATGTTTACATAGCATTT
CCTTACTATCCCATATTGGTTTATGAGAAAAATCTCCCTAAATTGAAGAT
TCTTCACATCTTCCATTTGGTCTCTTTTTTTGGGAGAACAGGATCTCACTC
TGCCCCCGGTTGGAGAGCAATGGTGCAATCATGGCTCACCTTTTATTGA
TTAGCACTTGGAGAATGGTTTTAAGAAAAGCCTGGCTTTTGGAGTGAAGC
AGCTTTAATTGGTATTTAGTATTAAAGTATAGTAGAGAAGCAACTTTTAT
GGTTTCCAGACCTCTTTTTACTTCTTAAATATTTGAGGTACCTGCCCCGGG
CGNCGCTCTAAACTAGGTGGA

>Sequence 142

AGGTACTTTTCCACTTTGTCTTCTTTCCTGCCACACACCCTATCCTTTCA
GGCTGTGTTGGGATGGACAAAAGCAGTTCTGGAGTCCTAAGGAGAAGATG
AGTGGGATATGTTTCTGTGACCTGCAGTCATTTTAAAGTTTAGCTGTTGC

Table 3

28/1077

TAGCTGACTCCATGTAAGAATACCTTCCAGGAATTTGATGGCTGTGCACT
CCGGCAGTGCAGCTGGCATGGTTATAGGGTGCTTGGCCGAAGGTTTGCAT
TACCATTTTAACCCATTCTTCCACACATTTTGCCCACTGGAAGACTGT
GGGGTTATGGGCCAGAAACCCAAATTGGCTTTTTTGCAAGGTTTTTAAAA
ATAAATCTTCTTTGTGACTCACATGTGAAAGAAACATGAGAGGGTTTTAC
AAATTTTCAGTATTTGGGAAATTTTCATTTCTTCCCCCTAGTTTGAAACT
GAAATTTTTTTTTTA

>Sequence 143

AGGTACATTCTACAACTTTTCTTTAAGCTTCTAATTAAAGAAGAAAAAA
AATTAGGTGAAATGCTCATAAATCAAGGGCACTGTGACCCAGTAAATCAG
CAGGCATTAGCATGACATAATAGAAAGTGTCCCACTCTGCATAAGTCCT
AGCTCCATAATGAACAGCTATTTGTTCTTGGACAACCTTCTTCTCTTAGG
CTCAATGTCTTCTTCTACCCCCGTGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGG
GTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNNTTTTTNTTTTTTAAAC
CCCNNGGGGGTTTTTAACAACCCCCCAATTTTTTTTGAACATTCCCAGGT
TTGCGCATTTTTTCAAAAACCCCAAGATCCCCTAAATTTGGCTATAAT
TTTATTAAGCCGGGGAAAAAACCTTTATTAATTTTTTACCCTCCCAA
AAATACCCCTTTTCCACCCTTTTAAAATTTTTTTTAAAAAAAAGCCAAT
TTTTTTGGGGCATTGGGGGAACATGGCCCATAAAAAACCAATTATTTTT
TCACATGGCCCTTAAACTGACTACAAGGGGGCCCTTTTTTTGGGGGGGAAT
AAAGTCCAAACGCCAAGGTGTTCAAAGGGGAGCCCAAGGGCCTACCCTCC
CTAAAAAAAACCCTTCAAAAAATCTATTAATTTTTAGGGGGCCCAACAA
CGCTTTCCAAAGAGTGTTTTTTTTTCCCCTCATTTTAAAAAAAAGTTT
GCACATATGTGTGTGATAAAATAAAAACACTTTTAAACCAAAACGGGGGT
CTCACCCGGG

>Sequence 144

AGGTACTACCCTCCTTGGGGGTCATTTATGAATGTGGGCAGGGATGAACG
ATTGGGTGTTACAATCCTGGGGAGCACTGCAGGGACTCTGTGAGGGCCCC
AGAGATGCTTAAAATGCTTTAAGTGGGGCAGTCCTACACAATGAAAAATT
GGGCCACCCAAGTGCCCAATCACCACACCAGAGGAACACGTGATAACCC
ACCCCTCTCCTTGGACAATGGGGAAACCAAGGCCTTGGCTGGTTAGCAGC
AGGGTCAATTCTAAAACCTAGGCTTCTTTGCCCCCAGTTCAGCAGTTATT
CTGTGATAACATACAGAAAACAAACAATAAAGCTGGGTATCATGTTACAC
ACTTAGCTTATTCAAGAAACAAACTTCCTGCTTAAATCCAGTTGCCTTT
TTTTCTGACTCATTTTTCTTCTTCTGGCACTAGAACCAGATTACCACCCA
GCCAAATCAGGGCACAGGCCCTGACCTTCACACACCTNCCTCTCAAATAC
CACATGGGACCATTGTAGCCTGAATACAGGACCACTGCAATTAGAAGA
GGCTTTAGTGGAAGACATGGCCAAAAGCANATGTCAACTGTTAGAGAA
CCCTGNCATCCCAAATTAATATTCGTGACAGCTATTTGCAAGTGGCCTCA
AAAATCATGTCCTGTATTCGCAAATAGCTTAATTCAATGGGGCACAAAAG
TAAACACATGGACTCTCAGGCTGGATGGCTACATTGGGTCTTTTAGGATC
AGTATTTACCTCACCCAGCTCCCTGTCTTTACTTTTCA

>Sequence 145

AGGTACTCAGAAATGCAAGAACAAAGTAAAAGCCACCATGAGTCACAAAC
ATATATTCTTTACTCTCATCATCTTTGCCACAGAACTTTTGCCTTGATC
TTACTTTTGTTTTCTGATAATTTGTGTTTTTCTTTCTTAAATGGCTC
TAAGTTAACTCTTATTAGAAAGTTTCAAACCCCTTCTCTCATCATCATG
CCCCAAAATTTGTCAAAAAAAGTTTCAGAGATATTATATTGAGTTATTT
AGGCCAAAGGCAATAAATGGCTCTTACAATAAGACTTTGAAAATAATGTA
ATACTCTACAATAGGCATGGTGTATCATGCATAATAACCCTACCCCTTTA
GAGGGCTTGGGCAGAAAGATCCTTGAGGTCAAACATTTGAGATCAGCCAG
AGCAACATAGGGTACCATAATTTGCCCCGGTAATAAATTTTTTATATTGG
TTCTTTCCCGGGGGGGCCTTTTTTAAATT

>Sequence 146

CCGGTCAGGTACCACCATCCCCAGCACATATTTTAAAGTTATTCAGACGC
ACCTCAGAACTAGGGTAAGTGCAGTTTAGGATCTCAACTATGAAAACCAG

Sequence 151
CCGGGCTTGTACAAGTTTTTTTTCTCATGGAAATGTTGGCATATTAATTG
ATCCACACAATCAAATATATTAGAAATGGTGTTCATAAAAGCCCTCTAAG
GGAAACAGTAGAAATCTTTTTTTTCAAACCCCTTCTGTGAAAGCTTGCTGT
TACCACAAATTATAATAAAAAGACCAAAACACATACCAGTTATCATCTATA
GACTACCGTCCCTGAGCAAATTACTTGACTCAAACCTGTTAATTTGGATTA
GGACCATTTTTTGTATTTTTTGGAAAAGAATATCCTGTGGGTATTTTCTA
TTAGAGGCAATATAATTAGACGATCTGCTTGTGTTAATGCTTTCTATAAA
ATCCACATAATGAATAAAAAGGATAGCTTATCCATTTTACCTTGGATTA

Table 3

30/1077

TAAAAATCTTGACCAGGTGCGGGGGGCTCACACTTGTAATCCCAGCACTTT
GGGAGGCTGAAGCAAGCAGGTCATTTGAGGTCAGGAG

>Sequence 152

AGGTACCATGTCAGGATGACTGTCTACGTAATGGAAGCCCTGTGCCCAGC
TTTTCAGCTTCCTTTCAAATTCCCCCAACTCCTTCTTTTTTTCACGCAGCA
ACTTGTCTCTTTCCATGGAAATGCTGGGGATTAAAGAAGGCGGGGACTC
AGCTTTGCTTCCACTGCGCAGCCCCAGATACAGGCTGCAGGAGTCCCAGC
CACCTTCCTCTCATCATGCTTTCTTCCAGGGACAGAGTTATGGCCCCTAG
GAGAGGGTTTTGTTCCACCGGAACAGTCAGTTACTAATGAGCTCATGCTG
CTTTTCCACCCCTGGGGTCCCCAGCCATCCTCCAACCCTGATCTCCTAGG
GCACCTTTATCTGGCAGCTGGAGACTGGGGGGAGTGTGTGGACCCTTCCG
GGCCG

>Sequence 153

AGGTACTTTCTCTTTAAATCACTACAGGATGGGATTCCACCCTCATCATG
CCTCTTGTCAACAACCCCATGTTGTCCAATCCAATAATTTTTCTGTCTTC
TACTTGACCTCAGTGACATCTGACAATTGAGCTTCCTTCCTCTTTCTAG
AACTTCCTCTCTTGCCTTCTAAGACATTATGTTCCCCATTTTTCTCCCA
CCTACTGGCTCACAATCTCAGTTTCCTTCCTCTAGTCCTCCTCTTCTAAT
AAACCTCTTAATATCAAGTTTTTTTCAAGGATTCATCCTGTTTCTCTCCCT
TCCCCTAAGTCACAGGTTTGCAAAAAAGACAAAACCAACTCCTAAAGCTT
TGCAAAAAAGACAGAACCAACTCCAACCTCCTAAAGAAGCTTTAGACATTT
CTAGCAGTGGTTTTTGGGGAAAATAGTAATTGCATTAAGTGAGGAAGGGCC
AGAGATGCCAGGTATTCTTCAATGCAAGAGAGTTCCCAACAATGAAGACT
TTTACCATGTCATGATTTTCAAATGTGCCACTAGATAATCACATGGGTAA
GAAACCTACCTAGAAGACCAGGTGTGGTGGCTCACACCTTGAAACCTAGA
AGTTTGGAAGGATGAGGCGGGAGGATTGCTCGAGGTCAGGAGTTCAAGAC
CGGCTTGGCCAACATGGTGAAACAACGTCTTTACTAAAAATTAATAAAT
TGCCCGACTTGTGGTGCCATGTTGAGTCCTAGCCACTCAGGAAGCTGAAG
CCAGAGATCTTTAAACCTGGAGGCAAAGGTGCATTAACCTAAACGGGCAC
TGGACTCCAGCTGGGGCCCCGGAGGAAAAAATATTTATAAAACAGCT

>Sequence 154

AGGTACTTAGCATGAGCTCATTGACGGTGAAATTGGCCATTTATACATAG
GCAAATCTATAAGGAAATTAACAATATTTACATTTCTTCTAATTAATGG
TCTTTTTGTGAACATGCACTGCCTACTAATGTCAGCTTATCTATGATTTG
AATGTATAGCTTTCTAAAGCGTAGCAATTTTTTTTGCATATTTATGTGTCC
TAAGAGAGTCCCCCGCTTCATTTTTTCCATCTCTCAGCCTCATGAAAGGC
TACCTCTATCTAGAATTTGTGACAGAGGAAGCTGAGTTTTGGGGTTGATG
GAATCTTCCTGGTTACAATCTAGAACTATTAGAGTTTTGCAATGATAGTA
ACAGCAATGACTAACCCTTGCTTGGAATAGTAGCCTTTAATCATTATCCT
CAGTTTCTATCTGGGAAAACCTGAGTGCTATTTTAAGCAGTCTTCTGCTAG
TAGTGGCAAGAATGGAGACATAAATC

>Sequence 155

AGGTACAAATTAGACGGTGACAACATGCAACTACTAATTTCCAGGACGCG
CTGAAACAGATCCAATGTTAAGATAAAAAATAAACTAAAATGATTTTCCTC
TGGTTTGATTTAGGTAGATAATCAAGGCCATAACATGCCGATGTGGAAAA
ATGTCCCAACCATCCCCAGGAATGAAGAAAACTAATAGGCAACAAAATTG
TTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
TTTGGTCTTCCTCTTTCTATTTAAGCCCTGTATTGTTGCCCAATACACCC
TATTTAGGTCTCATTTTCTTATCTATGTCCACATACTGAGCCTTTCAGT
TTCCTTTTTACTTTAAAAAGCTATGTCCAAGTGTCATGCTCTTGATTGAA
GGCAGAAAGACAACATAATAAAGTAACCACTGCTATTGGGCAACCTCTT

>Sequence 156

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCTGAAAATCCTCTGGGGTTGGCAATTGTAAT
CCTGTGGACATTGGTAATAACCCGAGGATGCAAAATTTCCCCAAAACAAGC
AGAAAATTTTCCATGAATTGCTGCTATAAAGCTGAATTCCTCTCCCCACC
CCAACATTTTATAAAGAGCAAGTGACTTTTACAGCCTCTGGGTATTGCC

Table 3

31/1077

AATAGCGATCTGGAAACAGGCTGCTCTTCGTTTAAATGACTGAACACACG
GTTGGGGATCTGTTCTGAAAGGTGGAGGGTGCCCGCTTGGGAATAGGGAC
ATTATAAATACTGGACAATTGAAGACAATATTTCTGAAGTG

>Sequence 157

CCGGGCAGGTACTCACTTTATTTCTATGATCACCTCACTGTAGTTTTTCAT
ATGATTTCCCAGTAGGAACAGTTAGTAGAAGCTGGGTGAAGACAACCTGGG
GATTATTATATCTTAGCCTTTGGGAGGCATTTTCATAGCGTTTTCCATTTA
GAAACATTCTCAGACCCAGAACTGTTAGTAGAACAAGTTTCCATCCCC
AAAGTGACTTGTAAGGATAAAAATAATCTTAACTTTTAATTTTCTCTCA
TTTGTCAAAATCAGTATTTTCTATTTTAAATGTCTAAGACTAGAATAAT
TTTCTTTGAGTTAAAACACAGGGCCAGGCATGATGCCTCATGCCTGTAAT
CCCAGTGCTTTGGGAGGCTGAGGTGGAAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTT
TGAGACCAGCCTGGGCAAAATAGCAGGACCCCGTCTCTACAAAAAATAT
ATTTTTAAAAAGCTAGGCATAATGGTGCACACCTGTAGTCCCAGCTGCTC
AGGAGGCTGAGGGAGGAGGACTGCTTGAGCCCAGGAGTTTGAGGCCACAG
AAAGCCATGATTGCACCACTGCACGCCAGCCTGGGCAACAGAGGTAGAAC
CTCTTCTCTACCAAAAAACAAAACANAACCAACAAACAAACCAACCAACC
AAACACACAAGCAGGTGTATCTCAACATATTTGTTTTTAAGCCTAACTTA
GCTTTTCTAATTTACCTTTATAGAGTTAAGTATTGAATACTCAATCCTGA
TTGGGAAAAGCTAAACTTTTCTTTAACTCTGGTAAGAGAATGTAAGTGG

>Sequence 158

CCGGGCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGTGAGGTGATTCACTGACCT
TGCCTATAACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAAGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTTCCCAATGG
ATCCTGGTTGGCTTCCTTGTCAGGAACAGAATAAATTTCTAAGAAAAT
TGACTTTTTTCACAGGGAAGAAGCCGAGGGTGGAACCTTTGGCCCTAACTT
CTATAGGGTGATGGTGAACCTTTATCTTTCCGGGAGGGAAAGGGTTTTTC
TGGTTCCCTTTCTCGTGACAAGGAAAAA

>Sequence 159

AGGTACTTAGGCCATCTCAATCATCTTCATCCTTTTAACTAAGTTATTCT
AAGACAATGGTAGCCCTGCACTGACCACTAAGAAAGCACACACCTTGAGC
CATCCATCCAACCTATTATAACCTGGGACTTGGTATCTAGTGATTTCAAAT
CTAGTGATTATCACTGGGCTTTTCATATTTTCCCCCATGCAGCCAATTCAC
TCTATTGAACTAATAATCTGACTCACTGGGTGGAATAGCCACTCAATCTT
AAGCTCTATTCTTGCTGGTGATTGGAACCCTCCTACTCTTGGACAGAATT
TCAAGTTGACCACTGCCTACCTGTAGTGGACTCACAAGTATTATCTGACT
CTCTATCTACTTGTTTTTAAATCTTGTGCTAACAATAGCTGCCCTTGATT
ACAGGTAAACTATAATCTTTGTGCAACTCAATGTCCCCTCCTGCTGAACC
TCTGTAACCAG

>Sequence 160

AGGTACATTAAAAAATGCACGGTGTGATAACCCACAATCTACTCAAAAC
CAGAGCTTAATTGTAAAAAATTTAAATTCTCTCATTTTTTGATTGTCATAA
GCCTAAATGAAGGCATACTAAGCAGTTAGACATATTTTAATACTTTCT
CCCAGTTTATTTTCTTAACTAAAGTCAATAAGAAGCCAATGGGTTTTCTT
AATTGAATTCCCCTTTAGTTTGTGTTATGGAGGTGCTTTAAATCTAGACA
CTAGGGCAGGCAAGGAATTCCCCTGACAATTTTATTTTCATAGTTGTGCT
GTGCTGGCCAATATATATTAATAATAGTGGGNNNNNTTTTTTTTTCTTCT
CTTTCATGTTATTTGAACTCCGATCGAAAACAAAAATAACTGCTGGAAAA
TTAAACTTGGAATTTATTTCTCCTGGTTTCCGGCTAATTTTCTTTCATCT
AGNTAGGTTTAAATCAGCTCCCCTGTCTAGGT

>Sequence 161

CCGGGCAGGACGCGGGGGGTATAGATGTTTTAATATAGGGGTTTGCATTC
TAGACATTAAACTGCTGGGCTTGATTCTGTATTTTTGACTGCTACAGTGT

Table 3

32/1077

AAAAATATTTTGTCTCAGAGAAGGATTAAGGACAGAAATGGTTTGTTCAGTCTTAGAATTTTATTTAGAAATTTCACTAGGGTTGAGCATGGGCAATGCTTGCCTTTTCCTCTAGGAAGCCATAGCTCCTCAGTTGGAATCTGCAAACCTTTGCTCTGAGGTCTTGGGAGAACTGAGACCTTGGGAATGCATCCCGGACTCCAGAGAGCCCTATTCCTCAGGGTCAGGATGTCTCAAGATGAAAAATTA TCTAAAAATTATGTTTCAACTCTAATATTTATTTAGCTGCATTTTCCACTCAGGCACAGGCAAAGAAAAGTGCCAGAAATAAAAAGACCAGGGGATTTTTCACTTCTTTAGATGAAAAGGGCCTGGTGCTTTATTCCAGAAGTGCTCATC ACTTA

>Sequence 162

AGGTACAATTCAATGGTTTTTAGTATATTCGCAGTTGTGCAAGTCCTTCAATTTTGTAGATAAATTAGTAATTGCATAAAGGTTCTCTCTCACTTAAGTT TTTTATATAAAGAGCAGCAGCATACTTCTACTCACTCAGATGGGGTTGTT TTTGCAATGGTAAAAGAAAATGGACAGGCCTGTTAGGTTCAAGAACTCTC CTGCTCTATATGGGTGATCCATGAAGCAGAATAATAACCACAGATCTAAT AAGTTAACTTTGCCTCTCAAGTTGGAACCTTAAGTTTTGTCCATTACTCT TATGCTACATTTCCCAAATAAAAAGAAAGGAAAAAGGAAACACAAGGGTAG GCCTCTCTGCAGCAGGCCCTAAATGAATCCATCCACTTCAAAATGTATAC TGCTATGTATTCAATAAGTAGAATTTAACTGGAAATCCCCGTAGGAAAT ACTGGAGCAGGTACAAGCAGTAAAAAGGGG

>Sequence 163

AGGTACTTTTTTAAAAAGTGAAACAATTTACTTTAAAAACAGCTTGAAAAA ATGATACTGAAATACAGATGCAGTCACCAATAAACGTTAGAAACGAAATA TTTTAAGGATACATTTCCCTATTTGTGTGTCTTGATCTTATGACTACAGAA GAGCTCTAAAGCATTTAGGAAGGAGAAAGAGTCTTTGAATTAGTCATTTA TTTTAGAGTAGTATTTCCATAATCCCCTGGGGGTCTTGTAGAAAAGTAAA ATTTTGAGTCCCCTTCTCTGAAATTCTGATTCAATTTTGGGGCAGA ACTAGATAACTGGTATGTTTAAAAAAATTCTCAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 164

AGGTATCTCATACCAGGCTTGCTGCATTTGCTGTTTTTGGTATTTTACAT TCAGCTGCTGTTAGCCCATGCTCTGGAAAAATTACAAATGAACCAATGCA GTGGAATTTTCACTTCTGGCCAAGACTGAGTAACAAGGTCTGGATTTACC CTCCCAGCTGAAACAGTTTGAAAACCTAGGTTTCCAAGACATTGGGCCTCA GGCATGGACAGTGATCCTTGCAAGAGGAGAAACAGATGGTGAGCTGTATG ATTGCCCCAGGATAGAGTTTCCAAGAAGGGAAAACCCAGGTGGAGGCCCCG TGGTCTCTCTGAGCTGGGGAGATGAAGCCGCAAGTCAACGGAGGCTAATG TGGCTGGAATTGGCAGAGCATAACTCCCAAAAAAAGAAAGTTGCCCTGGG AGCGCTCTGGAGGGTTGTTACATTTCCCCTTGAGTGGG

>Sequence 165

CCGGCCAGGTACTGTTTTAAGATATTGGATGGAGAATAATAAATTCCTTT TTATTTGCCTACTATGTGCCAAACATTGGATGTTATCTTTTAATCTTAAG AATAACTGAAATGTATGTGGTGCTAGTTTCATTTTACAGGGAAAATAAAA AAAGACTGTGAGGTAGGTAACACACCCAATAGTAGGAGGAGCTCTGGTC TGACTTCAAAGCCCCATTTATTATCCAGCCAACCTCCTTTTATTTTATGT TATATATAAATTCTGCGATGAAGACTGCACTCCAGTCTGGGTGACTAAGA CCGTGTCTCAAAAAACAAAAAAGTTTCAGTGCTGACCCCTGTGTGCAA ACTGTCTTTGACCACAGCACTAGACAGGTAGGTATTCAGTATCCTGTAA AGCTGTGCCTTTGAAAATTGTAAACCCTGAGAATGTAAGATTTATTACG GTTTTTGATCTTTGGTAAAAGGAAAAAGAATAAATATT

>Sequence 166

AGGTACAAACAAGTGAGTGTCAGGATTCAAATAAGGAGGTTTTGCTCCAG AGGCCTCCTGAATTTAACCCTGTGCTAGAGACACAGGGACATTCAATGG AGCATTAATGTCCCGAGCTGGTGACAGGTCGAGCTGAGGCTATAGATGTG TTGAGGAGTCAGCATCAGTGGAGGAGGAAAGAGATGCGGATGGAGGGAGA CTCGGTGTCTTTGAAATAGATAAGAGAGAGAGACAATGTAATGGTTTCCA CTTGGCACAGAAAGAAATGCCTTACTAATTAGAGGACCAGGGAGACACAA

Table 3

33/1077

GAGGAGCCTAAGAAGAATGGAATGAATTAGAATCATCACTGTGGAGTCTG
CGATAGGGAGTCAACTAAAGTGGAAATAAGTAATTACCAAATAACAATGA
GGGGTCAGCATCGGCAAAGGAATATGTTTG

>Sequence 167

AGGTACATAAAATACCTGAGAAATATATTTAAAAGGACAATTACAGAACTA
ACTGAAGAGATAGAAAACATAAAATCTTATTGAGGGACATAAAAAATAT
CTGAACAAAAAGAAAGGCAGTACTACAATCTTGCCTGAAAGAGTTTAATA
CACTTGGCTGCTAAAGGCTTATGTAAAGTAAAAAAATAAAATAAAAGACT
CAGTATAATAAATACGTAAATGTAATACAATTCAAAGTGTAGCCCCAGTA
GGGTTTTTGAGGGAGGAGAGGGCTCTAGGTTGGGGGTAGAATTGATAAAA
TTTTCTTAAATCAAGTAGCACAATAAATGCCTGAAAATAGCCAAGAAAG
CTATAGAAAAGAAAGAGTAATGAAGAGGTTCTTGCCTTACTAGCTGGAAA
GCATACTGTAAAGTAATATGGAAACAGTGTGGCACTGGCCCAAGAATAGA
CAGAGATACATGAGGGTTATGAAAGGTAAAGAAAAAAAAAAAAAGAATTGA
CAAATGGATTTGTGGAACATACTAGAAAGCCCAGTAAGAGGCCTTTAACA
ATATAGTCATTTGAGGCCTGGCGCGGTGGCTTATGCCTTGAAATCCAACA
CTTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAAATATGAGGTCAGGAGTTCGAGAACA
GTCTGGCCAAACATGTGAAAACCCATTTTTCTTAAATTTCCCAAAAAAA
TTAGCCCGGCCTTGTGGCCAATCCCTGAATCCCAGCTTCCTTAGAGGCTT
GGGCAAAAAAATTCTTGAACCCCCAGGGCGGGGTGCATGGG

>Sequence 168

AGGTACTAAGAGATTGTATTGATTCTTTTGTTGAAAAATATTTAAAAGGC
TACCAAGTGATCTGTATCTGAAAAATCTCTTAAATATCTATTTCCCAGGG
GGTGTTCCTCAGTTGGACTCCTTTGCCTTGAGATAGGTGGAAAGCTATTT
ATGCAAATTTTCATGGCTCTATCTCTAATTTCTATTTCACTCATTGTTTAC
CCATATATCATTTTTTAATATGGAATTTCTCTCCAGAGAAGCAAATTAACA
GATTTTAATATTTTATCAGACAATTCAAGTTGTGGGTTACAAATTAGAGA
GGATTAAATCTTGTCTTTTACAGCCTTTGAAATGTTATTCAC

>Sequence 169

TGCAGTGCCTGAACACTTTTAGCCATGGACTCCCGAAGGCGGCGAGACCC
AATAGTTATAAGGCCCTGTGAGTCAAATAATTTATTTATGAAGGCCATAA
GAAGCCAGACAGGTTAAACACAGTCTTCCTTGTGATGCTGGTGAACAGCC
ATATACTTACTGATGGATCTCACCTCCCAACTCAGACTCTTATGGTCAGA
GGCATATTTAGTGCTTTTCATAGGCTGTGATCTACTAAGGATCACAAATTT
TTTCTATAAGTGTTTCATCATCATAGATTCTGTGTTACACTGCCCAAGGA
TTCATTGCTCCTAGCTCTTGGAATTTGTTTGACATCACTCAGCTAGCAA
CCCCTTTGGGAATTATTTTGGCAGAAGAGAGTCACCTTTGCCTTATCCAT
GGTCATACTCCCTACCAGGGGCAGACTACGTCCAATGACTGGCTAATAAA
AAAGGCCTGGCTCCTCACCTCAATTCAAGACAACCCTGAAAGGCCCTCCT
ATCTT

>Sequence 170

CCGGGCAGGTACATGAAGAAAATAAAGTGGATGAGGAGCGTATGCAAACA
AGGCAATTGTTTATTTTCTATAAGGCTTTTTTTTAGTCATCTAAAACAT
TTAATACTTTATATTCTTAAACATTTATACATACAGATAACACAAATATC
CTATATTTTTTAAAACCTTAAATTACTTTAAAATGAAAACCTGCTTAGGAC
ATGTCTTTTTATGATATGATGGAACGTGTATATAGTAACATTTATTTAAA
CTTCATTATACATTTTGCTTCTCTGTGACCTTGGGCAAGTTACTTAAGCT
GACTCAATTTTCCCTTCTATAAAATGGAGATAACTATACCTTTTTTTTTT
TGAGACGGATTCCCCTGCACTCCAGCCTGAGCGAGAGAGCGGGACTCTG
TCCCAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAATGCGTGGAATGAGCTCTGTGC
AAGGATTTTACCAACTGGTACAATGAAGTTTAGAATGATTTT

>Sequence 171

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGGTCTCATTTTCAGAC
ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAACTCAGATGTCCATCCC
CTCCTTATTCATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACA
CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG

Table 3

34/1077

ACCTCAAAGAAATTTTTTTTAAAGAGACTGGGTCTTACTCTGTCACCTAG
GGTGGAGTCCAGTGGTAGGATCATAGTTCATTGTAACCTTGAACTCTTGG
GCTCAGGCAATCCTCTCACCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGC

>Sequence 172

CCGGGCAGGTACACAAACTCCTACTTCCAGAAGAGAATTGTTTAGGTTTT
TCTGGCCTAAATTTTATGCAATGAATAAAAATTTAAATCTCTTCATCCAT
GATCTACTGCAGTTCAGGATCCTTGGCATCAGATGGTAGTGATAAAAACC
GGATATTGGGGTGCTGCCGGTGGAGAAAAATGGAAGAAGCCAGAGGTCAG
CAAGAAGGGGAGGCTAGTAGGAGAAAGAGAGATTAAAGAGAAACCTAAGA
AGGTGAAAAAAGAAAAGTTAGAGGGGCAGAGGAAATAAAATGTAGAAGA
GATGAGAAAATATTCAACTGGATAGCAGGAGAAGGGGAAAACCTGTAAGGA
GGGTGGAA

>Sequence 173

AGGTACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACATTTAGGAAAACTAGG
CTGTTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTACTTTCACAACTTC
CCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTGTTTTT
TCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAGAATGC
CTTGACACTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTGATCCC
AACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAAACCTAAGG
TAGTCTGGAATAAATCTATAAGGAGACATTTTTTAAGAGGAGGACCATAA
AAGGCATTAAAACAGAGAACATGGTTCTACCCAAGGCAACTGAGTTTAGT
GCTTCCCTACAATTCTTATTTACACTTAACCT

>Sequence 174

GGCATTTCCTCAGGGATCTCTGTGCATCCTTNGGATTATCCTGGCGAGCG
AGGATATTAAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGCCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGATGTGTGGCCTTAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTCTGTATCATCAGGTCCTTCCCACCATGCAGATCTTCCTGGTCTCCCT
CGGCTGCAGCCACACAAATCTCCCCTCTGTTTTTCTGATGCCAGCTTCTC
GGCACTTGCTATTTCTCCCGCGTACCT

>Sequence 175

CCGGGCAGGTACTGCCAGGCATGCTCCTGCCTTGGGCAGAGTGTATATGT
GTGAGTGCACCTGCCCTTCCCACAGCCTAGAACGTTCCCTCCTCCAGACAG
CACACATGGCCTGCTCTCTCATTTCCTTAAGGTCTTTATTCAAAAGTGAC
TTTCTCAGTGAAGCCCTGTCTGCTCACCCTGCGTAAAATTTCAGCTCTTC
TTTCTATCTCTCTTCCCAGATTTTTTTTTTCTCCTTCATGTTTCGTTGGTGT
CTAAGGTTTATCATCTATTTTCGCTAATGGTCAGTAGAATGTAACCTCCAC
GTAAGCAAGGAGTTTTGTCTGTTTTGTTTCATGTCTATGTCCTTAGTGCCT
GGAGCATTCCCTAATATGCAGTAGGTGCTCAATAAATGTCAGTTGGATTA
ATGGCTGAAAGAAAGGTCACCGCTGTAAGGATGGGGGTCCGAGAACAAAC
ACAGTTAATTCCTGGTCCC

>Sequence 176

AGGTACATTCAAGATCCATTTGAAACTTCTCTCAACATAATTTAAAAATG
TAAGTCAAAGCCAGCTGCAAAAATTTGTAGATTTGGCCCGAGAAAGTGCC
TGGATTTTACAACAGGAAGATACAGATCGACCTTCCATATCAAGTAATCG
GCCCTGGGGGCTGGTATCCCTATTGCTACCATCTGCTCCAAACAGAAAGT
CCTTTACCAAGAAGAAAAGCAATAAGTTTGCAATTGAAACAGTCAAAAAC
TTGCTAGAATCTTTAAAAGGTAACAGAACAGAAAATTTACAAAAACCAG
TGGGAAGAGAACAAATTAGTACCTGCCCCG

>Sequence 177

TCCGGGCAGGTACTTTTTGCATCGGTGGTAGCTTGGTGCTGGGGGTATGT
TATCCCCCTCTGTTTCCGCAGGCGCCCCCTCTGAGAGAAGAGTGGTCACA
GAATGTTTTCTCTATGCTGAGTAAGCCATCGAAAGAAAAGCACATGTGAC
TTCTTCAGCTCGGTATTAACCGAGACAGGTGTGAATAGAAGCGGATTTAT
TCTTCAGCTCCCATCGAACCCCTAAGTGTTGATTTTCGCCTTCAACAGTAGT
TTTTTCTAACCAAAATTCTTCAGTGTGTTTGGATGTGTCCCCAGAGTGAGT

Table 3

35/1077

TAATATACTGAGGGTCTTAGCAGCTGTTGATAGATTTGTGGTGTATATGA
GTTTTCTCAGGCATGTGTATTCTCACTGAGTAGAAATTCTCTCTTGACCC
TGGAATAGTTACTTTTATTAGGAATGTGTGATGTTTTCTAGATTGTACCT

>Sequence 178

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGGCGGTAAACCACAGGGACTCAGTCAAAGC
AGAATCAAAGAAATGCAGAGGAAGTAAAAAGACACAGACATAGGCTGACT
CAGGACCCTAGAGATGAACATGAGATTGACAGGGGCACCAGCCGACATTC
GGAATCTGCTGCCAAGATAAGAACAGCGAGGCTGGGCGCTGTGGCTTACG
CCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGACGTGGGCGGATCACAAGGTCA
GGAGTTCGAGACCAGCCTGACTAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAATTAGCTGGGCATGGTGGTCCGTGCCTCTAATCCCAGCTAC
TA

>Sequence 179

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGACTCTCACTC
TCTCACCAGGCTGGAGTGCTGTGGCGAGATCTCAGCTCACTGCAACCTCT
GACTTCTTGGTCCAAGCGATTCTCCTGAATAATACGGTGGGCATTCAAAA
ATGCTGTTGAATAAATCTGTCTGGAAAACCGAGCAATTCAAGATGACAGA
AGACAAGATGCTTGCTCATCAGCAAATACCACTGAGGTCATGTCATGAGT
GAGGAGCCATGTGAGACACAGAAAGCAACCTAGACAGAAGGAATGGGGTG
TGTCTCTAACTCTGGAAGAACTCCAGCTTTCTGCTAGATCTAGTACCT

>Sequence 180

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAAGCAAACCCGGCCTCACCTTTTCCTGCCCCG
AAGCAGAAGATTCTCGCAGTCCTGGTTTCTCCCTCCAGAAGACCCCCACC
CAAATCCTCTGTAGCTCCTGGTAGTGCCCTGACCCCTGCTGCCACCGTCC
TTCAGAGAGCAACGGAAGAGCTTCCCGGAGGGCGAGGAAAAGAGGGAAAG
TAGCCAGCAATGTCGAACGCAGTGTATAATAAGATGTGGCATCAGACCCA
AGAAGCCCTCGGTGCTTTACTCGATAAAGAGCCTCAGAAGATGATTGAAC
CACAAAGAAATCAGGTTTTTCATCTTTCAAACATTAGCCACCTTCTACGTA
AAGTATGT

>Sequence 181

AGGTACTTGTTAAAAATTGTAATCAGCCTCTTGACAATGTATGTGATTTA
GACAGCAAAACACAAAGGTTAGATCTGGGCTGATAGGAAGGAGACGGCCT
ATTTGCACTCTGGTGGGCAGGGTGGAGGGGTAAGGGAAAGGGTAGCAGAG
ATGAGCCATTTTATAGAGGAGGCTCTGTGAAGCCCCAGGCCTCAAACCTT
GGTGAGTGGGTAGCAGAAATTCATTCTGGAGAAATCCTGTAGCCAAGGC
TCGGGAAGGAAGGGCTTCTCGTCCAGAATTCTTT

>Sequence 182

CCGGGCAGGTACACAACCTATTGAGTTTTCAAGAACAGAAAAAAGAGAGAA
AGTGAGAATGAGAGTGGTGTATCTGTCTTTCTTTGGAACTAATCAATC
TTCAAAAGGAAAGGAAAGGGACCTCTCTCTTCCAACGAAGGCTGACTGAA
ATGAGCCCCAAGCCCTATTACCCTTGTAAGAATGGACTGAATGGATCCCA
CCTCAGGGAGCTTTGCCGGCCAGAATCAACCTGCTTCCTGGAGAGATAAT
GAGGAGGTGCAGCAGTGAAGAAAGAGGCAACCATCCTCAAAGCCCATTCTC
TCCTCACCCCAAACACTGATGGCAAAGATAGGGGCCAAGGTCAGGGACCT
GTCAGAAGCCTTCAGTGAACCTGAGTTATTCCTGGCAGATGGAAGAAAGCC
GGGAGAAATAAATGCTAAAATCTTTCACTTCAGAAGCTTTTCTGAATCAGT
CAAGATGACAGCAGAGAACTAGTATGTCCAAATATAAACATTGTATTTGA
AGTTATTTGCTTATGCTTAGGATCCCGCGTACCT

>Sequence 183

AGGTACTAAGAGATTGTATTGATTCTTTTGTTGAAAAATATTTAAAAGGC
TACCAAGTGATCTGTATCTGAAAAATCTCTTAAATATCTATTTCCCAGGG
GGTGTTCCTCAGTTGGACTCCTTTGCCTTGAGATAGGTGGAAAGCTATTT
ATGCAAATTTTCATGGCTCTATCTCTAATTTCTATTTCACTCATTGTTTAC
CCATATATCATTTTTTAACCTATGGAATTCTCTCCAGAGAAGCAAATTAACA
GATTTTAATATTTTATCAGACAATTCAAGTTGTGGGTTACAAATTAGAGA
GGATTAATAATCTTGTCCTTTACAGCCTTTGAA

Table 3

36/1077

>Sequence 184

AGGTACAAAAATTCTGTTATGAATGACCTGGGTCATTCTCCCTGCCTGAC
TGACATCCTGGAGTGTGTCATTGAAAACCTTCACTTTGCTGGCATCTTCC
CAAATTTCTCAGACACCCTCTCTTTGAACCTGGAGCCTCCTGGGGAAGTA
TTAAGAGCCAACCAGCTATGAAAACAATGTGCTCTTCCCTGTGCTAAGTG
CCTCTTCTTAGGCAGTAAAATGCTTCAGTGGTATGAACATATGGCATCAA
CATGGCCTCTGAAAACCATGCTGGGTGTTTAACAAGCATGGAGGGATGGG
GACAGGCTGTGATGAGCTCTGGAGGCTTACAGAACAGGACCTCCCCTCCC
CCAG

>Sequence 185

CCGGTGCAGGTACTCGATGGACACAGAAGGTCACAGGCATAAGCACAAAT
GCCTAGAGCTCCTTTTTCAGGTAATTGCCTGAAACAAATGGGCTACCATT
AGGGCTTCTGTACACAGGAAGTCAGATAACTTAATACTACTGTATGTTT
GCAGCAGGACTAGATCTAGAGATCTAGAGAAGGAGTGGCCCACTGTCCTT
TCCTAGCACTGGGTTGTGGGTAAAGCAGACACACTTAGTTCCCATCCAGCG
TTGATCGCTGTCCTCTCTTTTGGAAAGGCCAGACGTTAATCTGCTCCGT
AGATTGTCATCGTTGGGACACAGTTCTGGGCATGAGGCTTGTAGTAACAA
GCAACATAAACCTGGTCCTGGTCCTCATTGGGCTGAAGGGTCCTTGAGCT
AAAAGACATTGGGGGAGGGTGGGCCTGATACAGTTTTCCAGCCCTAGGTT
ATAACCTGGTGG

>Sequence 186

CCGGCAGGTACGCGGGGTTTTTTCTAAATTCTTTTTAGATTACATAGCAG
TTTCTTATCCCTCACCATGATTGGATCACCTGGACAGCCATAAAAATATG
GATGTCTGTTCCCCTTATAGGCCAACATGGTGGAAACCCTGACTTCTAAAA
ATACAAAAATTGGCTGAGTGTGGTGGTGGGCGCCTGTAGTCCCGGCTTCT
GGGGAGGCTGAGACAGGAGAGTCGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGGTTGCA
GTGAGCCGAAATTGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGTGAGAC
TCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTTTTCTGGAAAGCAGTTTC
ACAGCAGAGCAACAAGGCTGAAATTGCCCCAGTCAGCCTTTGCTGGCTGA
CTTCCCTTTTTCCGTTAATAGCACCACCACACCCAGTAACCTAAGGCTTGC
GTCCTCAGTTATCTGCACGTAGGGAAGAGTCTGGTCAGTGATAAAAGGTA
GTTGGTCAGTTGCCACGTCTTGAAGGAGGACGCAATGATTCCAGATTC
CAACCCAATCAATACTGCAAGCTTTATCTTTACAAGGCATAGCTCTGC
TGCTTTCTGTTCCAGAACCTTTGGGGGCATTNTTTTTTGCCATTTAATAC
TCTCTTTTCTGCGCCTAACTAAGCTTTCTACATTTTAAAATTTTCATT
GGTTCTGGGCAGCCAATATATGATGGCTTTTCCCTGACAACACCTAATTT
TGGTTGCC

>Sequence 187

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTGAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGGCCTCAATTCAGTGGGGCCACGTTAGTG
CCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTCATGGCCACTCA
TCTCTCCGGGATTTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCAT
TTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTTCTTCTCTACTTAGAAC
CCTCCCATAAGCCGAACCCAATCTGCCTTTTACCCTCTTCCCCTCTTCC
TACTGCCTCCATAGTTATTCTTCGGGATCTAGCTAAGTAACTCTTAAGT
ATTCTCCCCTGTTTTCCTAGCACCTAACATTATCAATTCCCCCTCCACCC
CCATTTTCTTCCACATACGGAGGCTCAATAAATAATAGTTAAATGAGGCT
GGGTGTGGTGGCACATGTTTGTAACTCTGGCACTTTGGGAGGCTGAGGCA
GGAGGATCGCTTGAGCCCAGGAATTCAAGACCAGCCTAGGCAATATAGTG
AGACCCATATCTCTACAGGAAAACAAAAAGAAAAACCACAACCAAAAAA
ACAGCTGACCTGGCGTCCAACAACCTCATAAGCCTGATGGTGGAGAATCGC
TTGAGCCCGGGGAGGTAAAGCCTTAGTAAGCCATGTAAGCCATGAATCGAA
CCCTTTTCACTGCGTTAATTTTTATTGTTAATGATTTTTATATTGGTATA
ATTGATTAGTATATCTAGTCATTCTTACACTATGTGCGACGTGTCTTATAA
TTTCAGAGTCACGATTTAGTCGTTAAGATATACAG

Table 3

37/1077

>Sequence 188

CCGGGCAGGTACAAAAACTTTTCATGGACAGACCATGGATTTTAAGTTCC
TGAGGATAGGGGCCATATATTGTTCACTTTCATTTTCAGCTCTTAGCACA
GAAGTTTGCTGAACTACATTTTAAAAGAAGATTTTTCAGTGTAAATGGTA
TCCATAGCTGCCATGACAACAAAAGGATACGTTAACAGCATTTCATTCT
GTGCATGGTTTACAAAATCTATACATTTTATAGCTGTAAATACTCTAGAA
TAATTATCCAGTCCAGTTGCCTCAATTTATCAATGAAAAAAGAGATCAG
GCCAAGCGTAGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGTGCTTTGGGAG

>Sequence 189

AGGTACTTTGGGTTTGTGTTTAAATTACGGAATGATCTTTGTAATATAAC
CAAGAGAAAATTAGACGCTTTTCCCTTACTATTTTCTATTACTACTTTT
AAAAAGGTATCCTTTTTTCTTTTTTCTTTTTGAGACAGTCTTGTGTTGCC
CAGGCTGAGGCAAGAAGATCGCTTGAGGCAAGGAGTTTAAGACCAACATG
GGCAGACCAATACAGTAAGACTCCGTCTCTACCAAAAAAAAAAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGCGTGTGCCAGCTACTCAGGAAGATGAAGTGGGAGG
ATTACTTGAGCCTGGGAGGTGAGGCTGAAGTGAGTCATGATCGCGCCAC
TGCACTCCAGCCTGAGCGTTGGAGTGAGACTCTGTCTCANAAACAAAAAA
TTGTTGTATTTGGCAATCATGACTTATTTTTTGTGCATAGGTCTTGCTTC
TCAACCTAANTTTAAGCTTGTGAAGG

>Sequence 190

AGGTACTCTTCTCGTGGTCTGGAATAAATACCCTACCCTTTCCACTAT
CACCTAGTTTACTGAGTCTCACGTATTAGGATTGGGTTTAAATGTAACTT
GTATTGCCTCACCCAGAAAGCCTTTCCAGTCTACCCCTGCTTTGATTATT
TCCCTATCCTCTATGCTGCCTTTGTTCCCTGTGTGTCTCTCCACAACAGC
AATTAGAGCACATATGATTTATTATCTCACATATTGGTCTCACTTTTCAG
TCTATGAAGTCTCTGCGCACAGAAGCTCATGAGCGTTTTCTTCTTTCTG
TGGATTACCTTTGCAAAGGCCCGAGACCACCAGAGAACCTGCCTTCCTAC
CTCTCTTC

>Sequence 191

CCGGGCTGGTACAGACATAGCAGTGGCAATGACGGAAAAGATGGAGCTAA
GAATGGTGGGGCTGTAGATTAAGAATACACAACTTTAAATAAACGTATT
ATTGGCACTTATAACAAGAAATGGCTCAATAAGCTTCCTAAAGTTGGCTC
CACAGAGATCTGCCATCAAGCTTTTCTTTCTAGCAGAATTTAGGTTTCT
TAAATGGTGACAAGAAATTGTTAATAGGCCGGGCACAGTGGCTATTAAT
ATAATCCCAGCACTTTGGGAGACCGAGGCGGGTGGATCACCTGATGTCAG
GAGTTCAAGAGCAGCCTGCCCAACATAGTGAAAGCCCATCTCCACTAAAA
AAATACAAAAATTGGCCAGGCGCAGTGATGCACACCTGGAATCCCAGCTA
CTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCAAGAAGCGGAGGCTGC
AGTGAGCTGAGTCGCGT

>Sequence 192

CCGGGCAGGTACCCAGAGGACCAGATGATTGATGGGTTCTACCACGAGCA
TCTAATAGCGACTGCTGCAGAACTGGTGTGGAAGGTTTCTATTTTATA
AAAGAAAGTATCCAGAAGGCTAAAGGCAGTTGTGGAATTTATTTCTTCCC
AGTGCTCTGATTGTCAAAATTTGAATAAAGCTCAGTGAAAGGAGGACAGT
AATTAATGACTTGATAGCCAAACATCGTAATGATGATTTAGTGATATACT
AGACTGGATGAAAGAGAGGTCAGTGTCTTTTCACTATGGATTCATCATAA
ACAGTATCATTCTTCTCAGGAAGAAN

>Sequence 193

CCGGGCAGGTACCTTTGGTTTTCTTAAAGTGAAAGTCAGCTATATCTATC
AACCTTTGTATTTGAATAGTCCCGCTTTACACTCTAAGAAGGGTCATAAA
CAGTAATTTAATATAATTATGACCATGCTAATGTGAATTCTTAGGCTTTA
CTATATTTACAACAGCACAATTTTGATTCAAAATCAGCTCTTCCAAGTGT
AATAACTATCTTCAAAAAGTGGTTTCCAGGCCAGGCACAGTGGCTCACGC
CAGTAATCCCAGCACTTTAGGAGGCCAAGGCAGGAGGATCACTTGAGGCC
ACAAATTCAAAACCAGCCTGGGCAACAGAGCAAGATTCCAT

>Sequence 194

Table 3

38/1077

AGGTACCTACCCCTCTGTGAGCTTATAGCTTAAAATGAGATATATATGAG
ATAAATGAGAAAGGTTTATACCACAGAATAACATTATGTAAATCAATTTA
ACCAAATAACAACACCAGAGGGGAAAGGACTTTTAGCTACCACTCATATTA
TGTCCCAATATAATGTTCCAGTTCATGTTGCAAATAGGGCAGCACCCCTGG
CTATTGTGTGGTAGTCTGTAAGTAGTGAAATAGCTGTGGGGTAAGGCAGT
GAGTCTTTCACCTTAGGGAGGGTGCGAGCCCAGACCCACTTGACCATCTA
TCACAAATCTTGCTGAAGTTCTAAGATCCCTTTCAACTACAAATTTTCAT
GCTTCCATAGAATCATCCCTGACCTCAGGAAAAAATACAAAAATGGAACA
AACAAAACAGAATAGTAAAACCTGAAGTAAGAAAAAAGAAATGAATTTG
ACATTGTACCTGCCCCG

>Sequence 195

TATGCTATATCGGCGAATGGACTTAGCGCGGGCCGCGGCGGGCAGGTCA
GAGCACTCCATGGTATGACAGGAGTTTGCTGGACCCTCTGCAGCCTCACA
CTGACTACCTCTGCGGTAGCATATTATTTTGAGAACGCCATTTAACCTCT
TAGTCTCATGTTTCCACATCCATGGAATGGGTGACTCTAGAGACCTCTGA
TCTGACTCCATATTCCATGGGTGTGAGCCCCAACATGATCCCTGCCAAA
GCCTAGATTCCTAGGACACTAGGCAGGTGGAACATTTATAAAAGAAAATT
CTTTTTCATTGTTATGGCAGCTCTAATTTCTCCTATGAATCCTTATATCT
TTCCTAGATGGTCATGTAAAACCTGGTTATGGTGGTGTAAACGTTACCCTC
CATCAATCAAGTTGAATTGCAGAAGGCANACTGAGAGGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAGGTCCT

>Sequence 196

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTGAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGCCCTCAATTCAGTGGGGCCACGTTAGTG
GCCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTCATGGCCACTC
ATCTCTCCGGGATTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCA
TTTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTTCTTCTCTACTTAGAA
CCCTCCCATAAGCCGAACCCAATCTGCCTTTTCACCATCTTCCCATCT

>Sequence 197

CCGGGCAGGTACTTTATTTTCTATGTTTCAGAACCCACAGGGATATTTAC
TATGTAGCTAAAGATGCTTAAGGTGCAGAATAGCTCAGTCACAAATGTCT
CCTTCTCAAGCTCTGAGTGTTCTCTGGGACAAAAAATAAGAGAGAAGAGG
ATCCCATCATGGGTAGAGAGTGAGAGAGATACCCAGCCTGGGAAAATTT
TCTTTGTTTTGGTAGTAATCCTGGAGCTGCAGATGAAGACGATGGTTGAC
AGAATGACTTCCTCGCCCACCCCTCCCCACACAGCAACATGTTCTCATGA
CGTCCTGGTGCATCTGGACCCCATTTTTGTCTCCAGAAAGGATTGAATGA
GCTATTTCTC

>Sequence 198

GCGGGCAGGTTCACTTCTGTTCTCCTCCTGATAGAGGGGCTTATTCTAAA
CCGTCTCCTGGTCCATCCCCACAATTTCCGTTTTTTTTTTTTTTGGTT
TGGTTGAATGTTTGCCTGCCTGGGAAGTCCAGCCGTCCCATCTCAAATC
TGCAANATCTTCCTCTAGACTTTGNGGAGAACAGAAAAGTAGTCTCCTAA
CTTTCAAGAGGTNNTAGAATCCTCAGAAATGTGGCACTTTTCAAGGAAN
NAAGGGTTGTTTAACTNNGAGTGATAAGAAATATCTGGAGNNGAGAGCT
CATCACTTTAGTCGGTGTGTAGTTGCTGTGACTTCCGTCTGTCCTGGCAA
TTTCTAATCTNNGTCNNCTGCCTGTGAATTGCAGAAAGTGCTTCCACGGT
GTTCTTCCAGCANCCCCGTGAAAGAAAAGCCTTGTGATTGGGAATTGCAA
GTTGCTTCTTGTCTTTGCTTATGAANTGGCTTNGTCNNTGTTCTGTGGC
TTTCTAAGGGGCTTCTTTTTCTTTTGCTGGAGTAAAGAAGGTTTCCTTTT
TTTTGCTAACTTCAACTTTGCTATTTTCTTAAAAAATAAATAAATTAGA
GGGGCATCCCTTTACTTTCTACAAGCCAGAAAATAGAGGAAAAGAGAGCT
TCAGGAAATTGTAAAAATAGAAGAATTTCCCTTAACATTCATAATTTT
ATTTTAAGAAGCTTTAAGTCAACCTCTGGGTCAATTTATTTGAACCTGGG
CCGGTTTTTAAATAAGGGGAACCCCCCGGCTGGGAGGAATTCGATTTTAA
AGTTAATCATCCCGTCGACTTTAGGGGGGGGCGGGGACCCAATTTT

Table 3

39/1077

>Sequence 199

AGGTACACTAGGACTTGACTGGAAAATTTTACAATTCAAGAAAGCAAGGG
ACTTCTGTTCTCTTACCTCCTAGTCTTTCTGTCTCCTAGGGAAAGAGAA
AAATTACAAAGAAGAAATCTCTCTCTCTCTCCATTTTAAAGCAAAAATAG
AGTCGGGTGTGGTGGTGCATGCAGATACTCTGGAGGCTGAGGTGGAAGGA
TTGCTTGATCTCAGGAGGTCGAGGCTGCAGTGAGCCATGATCGTGCCACT
GCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTTGAATGAATGAGTG
AACGGAATGAATGAATGAGTGAACGGAATGAATGAATGAATCATTCTCTG
CCTTCTGGGTAGTAACCCTGGTTTTTAACATGTTGTGTACCTGCCCCG

>Sequence 200

AGGTACCATACACAAGGACATAGCACCTTTGATTAGAAGTATGTTCAATA
CATTATTGTGAACACTACACTAAAAATAATGATTTTTTCATAAGCAAAATTCT
CAGAGTAACCTGCAAAAACATCCACCAGATGAACTGGGTTGAAAACATTT
AACAGTTCCCTCTCTAATGCAAGTTGCTTCTCAGTATTGGGCAAGTTTTCT
TGTCTTGGTGTTTAAGTAAAAAGGCATCTTTTATTTGTGTTAATTCCTTG
CAAACATAGTGAATGTTGTGAGTAGTTATTTTCACTACTGCCAGACAAA
AGGAAAATAAACTTTTTTAGTTAATGCTTTTGTAGTTTTTCAAATTAGAT
CTTTTAGTAGC

>Sequence 201

AGGTACAGCATTCTTGTATTGCTGTGTTTGGCTATCCTAGTATAGTTTGT
GTTTAGGCTTATCACAAAATAGTAACATGCAGGGAAAAATCAATGAACC
AACGTGATTCCATGTTATATTGATGCCATTCCCTTATTCACTAATTTTAC
ATGAGCTCAATCACATCGCAGAAACACATCCTTTCACAAAATAAACTGTA
TACTTGGATCTACTTATTTTTTCTATATGAATGTAGCATGTCAGTTCTT
TGTTAATGAACAACATATGTCTTAAATTTTGTATTTTAGAAAATGTAATGA
GCAACTTATTCATATCTGTGATACCTTGCCTTCCCAGGGTGGGCTTCAGT
TGCTGCTTTT

>Sequence 202

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATATAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTGTAAATAAAACAGTAGAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTGAGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGAAGAGCCTTGGGCAGA
GGTGAGACATCTGCAGGAGGGAAGGAACTGAGAGAAGGGAAGGTGTGCAA
ATGTGGCAAGAGGAGTTTGAATAAAGTCCATCTGATATCCTCTATTTTCT
TTGTAAATCATTCTGAATGAAGTATGAGACAAGGAGATCAAAGGCTTGAA
G

>Sequence 203

AGGTACCACTACACTCCAGCCTGGTCAACAAAGCAAGACCCTGCCTCAAA
AAAAAAAAAATTCAGTGCAAAGAGAGAAAAAAGAAAGATAAATTGACCCC
CATAATTGTGCTTAATCTGGCCAAAAGTTGAACTGAAATGGGATTATCGT
TCCTGTTCTGGTTACCAAGTATTACATAACAAGCTACCCCAAAACAATTT
TGTAGGTCATGAATTTAAGCAGAACTCAGTTGGAGAATTCTGTTCCATGA
GGCATTGGTGGAGGACACTTGGCATTGATCTGGCACGTAGAGTGGTGTGG
CGGGTCCAAGCTGGTTTCCCTCGTATTTCTGG

>Sequence 204

CCGGTCAGGTACTAGGACAAGCACTGGAATTTCAAGATAAAGATGATACG
GTCCGCCCCCTCAACAACTGTATGCTATAATCTGAAAAAACAACAGGCAA
TTCCCATACAGAGTCATACATAAATGACGAGCATAAGACAGCACTTATT
GGAAGACATAGAAGGGGATACTAGCCCAGATTTGTGTCAATATTGTAGGCT
TTTGGGTAGAGGCAATTCATAAGGTGATATCTGAAGGGGAAGGAAAACAC
ATGTAGGATAGAGGGAAGAAGTAAATGCAAACAGCTGGAGGTGAAGACGA
TCACTGTGGAGGCTCATGTAGTCTAGGTTGGCTGGATGCTTTATCTAACT
TTTTAACAACCTGGAGAATTAAAATTGGAGGCTGGAGGAATTTTAAAGCC
GGCCAAATTGGGCACCCGGGTTTAAAAAATTTTTTAAAAAAAAGTTTT

Table 3

40/1077

AATTTAAGAGTTTGTGGGGGGCCCTTCACTTCTTAGAACCCCGCN

>Sequence 205

CCGGGCAGGTACCTGTCTCTGAGACTGAAGTTGTTTTGTTTTGTTTTTTT
TTGTTTTGTTTTGTTTTTAGAGTCAGGTCTTACTGTACCCAGGATGGAG
TGCAGTGATGCAATCACAGAAGCTCACTGCAACCTCAAATTCCTGGGCTC
AAGTGATCCTCTCACCTCAGGCTCCCAAGTGGCTATGATCATCAAGAAAT
AAGTCAAAATAAGAGTTCAAGAATACAATGTGTGAACTCAACAGTTCCCC
TTCTAAATATTCATCCAAGAGAAAGAAATATAACCACCCAATGACTTACA
CAACATTGTTCAAGCAACTTTCTTTGCAGCAGCTCAAACCAGAAATAAT
TTAAATTGCATTCCACTTGAGAATGGATGGACAAATGGTGGTATATTCAT
ACAACGGGGCAACACTCAGCAATAAAAAGAAAAAATCCAGTGCTTATAAT
AGCATGGATTAATTTTGTAGACAATTTTTTGACTGATGGGAGTCAAATAT
TAAAAGGTACCT

>Sequence 206

CCGGGCAGGTACTAGGAGAGGTCCTGTGACCTTTCCAGTGCCTCAGAGAG
TGAGAATGGGAAAGAGGAGTGGATGAAGTAGGGCTTACCCTCCTGTGGGT
CACCTCTCTTCCCTGCTGCTTCTGAACCCCACTCAGCCTCCTTCCCTCTT
CCCCAGCAACTATCCCAAAGCTGTTACATCGTGTGGCAAACGTTTACTGA
GGCTTTTAGGGATAATATAAGTGGTTTCTTTACAACCATTCTTCACAGC
CAGAACGCACGTAATTTAAAAGTGTGTCATTTTCACACACGTCCCATAT
GTCTCCTTCATGGGGAGCTTCTCATGGCCTTGGTCTCTCCCCAGAGGCTG
CCTATGGCCATATTTCTGGGATCCAATTCTCACACACTGGGCCCCCTCATT
CTTGGGCTTCCCACATTCAAGTACCTCATTCTTGGGCTGCCACAAACAG
TCAAAATCCTTATTTTCTAAGCTGAAGCAGTTGAGCTCTCTCACTTACTC
TTACAAATCTAGGTTTTGCCTAGAAGTAGTCAAAAAGCAAGACAGAGAC
ATCTTCATCAACCACAAAGTCTCATCAAAGTATTTTACTCCATCAAAGAG
CCATTCACTTNTN

>Sequence 207

CCGGCAGGTACATTTGTTGGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGA
GTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAAT
TCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAACAGA
AACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAG
AAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTG
AATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAA
CAGAGGTCAGTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATT
ATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGA
CAGGCACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCAACACT
GTCTGATGGGGAGGTGGCTCAATCTTTCTTGCACTGAATGAATGAGT
AACTATCTATCCATCCATCTATCCATCCATNCCTCCACCCATCCTTCCC
TCCATCCATCCATGGNGTTTGAGCCTTCAAATGTAAAAGGCACAGGCTTA
TCTAGTGAGAAAGACTTTGGATTAGGAGGTAAGAGACAGAATCATACATC
ACAGTCACTTGTTAGCTTTCTGAACCTTGTCACCAAGGGTTTTTTTGGA
CTAATTTTCTTATCTATGAAAATGGAGAGGTAGTTAGATAACCTCTAAAA
TCAGCTTTAAAATTCTTGATTGAGGCCTAACT

>Sequence 208

CCGGGCAGGTACTCATACCAGGCTTGCTGCATTTGCTTGTGTTTGGTATT
TTACATTCAGCTGCTGTTAGCCCATGCTCTGGAAAAATTACAAATGAACC
AATGCAGTGGAATTTTCACTTTTGGCCAAGACTGAGTAACAAGGTCTGGA
TTTACCCTCCCAGCTGAAACAGTTTGAAAAGTGGTTTCCAAGACATTGG
GCCTCAGGCATGGACAGTGATCCTTGCAAGAGGAGAAACAGATGGTGAGC
TGTATGATTGCCCCAGGATAGAGTTTCCAAGAAGGGAAAACCCAGGTGGA
GGCCCGTGGTCTCTCTGAGCTGGGGAGATGGAGCTGCAAGTCAGCGGAGG
CTAATGTGGCTGGAATTGGCAGAGCAGAACTTCCAGAAAAGAAAAGTTGC
GCTGGGAGCCTTTTGGAAGGTTGCTCACAGTTCCCCTTGGATGGCCACCT
GAGAACTGAT

>Sequence 209

Table 3

41/1077

CCGGGCAGGTACTTTCTAAAAACAGAGAGGCATTTGAATGGATTGAATTC
ATTATTTCCGTAAGACTCATCTGCTGCTAGCAAGTGAAAAGAATTTT
TACAAGACCTCCAGTTCCAGATGGAAGACCTCCTGCATCATGGGCAAATG
CTCTTGACCTCGATCATCATGTGGTGGTATGTTTTTGTCTGAAAATAG
GGAATATCCTTTACCTGGAATATATCATTTATATCCACCGGGAGAGCAAG
ACCAATGTAATCATCTGAACCCCCATATGTGGCACTGGACACCATGGACC
GCACTGAGGAAGATCGTTGCAGGGTATTTTGATTAATAGGACTCAATAAA
TCTTCTTTATCTAATGATGCATAACTTAAGGCTTTCATGAACCTGAAAGG
GCCGTTTGTATTTGAAGGTCTTAAGCTTCTGGATTCCCCCACATGCTTT
TT

>Sequence 210

AGGTACTCTGTTGTCTTAAAAAGCATGGTTTAGTGGTGGTAACATTGACC
TAGGTGACAGGCTTCAGTTTAGTTTCTGGCACTGGTCATGAACTTTGAA
CAAGTTAACTCCTCTCTTAGGACCTTATCTTTATGTAGAGAAAGTTGGAC
TAAATGGCTGTTAAGGTCTTTTCGGGCCTTCAAATGCTGTGTTTCTGTAA
TACCACCCTTGTTTAAGCCACAGTCATCTCTTGTCTGGACTCACAGGAGC
TTCCTAACTTGTTTTCATTTTTGTCCTTCCCCACATTATTTTCTACCCAG
AATACAAAGAGACCTTTTTAAAAATGTAAATCAGAC

>Sequence 211

GGAGGGCTATTACTATCTGGCGAACGAATCGCCACCGCAGTGGCGGCCGA
CGTACAAGGGGCCATGATCCAAACTGATGAGATGATGGACACTGACTTGA
CCACACCGACATCTTTCCTGGTGTCAAACATCCTGAAAGGGGGGCTGGTT
TTTAAAAAGCAAACAGCTGTGGAGGGCAATAAGCTGGCTTTTCCAGCAAT
CAAAAAGAAAAGCAAAAAAAAAAAGAAAAAAGCTGAAGGCAGAGGAGTGGC
CAATACACCCCAGTCTGCCAGGATAGATTCAGGTTACAGCTTCTGTCCTG
GGAACAATTGTGTGCCCCCCTTCACTTNTAATAGTCAGCCTAATNGCTGA
TGGATAAATGAAAAATGTTCAAGTGAGCCAACCTGTCTAGGGTCCTAAAGA
GGAAGCAANTCCTAGCCCCCGCAGCTCATGCACCTGTGTGGTTTGCCA
AAAGTTTCTCCACTGTGGCTCACCTGCATATAAAGGGTGTTCAGATTT
TTT

>Sequence 212

AGGTACAGCATTCTTGTATTGCTGTGTTTGGCTATCCTAGTATAGTTTGT
GTTTAGGCTTCATCACAAAATAGTAACATGCAGGGAAAAATCAATGAACC
AACGTGATTCCATGTTATATTGATGCCATTCCCTTATTTACTAATTTTAC
ATGAGCTCAATCACATCGCAGAAACACATCCTTTCACAAAATAAACTGTA
TACTTGGATCTACTTATTTTTTTCTATATGAATGTAGCATGTCAGTTCTG
TGTTAATGAACAACATATGTCTTAAATTTTGTATTTTAGAAAATGTAATGA
GCAACTTATTCATATCTGTGATACCTTGCCTTCCCAGGGTGGGCTTCAGT
TGCTGCTTTTN

>Sequence 213

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCTTTAAAGTGAGAGAGGGAGGCAGAAGAGG
AAGTCAGAGCGATGTGCTGTGAAATCTACTACCGTTTGCTGGTTTTGAAA
ATGGAGAAAAAGAGTGAGGAACTGAGAAACATGGATGGCCTTGGGAACGT
GGAAAAGGAACTTCCTATGTCATGAAGACACTCAAGGAACTCTATCGAGA
AATTCATGTATCAAGAACTGAGGCCTACTGCCAATAGCCATATGAGCGA
ATCATCTCAAAAGTGATTTTATAGCCCCTGTAAAGCCTTCACATGACTGC
AACCTTATGAGATATCCTGAGCCAGTACCT

>Sequence 214

AGGTACACTAAGAACATGGTGTAGCAAACCTATGAAATCCACACTGGTTC
TGCACTCCCAGTGACACAGAGGAACATATATGCACACACAAGCATAATT
ACCTGCACTGCCATCCTCCTCTGAGGAGCCATTGAGTGTCAAACAGGTCG
GCTCACACAGGGCCTCCGAGGAGATCCTGCCATGCCACAGCTGTGAAAAC
CTCCCCTGGATGGAGCAAATTATTTAGTGCAAGCCTGGCAACACTTTGG
AGGACAGCTAGAAACACAGGTTCTCCAGATTCAATCCATGGAGAGAGACA
CAAGAATTGAACAGCAAGAACCCTGGAGTAAGAGGGCGGAGAACAGGTT
CCAGCACTAGTTCTGCCACTCACGAACTCGGTGCCTNTGGCCATCACTCT

Table 3

42/1077

ACCTCTCANGGCCTCAGCTCTCAAGAGGGGATATAATAAAGGCTGCCCTT
CCACAATCCTGGAGTTACGGCAAGAGCCATGAGGCAAGAGAGAGAGAAAAGA
GGTCTGAAAATTAAAAGGCAGTATAATGTGAGTTACAAGAAGTATTAAAG
ATCAGTTTGGGTGTCACGCTCTGTCTGATGGGAGGCCATTCTTAGATGCC
CAAGACTTGTCTCACGTTGCAGGTTCTTCTGCAATCTAACCAATGCCCC
AATTATGTGGTCCTTTTCAACAACACCCATCCCATTGCGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGTTCTGCCCCGGCCGGCGGTTTAAAATAGGGATCCCCCGG
CTGGCAGAATTCATATCAACTTATTGATCCCTCAACTTCAGGGGGGGCCCG
TACCAACTTTGGTCCCTTTAAGGGGGTAATGCGCCTTGGGAAAAAGGCAA
ACTTGTTCCGGGAAAATGTATCCCTCT

>Sequence 215

ACCTACTGAGTATTTGGAGATATTAGTTTCAATTATCTGTTCTCACATTC
CTTTTGGTCTGCCAGGTTGCAGTGCGAAAGCAAGGACAGACCAGCCCTGC
CATCATAAGCCCTATGAATACCACTGCCAGGTCAGGTCATCTGGCCTGCT
GCAGACCCGACTATTGACCTTGATGTCCTTGTCTTCAAATGTTCGACCTA
TCTTTTGTCTTCCAGTTTTCAGGGGGCTCAGATTTTGTACTCTAGATCAT
ATTCTTCTTATGCCTTGGTTTCTGAAACCTGCTAGATGGCATCCTGAATT
ATAATATTCTGCCTTTCTGAGTACTTGTTAGATCTAAGCTGCCAGAGCTC
AATGG

>Sequence 216

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTACAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCTCG
TTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTCT
TN

>Sequence 217

CCGGCAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCATTTTATAGTA
GAGACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTC
TTGATCCGCCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGC
CACCCATCCGGCCTAACGAGACTTATTTTACTCAACTAGATGGCGTTCA
TTCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAGTTAAGTTGGGCACTGGGAATT
CCAAAACCAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTAT
GAGAGATAAACAATGAACATGAAATTATAATTAGTAACAAAGAATGAG
TGTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGA
TACCTAACTAAGCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAAGGGACAGCTG
AGCTGAGTTCAATGGGCCAGTANGGAATAGGGTTGATATAAGTCAAATCA
TTAGGTGTTTATGACAACTCTTGAAAATAAGTATTTTTCATTTTACAGAT
GTGAAGCCTAAGTCTCAAAGAAGTTTTCACCATATTCCAGAGTGGTGGG
GCCCCACAATATCCCAGGGACCTTGCCCCCAAACCTAAGGACTTTTCCCCT
TACTGGGCGGCTTTTAAAGATTGAAAATTTTCCTTGTGGAATTTGGTAA
GTACCTGGGCGGTTTAAAACTAGGGATCCCCCGCCTTGAGGAATTCATT
TAAGCTTTTTGTATCCTCACCTTG

>Sequence 218

AATTACGTTCCCTTCTAATTAGCACTAGATCTCTGCTATATTTTACAGAAA
ATAACAGAGGCTGAAACAGGTAAAGATTATTCTCTCATATGAAGTTATTA
GGCTAGGCAAATCAGGCTAGCACTTTTGGAGGCCAAGGTGGGAGGATCAC
TTGAAGTCAAGAGTTCAAGACCAGCCTGGGAAACATAGTGAGACACTGTC
TCTACCAAATAAAAATTAGCCAGGCATGATGGCACATGCCTGTATTCCTA
GCTACTCAGGAGGCTGAGGCCAGAGGATCCCCTGAACACAGGATTCAAGG
TTACAGTGAGCCATGATTGCACCACTGTACCT

>Sequence 219

AGGGACCTTTTTATGGAATGCTGTTTCAACACCGTAGGTTTCTTTGCATT
CTATTCCTCCAGATCTCTAACCCTTCTTCTCTATTTTTCATCTAGGTCT

Table 3

43/1077

CTTTAGGTGTATCTTTCATTTTGTTCATCCCTTTCCTGTATCTAATCTGC
TTAATCAATATGTTACACTGTAAATTTTAAATTACCATATATGTATCATT
TACAAATCCCTTTGGTTCCAAACCTACTTGGNCAACTTTGATTCTCTTCA
TCCCACATCATATTTTCTATCTCCTCTTATTTTAGTCTACACCTGGTAAT
TCTAATATCTGTAATCTCTTTGAGAGTTTAGGTAATTTGCTGTATTTGCT
GACTGTCTCAGGGTAGCTTGTTCACATAGGTCCATTTATATTAGAATG
AAGTCATTAGGACTCTATCTGAGGGGAATCTTTGAGCCTTGGTTTAAGGA
GAGTTCCTCCAGAGAAG

>Sequence 220

CCGGGCAGGTACCTGGACTCCTAAGCCTCAGGGATTTACTGAAATACCAT
TCTATTTTATAATAATCCTTAACCAAGAATTTTAAAGGATCTTAAATTTT
CTGTGGTTCTATTGTTATCTGATATATAGATGATCTGCTGCCATATCCTA
AAGAGCAGATGAGGCCGGGTGTAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCAGACGAAGGTGGATCACCTAAGGTCAGGAGTTTGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGC
TGGGTGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTAGGAAGGATGAGGC
AGGAGAATCACTTGAACCCAAGAGGCCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATT
GCACCACTGCACTCCATCCTGGCAACAAGAACAACAACTTATTTTAAAAA
AAAAAAAAAAGGCCCTTGGCCGTCTAACT

>Sequence 221

CCGGGCAGGTACTCATAGCAGGTAGCTTCATCAAGGGTAGTTTTCAATGC
ATTTTCTGTTGGGTAAAAAATTTCCCTCAAAAATCTGATGACAGGCTT
CTGCTAACAGTGAAGCATTGGACAGAGCTGCCCTCAGAAAACGTTTATTC
TCCCATAACTCAGTATTGTAAACAAATACAAAAATCAGGGCAGAGATAAG
AGACGCGCTAAAAAGACAGTGCTTCCAAGAGCCCATCATTACAACCAGG
AAATGAGTAAATATCTCTCTCTTGAGATAGGATCAGAGTGTAGATATAT
TTAACTTACATTTTCTCCAGGTTCCGAAATCATCCTCGTGATGGCTGAAG
CTCTCGTTGGGCTGTTCCCTGTCCTTTCAGTCACGGTTCTGGGCCTTTTT
CTTCTTCTTCCCTCTTTACTTACACTTAGGTTGCATTTTCACTTTTTT
GGGACACAATTCTGGAGGGGCTCTT

>Sequence 222

CCGGGCAGGTACATATTCCTATGGAAAAGTTGGACAATATGGGTATATA
ATAAGAACAAAATTAATACTTACTACTGAAGGATACCACTATTGTATTT
CTCTGTTTCTATATCTGAATCCAGTTTGAACCATACAAAAATGTAATTTTG
TAAAAAATAAATCGTCAAATGTTGACAATTTTATACAATTTAGCACATA
CACACACAGCACACTTTCATTTGGTAATTTCCAACCTTGAATTTTAGACAC
AGATAAGAATGTCTTCCCTCCAGAGATCAGGGATAATTTTGATAGAATAT
TCATTTTTTTTAGCACTTGCTCACTTGCCATGTGTTGCTGAACAATCAAG
TTATTTTTTAGTTACACTGCACTAAAGGAGTCTGAAGTCTGGACTAGTGAT
GAATTTTGCTGATCTTTCAACACTGAATCCCTCTTGAGGGAAGAG

>Sequence 223

CCGGGCAGGTACTGGAGAAATGCTCAAGGGAACCACTGGCCTCAAATCTC
ACCTGGCTTTGGGGCAGGACTGTTCCCTCCTCACTTCCCAAAGCCTGAGA
AGAGAGATAAAGGTGGTAGACCTTCTTTTTTCTCCAGCCATAAAGAAAAA
TGATACCCAGGGAGGCTCTCATCCCTTTCCCTATTGTCTCCCGTTTAAGG
CTGGTGAGGAAGAAATGGATGTAAAAGGCAGACAGGGGTGCCACCAAAAA
AACATAAAGTCCTCAGCAAAAATGCAAAAATGGAAACGATGGTTAAAATG
GGGCACTTTTGTGTGGTATTAAAAGCTGATAAAAGTGGGCCAATATTCCT
TTCCAAAAGCACTTGAAAAGGTCAGTGGGTGACAATGATGGTTTCTGAA
ATTACCAAAAGGGAACCTTGAAAATTTCCAAGAGTCACAAGGTAAGGTCT
GTCTTTAAAAGTACCTTGGGCCGGTTTTTAAAAACTAGTGGGATTCCCCC
CGGCCTGCAAGAAT

>Sequence 224

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAGTAGAGACGGGGTTTCA
CCATGTTGCTCAAGGCTGGTTTCGAACCTCCTGACCTCAGGTGATTGCCTG
CCTGGGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTGTGAGCCACCACGCCAGG

Table 3

44/1077

CCTAATAACTCCACTTTTAAAGTTTTATGTTGTTTAGATTGTAGTTTACT
CTTTAATTACCAGTGTTTAAAGATTAGTAACAAAAGATGTTAACTACTAAA
ATTCATTCACTCTTTCACAATTTTATTGGTCTTCACAAATAAATGAAAAA
GTACCT

>Sequence 225

GCCTCACACACAGAGCCACCTGCCACCTCTTGACAGCTACGTGCACAGGA
AAGAAGTTTCTTTTAAATGGAGCCCATGTGCTATGAGTCTCTGTTATAGCA
GCTGAGCCAGGAAGTGCAGGCTTCCTTCTGATTCTTGCCCTATTTCTTC
TTCTCTCAGCTCTGAGGCTGAGACCTTAAATCTGAGAGGAGGTAGATTTA
CTAGTCTCTGATTCATTTATTTTTTACTTCTTTATTTGAGACAGAGGTCT
TGCTATATCACCCAGTCTAGTCTTGAACCTCCTGGGTAAAGGCAATCCTCC
CACCGCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACAGGCACGTGCCACTGTGGCC
AGCCTCTGACTCATTTAAACCATGTTTCTCAGCCTCAACACGACTGACAT
TTGGGACAGGGTAACACATTGTGAGATGTTTAGCAGCCTCCTCCCAGATG
CCAGTAGCACTTTCCTGTTTCAGCTATAACAATAAAAATGTCTCCAGACAT
TGCCAAATGACCCCTGTTGTGGGGCAAACATCACAACT

>Sequence 226

AGGTACACCTCCACGAACCTTCTCCCCGGCCAGAGGGCTCCAGGCAAAGGG
ACTCTCAGATGTGGGCAACGGAGGCTGTTTCGGGAACCGGATTATTTAATT
CCAAGCTGGCAGCAATACATCTTTCTTTATGTCCAAAGGGTCCGAAGAAG
ACTTCATCATCTTCATTTGCACTCGAAGAAGACAACGAAAGATCGAAGTC
AAATTTTTTCATCGGCCAAAAGAAGAATGTCTTCCTTCTTAGGGTCATCCA
TGTTACAGTCCCCCTGCCCCG

>Sequence 227

AGGTACAAATTCCTAAGCTACAATTAGGGAAATGAGGTAGAAATGCCATT
TATAAGCTTTTTTCCAACATAACTGATTCAAAGGCACTGAGTTCACAGTAA
TGAGCAGGAGTGTGAGGTGGGGTGAGGTGCGGAGCGAGGCACCATTCTA
AACAGTGACAATACATTATTGAGCACAGCTTGAATTAAGTCCAAAGCTGC
ACATATCCAATTCATTTTTTAAAGAAAATAGGAAAGAAACAAAACAATGTA
TAAATAAGCACAAAGGAAACAGCATCATTTAGGGNGTGATTTTTTACGAGC
TTCAAGCAATTTCAAAGTGAACCTACACCAAAAGTATTTTCATATGCTTGGA
AAGACAAAGTAATCTGTCCATAGTTCTGTGAAGAGTTTCACAATTAAATT
CAAGTCTATCTGACATCAAATCCACTTTCCTTCAACCAAGAGTCCCACAC
TCTTGAGGGTACAGCCCTTCTTGCCCCG

>Sequence 228

AGGTACCCCTCTTGCTCATAGTCTGGGCCTTCTCTATACCAGAGTTTA
GAATAAAATTATATGATTATTGCCAGATAAGTTTGAGTCTTACGTAAGGG
GAGCTTCTGCAATTCAGGAAATCCTTTTAGCCTTCAAGACAATCAAAAGC
TACACATTCATTTCTGCTATTGCTTTATGGCTTCCTTCCTGGAGGCAAA
GCTTTCTTTTAGTGGAAGGGGGGGGCACACGCCCATATAAAAGGGGAAAAAT
GTTTTATAACATTTTAAACATCTCTTTGTTGAAAAAAATTTTGGGGTG
TTTTAAACCCCATTTTTTCCCCACACAAATTTTTTCCCCCTTTTTTAAA
AAAAAAAAGGGGGCCCCCAAATAAAATTTTTTTTTTACGGAAAAACTT
TTTTAAGAGAGCTTTTTTCTCCCCCCCCCGGGGGGAAAAAAAACAAAA
AAAGGGGGGGGGTCTTTTTTTTTTAAATAAAAGAGAGGGA

>Sequence 229

CCGGGCGGTACCCCGAATGCATAAACAATAAATGCATGTGAATCCAAAGA
AATTCAGGATAAAAAAGGTCCTGGAGGATTCAAATAGAATGATGTTGA
GTAGAGGGGCAGGGTTTAAATGGCAGCAACAGGAAACACAGGTATAGAT
GTGAGTTAAGATTAAATTCAATTTAAGAAATTCTCTTTGGCTGGGCACGG
TGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGTATC
ACCTGAGTTTGAGACCAGCCTGACCAACACGGAGAAACCCCGTCTCTACT
AAAAATACAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGTGCATGCCTGTAATCCCAGCT
ACTCGGAGGCTGAGGCAGCAGAATCGCTTGAACCCAGGAGGTGGAGGTTG
CAGTTTAGCCAAGATCACACCAATGCACTTCAGCCTGGGCAACAAGAGCA
AAACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAGTACCT

Table 3

45/1077

>Sequence 230

CCGGGCAGGTACTGATCTCCCTTAATCCAGAAGTCAGGGAGGAAGTTGGC
TGTGTCATCATAGTTTCTGGGAAGGCAGGAGTTGATGTGGAAACACTTGT
ATTCCCCAGAGTGGAGGTGGTAGCCATTGGAGATGTGGGTTTTGTTGTCA
CTAAGTCAGCCAAAACAGAGGAAGGGGATAGATGTTTATAAATCACAGTC
CCTACATTGACTACAGGTGTGTTTGAGGAGGGATGAATTTTCTCTCTATC
TTTGGTGACTTCAGACGTGGCTAATATTTTCAGCTGAGGTGCTGCTCAAAT
TTGGAGGTGAACTGGTTTCAGGTTCTGAGCTTGTGCGCAACATGTCTGTG
GTCTTCACTGGGCCAAGGGTGAGAAGTGCAGTCACAGGATGAGGAGAGGA
GGAGATGCTCTCTGGTAATGTGGAGAAAAAAGAAGTTGAGGTCATGGCAG
GTGAAGACAGTGAGGAAAT

>Sequence 231

AGGTATCGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTTTGGGAAGAAGAGCTAGAC
TGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCA
AGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTTCAGTA
TTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTC
AGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATA
AGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACACAAGTA
AGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAG
TTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAACAGAGA
AAAGTAGTTCTGGAAGGAGTCTGAAAGGCATTGCCAGAAGGTTAGGGGGA
AAATT

>Sequence 232

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGN

>Sequence 233

CCGGGCAGGTACAATGTAAGCTTTTATCATCTTGCATGTGTCCTCTGAGA
GGTTCACATTTTGGAGGCCTTGTCTCATGGAACTGGGAAATGAGCTTCT
GGAATTCAGACCCAGGATCTGGCTGCATTCCAGAAATAAATATACATGTT
GGGCGTTGAGATAGACAATTAAAAGAATAGGAGAGTGTGCAAACTTTTGA
GAATGAGAAGGCAGAAAATAGACTCTTTTCTCTCATGCTTTGCTTTGCTT
TTGTTTATTTTTTATATTTTTACTTTTGAGTATCAGCCAGTGGGTAGCAG
GGCAAAAACAAAGCAGCCATTGATCTAAGTGTAAGGCAGCAGGAGGAAGG
TTAAGAGAATGAGTGTTATTCTTTAGGACTACATTCATAGTTGCATGGGG
GTGCTTTTGGCTTAAAGTCTACAATTAAATCAATTGTTGGCACTTCCTTG
AAAG

>Sequence 234

AGGTACTAATATCCCTTAATGGCAGAATGTGATAATCATGGAATTAATTA
TTGCTAAAGTAGTTTTTCAGATAAAAACAATAAAAAAGAAAACAAAACAGA
TTAACTTGACACAATCTGACCAAACACGTGTCAATTTACAATTTCAAGG
TTATTTTACAAAATACCTACATTTACACAATAGGCTCCCGGCAGCATTTC
CAGACAAATGTTCTTTTAATTTATCCTGACATGCTATAAATGAATAAATT
ACACTATTTAAAAATTATCATCAGTAAGTTTTCTTTCTCATGGGTCAGA
GAAAAAGAAATGAGCGCGCAAAGAAGATTGAGAGGAAGCGCACGCACACA
GATAACTTTAAAGAAGCAGGAGGGGCTGGGGAGGGTTCAACAATCACTGA
ACCTCACACAGTGTGATGCTCTCCAGGGGGAAAGTCAACTGCTTATAGCC
ATTTAAAAGTATTTAAAGAAAAATGTTTGAGGGAAACCC

>Sequence 235

CCGGTCAGTACATCATGTAGAGAGGCAGACTCGTCTTCGACAAAAGGGCT
GACCCCTGGAAAACCAAGCACAGAGCCAGCTCTTCTGTCTGAATCCACTCT
CTCCAAAACATAACATAAGTCATGGAAAAGAAATGAGTCTCAAGAAATGA

Table 3

46/1077

GACTCTTACCATGATGAGAGGGGGACATTGAAAAGCTACTTTAGTGATTA
GGGAGAGAAGTCCCCTTTTGCATCCCAAATCAAGCAGAGGACTGGTAGTC
CAAATATAAATTTGGAATAACCTGAGTCACCTGGGCCTTGGAGGATCCTG
GGCCTTTTAATCCAATTTTTCGAAAAAATTCAGGGGGGCAAATCCGGAAG
CTTGTAGGGCTTTTAAAACCCAGGGGAAAAAGCTTCTAGGGCCCCCTTGGC
CGTTTAAAACAAGGGGGGCCCCCCCCGGCCGGGGGAATTTTTTTTAACTTT
TTTAAACCCCCACCCCTGGGGGGGGGCCCGGCCCCATT

>Sequence 236

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTT
GCCCAGCCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGTTCTGCCCCGTCTCAGC
CTCCCAAAGTGCAGGGATTACAGCTGTGAGCCACCATCCCTGGCATATTT
TTGTAAATTTATATAAACTGTTTGTTCATATAAACTAGGATCATGCTGT
ATATATTGNTCTATTTACTGACTTTCCAACCTCATCAAAATGTCTTTGGAG
AGCTCTGTCTGCACCTGCAAATCTCTCCAGGGCTTGGCACACTATGGTC
CTTGGGCTGAATTAGGCCACAGCCTGTATTTGTAAATTTTTNTTTTTTT
TTTT

>Sequence 237

CCGGGCAGGTACATCAGCAACCTTTGAAAATACAACATGATGAAAATACA
GCATGACCTGGTGCCTAGCCTTATCCTTTTATTGAATATGGAGGGAAAGA
GGGTGGGACTGCAGAGGTTAAGACCAGTCGGCGGTCTATTGGTCTTTTAA
TGTTTCTGGGTCTCAGTTTTTATTCATATTTAAGCAAGTAAGCCTGTGTAG
ACTTCTCTCAGAGGAAAATCAGCAAGTTGTATAAATGAAAGCAGATTAAG
CATATGAATCCTTTTCAAGGAGAAAAGTTAGTTGGGGTGTCTGTTGTTTTGT
ATGAATCTGAACTAGGAAAGTCAGACAACTAGAGAAGGATAAAAAGTGT
CCTTCTGCTTAT

>Sequence 238

AGGTACTTGAAAGGCAAATTTCAAGTGCTTTTGTATGTTGGAGGAGGGCT
TACTGATGCGTGCTAAGACCGATTTCTGATTGAGGGATGAACCTTGGGCT
CATTTTTTTCTTGTGAAGTCTCTTTCTAGAAAATTTTTTGGTTTTGTCT
TTTTAAAAAATACATACTTTTTTGAATGTATCATGTCTTCATTAACAACA
GAAAATCCACATGGTGTTTACTAACTTGTTTACGACATTAAAACTTCC
TTTTATTTTTAGCAGCCCAGGTTGAGTTTTTCACAAGAGATTTTTTTCT
TAGCTGAGGTATTAGTTGTATAGCAAGGAAGAATTAAGCCAGATTTTTGG
TGTGTGGAAAGACAGTTTTCTATCCACGTCTTTTTCTGGTTGTCAGAGGT
GGGAGGTATGGTCCAAATAAATCCATTAGGTTACTCCTGCAGCATGCGCA
TTTAGCTTCTCTCTGCTGANGA

>Sequence 239

AGGTACCTGGATTTGACTGATGTGGTCCCCATCATTTTCTGATAGAGTTC
TTTTTGCTGGGATCCTGGAAGATGATCTTGGTTTATACATGAAGAATCTG
GGGTCCAGTGAAAGTGAAGTGGTAAAACCCACAGATCTGTGCCGAAAGCC
TTGGTCAGCTGCCCCCTTGGCCTGATGCTCTTTTCTCTGCATCAGTGCATT
GCTTCACCTCTTCTTCAAGGACTCTGATTAAGTGGAAAGTGGACATAAACT
GGTGTATTTATGTGGGATTTTGTTCCTTCCTACATCTTAGTTTGGGT
CACTGAATATACTCAGTTTTAATAAGGGGATTTTTCATTTCTGGTCGCAA
CTTCTGAAAATGCGCTTAAGTCTTTGAGAGTATGCTTTAACCTATAATTT
TTTGTTTT

>Sequence 240

TGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACAAAAGCAACTTTGTCACTCTAAAATACT
ATGCAGATGTGTGGAATTATCTCATTTATTACTTCCAATAGCCGAGTGGT
TTGTGTAGATGGGAAGATGGGGAGAGTTGTTTAAATGACCTGCTTCAGAT
CCCCTGCAGATCTGTCTTAGTCCTATGCTCATGAGATTACACTGCAATC
ACCACAAGCTTCTATTCTAAAGGGTTCTAATCATTCTTTCAGATAGGAAA
GGGTGTTGTCCCAATTCAACACCAGAGGACATCTCTGAGAGTTAGCCGT
GATATTCCTGGGCTTGATAGGACATGGAGCCCATGCTAGCTTTTCATCTA
AATGCTGCTAGCACTACTCACATATTTGCATACAGTTCTTATAGGACAAT
GCAACCTGCGCTTGCTTGCAGAGGAAACCGGTAAATCTTTCCTAATGT

Table 3

47/1077

TTATTTTGGGTAAAGTTCTCTTTGCAGGG

>Sequence 241

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGAGACGG
GGTTTCACCATGTTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCTTGTGATCC
ACCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGTGATTACAGGTGTGAGCCACCGCG
CCCGGCCTTTACGTTGAATTCTTTAAATTCAGCTTGTGACTTTGCACTTC
AGGATTCTGAGTGTCTCTGTCTTCTTCCTGCATTGTTTTTCTTATACCA
TACAGGTTTTTCATTGGCCTTGACTTTTTGTTGTTAACTCATTCTTCTTT
GGGTTTATTTTCATTTGTTTCTGCTGAATATTATTGTTTCAAATAAAA
ATAACATTCCACATTTTAATTGATGTGCGGACTCTTAATCTACTTAAAT
GTGGGCTGAAATTCCATGATTCCAGCTAGTCTGGAATAGGTCATTTAACT
GGGATGTTAATTCACCTACATTGTTCCCTTAATGACATGTGGG

>Sequence 242

CCGGGCAGGTACTAGTGGACGAGTGGGAAGTTAAGTTAGAAGAAAAGGGA
AAATAAAAGTACCTAGTAAATGGGCAATTACTAAGCCCTGGAACCTCTAA
TACCATATTGCTAGTGGTAAGATGATGAGCAATGAACTGAAGACCGCCT
CAGAATGGCTTTGTGTCATAAGCTAAGAAGTTTGAGCCTTGTCTGAAAA
TGTTGGGATAACATTAAAAATCTTCTTTAGGGGTCTTCTGCTATGGTTTT
CCCTATTTTTATTATCTGATCATTTGAATNTTGAAATCCAAATATCTCAT
TTTCTTATATTTAAAGCTACTTCCTTAGGTGTAGTATACATGAATTTTA
ATGTTTAATAATCATTGGACCAAAATGGTAGAACTATTCTAAGAAAGAG
TAGGGAAGTACATTTAAGCACCTACTGGGAGCCATGACCTGTGTCAAAC
ACGTTTTTTAATTCTCTCAATGATCTATTGAGTGTTCATCTCTGTTTTAT
AGATAAAGAAAGTGAGCATCAAGCAGGTAAAGGAATTTGCCCAAGGTAG
AAGGCTAATAAATATTGGATCGATCCAAGATTTGAGCCCAAGTCTGTCTG
AATCTAAACCCTTTATAGTCTCTAACTATACTGTCTTTCTGGAAGTTGA
TATGAACTAAAGTCATATGAATTNTATTTTATAATGGATCAAAAAATTT
TTAATCAAGTAAGCCCACTGAATAGTACCTTG

>Sequence 243

AGGTACACTAGGAAATGCACGAAGAAAATTATTTGCCCAGATACTGCAAA
GATTTTCTAGCTATGTGAGAAATGAAAATGCATTTTGGCCATATTTGGTA
AACTGAATGTTATTAAGAGGACAAACCTCATGTAAAAAGGAGATAAGCAG
AACTGATTTGAATATTATTGCAGAGCAAAGTAAATAATCATGATGCATT
CAACCTTTATAAATGTGCAAAAACAGATTAATTTTCCCAATTACAAGCCT
TAATAATATTAATGACTTTAAACACATGAAGTAGGGTAAGAAATAGATA
GCAATGATAATACACGAGTGTGTTATAAGGGATATTAATGAATAAATTGG
GTACACAAAAGAGGGAGGGGATGGAGAAAAAAGGGAAAATGCTGGATTAA
AGTTAAACAGATATCCTGAATACTTGTTCATATCCTTAAAGGCTAATATAC
GTTCTGAATCTCTAAAAGA

>Sequence 244

AGGACAGCTCCCATTGTTACCTGATTAAACATGCATGCAGCACTGATCAC
ACTCTTTTATCTGATGTGGATCTGTGGCTGCCACAATGGACACTTCATC
TGATGGGCTAGCCTGGCATCCTATAAATGTGCCAGCTGGCTTAAGATTAC
ACCACCTCTATCAAAATAGTTTTTGAAGGCTGGGCACAGTGGCTCAAGTAA
AAGCGGGCGGATCACAAGGTCAGGAGATTGAGACCATCCTGGCTAACACG
GTGAAACCCCGTCTTTACTAAAAATACACAAAATTAGCCAGGCGTGGTGG
TGGGCGACTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAAGCTGAGACAGGAAAATGGTG
TGAACCCAGGAGGTGGAGCTTGCAGTGAACCGAGATTGTGCCACTGCACT
CCAGTCTGGGGGACAGGGCGAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GTACCTGCCCCG

>Sequence 245

CGACACACGTGTAGCTCATTTGTAGTACGGGGCGAATTTTAGCTCCACCG
CCGTGGCGGCCGCCCGGGCTTTTACTTATTTCGCATAATGAACTTGGGTT
ATTTTGACAGGATGTCCGAACAAAGGGCCAAATTGAACATTCACAAGTAA
CGCCGTTTAGAAGGTTGTGCTAAACATCAGAAGAGTGAACTCCAGACCA
GAGATGAGACAATTATTTTGGATTCTACTACAAAGCAAGCACATTTCT

Table 3

48/1077

ATGCTACTCAAATATTCCCTTAAACCAGAAGCAATGGTGAAGGGGAAAGG
ACAGATTGAACCCCCCTACGCACCTGCAAGAGATTGGTAAGCAAGATGAG
TGTCTGCTTCCGGATGAATGGGTCGGAATCCTTCAGACACCTGGAGATGT
TGGGAATATACTTGCCCACCATGATGGTGTAGCGAATGTAGAGATCGCAC
ATTACAATGATGACGTTGTTGCGGACAGACACGTTCTTACACACCTCGAG
CTCTCGCACCAGGGCT

>Sequence 246

GGGTGTCCCTATGAGGCACATATGTAGACCNCGAGCNCATTTCGCGGGAAC
GGCCGAGGTACTTTGCACATACTTCGGCAAACGATCCACTCGANNAGAT
GATGCCTGAGGACACAACCTCCAATTTAGTAGTTTCTTGATACCCTCCCAA
AGCACCTAGCACAGGGCTAAGTCTAGAGAATGCTTTTGAAATATCTCTCA
AAGCAGAAACTTGTGTGTATATATTGGGGGAAAGAAAATAGGTCTACTTC
TTAAAAAAGCCTTGACCTACTTGAATGCGATGATGTTAGGGTGC
TTCAACTTCCTCAAATGCTTGATATCCGTCTCATTCTGTTCTCTCACTTT
CTTGGAGGCCACCTCTTCCGCCCGGAACCTGCCCAAAAAGACGCTCCTTG
GGCTCCACTACCCAACCACTGGAGATTTGAGAACTTCTCAAATGGGACTT
CCCAAGTATCTAGGCACACAAGCAAGAAATAAGCTTTGAAGAGATC

>Sequence 247

GGGGCTGACGCAATCTGTAGACGGCGAANGATGCTTGCCACGTCCNGGCC
GCCCCGGGNCAGGATTTTTTTNNNNGTTTTTAAACACCCCATGTGTTATAAC
CCCCNNNNNNNNNNNNNNNGGGGTTTTTTTTTTTAAAGGCCGAGGAT
TAATTAACCCGGGGAACAAAAAACCAGATTAACCACACCCAGGCCT
AACTTTATAAAAGGGATAAAAAGAAAAAGGAATCTTATAGGACAAAAGG
GTTCAATCAATAAAACAAATTCCCAAAAACCCGGGAAAAAATTCCAAA
ATTCCCCCCTCAAATTCAAAGCAAAGGAGGAAAAGGGGAAGTAACTTAGC
CCCCCTAAAAATATCTAAACAAAGCTTTGGGAGGGCAAAAAAAGGAAAGA
AGTCCAAAACCTCCGCCCAAAAAAGGTTGAAAGGGGGGAAAAAATAATT
TTTTTGGGCCCCCACCCTAAAAAAGGGCCCAGCCCCCTCCAAAAA

>Sequence 248

AGGTACTTGCTTAACAGAAGTCTTTAATGTTAGTGAATGAATGTATAAAA
TTATAAACTACGCATTTTCAAAGAGTAGCATGTTTTGTATCGAATCCA
AGTAAATTTTTTTCATAGCTACCTACCACAACCTGCAAATTATTCAAATA
AACTTGGATACATATCCTTATGGGGATATGGGAAGCCCATCTATATTCTC
CTACTTGATGTTTTTAAAGATTGAACTTTATTCTGAAACATCAGGCTCT
AAAAAATTCCATCATTAAAGATGAATAAATGGGAAATGGTTTATTTGTTAC
TTCGTAAGCATAAATGGGAAATGTTGGCTGTTAAAAAAGGCCCCCTTTT
TTTAGGGGGGGTTTTTTTTCTCCCCCTTTGGTTACCCCCACCAACCTTGT
GTGTGGAAGGAACCTATTTTTTTTTGAAAAAGGCAACATGTGTTTTTTGT
GGGGGTTTTTATTTCTCCCCCCCCAAAAAAA

>Sequence 249

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAAGAGAGGGGGTC
TCACTTTGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCCT
TCCACCTCAGCCTCCCAAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGCCACCATAC
CCAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAGA
AGACAGGACCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAATTCCTCAACTCAAGTT
GGGCATTACTATCACCCCTACATTAAACATGTTCTCATTAGGAATATGACC
AAGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACACA
TGAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCTA
TGCCCCCTTGGGAATAAGGTGGCCAAAATAAATTTTGATTTGAAGATTAGA
AG

>Sequence 250

CCGGGCAGGTACGCGGGGGATTGAAGGAGGGCTGGGAAAGCACAAGACAG
GAAGAGTCTGTGCCAAAAGACCCTGGATAGGAAGAAACACAAGAAAAAAT
TTATCCAAAGTCAAGATTGAGTGGGAGCCCAGAGGAACGTTGCATTCAA
TGACAAAGAATATGAAGCCGATAGGGATAAAGTGAGTAACCCAAGGTCAC
AAGACAAGAGAGCTGGTCCAGGACAAGAACTTGGTGCTCATGTCAGGTTC

Table 3

49/1077

TCTCTGCCACATCTTGAGAATACGTGCATCCTTTGAATTCTTGCCCTTTT
CAGTAGAAAGCATCGTGGGAAAACATACAGAGT

>Sequence 251

AGGTACTGGAAAGAGGAGTGCTTTGGACTTATCAGCTGAACTTGTAGTCG
ATAAAGCCATGGAGTTAAGGTTTGTGGGTGGCGTCTATGGTGGCAACATA
AAACCAACACCCTTTCTGTGTTTAACCTTGAAGATGCTTCAAATTCAACC
CGAGAAGGATATCATTGTAGAGTTTATCAAAAATGAAGATTTCAAGTATG
TCCGCATGCTGGGGGCACTTTACATGAGGCTGACAGGCACTGCAATTGAT
TGCTACAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 252

TGGAAGATTAACCCNCTAGACTACCTATCGGGCGTTTGTAAACCCACCGG
GCGGCCGAGGTACAATGTGAAAGCAGCCAGCACCTATTCTTGGTTGTGGC
TGAAAGGAACCACATGGAGATCTCTTGAGCAGGCCTGGAGGTGAAATACT
CCCCTTTATTGCAGCTGTTGGTTAATGAAGATATGTTGAGGGAATTTAC
AGCTCTGGCATCAGGTAGGAGACTCACACTGATTCTGTATGATTCTGACC
CAGTTGTCAAAACATAGTCTCCCAGCAGGACTGTGCTTTGCTCCCTGGTG
ACTGTATTCTCCATTTTACAAACTGCTGTTTGCACAGGAAGCCTGCCTT
GGTCTTGCCCTTGTCCTCCAAGATTAGCATTGACTCTGAACTCCAACAT
CAAGCCTGTTCCCTGGAAATCAATGACAGGTTTCTTTTGTCCATTGGAA
CTTCTTGCAATTGCCTATTTCTATTCTTCTGCCCTTAGAACACTGCACTGA
CTCATACTGCATGCACATTTT

>Sequence 253

AGGTACGCGGGTGAAAATGTGAGAGCTCTGTTTACATCTGACAGGTCTAT
TGGTTGAAGTTTCAAGTGGCAACTGGTTTGTAGAACAGTCTCTTCCAG
TGAAGAAAGTTGTTCACTATTTAGCAAACGCTAAGGAGGAAGTTCATGTA
ATTCAGATAATTCTATGGTGTCTCCACAGATACTATGTGGAAAAGATGG
GGAGTAGTGAGAGAAAACACAAGAATATGTGAACCCTTCAGGTCTGTGAG
GGATGGAAGGATTGGGATTATTGGAGAAAAATAAGGATTGCATTCCAGCT
GGGCAGATCTAATTGAGAATAAACAGGATGTGCCTGTAGATCAATGAAA
AGAAAGGCCAACTGGGATTAGATGCCTGTTTGAAGGGATTACTCTTATTT
AACAGCAGTTATGTAAAAAAT

>Sequence 254

AGGTACTCCAGCCTGTGTGACAGAGCAAGACTCTGTCTGAAAAGGAAAAA
AAAAAAGAAAAATCATATGGATCAAAGTAATTATAATCAACATTGTCAA
CTGACTTTATTAATCTTTTCAAATGAAGTAGCTGTAACTTTCTTTGCTG
TCTCCATTAATTTGTTGTTTTTAACATTAGCTAAGGTATAATGGAAAGAG
AACAAAAAGAAGGGAGAACAAAAGAAGGGGAAAGAAGAGAGCTAGGGCCT
GCCTTCTCCTGGCTCTGTCACTTGCTAACGGTGTGACTTTGGACAGGGAG
ATGTCCCCTCTAGGCCCTGGTGAATTAGGGAGCTTGGCAAAGTACCTGCC
CG

>Sequence 255

CCGGGCAGGTACTTTGAGAAGGAAATACTGTGTTGTAATCATGGATAAAA
TATGCAGGGGAGGGGAGGAGATTATAGATATTAATATAGAGTTTAGGGTG
GCATTAGGCAAGGATGACATCTGAATATCTAACTTCCATTTTACATTGCC
ATGTAAGTCTTTTGGCCAGTGGGTTTGGGGGACATTGAGGCAGAACTCC
TGGAATAAGAAAGTGAAGAGTCACTGGTCTCTCCAATAATCTTGAT
GGGAAGGACTAGACAACACCATTAAGCAAAATGTGCCTCTTAAAAACTCAA
GACACAAGCATTATCTTCATCTCACTGAAATAACAGCTACATCCTTTATT
AACATGAGAAAATCGAAAAGCTTAAGAAAATTGTCCTGAAATTGGAATAT
TGGTAATAATTTGCCAGAACCACTAAATCTACTTTCTGGAAACAGTAAAC
ACTTCAAATACATCCTTTAG

>Sequence 256

AGGTACATGATGATAAGGAACACAAGGCCTGGGATAAAACAGGATCTTTT
TTTAAACAAGCACAAATAGTGTCTGGACCAGAATACAAAAATCACATCA
ATCTTTAGAACAAAATAAAGACCGAAGAACTGCAAGCAGACAACCTTCTG
GTGATGACCATTAGTCCCTTCTCGGTAGTTTTTGGAGAGTTTTTTTTAAAA

Table 3

50/1077

AAAGTTTGAGAAGCAATGATATAACTTAACAATTATGCAAAACAAGGTAG
GGTGGCAGTAGGAGATGGAAACAGAAGAGAAACTATAAGCGTAACTGAGA
GCCAGTTATAAACTTAACTATTAATAAAATTGAACTGTCCTATTATTCTTG
AGAGAAAACTACTGAACTATGAATGGATTCTTATTCTTTTTAAAGAGT
TAAATGTTTCGAAAGAGTTTCAAATAGGGACCTAGGACAGGGGAAGCACTA
TTAAATGGTAAATAAGAAATATTAACACTAATT

>Sequence 257

AGGTACCAGGTTTCCCTCTCAGCGGGCCCGTTCCCCTGCATCTTTTTACA
ACTTAGGTTTATTCACTCCTACTGCAGACAGTCTTTTCCCATACTCTGGA
AGACATGGGTGTAAACCACCATCAACCCTTCCATAGCTCCCACACAGGAA
GGCATGGCCCTCTGCCCCACAAGCTTGTATAGGATATCCTGAGGGAGGAC
CCTCCTAGGCCCTCCTTAAGTCAGTTTTTCCCTCTATGTGGGCTGTCACT
CCCACAACACCCACTATGTCCTGGGAAATTACCCTGAATCAGTGGTTTTTC
ACTAAGACTGATTGGGATGGGAATGCAATTTCCAGCGAAGAGGTGGGTT
TTGTATTCAGAAGAAAAAAGGTTTAAAATACTATATTTCCATTCTACATG
GGC

>Sequence 258

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCCGACTAAGATCCCAGAAGTA
TCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTGTGGGAGAAGCAAGCCA
ACTGAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTAGCTCTCCAAAACCTTGCTG
TCTATGTCACTTGGAAAGGAATCTGATTCTTTTCTGCAAGGCACTGACAAT
ACCTTACAACAGAGCTGGGAGATAAAATGCAGAGCTTGTGAAAGTCATCA
GAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAACGGTTCAACTTGATGAT
TTTTCGACTTGATGATGGTGTGAACACGATACACATTCAGTAGAAACTGT
ATCGATAAGGGCTGCTTTATTCACCAGAAGTGAAAAACACGATGGTTGTG
TGAGTATTTGAAGTACCTTGCCG

>Sequence 259

AGGTACAATGTCCTATATTTACGAGGACCTTACTACTTTTAAATCGCTGT
CGTTCAAAAACAAAACAATTTTTTTCAGCGTGTTCTTATATGCCCATTA
TGAGCTGGTCCCTGGGGATGCAAAGACACATGGACCTCATTGTTTTCTC
CAGGAATTCACCTTGGAAAAAGAAACACGGGAGATGCTGCCTAGAATCCTT
GATGCCTCCGAAGTTAGACTGGAGTTGGATTAACCCGGCCTCTCTCTGTG
GAAATAGGAGATGGCTAGAAGAGTGACATCAATCAGCCACAACCTGCTTCA
GCCTCATAACGTCGGAGCAATGGTATCAGACTTGATGCAGAGACTACCCG
GGCATATGTGGCTTTTTTTTTTTTAAATGGAGTGAAAAATTCCAAGTCACA
ACCACAACACTGAACTATTAAGATCATTTTCATGTTTTGGGTGTATTA
AATGCTCTTTGCACTTTGCTG

>Sequence 260

GGGACTAGCCATCGACTTCGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGGGGCGGC
CGAGGTACGCTTTGGGAGAACGTTTGAAAGCCCTGTTTTGGCTGTTGTCC
TACAATCCTTTGTGGGTTTGAATTGGGCTAGAGACAACTTATGGAGAACT
CATATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTATTC
TGAATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACACCCC
ACTGTTCCCTCACCTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAAGTT
TACATTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTAAAA
TTTCCAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCCGAA
TTCAAGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTCACGAGATTTCTATG
TGGTGAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTGTTA
N

>Sequence 261

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAGCAGGTATCCACCTTTCCCTGTGAAGGGG
TCCTCCCTCAGGGAGGTAGAGAAGATAATGTTAATCCCCTCCTATCCAAG
AAACAGGCTCCCACCAAGTGCCAAGTGACGCTTTCAGTGAGCATGGCTTCC
AGTGGGCATGTGTGCCTAGGAATCAGTAGTCCTATAGCCACAAAACAGTC
AAAGACCTGGAACCCAATGGAACAGGTTCCATGATCCACTGAAATTCTGT
CCGGCTCCTATAGAACAGATTTTGTGTTGGCTCACTAATCACCAGAAACCAG

Table 3

51/1077

CTGTCTTAGGATGGAATAGGAGAAAGGTGCCCTGTGTTGCGAGCTGGGCT
ATTAGACAGTGGTCTGCCCTCTATGCGGTCCAGGCCCAACGAAGAAACCT
TGGAGAAGGCATCAATGGCGTCGAAACAAACTTGGGG

>Sequence 262

AGGTACAGTGGCACAATCTCAGCTCACTGCAACATCCACCTCCCAGGTTC
AAGTGATTCTTCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTTCGACTACACACGCAT
GCCACCATGCCCAGCTAAGTTTTATATTTTTTTGTGGAGACAGGGTTTCA
CCATGTTGCCCAGGCTGGTTTCAAACCTCCTGAGCTCAAGTGATCCACCTG
CCTCGGTCTACCAAAGTGCTAGGATGACAGGTGTGAGCCACCATGACTGG
CCTATTTTTTTGAGGAACAATTCCAGTCTGCTGAGATCTTGCCTGTCTTCC
TTTATTAGAGTCTTTTAAAAGCTCCATTTAGCACAGATATATTTTCATTTT
GAATACCTGCACATGGAGATCTCAAAGTATCTCCACTTCTCTTTTTATAT
CTGGTTAACCTGACTTCTAGATTGTTGTTT

>Sequence 263

CCGGGCAGGTACAACCTTCTATAATCTTAGTTATATGGTTTGTGTCTCTCT
AAATTATAAAGGGGAGAGTAATTACAATAGGTAGGTAAACGGCAACAGC
AAGAAGTGGTAGCTACTACAAGCTTGAAAAAGGGAAGGAGGCCAGGCATG
GTGGCTCACGCTTAAAATCCTAAGCTTTAGGAGGCTGAGGCAGGCAGATT
GCTTGAGCCCAGGAGCTCGAGACCAGTCTGGGCAACATGGTGAAACTCCA
TCTCTAAAAAAATGCAAAAATTGGCTGGGCCCAGGAGGCTGAGGCAGGGA
CATCGATTGAGTCTGGGAGGTGAGGCTGCAGTGAGCCATGATCACACCA
GTGAACCCACAGC

>Sequence 264

CCGGGCAGGTACTAACAAGAGCCCTATTCTTCATTCTTAATCTTCTGTA
AAGAATTTGAGTTTGGAAGTTGCTAAAGCAATGCAGTGAACAGTGTACAG
CCTTCTGACGTGCTCAAGAAAATAAGCCTTGCAATTAAGGGAGAACTTA
TTTCAACTTTTTTCATAATCGTATTTAATGAAAACACTATTAAACCTTATA
ATAAATTACAATTTGGGTTTTGAAACACATGCCATCTTGTTTAGTTTATC
TGCTGAAATATAGAAACAAAATCAGCAACAGATAGAACAACATAAAATGAT
ACAAATCTAAAGGTGATTAAAGAGTTGTAATAATCAGAAGAGAGTCAGAT
TCAGACACGCACATGCCCCCTCCTAAATATCCAGTCTTCTCATCTCTCATT
CTTTCTCAAATGTGCTGACTGTGAGTAAAACGGGCAGACAGACTGATTTC
CTATCAACTCGCCT

>Sequence 265

AGGTACCAAGGGTGGTATGGATTGGCAGAGCCACTCAGGAAACTGTCAAT
GACTTATACTTCCTGGGTCTGGGAACAAGCCAGCTATGTTGCTACTGAAT
TGAGCAGCAATAGGAAATGAACTCGACTCCGAAGTTGCAGTTCTAACCAA
AAGACAAGAAGATCAATATTAGGAGAAGTGGGAAAAATAACAACCAGGGC
ATTGGAGATGAGAGAACGCTGGAAAAAGATTACTATTCTGGAAATCAGTC
TCTTGAAGATGGAATTATGATCTAAGAGGAAGTGAGTACCTGCCCGGGGG
CCGCTCGA

>Sequence 266

AGGTACTCTTTCTCTTTGTCTGGAATAAATTCCTTACCACTTTCCACTAT
CACCTAGTTTACTGAGTCTCACGTATTAGGATTGGGTTTAAATGTAACCT
GTATTGCCTCACCCAGAAAGCCTTTCCAGTCTACCCCTGCTTTGATTATT
TCCCTATCCTCTATGCTGCCTTTGTTCCCTGTGTGTCTCTCCACAACAGC
AATTAGAGCACATATGATTTATTATCTCACATATTGGTCTCAACTTTTCTAG
TCTATGAAGTCTCTGCGCACAGAAGCTCATGAGCGTTTTCTTCTTTTCTG
TGGATTACCTTTGCAAAGGCCCGAGACCACAGAGAACCTGCCTTCCTAC
CTCTCTTCCTCATCTCCACCCATTCCCTGCCTCACATTCAGTTAACACCA
AACTGATTGACGTTTTTTTTCAGGTGCTACTTGATTGATGCTTTCATGCAT
CCCTGTACCTGC

>Sequence 267

AGGTACTTAGAAATACAATTCTGCAAATTTTATCTTTAGGGAGTTTTATT
TCTTGGGAGGATGATTCAAGAATATAGTCACAGATATTTATTTTTGTCTA
CAGAGAAAATAATCATTTAAATGAAAAACTTTTCCACTCAACTGAATATG

Table 3

52/1077

CACTCCACTTAGCACAGTGAGTGGCTGATGAGCACAACACCCGCCACCCC
AGCAGGCTTACACGGCACTTACTATGTGCCAGGCACGGTTCCAAGAAAGG
TCACTAGTTACATTGCCTCACACAATCCTCACAAACAAAGTAGGTAATATT
AACATCCCTCTTTTACAGATGGGAAAACAGAGACATGAAGAGGTTTAAAA
GCTCACCCAAACTGAAATGCCTAGTAAGTGACAGAACCAAAATACAGATG
CAGGTCAGCCTCGCTACTGTGCTATATGATACTGTCTCTATAATCTACTG
CTGGCTTT

>Sequence 268

CCGGGCAGGTAATAATTTAATACCATTTATTCCACAGAGCATACACCAT
ATTATATTACTTACTTGTTTTTTAAATGTCTGATACCCTGAAATATATTT
AAATTCCTCAAAGGGATGCATATTCCTTTGAATATGGGTCCACAGATGAG
TTTCAGAGTGTCTGAAGGACCCTTGACATTTTACGTAGAGACCTAGAAAC
ACTTTCTAGGAACAGGGTCTGTAACTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTGA
GACGGAGTCTCGCTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCCGGGATCTC
GGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAG
CCTCCCAATCGATACTGCTTTTAAATGATGCTTATATTTTTAAATTG

>Sequence 269

AGGTACCACCAGCTTTGGTCGGTTTTGCCTCTGCAGTATGGAGGAAGCTA
TTGCCTTTGGATATTTTGAAAGATCTTTTTGCCTTTAGAACCCTATCATA
TTCCTATCTCTGCTTTGAGGAATCTCAATGTGGTGCATAATTGGTTATCA
TTCAGTCCTTTTAAATCAATAACAGCCACATACTTTAAAGATTCTATTCT
GAAGGGCACATCTCAATGGCCGTCAAAGCTGTGGTTTACTGTTTTGATGC
CACATGAAGCTAAGTTGTATATCCTTTCTCAGTTCCTTGTCATATTTGGT
CTTTTTTATATTATCTTTTTCTGGATCACATTTGAACAGAAAATAACTT
TAAAAGTAAAATGGGCTCTAAGGAATTATTGAAAAGGTTAAGAATGTCAG
CCTTTCTGGCCAGGGATCTCTTAAACCTCTGGTGGGTTTGGGATCTAA
GGGCCTGTCACGGCA

>Sequence 270

CCGGGCAGGTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA
TTCACCGAACTCCTGAGCTCAGGCAATCCACCCGCCTCGGCCTCCCAAAG
TGCTAGGATTACAGGCATGAGCCACTGTGCCAGGCTTAGGAACTTTTAA
TAACACCCCTGAGAAGTTACTGTAAGACACCCTTAGTCTGTGGAATGCCA
CCCATGAATGGACATGATTTTTCTAGATCAGGACTTCTCTTTTCACCCAT
GGGCCACAGGCCACACTTGGAAGAGCTTTTGGGAAGGAATTGTTTGAATC
TGAAGCATGAATAGCCTGGAGTAAATAAGGATGTGTCTN

>Sequence 271

AGGTACAAGGAGTAGTCTAAAACAAGTGACTTTACTACTTATTCTTCTGC
ATGTCCTTACCAGCTTCTTACCTTCTTCAGGTTGAGCATGAGATCAGCTT
CACAGGGATGGGTCCTTAAGGGTTTTTTTCCATACTAGTTTCAGCCTTAA
CAATGAGTTTTCAACCCTTAAACATGAAAAATAAATAGTGCGAAAGAGGG
GAGGATGGTAGAAATGCTTTAAAATTACCTTTTGTAAATTTTACTTTGTT
TATGTTTTAATTGTGCCTTGCTTATCAGGCAAGTCCTACAAACAAAGATC
TCCACGGCTTCTCAGGTCTCCCAAGGAACAGGTTCCCCTGTTCTTAAAT
TCTGGGAAGTGGTTTTGCAACATCTACTGTCAAGGTAACATTCTACTGCG
TTATTACACTTTGCTAGCTTTTTTTTCTTTTCCT

>Sequence 272

AGGTACACTGTGAAAACCTGAATTTGGAGCACAGCTAGGTCGGCATCCAGG
GACCTCTTGGCTGGCAGTAATTTCTGGGTACACAAATTTGTCTTTGCTT
CTCAGCAATCTTCATTTTCAGGAATTGGATCTTTTCTTCCAGTAGATGTA
TTTCAATTTCTCCATTTAGTTTCATCTTCTCTTGGATATTTATTTTTTCA
TAAAAAATGCATATTCCTTCTTCCCGCTCTATCAGCTGAACGCCACTATG
GTCAAATTCAGAGGCGGAGGCTAAGTGGGCATTGAGACCACCGTTTTACT
AGTCATTGTGGCTCCCTCTGGCTTTGGATGCACGATATACACAACATAGC
ATACTTCCAGAGGATCACAGATAGTCACCAATGGCTTTCTAGTTAAATTA
CATCCACACTTTGGAATTCTCTAGGAAAGCATGGGTACTGAGCCTCTCA
CTTTGAGGCTGCAATGCGGTTGGG

Table 3

53/1077

>Sequence 273

GGGCGTTGACTGAGTTCCAAAATGAAAACACGGGGCGAATNGGAGTGCCA
CCGCGGTGCCGGCCGCCCCGGGCAGGTACGTACTTTTAAAATCTGGCAACT
AAATTCTGAAGTATGCTATAAAATTTAAACCAAATCCCCATGAACATATA
AAAAACAGCCCAGCCTGTTTCTTCCCCAAATTTGTCTGTTTATTCCATCG
ACTAATGAAAGTCTCTGTTTCAGACTCCGAGATGCATATCTGTGAATTAG
TGCTCAGTTTCCCCAAAACATAAGTTAACCTTCTTTCCTGCCTCTCACTCT
TCATTTGTCCTTGATCCTTCCATAAAACCCCCAAATCCAGAAGCAATGATT
AGGAAACTGTAGACTCTAGTAAAAGTAATTTCACTAGTGTGAGAGAAAGA
GAAAGGTTACCCAATTAAGAAGTAAGGCTTGGCATCAGAAACAGAAGT
TGTGAACATGACAAATAACA

>Sequence 274

AGGTACTGTTAGTGTCATTTACCAAAGACAACCATTACTAGAACAACCTCC
TTAGCTAGCATACCAAACCTTTTATAAAAACAGAAATTCTGAGGCTAAAAG
AAAGCTTTTACTATTTGACAATTGGTAGTTAAAATACCTAGTTCCTATCT
AGCCAAACAATATTTTAAGAAGTATTTGAGAATGCACATTCTTTCAACAC
CATCATCACAGATCACAGAAACCATGGTATCTAGGCACCAGAGACTCATA
AAAAGAATGGTAAATCATTGAGAGAGCCTTATTTTGAATAGGAACCGTTC
ATGCCGATGATATCCTGAAATGATTTAGAGTATGTGATAATGCTGGCATG
TAGTTAAGAAGCCTGGAGAGGAGATAAAGGAAAAGTGAGGCCACCAGGG
ATCTGGAATGGCACAGGGAGTTACTGAGGCTGACAGAAATTCTCACACTA
TCTNCTCCAGAAATACTTCAGGAAGGCAG

>Sequence 275

TGCGACGATACGCATACGGGCATATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGGCCG
CCCGGTGAGTTTACAAGGAAGACTGGCTGAAGATGAATCTGAGAACAAAG
CAGGTCTACAGAGGAAGGAGCAGTGACTAGCCTGGTCCCTGAACGGGTGA
AATGGGAAAGTAGCTCTGGCTCCCCACTGCCAAAAGGCCTCAGTGATCTT
GCTGTTTGGGGTTATTAGAGCACCTTTTACCCTTTTCAACAAAGCCCAAT
TTTACTTAATCTAGTTAGAATTTCTACTCCTTGAAACCAAGAGAGACAAA
GCAAAATCAACTATAATTTAACCATTCTCTCTACTTTGAGAGCATGTAGG
TTATTTTTTAATTTTTTGATTACCCTATGTGATGCTATAGTGAACATTTCT
GAATACAAATTCTTGGTTGCATTTCTAGGTATTTTCTTAAGATATATATG
TATGTGGAATTAAGAAGATACAAACATTTAATCCTTGAAAACCTATTCCAAA
AGGTTAGGGCAAACATTAATTAC

>Sequence 276

AGGTACAAGTGCTCATGGGTGGCATCAGGAAATAATGAGACCTTTCTCTC
AAGATTTTCTACATATTTAGGTTCTGTCACATCAAGGATGCTGATATTTA
AATATAAACCTTTTTAGAAATGTATTTGACAGAATTTGCGGGCATGAGGCA
ATATATCATAGCGCTTTAAGAGCATGGGCTCAGGAACCAGACTGCCAGGG
TTAAAGCAAACCTATGAGTTGTGTGACTCTCTTGGCTTCTGTTTTCTTAC
TTGTGAAGATAGGTGTCTCAAGGTGTGTTTTAAGGAGACCATGGATCGGT
GCTCTTAGGACAGTGTCTGGTGCACAGTGAATGCTCTGTAAGCAGCCACC
GTGGTTCTGGG

>Sequence 277

AGGTACATACTCTCTCTGGAGTTAATTTTTTACATTCAGTGATTTTTGGT
GACCCTTTCAACCCCAACAATGTGAGACAGGTGAGAGAGGCCTTGCTTTT
TATAGTGGGCTGGATATAAATAAATAAGGTGAGACTCAGCTTTATTTGTT
TTAATGTAGACCATGGTTTGGATAACCTTCATATGTCAAGCAGAAAATA
TTGTAGACATTTAAAAAATATCCATGGGTATGTTCTTTGTTTCCTTGTGC
AAGCCTTTAAAGGATTACAGGAATAGCAAGTGATGTGGGTAACTCGGGCC
AATAATGGTATTAATAAATGCTGTGAAACACTAATGTGCTAGGAGACAGC
ATCTCCAGGGAGTCAACACCCAGGCCAGATTCCTTCTTTTCTTGTGGTGA
ATTCTTGAAGGGTTGTCAGCAATCTGAGGCCAACGTCTTTTTTTAGGGAA
AGCTTAGATTTTTTCGATTTACCCCAAATGGAGGTTTAAATTATTT

>Sequence 278

CGGAACTGCTATCGACTACNNGGGCGAATNGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG

Table 3

54/1077

CCGCCCCGGGCAGTTACTTTTTTTTTTTTTGTTTTTAAGATATAGGGTCTC
ATGGTATTACCCAGGCTGCTACACAGTAGCTATTCACAGGGACAATGCCA
CTACTGATCAGCACGGGAGTTTGAACCTTGCTCCCTTATATTTTATTATAA
ATATTAATAAAAATGGGCTCAAACCTGTCCGTCTGTCCCTATGTTTCTCAG
TGGATGCTACCACGCACCTTCTTCCTGGGCTGCTGGCCATGAAGCCACAT
GCATCCACCTGGGCAGTTACTGGTGGCCTGTTCCCACTGCAGGGACAGA
GAGGCCACAACCTGAGATTGCCCACTGTCAGTGTGAGCTTTAGAATGTTGCCA
GTTATAGACACGCAAACAATGCCGGGATGAACTTGTCAGTACCT

>Sequence 279

CCGGGCAGGTACATGGGAGTTTGTTCATATTCTGTCTCCTTTTGGA
TGTTTGAGATTTTCCAGTGTCTTCTTCTCCAGTGTGCTGAGCTATTGGT
CTGCCCCAAAATCTGATGTTTTCCCTTTGTTCCCATGCAGTGTTCCAAGA
GCTGCCAGGGTGGCTTTCGGGTCCGGGAAGTGCGGTGTCTGTCTGATGAC
ATGACTCTAAGTAACCTCTGTGACCCTCAGTTGAAACCAGAAGAGAGAGA
ATCTTGTAACCCTCAGGACTGTGTCCCTGAAGTTGGTAAGTAGAGATTTC
AATCATGGGGGAAAGGTTTTGTGTTTTTAAGCTTGTCAGATTCTCCGGT
GTGACAATAACAAGCCTCTTTTAGGTCTTCTGTGACCTTGACACAGTC
ATGGAGTTCAGAGGGTTGAGGTGCTTTTGGTATTATAAATTCATGGTTT
AAGATGATCATTATAGCGAGGATGGCTGTCTAT

>Sequence 280

CCGGGCAGGTACACTGTATACTCTCTGTTGTCCCCTTTTGATGGTGTGGC
ATACGGGGAGCTACTCTTGCTGCCCAGCATCGTGAGAGTGTATCATTCTG
CATGTCACTAGCTAGGAAGTGAGCAGAATTCAAACTCAAGTATGGTTTG
AATGTGCATTGCTGTCACATTATTGCAAAATCAGAAAATCCTAAGTCAGG
GACTGCCTGTATGTGGGAGGAAAACAATGGAGTGAGTTTTGTGAATTGCT
CTGGGCTGATAAGGGTCCAGAGACCCCGTGTGTAAAGGAGAATTTATATA
CTGCCCATATAAATAAAGAAAAGGGAAAGGATAGACAGAGCTTTTTCTCT
GTTTGCTGCTGCTTGTTAATTGTCTGCTTTAACTGTCTTCCCAGAAATAA
TTTTTATGTCAGAGTCATATTTTGGTGTAAACATAGTATCCTGTGATAGT
CAGTTTTAAATCAGGAAGTATGAGTTCTCCTCCTGTCCCTTTGTTCTTTT
TTAAAAATAGTTTGGCTATTCTGGGTCCCTTGATTTCCATATGAAATTT
AAGATTAATTGCCAATTTCTGCAAGAAAAAAGCCATCTGGATTTTGATA
GGGATTGATCTGGACCTTGGCCGCTTTAAACTAATGGATTCCCCGGCCG
GCAGAATCCAATTCAAGCTTATCCATACCGTCGCCCTCGAAGGGGGGCCC
CGGACCCAACTTTTTGTTCCTTTAGTGAAGGTTAATTGCCCGCTTGCGTA
ATCAAGGGCATAATTGTTCTGTTGTGAAATTGTATTCCCT

>Sequence 281

GGGCGTGCCTGTGAGGCACTACTTGCAATATCCGGCGAANATTAGCTGCAA
CGCCCCGGGCGGCCGCCCCGGGCAGTTTCTCGGGGATGATCAACCAACACAG
TTGGACCGCTCAGAGCTGTAATGCATCAAACATTGACCACATGCTTCCAT
ATAAACATTAGGAATAAAGGCAAAGCACTAAGTTATTCGAAAGTTTAATT
ATATCAATACTTGCTATTCAAAACATTTAAATTTAATTTAATGCAAATAA
TTAACTCAATATAAATTTAAATCTTCAAGAAGCAATCTCCTACTACTTT
TATCCTACATACAAATAAATTATCCAATTATTTAACTTTGGATTATTCT
CTATAATGAACACTTTGAATAATTTAACTCATGACAGGATTACATCAATT
AACCTTTTAAACATTTGGCTTATAGTTTACATCACATTTGATTACCCTTT
TATTAAATCTCAATAGCACCAAAAACCTGACAATGGGATAAACAACCTGCCC
AACTAC

>Sequence 282

AGGTACTTTTAAGACAGACCTTACCTGTGACTCTTTTAATTTTTCAGTTC
CATTTGGTAATTCATAAACATCATGTGACCAGTGACCTTTCAGCGCTTTT
GGAAGGATATTGGCCACTTTATCAGCTTTATACACACAAAGTGCCCATTT
TACCGTCGTATCCATTTTTCATTTTGCTGAGGACTTATGTTTTTGGTGG
CACCCTGTCTGCCTTTTACATTCATTTCTTCCTCACCAGCCTTAAACGG
AGACGAATGGGAAAGGGATGAGAGCCTTCCTGGGTATCATTTTTCTTTAT
GGCTGGAGAAAAAAGAAAGTCTACCACCTTTATCTCCTCTTCTCAAACCTT

Table 3

55/1077

TTGGGAAGTGAGGAGGAACCGTTCTGCCCCAAAGCCAGGTGAGATTTGAG
GCCAGTGTGTTCCCTTTGAGCATTCTCCAGAACCTG

>Sequence 283

CCGGGCAGGTACGCGGGAAGAAAATAAAGAGTTTAGACCCCAAATCCAGC
CCTCATTCCCAATAATATGGTGTCTGTAAAGTTAAAACAAATTATTTTC
CGGGTCACAGGACAGGTGGCACTAAGTTTTTGGATTGGTGGCAAAAAGGA
TCTGAGCCACTATCTGATGATGAACAGGAACAGAGGGCAGTGCTTTTAAA
ACGTTAATCACAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGAGAGAATTGCCTGAGGG
CTGGATTTTGAGACTAGCCTGGGCAGCATAATAGGGCCCCATCTCTTAAA
AAAAAAAAAAGCCAAGCATGGTAGTGCATTCTATAGTCCCAGCTACTAG
GGAGAGACTGAAGTGGGAATATCACTTGAGCCAGGAGATCGAGGCTACAG
CAAGCTATGACCATGCCGCGGCATTACAGCCTGGGCAACAGAGCAAGACC
CTTGTTTAAACAAAACAAAATCTTTATCTACCTAACTTTAAATTGAAGG
TGGTAAAG

>Sequence 284

GGGGGTTATTGGATCACCACTCCGTCTTTTTGATCCCAATGGTTTATTC
TTTAACTGGTGGTCTCTGAACTGGTAAATACCACTGGAGCTATCAAGAAA
GATCATTTAGTGTTCAAGATGAAAATGCTGGAATTCTTTTTCTAATAATA
ATTTTCATCTAGAACAGATACAAAAGACACTTAACTCTATTAATGTTTACA
ACACAGATGGTTTCTGGCATCCTTCCTCTATTGAAAGTCAGAAGTTGGGT
GTCACCTATCGTCCACGTGTAAAGCTTCCTGAAATGAGTGTAGAGTCCTA
AGACACCAAGGGAAGCCCGTGGAGCCCTTACTGGTTAGTTTACTGTTTTTC
GGCATGCTGCAGTGTCTGGTAGCTTACATGTGTCTGGTTACACAGACGCA
GAATATCTTACGTTAAAAATCCCTCTTAAATGGACAAGTGCCTTAAAAA
GACTCCTGCANATAAATGGGAGGGGGAAAATAATTATTGTAATATGCCAG
GCTAAGCAAAG

>Sequence 285

AGGTACGCGGGATAGTAATCTTTTAAATATATAAGGTATTAGCATTATA
ATCTAATAGTAAAATCTGTTGGTTTATTTTTTGCCTTAGTCCTTGAAAGTT
GGTGTGGTTTGTCTGAAAAAAAAGAGAAGAAGATTAAAAATTATCTTAA
TGATCATAACTCTGGGTGGCCCCCTGTTGGGGAGGCTCACCAAGGCTGGGGT
CTGGCTCTTGGCAAAGCCCCAGCAGCTCTGTGACCTTGGGTGAAGGTCAC
AGAAAATCCCCTATGAGCTCTGACTTCTTCTCACATGTGATAAAAGGCAA
CTGGTGCTGAAAATAAAGAATATGCCTGGCTGGATCTTGAAGGGGGGAACC
ACATTTTCCTGTTGCCTGGGAACCTTTTAAATACCAAAGCCTCTTTCTT
GTTGGGGGGCCAATGGTTAAAAACCCCCCATTAATAAATGGGAAGGGGGCC
CCCAAAAAGGATTCCG

>Sequence 286

AGGTACAAAAAAATTTTCAGACCATGCTTTTTCTTATTATAACATTTCA
TAATCTCTTCCTTGTTTTGTCCCTGCACCTCTACCTCCATTAACCAGGTC
TCATCAAGTTGTGACATAAGCCAGGTTTCATCAAGTTGTGACAGGTGACA
GAGGCGTCACATGACAGGGGACCTGATTAGGAAATCCATATCCTCATAGG
ATGCACTTTAACATCTTCTTGAGCTGTCTTGATATTTTGAGACATACGGC
AAAGATTCCATATACTGTTCCAGTGACCAGTGACCTTGAGAACATATTTA
AACTATAGATTTCTGTGCCCCACCCAGAGATCCCAATTCAGTAGCGCTG
AGGTGGGATCTGAACATGAGTAGACTTAGAAAGCCTCTAGCTGATTCTGA
AGCACAGCTAGTTTGGGGAGCACTGACATATTGCCACTGCCCATGAACCG
GGATGTTCTTAAATCG

>Sequence 287

CCGGGCAGGTACTAAGACCCCTGAATGTATATAATTATTTACCAAAACCC
CAAACAAACAAAATCCCAACATTCTGTTAGCGTAGGTGATCCTCTGTAA
ATAATTGTAAGCTTTGGGATTTAACGGAAGTTGACGGTGACTTCTGACCT
TACTACGCTTCCAACTACTGACTTAGCCAAACTCCTCAAGTTTACAGAGG
TGAAAGCCCAAGAAATCTTTTATTTCTATACTCCTAATGACTTTAATTTT
CTGCCTTGTTTCTTACAGGATCTTAATAAATATCCATTTGTCTTACCAGA
AGCTTGCATCCTGCGTTGTATGGAAAGAATTCAAAGATTTCATGAACTTG

Table 3

56/1077

GATGTCATGTAGGAAACCAAAATACATAATATCTGTCCAGTAGGTTTATG
AGATCCTTTGGACCAGAAGCTATACGATTCATTATTTACAAGACATTCCA
CTATCATGGAGCCTGACAGATTACATTGACAAATAAGAATCGATGAATCC
TAATTGGTTCCCATGCTATGCTTTTTAACATGCCCTGAGAGACCCCGATA
TTTCTGTCCTTTACTCATATGATCATACTGTACATTTGTATATCGTTACC
TATCTTTGACTACAAAATACATCACTAATTGATAATATATTCTATCTCTT
ATCTTCATGGATCTTCCCAGTTAATCTCTGATGATATTATCTTTGATAGA
ATATATTGCGAACAATAATTGTCGGTATTTTCATTTTCTATATACATAT
TTCGCGTTGTAAAATCGTGAATATATGAATTCTGGCATTATTTCTTGGAT
ATATAATACTGTAGATATATAATACTTGAAGAACTATTTCTTAGCTAATA
ACTGTGCCTTGTACTTCTCTTCGCTGAAATAATTCTGCTATATTAGTA

>Sequence 288

CCGGGCAGGTACCTCTGCAGTCCATAAAGTTAGGCTGGACTGAGGCCTAT
CATTGATGGATTGAAGCTGTCATCCAGCTTCCCCTGGTGCTGGGAAGTGG
GTGTGTCTCCTTACCCCTGTAGGGTTGGGCTGGCCTTCGAGTGGCAGAAA
TGCCAGCTATACTGACCCACAGCTCACACAGACGACACCATGTCCTTCA
AGCCAGTATGACAGGGGTATTGTCCACGTTTCAGGTGGGAAGACAGAT
GCATGATGAACTGTTATAATAATACCAGCTGCTGATCACAGAGCACTGAC
TAAGTGACAGGAACCATGCCAAGGGCACTACTAGGTCATCCTCTCAAGAA
ATCCTCATCACAAACACCATGAGGTAGGGAATCAATCATCCACATTTCA
GATGAAGCTCCAAGAGGTAAATGACTTGCCCGCC

>Sequence 289

CCGGGCAGGTACCTGCTACTAAATAAAAAACACCAGGAATGGTAGTTTTT
CTGTTCTTAACCCAAAGGAAGAAAGAGCCCTTCTCTGAATGGTTTTTGT
GTTTAGTTAAGAAAATGCCAACTGACCAATGTCCCAGAAACAAATGGGTG
TAGAGCCCTAGCATGCTTCATTTCAACACCTTTCACAAACAGTAGTTTTG
GCACTTTGCCTACCAAGCTGTGAGCTAGGCAACTTTCCCCTTATATTTG
TGTGCCTCTGAAAACATCTCCAGAATTCAAATGACGATTTTTTGACATAAG
TTATCCCTTCCTCCCCTCTGATTGCAAGGGCAGCATCACTCTTTCTGCCA
TGCATAAGTCAACATTTGGAGTCAATAGCCCTCTTGTACCT

>Sequence 290

AGGTACAGGTCCAAAAGAAAAGGTCCAAGAACTAAATCCTGACTAACTCA
AATTTTAAAAGTGGGCATAAGAGAAATAACCAGAAAAAGAGAAAGCCAAA
GAGTAGGGGGGAAAAAATCAGGAGACTGGGGGAGTCCTGAAGCCCAGTAAA
GAAAGCGCATGATGGAAAAAGTGTCAAATGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAA
CGCTGCTATTAGGTCAATGAAGGTGAGAAACATAAGCTGACCACTGGATT
TGGCAACATGGAGATAACTGGTGAAGTTGAAAAGAGCGTGATGGAAAAAG
TGTCGAATGTGTCAAAAAACGCTGCTATTAGGTCAATGAAGGTGAGAAAT
ATGAGCTGCCCATTTGGGATTTGGCAGCATGGAGATAATTGGTGGAAGTTG
AAAAACGNAAAGGTGACTTGAGTGCATTAAAGGG

>Sequence 291

AGGTACACTAGGAAATGCAGGAAGAAAATTATTTGCCCAGATACTGCAAA
GATTTTCTAGCTATGTGAGAAATGAAAATGCATTTTTTGCCATATTTGGTA
AACTGAATGTTATTAAGAGGACAAACCTCATGTAAAAAGGAGATAAGCAG
AACTGATTTGAATATTATTGCAGAGCAAAGTAAATAATCATGATGCATT
CAACCTTTATAAATGTGCAAAAACAGATTAATTTTCCCAATTACAAGCCT
TAATAATATTAATGACTTTAAACACATGAAGTAGGGTAAGAAATAGATA
GCAATGATAATACAÇGANGTGTGTTATAAGGGATATTAATGAATAACTTG
GTTACACAAAAGAGGGGAGGGGATGNGAGAAAAAAGGGGAAAATGCTGGATT
AAAGTTAAACAGATATCCTGAATACTTGTCATATCCTTAAGGCTATATAC
GTTCTGAATCTCTAAAAGA

>Sequence 292

AGGTACTATAGTCTGAATGTCTGTGTCTCAGAATGGGATTAGTGACCTTA
TAAATGAGGGAGCTTGTTTGTCCCTTCCACTACATGAGGTTACAGCAAAA
AGATGGCTGTCTATGAACCAGCAAGTAGGCCTTTGCCAGACCCCAAAATC
TGCAGACTACCCTGAACCTTGGACCTTTCATTCTGGACCAATTTAAGAAA

Table 3

57/1077

TAAAATACCGGTGGTTATTCAACCACTCAGTTAATGGTATTTTTGGTTAT
AGCAGCCTGAACTAAAACAAAGGTGAGATCTTAGGGCATAGCTACATTTA
AAGTCTTTCCATGCTCAGAATCTCCATCTGCTGGCAGCTAAAGTGGTTCG
CACTTGTAATCCTGGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGNNTGGGTACCTTGA
GTCAAGGAAGTTTGAGACCAGCTTGGTTAAATGGCAAACTCTGTCTCTA
CTAAAAAACAAATACCCGGGNGG

>Sequence 293

CCGGGCAGGTACATATATACAATATAGCAAATATATGAATAGCATGCTTG
TAAAGTCCAGGATCCTAAAACAGGCCAATAAGAACTAAAACAAATGAAA
AAGCAGAACACATTTTTAAAGGAAAAATCACCCACTCATTGAAGATCTCA
CTTCCTACTGCCCCCAGGAAATTCAAATAGTGGCAAGCAATATGTAAGAA
GAAACAGAGACAGAACAAGATCTGAGGCTCCAAGCAAAACAGTCCTGCAT
GTCATCTCTTCCTCTTATAAAGTAGTAACCTTCACATGAACAGATAT
GTAGATGCTGAGTAGCCACAACCTGAGAACTCATCCTTAATCN

>Sequence 294

AGGTACAAAAGAAATGGTATTGTATTGTTTGTTCACAGGATTATTGTGA
ATATACTTAACTCCATGAGAAAAAGTGTTGTGAACCTCAAATCACATGTA
TAAGATCAGCCTGACTGGGTGCAGTGGCTCACACCTGTATCCAGCACTCT
GGGAGGCTGAGACAGGAGGATCACTCGAGCCCAGGAGTTCAAGACCCGCC
TGGGCAACACAGTGAAACCCTGTTTCTACCAAAAGTTTAAAAACTAGCCA
GACATGTGCCTGTAGTCCTAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCTGAAGGATAA
CCTGAGCCCAGGAGTTGGAGGTTACAGTAGCTTATGATTGTGCCACTG

>Sequence 295

AGGTACTTGCTGAAACACAGAGCAAGGAAACGTTATTTCAATAAATCAAT
TTTATGCAGCTTTAAAGTTTAGAACCCTTAGAGATGTTGAGCTGGAAAGTA
TACCAACAACCATTTTGTCTTTTCACTTTACAGAGGGAAAAGTTGAGGACT
GGGGAAGTTAAATGATTAATCTCAGGTCACAAAGCTATTTTGGTAAAGGA
TCAAATCTCATGTTTTCTTCTGCATAATCCTTTTCTCCTCTTATCCACTG
TCACTAAAACGAGTCAAAAAGTCCATTAGATCTAAAAGAAATAAGACACT
TTAAATCATGTTTTAAACAGGAGGAAGCCGGGTGCGGTGGCTCACACTT
GTAATCCCCAC

>Sequence 296

CCGGGCAGGTACTATTTTGTCTATTGGCTAAAATGCCATTATATTTACTT
ATGCGCAACCACTTCATTATTTATAACACCAAGAATAATTCTAAATCCTT
TCTCCCTGAATTTATTCCCTCTCTCTTCCAAAGACCTGGTCTCATTTATA
GACCACAATCTACAAACATCTGCCCCAAATAAGCTACGCCCATAATTCCA
TTTCTCACGAGAGTCCCTGGAAAGTAACAAGGCACCTAAATGACACTGAA
AGATAAAATCCTTATTTTATCCTATCATTATTTTAGAACGTGAGTTATAT
CATTTTTTTACTCTAAATGAACCACCCAAACATTTTTTAAGAAAAAAGCAC
TTCATATGTTTATATATCCAACCGGGACAGACATTACAATTTACACTATC
ATTTTGCTGTCACACTGTTTAGAAACATTTTCCATAGAAGATAAACCCTG
AAAACCTTCTGTATAAATAAATACTAGCAGACCCTCTGCACTTCTATTTA
TGTTCAAGTTTACTGAGACTCAGTGCAAAGCTATCTTGCTTTTAAACAAA
GCACTCATAGATAACAAGTACCT

>Sequence 297

AGGTACTGTGAGTGTTTATTGGGCAGTGTTGACAGGAGCTTCAGTCTCAG
AAGAAGGATAGGAAATTGCTCTCAGACTCTGAACCCTAAGATGTGCTGCT
ATGTTACATTTCTGCCCCAATCCTGATGGTTTCTCCTGCTCAATGAAGA
GCACCTTTACCAAGTAGTCACCTGAGTATTAGGGCTAGAGGAGGTCCGAG
GGTATGACAGCTTCCCATTTTATGAGACGAGATTTGTCTGGAGATAAAAT
GAGCATGTGGTGTTTGGCAGGGCTGCATGTGTAGGTGGTAGCCATCGCTC
ATGATGTTTCATGGTTCTTGTAATTGGAGTAAGGACCTAAGACACATTGCT
AGATGAATGTTTTCTGTTCTTCTTTGTGGGAGGGAGTGCATGTGAGTT
GTGAGATATGGCAAGGGTTTTTTTTTCGAACAGCCTGTAAAGCTTTTATTT
TTAATCC

>Sequence 298

Table 3

58/1077

AGGTACCCAGGGACCAACAGGGAGGCCCCGAGTGGCTTGAGCAAGAGAGTG
ATCAGTGAGTAGGAGAAGGCAGCAGGAGAAGCTAGAGACGACTGAACTTT
ACAGGCCACAAAAGACTAAGGCTTTGGGGGAGGAAGAGGAAGAGAAAAAA
AATAAAAATAAAAAAGATTTTTTAAAAAAAGGTTCTGGCTGTTCTTATTC
TAGAGGATGGGGTAGCCATGAAAGGGCCCTGGGTGCAGGGTGACAGGCCC
TGTCTATGTTACCGGGCTGCCAGCAGCAATGGCATGTGGCTTGGACTTT
CAAAGCATTTTGTGAAAAGGACTGGAACCAGACTTGTACAAAGGTGGTT
TACAGAACACCAGCCCAAAATTAAGTTCAAGTTTTTCAGGTTCAAATCAT
TGGCTTCTTGGCTTAAAAAGGGAGGGTCTGGTGGGTAAAAGCAAACTTG

>Sequence 299

CCGGGCAGGTTCTTCTTTAGGGCTGGTTAATTGGTTCAAATAATTTTTAA
TTTCCTTTCTAGTATCTTCTCAAGTTGGAAAAATATACATACAGTCCTCC
TTCACCTTACTCTGTATTTATATTACCCATAACTAGCAAGAAGTTCTTGT
TCTAGATTTTTTGTGTTTGTAGTTATAACAGAGTAACATACCATTTAATT
ACAATTTTTAGCCAGAAAAGTCCCCACTATTTTACTAACTTGTTAAAAGA
TATCTATATNAAATTGCCTGGCCTTATATTTTTCAGTAGATTAGACCGTG
CCAATCACAAATCCTGGGTGGATTTGTGTA

>Sequence 300

CCGGGCAGGTACAAAGGGAATGGAGAAGTTAGGTTGGTTACCTGAGAGAG
AGTTACATCTACTGAACAATTAAGTGCTCCTCATCACGAAAGAAAAGGAA
AGAATGCGGACTGAATCCTGTGCCCTGAAAGTCGAATCAGCATATACCTG
CTGTTTCTATGTCACCAAGAGGCTGATTCCAGGTCCAATGCAGAGACGAT
GACCACTAGGGGTCAGACTTTTTACATTACTCCTCTTGAAAGAAGGAACC
CAAGTCTTGGATTTTTTAACTGGGGAAAAACTAGAGAGGTCGTCTATCCT
GCATCTGGCCGGCCCATGTGTAAACAGAAATGAAGAGTCAGCATGGGGAAA
GAATCTGAATGCCCCGTTTCTTAGCCTTTTAAGGATACAGTGAAATGGGA
CAGGGTCTGAGTTAGGAAACTCTTTGAAATTATACGGAGATTCAAG

>Sequence 301

CCGGGCAGGTACTGAAGATTTTGCACCATCACTGTTGTTTTTCTCATAAA
TTCTTTATGAGGCTATTAGTCTCTAGGGTGCTCTTCTGAAACCAGAAGGA
AATTTGGCTCACACACACACAAAAAAAGTTGCCATATAAAGGCAACTG
CAAAATATAGTGGGAAGTTGGTGGAGGATGGAGTTTCACTGAGAATGGGA
CAGCAACATGATGGAAAGAACATGAAGTTGAATTTCACTGAGTCTACCACTTA
CTAGAAAGATGCCTTTGAACAAGTCTCAATTTCTGAATCTTCATTTGTTG
CTCTGTAAAATGGGGTCATATTATCTCACAAAGTTGTCACAATAATTAAA
ATGAGATCTTGTTTTCTAAGTCACCTGACATATATTAAGTGTGAAATCAT
TTTTCTTTCTCATTTTCTTTTTTATAACGCTCTAATAAATAGGAAGGGGA
AGAAGTTCTTTCCAGGATGGTCTCATCAA

>Sequence 302

CCGGGCAGGTACCTCCTAGCCATCCAATTAAAGAGGCTTTCCCTAGGATA
CTGCTTGCCCTTGCAAGGAATGGGATCTACACAGCCCATACACCTTAAGA
GTCCAGTATTGATGTTGGTGTTTTCATCATTCCTCAAAGCCATTTCTGGA
CCATTCTTCCTCTAGCCCCTTATAAAAATGCTTGTTACCTGAGCTCAAA
TCAACACTATCACCTTTTACCAACTATTTCTCAACTGTCTACCTCTTCAG
TCACTTTTCCCTCCTTCATTAAGACTTTACACCCATATCAGTCCTCCTCA
CCACCTAAAAGTTTGCCATTTAACAGCTTGATCTTTCTTTTCTTTGCCTC
ATTATCACCCAGCAAGTCCTTTTCATTTCTAATCTTTGGTTAAAGGAAAA
TTTTCTTGCAAACTTAGGGTCATTGAAATTGGGACCCAAAAAGGCTTGG
TCACTTGTTAACCCCCAGCCAATCCCATAGTTTT

>Sequence 303

AGGTACATGCCATGAAGGACATATACAAGGTAATGGAACCACCCAATAAA
AAGTAGTCTTACTATCCTTTTGTGTTTGGGCATACAAAAGCAGATTAAAGGA
TAATCGTCTTGTTCAATTTATTTATCTATATACTTATTTATATTCTGTCTC
TAGGACTGAAAAAGCCAAAAGATCAGGGACCTAGTTTTGTTTCTTGCTCT
TTCTCAAGCATGAGGACACTGCCTGGCACATAGAGGGCTCACAGTAAATA
TTTCCTCAATACATTTGTTGATTAAGTGAAGGTGATAGAACTGACAGGG

Table 3

59/1077

ACCTTGAACAAGATTAGAGTATTTTATCTGTATCTATATTGCATTTGTTT
TTGAAAT

>Sequence 304

GGGGGTTACTTGGATCACCACGCGTGCAGTAGACTTCACGGTTCATTTTA
TTTGATGATATAGCTAAAAGCACATAAAAAAATTCTAAATCAATATCTATA
TTGCATTTAACAGCAGAATACTATTTGAGGAAGATGCCCAAGCATTACACA
AATTCCAGAGGTCTGCAGTATTTTTACCCATTGCACCATATGACTGAGAT
GTATTCCATAGACTTTGTCCCTAAAGTTCTGCCAGGAGCATTACTTGGC
CTTAAATCCTCAGTGGATAAAGTAGTCTACTTATTGCTAGATGGGAGAGG
CTGATTACCTTCACCTGCCCTTCTTGTACATTGATTTGAGTACTCTTTAC
AGTTATCAGTTTACAATTTTTTGACTATCTTAATGCATGGTTATTGGTTA
GAAAAGTGACTCTAAAAATGACATCTGGGTCTCAATCGATAATTTTCATA
TCAAATGGAAGCTCTGGCTCTCCAAAGAATTCTGCTTAGTCTTCACTGGG
CTTTTTGTATCATTAACG

>Sequence 305

AGGTACCAATGGTTTTATAATCTTACAGCCTTCTTTCTGGGGCTCTTAGA
ACTGACCAGAACTAGGAACTGAAGGCCAGCCTTTTCTTAAATATACAGCA
TGACAGTATGACCATCCAACCTTCTTAAAGGTGTTGTTTATCTATGGTCTA
GGTCAGCTACCGGTTTCCCCTGCATGTTTGACATCACAGATATAACACGC
CACCTGGACTACTTCCTTCTTCAGGGCCTTTTAAGACTCTTCAGAGGAAG
GCCAGCTCCTATTGGCTCTGCAAATCCACTTTACAGTGCCAGTGCCCAAG
GCTGTAAGCCCTGGAGCTTGGAGAGAAATTTGGAAGAAAAGCAAGAGAAA
CAGCAACCAAATTGTCTTAGAATGTAGAATGTCTTTGGGTTTGTTCCTC
TTTTCAAACAATGACAACCAACATACAGTTCATTATTTCCGTTTTCTAAA
CAGAGGACCATGTTCTACTTGGCGATATGGGGCTAACATAAAA

>Sequence 306

GGCAGGTACAGGTCCCCTAATGGCAGGCACGGTTGTAGTGACCACACTTT
CCAGCTTTGGCTGGGACAGCCTAGCTTTTGCCTATTGTCCTAGGACGGTC
ATTAATACAGCCTCTTTTCACTCTCCTAGTGCGTGGATTTGGACCATCAC
CTATATATACAATATGGTCACTGTTTTTAAAGTGGTAGCAAAGAGAGAGT
CATGAGTGAGAGATGAATCCCACACCAAGGAGGTTGAGAAACAGTTACAT
TTAAGGCCACGTAGCCCTTCTGCCAGTCACTTAAGCTCCTCTCTCCTCCT
AGATAGGTCTACATTTTGTCTTTAAGGGTAGGGGGCAATGATCCAACAGC
CCCTTAGAAAAAAATCGTGTGCCATCGGTGCTTCCAGGCAGGAAAGAAGG
GAGTGCAACTGGAGATGGGCTGGTCACTCAAGGGTAAACTTGTTCCAATT
TAATAACAAGGA

>Sequence 307

CCGGGCAGGTACTGTATTTCAAAGCTGACATTTTTTTCCCAAAATGTGCA
CCTGTGAACACTGCAAAAATGCAAGTGCAAAATGCACTTGCAGGTCATGA
AATTTTGAGGTTTTGTGCATTGTAAAATCCTGGAGCGATTATATATTAGT
CATAATTTCAATGAAAAAGTAACGCCAGCAGCCTTGAGTATTGGCCTGAA
TGTAATGCTAAATGATGTGCGTCCAGGGAAGTGTGCTTTTTAAGCGATG
GCTTTTTGTGAGTAGCTGCTGTGACTGAAATGAAGTTACAACTTCAATAC
CTCTGTGCAGAGCAGTATCAGGAATTCTCTGCCCTTTGGCAGAGCTCTGC
CTTTCCTCGTTCTTTCAGATGTAAGACAGCCCAAATCTCTGACATGAGCC
AGTTTAGAACTGGAACGAATGAGAAATTAGTG

>Sequence 308

AGTACCATTCTTATCTCATAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTGAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGTAAAACAAAGGAAGAATA
ATATTATTGAAAAAGATGGAGATTCTCCCAACGCAGTTTCATATATTGA
AGGATCTAGATTATGTATTTTATGTAAGGAAATTATGTTATTTGAATAC
ATGTCTTCCTAAAATGGTTAACGATTAAGAATCTTGAATCAGAGAGACTC
TTGAATGGTAAAGAGAGTTTGATCTACTGACAACCATAGGGGCTCTAGGA
GCGTGTGTGTGACACATGGGAAAAGATCGAAGGATGCTGCTAGTCGAATC
TACTGTTGATCTTGTACTCAATAGAACAAATTTGGGTTAGAGACACAGAGA

Table 3

60/1077

TGGA ACTCAGCGAGATAGGATATGTGTCTCAGTATGTACGAGACAGTGAT
AGAGTACACCGCCTGATTGCTAATATCTGAGACACTATAGGACAAATTCTG
AGATTGAAAGGTACCTGGGCTCAGCCGAGTTTCTTATGGA ACTTGAGGGA
TACCTCCGGGCTGACAGGAAATCTGATGATAGAGCTGTAGTGAGGTCTCG
AGTTGACATGGATGGGGAGGCCTCGGAACCCACATTATGTGTCCCTTTAT
AATGAGGGGTAAATTGACTCTCTTGGCAGTAGGAATGGGATGATGACGTG
TTACATGAGGAGAGATGAGATTCGATGATAACATGTGTATACGATGATAT
GTGCGTGGATGACATATGGTGTAAAATCATGTTAGTGCGTATAGACGAG
AACACACTATGATGAGATATGATATGGCATGATTACATCATATGATGACA
AGACGACATATCATACAACATGATATTGAGAAATGATCAGATATG

>Sequence 309

AGGTATCTAAAGGTCATTTTCATTTTCATTCATTTAAGTCATTTAATTTTT
AAAATCAAGTGGATAAAAACAAATAAATGTGGCTTTGATAATAATTTTGA
CTTGCCAAATGCCTCTTTTCCATTGACCCCTGGAGCTGTTTCAGTGTTGTG
AGCCCTACCATGTGTTAGGGCCACATCTCTTTTCTCACAAAGGGAAACT
GGCCACGAGGTGGGAGTCATAGGAGCGTTGGCTTATGAATGATGAATAGG
GTAGAGTTGGCCATAGTGATCACAAATCAGATCTGCAATATTCTGCTATT
TATATACTGAACCCAGCATCATATTAAGTGAGAATTTTCATTCATAAGCGC
GCATTTCTCATTACATTCCAAAAATCAGACCATGAAAAAACAGCTTTGG
GAAACATTTGAGAGACTGTTGCTTGAGTACCTGCCCG

>Sequence 310

AGGTACCCTACCACTCAATTTTTTAAAATTTCAGATACCAAACAAAGGACA
ATATATCAGCTGTCAAATAGCACATAAAAGTGTGTTTATCATCATTAGTC
ATCAGCAAAATGCAAATTA AAAAGCACAAATGAGATACCACTAAACACCCAC
TAGAATGACTAAAATTA AAAACACAAACATGTTCAAGGCTGCAGCGAGCT
TTTGATCACACCACTGCACTCCAACCTAGGAAACAAAGTGAGACCCTGTC
TCTTTAAAAA AAAAAAGATGAACACCAAAATGTAAGATCCAGACCTACCA
AATTCTCACACACTGCTGCTGGGAATGTAAAATGGCACAACCACAGGGG
AAAAGGTTTGGACAGGTCTTAAACACTTAATCCTATGTCTACCCTN

>Sequence 311

CCGGGCAGGTACGCGGGTATCAACATTTGAAA ACTTGGGGAATTACTAAT
ATTACTGTAGCGATAAAATGGAAATTTTGATGATACAGACAATAGTCCAC
AGAGAATTATGACTTAAATTATTCTTTCTACCAACCATTTTAAGTTAGTT
TGCCATCTTATGTTGGTGCTCTTGGAGGCTTACAAATTATTATTATTGA
GACAGGATCTCCCTCTGTCAACCGGGTGGACTGCGATCACGGCTCACTGC
AGCCTTGAGCTCCTGGTCTCAGGTGATCCTCTAGAGTAGCCAGAACCACA
GGCGTGAGCCACAGCGCCTGGCCAGGAAGCTTACAGATTATTAATGAAAC
TTTGTTAAGAACCCTTTTACCTTACTGTCAACCAGAAAAGTTATTTTACT
GGTTTGGGAATAAATGGACACTTATGAAAATGAAGCAACCTCTTCAAGTT
ATTTTTTTTACCAAAA

>Sequence 312

AGGTACTTTGATCCTTAGGGAATAAACACTCCTTAGCTGGACAGCAACAC
AAATAACTCTTAAATGAACTGCGTCTGTTACACACACACAGGCACGCATA
GAGTTTCAATGGGGTTTATTGAAATAAAGTGGCCTCTACACTGAAGAATT
GTAAGGACTGTATTCTATCCATTTCTGTTTACTTCTCCATTTATTTGTA
TTCATAGGTAAGGTTTACTAGCACATCATTAAAGATACTGTAAAACAGCAT
TAAAATCCTACCTTTTAATTTCTCAGGTAAGCGCCTCTCTTGCTTAGC
AATGCCTCGGTTCTCAGGCCTTGTTTATCTTTCTCTGTAATTGNG

>Sequence 313

CCGGGCAGGTACTGCCAGCAGGAAGTGGTTGGTGCTTAGTGACCCATAT
CTGCAGTGGGAATGAAGCTGAAGTTGATACTGCCTTAGATGTCCTTCTAG
AGTTGGTAGTGTTAAACCCATCTGCTATGATGATGAATGCTGTCTTTGTA
AAGGGCATTTTAGATTATCTGGATAACATACCCCTCAGCAAATACGAAA
ACTCTTCTATGTTCTCAGCACACTGGCATTTAGCAAACAGAATGAAGCCA
GCAGCCACATCCAGGATGACATGCACTTGGTGATAAGAAAGCAGCTCTCT
AGCACCGTATTCAAGTACCT

Table 3

61/1077

>Sequence 314

GCCGGGGTCCAGGGAATTGGTGTTAATATGTAATTACAGTTTTTCATTGGG
CTTTATGGGGTTTATATCTGCGTTCAGAAATTGTTGTTTCCTTTCTAAA
TCTCTAACTTTTACCATTACTGGAAAACACCAACAGAGGGGCATCAGGAT
TTAATTCTGGGGAGAGAGCATTACTTCTTTAAATCACCATAGCACTGTGT
GCAAGCCACTTTCTCTGAGTGATTCTTCAGCTTTAAAATGGAGTGATGGC
AAAGAACGTATGTTATTTCCCTCCATGAAACACTACTTCTTAAGAGCTCAA
GTCCAGAACCCTTCATTCTTCCAGACATAAAAGTCAGCCTGGATGGCTAC
CACCCTAATCAGATTTGTCTGCTGATGCAAGGCCCTTCAGTCATTCCAG
AACTGGTAAATGGAGTCACCCTGAGGACAGGCCCTGCTGCTGATTGATGT
CCN

>Sequence 315

AGGTACTGACACTCATTCATGATTGGAAGGATGGAGGGGAATCCTTTCTT
ACTTTTTGAGATGAAACATCTGGCATGCTGAAAGACTGAGGCAGGAACTG
CTAGGAAGGGGAACTCTTTAGAGAAGTAATATTTTAGGAAGGCAGTAGCT
TGTGCAAAGCCCAGGATGAAAAGGGGGGAAAGAGAAAGTGGTGTGGGAGGG
AGAAATGAGAAAAACGGTGGGGGACAGAAAAAATTGCATGTCACTGTCAA
GAGACTGGTGGACTGGAGACTGGCAAGGCAGGGATATTGAAGCATGTCTT
G

>Sequence 316

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAGAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATTTTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGG

>Sequence 317

CCGGGCAGGTACGTGCAGCTGCATCCTTGCCCATTTGACGGTGAGATTATA
TTGGCAACTTTGAAAAACCAAATATTATTGAAATACTGACCCATTTTCCC
TTTACAATAACATCTTTGGCTGGGATAATTTTACCCACCTATAATTCTCG
AAGAAAAATGACTTCAATTATGTCACAAAATTTAAAAAATCTTAGGATTG
GAAGAGACATTAAAGAGCAATTCCGAGCCTAGCACAGTGGCTCATTCTTG
TAATCCCAGCACTTTGAGAGGCCAAGGCAGGCTAATTTGCTTGAGGCTGG
GAGCTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGCAAGACCCTGTCTCTACTAAAA
ACAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 318

AGGTACAGCAAAATGAATGGAGATGTTGGATTGTTAGAATACAGGTAGGCAA
GGTAATCAGAGACATAGAAAGCATTGGGAAAGCCACTGCTCCCCAAGAAG
TCATATGACCTGTGGGATCTCTAGAGGGGACCTCAAGAGAATGGTGTGTG
TCAGGCACTGCACTAGTGAATTTATGTAGATTGCTTCATTTGTTCTGCC
AACAGCCCACTGAAATAAGTATTAATAATTCTGTGCCCAAGTGAAGAAACAG
AGAGGGTGTGTTGTGATGCTCGGAAACCAATAATATTGTGTGTAGCTCTCA
ACTCAAGTTCAGGGTATGCTGACACCTTGCCATTTGTCTCCTCAAATGGT
CGTATGTATTTCCAGGTGAAAAAAAAAAGGTTGGGGTTTTCTTGAGGCC
CAATTTTGTGAATGGAATATACA

>Sequence 319

GAAGATCTTGAATCCGCTACTGCATACAAGGCTAATTTGAGCTCCACCGC
CGTGGCGGCCGAGGTACGCTTTACGTGCTTTCCTCTCTAGGTTTAATTCT
TGTGTAATGAGTGGTATGATACCATAGCTTTAAAAGGTATATTTATGCAA
ATGATCTCAAGTTTAAATTTCCAGTTCAGATCTTCTCTCCATATTCCAGG
CTTATAGCTTAACTGCCGTCTTGACTTCTCTACCTGTAAAATTTAACGTT
CAGTGCTACACTCAGGCTGGACATGGAGGCTCGCGCCTGTAATCCCAGCT
ACACTGGAGGCTGAGTCAGGAGAATCACTTGAACGTGGGAGGCAGAGGTT
GCACCGAGTGGAGATCGCACCACTGCCCTTCAGCCTAGGTGACAGAATGA
GACTCTATCTCACCCCAAACTTGAGGGATAATATATGTACCTGCCCGGG

Table 3

62/1077

C

>Sequence 320

CCGGGCAGGTACGTAAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGAT
TAAATCAACAAAATGGTGAGTTCCTGATGATCATAGGTATGTGCCACCTG
GGTCTATTCCAGTAAGGAATGGGAGATTGGCTGCCGGAGGCAAGAACGT
GTTTCATTTACATTTACGCATTTGACCCTGAAAAATGTCACCAGATTTTA
CAAGTTATTTACAATGGTGTCTTGGAATGACTGCAGGCTCGTAAATAACC
AGGAAAGATAAGGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTACCT

>Sequence 321

CCGGGCAGGTACGCGGGAAATAAACTAGGTGTCTAATGTAACCTTAAAATA
CAGAGAAGGACATAGAGAACAGAAGTAAAAATAGCCAAGTAAAGGAAAGC
AAAATAAAGAAATAGAAGTCAATAGGGAAAGTGATAGATACAGAAGTTAG
GCAAAGATAAGCATGTCTACACGTGTGTGTTGTAGGTGTGTGTGTTACGC
ATTTGTCTTCTGCCACAACCTCTTTTCTTAAACATGGTTTGACCCAAATA
TTCTATAAACTTGAAGTTAAAATTCCTTTTCTTTTAAAAAAC
CCCATGATCTTTTTTTTGGCCAACACCTTAAACGTTGGCGGGGGTGGGAA
TGAAATAACTTTTTAAGTGCAGTTAACACCATCAACAGACTAAATGTTGC
CCACTTTTGGTTTTTGGGGGATTCTATAATTTTTTAAAAAAAGAAAAACT
TGTCTAATGGCCCATTTGGGGAAATTTTTTAAAG

>Sequence 322

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGCAAAATCTACAT
CGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTGCGCTTGGCCCTTGCCACGAC
TTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTTCATCCGT
GCTTAGTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCAGTAATTTTGCT
ACTGGCTTTACTCTTACTACCATTGGAAATGACTTATGTTTTTTTTTCA
TCAATATGCTGTTGAGATTATTATCAATCACCTATGAAATTAATACAGTG
TTTTGTTATGGTTTGGATAAAATTGATATGCTTTAGTTATATTTAAGGAG
AGGGTCTGAATATGTTTATAATTATATGTTATTATACTTGATCAGGTAG
CCTGATTTGAGTTGTAATGTTTTGTGTTGTAAGTGTTTTGATTTGACTGG
AATAATTTGATGTATAAGTTCCTATGGTCTAATTGATATTAATGTTTAGT
TATGTACATTTTTTTTGATATGTGTATAACGATAATTTGGGATGTTAGAT
TGAAGATAGTGTTATTAATATATGTATTATCTGTCATTTATTAATACAT
ATTTGATGTACTTAGTATAGTGGTATTTATATATAAAATTGATTTGTATG
GATTTATCAATGAATGATGTATTTTTTTAGATTATTGTATTTAATATGTT
CATTATATTGCAATTTATAACTAATATTGTTTAGTGTAATTGTTTGTTAG
TTGGATTATTAACCTT

>Sequence 323

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCATGTGAAAGCTAGACAG
ATCTGATGCTAGCCAAGCATTTTAGCCATCAGTAATGTTCACTTGGC
ACAGAGTTGGTATTTCTAATAAATTTTAAAAATAACACTATGCGATATCC
AGTAGAAAATAATATATTCAAATCTACTTTAAAGCATTTACATCAGAAT
ATCACAAACCCATGTAAAAATTACCCATGGTTACACTGACTACTGAAAAT
TAGCATTTCCCTATGTTTTTGTCTCCACTCTAGTTCCCTTACATTAGAT
GTTATTACTCCACACTTTAAACCTCTAGTGCTGGTGAGACTTACAAGTA
AGGAT

>Sequence 324

AGGTACTTGGCTGATGTGCCATGAAGGGAGACTGTTAGTTAGTGCTAGAC
CTTAAGGGCCCTTCCAGTATCAAGGATACATGTCACCTCTTGGAAGGGGA
CAAGAAGAAAAGACACAACCCCTGACCCCTGCACTCACAAACACGAAGAC
CACTCCACACTGGGGCACTCAGAAAAAGCATAACAGGGACCTTTAAGACG
AAGCTAAGGTCCTGAGCCACCAAGTGCAATGTTTGATGGTTTGTGAGACT
GTTTTTTGGTCTAGGTGGTTGATCCTGGTGTGTTGTGGAGAGGCACACGGT
TGAGGTTAAGAGCCGGAGTGCTGGAGCAGACTCCCTGGTTTGAATCCTGG

C

Table 3

63/1077

>Sequence 325

AGGTACAGATCAATCCCTATCAAAATCCAAGATGGCTTTTTTTTTTTCTTGC
AGAAATTGGCAATTAATCTTAAAATTCATATGGAAATACAAGGGACCCAG
AATAGCCAAACTAATTTTAAAAAAGAACAAGGGACAGGAGGAGAACTCA
TACTTCCTGATTTAAAATTGACTATCACAGGATACTATGTTAACACCAAA
ATATGACTCTGACATAAAAATTATTTCTGGGAAGACAGTTAAAGCAGACA
ATTAACAAGCAGCAGCAAACAGAGAAAAAGCTCTGTCTATCCTTTCCCTT
TTCTTTATTTATATGGGCAGTATATAAATTCTCCTTTACACACCGGGGTC
TCTGGACCCTTATCAGCCCAGAGCAATTCACAAAACCTCACTCCATTGTTT
TCCTCCACATACAGGCAGTCCCTGACTTAGGATTTTCTGATTTTGCATT
AATGTGACAGCAATGCACATTCAAACCATACG

>Sequence 326

AGGTACCCACAGCATTGGCTGTTCTTCATAGGAGACTCAGAGAAGACTTC
ATAGGAGACTCATTATTGTTTACTGGACATCAGGTGCTATATTGTATAGC
ATTCACATTCCACAGGTGAGGAAACAGGCTCAGAGGAATAAGTGGCATGC
CAAGATCATTGAGTATATCGGTAGCAGAATTAGGATTCAGACTTTGTTAG
GCCTAACTCCAAAGCCCTGGCTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAATCTTACTC
TGTCACCGGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGCAATCTCT
GCCTCCTGGGTTCAAGTGATTCCCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTGGG
ACTACAGGCATGCACCACCACGCCAGCTAATTTTTGTATTTTAGAGAA

>Sequence 327

GGCGAGCGAGTAGCAGCTCCACCGCGGTGGCCGCCGCGCCGAGGTACTTC
TGGAGGTGCTTGAAATCTGACTACTCTACTGGAGACTACACAAAAAGGCT
ACAAGGAGGGGGAGGTGCAGGTGCCAGCTGAGCCCAGACTCTTAGCCAT
ACCCTCCAAAGCACACACATCTTCCAGCCCCAGGTGCCACCTGACTACA
ACAAAGCACTTACTCAACGGTCTCGAGGTGTCCTTAAAAAAAAGAAAGAA
AACAAAACAAAGCATCACACACGTTCCAGCCTCAGCTGCACCTGACTTAA
CAGCTGCATGACAAACCACGAAACCACAAGAATATCCAACCTCAGCCTAT
CATCCCCTGAATGAAAAATAAATAAAATGACTGTTTCAAACCTACTAAGT
TTGGGGGGGGGTTATTCCTTGCACTTGATAAATGGAACAAATGGGGAGGG
GCCCTCAAGCCCCTTTTGTTCGCCGGCGCCCTAAAACAAAGGGAGCCCC

>Sequence 328

AGGTACAAAGGGATATAGAACCTGTAAATAAATCCGTGTGTCTGTGGTCA
ATTGATTTTTTGATAAAATAACTAAAAATACACAGTGAAGAAAGAAAATT
ATTTTCAATAAATGGTGTAGACAAAACCTGACTATCCACATACAGAAGAAT
AAAATTTGACTTTTATTTTGCTCTTTATACAAGCATCAAATCAAATTA
AGTTTAAATGTAAAACTACTACAAGGAAATATAGAAGGAGACTGTATGAC
ATTGGCCTGAGCTATGATTTTCTGTAGATTATTCCAAAAGGCAACAAAAG
CAAAACACACAAATGAGACTGCATAAACTTAAACTTTTCCACAGGAAA
AGAAGCAATGATAGAATTAAGAGAACCCACAAATGGGATAATATTTTAA
ACCATACATCAGATAAGGGGCTCATATAATAATATATAAGCAACTCAACC
TACTCAAAAATAAGAAAAAAACTATGCTTA

>Sequence 329

CCGTTCAAGTACTTAGTTTGCTCCCAACAATAAATTCTCTGACAAACCCT
AAGTGTAACCTCAGAAAAAAGCTACACTAACTAAATGCAGATTGAATTAAC
ATAATCTCCCATAATCAGAAGTTTCCTAAAGACTTTTCATTTTTCTTTGT
TAACATTTATGTCTATAATACCTATTGTCATTACTCCTAAGAAATCCAAC
TTTAAATATAACAAGCAAGTTTTTTTGCAATGAAATTGGCAGAGTAAGAG
TTTTATAACCAAAGGGATCTGTGTTTAAATTATGCACTCTCTGCCACTTT
GTATCTATGTGACTGAAAAAACTCACTCCATTTTTAAGAGTAAGACAAC
CTCAAAAAAATAGTTATTTGGGATAAAAAGGGAACCTTTGTTGGGATTT
CAAGGGGCGGACCCCTTTTGGGGCTTTGTTTTTTTTTTTAAAGGGGC
TTTTTACCCACATTTTTTGAAAAAAAACAAC

>Sequence 330

CCGGGCAGGTACATGAGTGTATTCCGTTTATTAATGAATATATGTGCACA
GCAGGCCTGAGTTGCTCAAACCCTGCACATGCCAAAGACAGGCCCTTGAC

Table 3

64/1077

CAGCTCCTGAGAGAGAACCTCTAAGCCCTTGGAATATGCCACCTGATAAG
AGTGTATGTTTATGCTGAGGTCTTGGGCCACGCAGTATTGGTTTGGCTTC
TGGGATGGTAAAGGGAGAGTAGCTGGCGTCACTCATGTGGGAGCTGCGTA
CCTAGACGAGAGACCCCATTA AAAACCCTGCACACCAAATCTCGGGTGAG
CATCGGTGGTCCGAGTACCATC

>Sequence 331

AGGTACATACTATAGACATAAACTTGTTTCGAATAATTTTCAGAATAAGTC
GCACACTCATGTCCCTTATCCCAAAATATCTGTATTTCTAAAATTA AAA
ATATTTTATTATATAATCAAAATGCAAATGATTCTGATTATATAACAATA
ATTTAACACTGATAAAAATAATTGTAATCTAACCTACTATCTTTATTGCA
GTTTTGTCAACTGATCCCATATGTGTCTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGTC
TTTCTCTGTTGGCCCAGACTGGAGTGCAGTGGTGCGATCTTGGCTCCCCA
CAACCTCCGCCTCCAGGCTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAG
TAGCTAAGACTACAGGCACATGGCCCCCTACTGCCCGGCCAATTTTTGTAT
TTTTAGTAAAGACGGAGTTTCACTTTTTTGGCAGGCTTGGTCTTGAACCTC
CTGACCTCAAATTATCCACCT

>Sequence 332

CCGGCAGGTACGCGGGGGGCCTCATTCTCCTTGGCTGAAAACAGACCGTT
TTTCATTGTACTGGTGAATTAGAAATTCTATCCAGCCACTCCTGGAGATT
GATTTTCCGTCTGGGGATCTGACCTCTTGCTTCACTAGCAAGGGTCAGAC
TGTTCTGAGAGGAGTCAACGAGCTGGCCCTCAGAAAAGCCTTCTCTTTCT
TTTTTGCTCTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTAAC

>Sequence 333

AGGTACTTTTTTTTTTTTGTAGAGACAGGGTCTTGTTTTATTTCCCAAGC
TGGTCTCAAACCTCCTAGCCTCAAGTGATCCTTCTGCCTTGGCCTCCCACA
GCACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACACTAGGCTTGGAAACAATTCTT
AAGTTCACCTCTGACCTCTCCCTTTCTTATCACTTCATGGGAGTTTAGTTA
GTGCTGTGATCTTTCCACAGAAGGAGCTCATGCAGAAGAATATCATTTC
ACAAACATCATTTCAAGACTGCCGGACTTCCTAGGTTACAACACCTACTG
ATGGCTCTAACTATTAGCAGGTATAG

>Sequence 334

AGGTACTGGGATCGTTGTTCTCCTTCCACAGCTACAAAATCAGTTGTGTC
CCAACCCAGTAGCTGTAACCTTCTCCAATTCTTCCCCACTCAC
ACCAACATTTTTTCATCTGGAAGAGTCAACTGTGAATGGGACAAGAGCTTT
TTTTTTTTTTTGATACAGAGTCTCGCTCTGTTGCCAGGCTGGAGCACAA
TGGCGCGATCTCAGCCCACTGAAAGCTCTGCCTCCTGGGTTCACCCCAT
CTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTGGCTGGGATTGTAGGCGCCTGCCACCAC
GCCCGGCGAATTTTTGTGTCTTTAGTAGAGATGGGGTTTCGCCATGTTGG
TCAGGCTGGTTTATAGGACCACTGTCATATATGCAGTCCGTCATATACAC
TTGGGCACCAGAGTGAGGAAGAAAGAAAGGAAGGAAGGAAGGAAG
GAGGGCAAAAGAATAGAAAAGAAAAG

>Sequence 335

AGGTACGCGGGGGGAGAACGTCAGAAAGTCCTGAATTGGCTGTTGTCCTA
CAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGA ACTCA
TATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTATTCTGAA
TCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACACCCCACTG
TTCTCACCTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAAGTTTACA
TTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTAAAAATTC
CAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCCGAATTCA
AGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTTCACGAGATTTCTAAGTGGT
GAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTGTTAACCA
TGTTTCAGACACCATTTGATGAATTTGATTTTGCCGTTACAAATCTTGCCG
TAGACTTGCAATGTGGAGTGCGCCTTGTGCGAACCATGGAACCTCTCACA
CAGAACTGGGACCTCTTAAAGAACTCAGGATTCCGGCAATAAGTCGTCT
TCAAAAGATGCACAATGGTGACATTGCTCTTTAAAGTTCTTAAATCACGA
GGAATTGAATTAAGTGATGAACATGGAAATTCAATTCTATCTAAGGATTT

Table 3

65/1077

GTGGGTAGGCACAAAAAAACTCTCAGGTGCTTTGGAAAATAGCGTTG
GT

>Sequence 336

AGGTACGTAAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTTAATC
AACAAAATGGTGAGTTCCTGATGATCATAGGTATGTGCCACCTGNGTTCT
ATTCCAGTAAGGAATGGGAGATTGGCTGCCGGAGGCAAGAACGTGTTTCA
TTTACATTTACGCATTTGACCCTGAAAAATGTCACCAGATTTTACAAGTT
ATTTACAATGGTGTCTTGGAATGACTGCAGGCTCGTAAATAACCAGGAAA
GATAAGGCTGAAAAAAGAGTTGAAGAATCAGTTGCTTGTT
TTAAAACTCATTTCACAATGCGTTATTTTCTTACCAAAGAGGCAGGAAG
CTCAATGTCTATAAACTTTAAAGTAAGCATTTCCTTTAAAATGAAGAC
ACACTCTTAAACCTCTCTGTGAACCAATCTCTCCATAAAAAATTTATGATG
TATTTGAATTAGAGCATGCTAATTTAAGTGTGATGCACAAAGAGCACTGC
AAAGGAAAAACAAACCTTAATTTTATTTAATCTTAAATAATAACTAATA
ATTGCACAAGAAATAATCAGGATCTTTGAAAATATAAGCCGTCATTTACA
TTGCCATTGGTAGCTTAAATGTGTAGGCCAACAATCAAAACAAGGAGTCA
AAGTTTTTTTTAAGGATCTGAAATAAAAAGGCAAATAGCAAACCATGTGC
CCAAACAGCCGGCTTGGATAACTACCTGTTCCAGAAGCTCAATGCTTTGT
AAAAAATATCAATTGGGAATGGTCTTCTACATTAATAAGCTAAAGGAA

>Sequence 337

GAGGAGAGATGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTTCGCACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAACTTAGAAAAGTTCCCTCCTGTTTCCTGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAATAGATTTTATAATTATGATACAACTTGATATCTTGAGATAAA
TGTTT

>Sequence 338

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAAAAATGGAGATCCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTGCAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGGAGGAACCAGCAGATAGATATTGGCCAAGATGACGGGCAG
CGGAGAATCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCAATGA

>Sequence 339

CCGGGCAGGTACGTAAACATACAAGGTATGTAAATGAAAATCAATGCACT
TGTCATTTTCAGCACAATTCCTTATTGCTTACATTCAACATTTTAAATACA
TTTTATTTAAACACTAATAACTTTTGTTCTTGTCTTGGAAGTCTAATGAT
CTTCTTGGCTCCCTGCCCTACAGCCCTCTAATCTTCACAGCCGTGGCCA
CTTAGCCCCATCTGGAGGTTTCAGGCTTATTCTGCATCTTGGAGCTAATC
TTGTCCCTATGCTGGGGGCATACAAGATATCATAGCCAAGAGCTAACTGA
TTAGCACTCAGCTTTGCTGCTGGTTTCATTCTGATCTTGTAATTTATTT
CTCAGATGTAGGCTATGCTTCTCCAGCAACTTGTAACCAAGGCTTGCT
TTGTATACCAGTTGCAATATCTATCCAGGCTTTCGGTTTTTCAGTTCTGAC
CAGTTTTTN

>Sequence 340

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACGCCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT

Table 3

66/1077

TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGCCTTTATTTTCATATCTGA

>Sequence 341

CCGGGCAGGTACCAACTCTTGTCAGGCTCAGTGGCAGCTTCTACGACCTG
ATGGATGGAAAAAATCAAACCTCTGTGACTCTATGGTTGACTGCCACCTC
TGCAACCTTGACTCATCTGCTGAAAAGGCAAGAAGAAGAAAGGGCAGCAA
GCCCTGTTTTAGGGACTACATAAGATGAGGGGAGATAAGGGGGACATAGA
TGAGTTCTTTAGGATTGCGTGTGTTTTGAGTTTTTGTCTAACTGAAGA
AATCTATCAATATTAAATAGGGTGGGAAAATGGTTTCTTGGAATAACTGT
TCAACTGTTGTGTAAATAAGGAAAGTTTTAAATGAGTATTACTTATTGTA
ATTAATGCAGAAGGACTTCCCCAGTCNAAAAAAAAAAAAAAAAANAAAAGTT
CCT

>Sequence 342

CCGGGCAGGTACAGAGGGTGCCAGGCACTGTGGTGCACACCTGTAGTCCC
AGCTACTTGGGAGGCTTGAGGCGGGCGGATGCTTGAGGCCAGGAGTTTGA
GGCTGCAGTGTGCTGTGATTGCTCCTGTGAGTAGCCACTGCACTTCAGCC
CTGGCAACATAGCAAGACCCTGACTCTAAATATAAAAAAAGTATAGCGG
GCACAAATGGGGCGAAGCCAGGGTGGGATGCAGAGTCTAGAGGGAGATGA
AGCTGGAGAGGCAGGCAGTGGTCAACATGTGGCCATGGAAAATAGTTTAG
GTTTGATTCTGATGGCACTGGGCTGCCATTAGAGGGTTTTGAAGCAGGTC
AGTGATGTGATACAACATAAGTCTTCAACAGATCATTCTGGAGACAGTGC
TAACATGGACTGGTGGGCAAAGAGTGAGAAGCCGAATCCTTAATTCAGA
AGGAATTGAAATATTGTTTGATTTGAGGCAGGGCAAATAAGGCTGG

>Sequence 343

AGGTACACATAAACACACACATATGTATGCATACGCACATATATGAGATA
GAAATTTCTCCTTTAAGTGCCACTCTGTAGGACCTAAGATATTTCTGGAT
TTTGTTTGTTTATTTTTGTTTTACATCTGTGAGTTGGTATCAACTTACCT
AGCAAAGTAAGGGGAGAGGCGCATAAAAAAGGCGCCTTTGCACTTTCTGG
AACTAGCCACCTTTGACTCACCTTCTGCCTCCAGCTCCCAGACTCAGGC
TCTGAGATTAGCAAGGAATAAATCTCCCTGCCTGCAGGCAGGGTCACATT
CACACCCTCCGACACTCAGAATCTGCTCCCTTTACAAAGTCTTAGAAAAC
TGAATCCCCGGACTGTCTTTACAGCCAATTTGGATGTTTACCAACACTCA
GGGGAAAGAAATCATTCTCCTGTCTAAGCTTAATGCCGTGAACCTT

>Sequence 344

GGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCA

>Sequence 345

AGGTACAAGTTTCAGCCACTGGTGGTTTGCCAAACTGGCTGATTACCCAT
AAACACACAACATGGTTCTGTTTTGCTCCTAGCAATCCTTAAACCATTGC
ATGTCTAACATTCTCAGACTAATTCACAAATCAGAAACATCTGATGCCCA
ACCCATACCAAATGCATTTAGGGCAAAAATTATGCTCCTATAATGTCTG
GCTTCCTGTCTTCAAGGCACTTTGCTTACATGACTGAATCCTCACTGTGA
GGTGTAGCTATCCATCATTTTTGAGCAAGAAAGCCAAGATGGATAAATAA
GTGACTTTCCCAAGACAACAGAGTGGTTGGCACCATGATGGGATTGGTT
GTCTTATTTTTTCAGTTGGTCTGCCCCGGGCGGCCGCTCTAG

>Sequence 346

AGGTACATTTTAAAAGTCAGGAAGAAAATAAAATCTGACTCTTGTAGCAT
TTAGCTTTGTATTGGAGTGGCCTTTGCAGGTAATGCCAACTTCCACGACA
TTTAGAAGATTTCATAAAGTGCTGGTCAAAATAATGGAAAAAATAGCAGCT
GTCATTTGATCAGAATCTGTGTGCAAACCAATTTAAAGCCCTGTCATAAC
TATTTAAGCATGTAAGGTGATTTATGATTACCTTTCATAAATTAATGAAT

Table 3

67/1077

TCTACCAATAAGAGCAGGGTGCTACATTGGGTGCTCCTGTTCTCGCAGAG
TTTACAGCTACACATTACATGAGGACTGCTCCAGGTTTGCTGTGTTTAAA
TGATTGACAAGGCAGAACTGTGTCTTTTCTTCAACTGATTGGCACTATC
TACTTATAACTTATAACTTAGCTTATTTTCACTCCCCCCCCAAGGAGAGT
AGAGTCCAGAATCCCC

>Sequence 347

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACCTTGGGCCTCTTTTAAAACCATGGCTTTA
AGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTC
TTATGTCCTGTGAGTGTCACCCATTTAGATAAACCCAAGTGGAAGTCAGCA
GGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGATACCAGTAAAGATGTCA
TCTGGCCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTCATCAAACCGCCTG
TCTCTGGAAATAAGAAAAGCTCTGAGGGTCTCAAAGTTACCAGAGGAAG
GCTGAATTTTATGAGTCTAGTCCTCAACTCTAACCAAAGTAAAGGAACT
GGAAAGACACACGCTTTTTTCAGTCATTAATAGAAAGTTGTCCAGAAACCC
GGCGAGTGAATTTACCCCGAGCTGAAGCTTCCTTTGCAACTTGGGAACAC
CAAGGCCCCAGTGAC

>Sequence 348

AGAAGCAAGTCTTTCAGGACATACCTAAAGAAGATAGCATCCATGGTGCA
TGTTTCATGTGCCTCACCAGGCATCACCATACCCACCACAGCTCATGCGT
GCGGATGCCTTTGCTACCCAGGACGGCCATACAAGGAAGCCATTGGCAGT
CCTGTGCACAAACGGCATGTCAAGAAATTAAATGATTTCTCAGGGCCCC
GCAATTACCTTCAGCAAAGCTGAGATTCCCAGCCTTCTCTCCGCTCCCTG
AGACTGACTCTGAATTGCTTTTCTGCTGGAGATGAAAACAAGAACAGAAA
CAGTGGAACATAATCACATTTTAAAAGTTTACATAACCACTTAATTAT
AATACGCCTGCCCCAAAAGCACTCCTAACGTCCTAACACATGGTAACTTA
TTTGTTTAATTTTATAAGTATTTTCAGGGACATGGTGGGAGGGAGAGCAT
CAGGATAAAGAGCTAATGCATGTGAGGCTTAATACCCAGGTGATGGGTTG
ATCTGTGCAGCAACCACCATGGCATACGTTTACTTGTGTAGCAAACCTGT
ACCTGCCCCG

>Sequence 349

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCATCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA
CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATCACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGCTACTAGAAAAGACATAAGGGTGAGATTTTACATCTTTATTG
TATCCTAGATATACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTGTCTGTCAAC
ATAGCATAAAGAAGGTGGGATTTAACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 350

AGGTACATGGTGTATGTAAGGAAGGGGTCCAGTTTCAGTCTTCCAGAGCA
GAACTTTCTAACTTGTGTGTGGGTGTTGTGCTCTGGGCAGGTAAACAGAT
CCCTCCAACCTCGAGGAGTCTGGGTGGCTGGAGCTCTGCACTGGTCACCTT
TGGGGTGAGTAGCCTGGCCCCAAAGTGACATAAAACATCATTTTCTGTG
TGTGTACAGCCTGGAGAAAGGTGAGAAGTCCCAGATGATATCAGTCTAA
GAGTTTTGTACCTGCCCCG

>Sequence 351

TTTGAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACTAGAAGTATAAT
TCTATTATCATGATAGTTTATGACTATCTGTATAGTCAGATTAAAGGTAA
CTTTAGAACAATGGATAGGTTTTTCAAATGCAGAATCAAGGTTGCAATTT
TGTAGCATATAAGCTCTCAAATCTCTAGGGGGAAATGTAGAAAAATAAAA
ACTTACTGAAGTAAGGCAATGTGCATCCTACATTATTATGGCAACAAATC
GATAATGGTATTACAATAAAATCTGGTGTAAATCACATTTTCCTTCTTCGT
ATTGCAGTATTAATCTCTGTCTGATGGGAGATGAGATGAATCACAAGATG
TATAATGGAATGCAGAATATTCTGCCTTGT

>Sequence 352

CCGGGCAGGTACCTTGAATTAGAGCCTGAAATGGGGGAATTGCAGCCATA

Table 3

68/1077

AAAGACATTCTCAGACAATTGGAGACTTTCCTGAGTTGTGATAATGGAGT
TATGAATATGTAGGAGAATGTCTACATAGATTTTATGAAGATGCATGTGG
CAACATATCTGCAGCTTATTCCAAAAAAGGTCCAAGAAAAAAGGAAAGG
AAAGAAAATAGGAAAAACTCGGTCGAGCCACCATGCCAAGCCTCACTGTT
TCTAATAACCAAATTGTTCCCTGTATTTATTGAGTCTCTGTTTCATGCCAG
ACACTCTGCTATAGTCTGAATATGTTATTTCTGTTAATTCTCATAACAGT
TCTGTGAGCAAGAACAATTAATATCACCCCTTTACAGATTAGGAAACTGA
GGCTTANGATCAACAATGTGCCAGGGTCTTACANCTTGTGAGAGATAGT
GGTAACTTGCAAATCATTCTGT

>Sequence 353

CCGGTCCGGTACGCGGGGATTACGGTGAGTGTAGTAACAGCTACTGGTAA
TATTTTTGCAAATCACGTGAAAGCATTGGAGCAACTGTCTTGGAAAATGC
TCTTTAACTTCAAACCCCAGTATGTTTTGGTAGTAGTGGATATTACACA
TATATGCTGCTCTTTTCAGTGTTCTTTTATTGTGCGAAAACATTTTAAA
ACATTTGATTTATTAATAGGATTTATTTTAAATAGGATTGTTAATAGGAT
TTATTTTTCTAGGACATTGTCTTTAAACACTTGGATGATTTTATATGTCT
TAATTCTTTAATAATTTGTAGATGTAAAAAACTTCGTGGGCAGAAAGCGA
AGAAATAGGAAAGGATTTAGATTTATTTGGCATTAAAGGATTTTGTTTT
ATTATGCCCTTTATTTGGGTATAAACTAAAAATTATTTATCCTTTATGC
GTTG

>Sequence 354

AGGTACGCGGGGCTATGTTGTGTATATCTTGCATCCAAAGCCAGAGGGAA
CCACAATGACTAGTAAAACGGTGGTCTCAATGCCCACTTAGCCTCTGCCT
CTGAATTTGACCATAGTGGCGTTCAGCTGATAGAGCGGGAAGAAGAAATA
TGCATTTTTTATGAAAAAATAAATATCCAAGAGAAGATGAACTAAATGG
AGAAATTGAAATACATCTACTGGAAGAAAAGATCCAATTCCTGAAAATGA
AGATTGCTGAGAAGCAAAGACAAATTTGTGTGACCCAGAAATTACTGCCA
GCCAAGAGGTCCCTGGATGCCGACTAGGCTGTGCTCCAATGTCAGTTTCA
CAGGTGTACCTGCCCCGGGGCGGGCCGCTCGACCCGGGCAGGTACGCGGGA
GGAAAAATGATTGACTATGCCCATCCTGGGGGTTATTTTGGCATGTTACC
TGTA TAG

>Sequence 355

AGGTACTGAGCATGTGGCTTCAACACACCAGTGCCTAAGCTATTAAATGT
TACGGTTGGCATCTCACTGTCCTTTTATTTCTGAACAAACACTTAATGAT
GCCCACTCTATGCCAGGAGCAACTCTATTGCCAGAGATGTTTCTGTGGAT
AATCCACAGTGCCAGATGTTAAGGATTCCCAGGCGAGGGACAGGGGCCAG
ATAAATTTCCAAACGGCCGTGTTTCCCAAAATGGGTAGGAGATCATTTTA
GGTAGTCCATGGATGTATGATGGTTACACCATTATGGTTTTTATATTTT
GTTAATCTGTTATTTGTGTAATATTCATCTTTGACTCTTAATGTTATCTT
TTTTGATTAGCTAATTATTGCTGAACTAGTTGATATTTTATATTTTATGG
AGTTATTTTTTAAATTTATATTGTGTTTTTATTGATTGTATAATGCTTTT
TTG

>Sequence 356

CCGGGCAGGTACAGATTTAGATGAAGAAGATCAGAATGTTGGGTTTCTAG
GTTTTTATCTTTTATAGTAGAGTCGGGGTTTCACCATATTGGCCAGGGCGA
ACTTCTAACCTCAAGTGATCCACCCGCCTCAGCCTCCCAAAGTGTTAGGA
TCACAGGCATGAGCCACCGTGCCCACTGAGAATTTAATACTTTATGTA
AGTTAATTTTTTATGATAGTTATCTAGCTTTGCCAGACCAATTTTGTTAG
TAAATTTAAAACATTAAAAAATTTTGAATCCTCCTAATTCTGTGTCTCTA
ATTTAGTAATTTTAAGTTTTGATCCTTGTTTCATTCTATCATTCTTTTAT
TTAAAAAATTGCCATTGGCTTTTCTAAAAGTGAATCGTGAATCATGATT
TCATGTGAAATAATTAACCTTTTAAACAGCAAAGATTCCCTTTAGAACCTT
TATTTG

>Sequence 357

AGGTACGCGTGGACAGAGAGAAGGTAAAGAGCAACTTGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAAACAGGAATCCAAAATAATA

Table 3

69/1077

CGTTTGCTGGGAATTATAAAGAATTCATTGAGAAAGTAAAAAAGAAAAA
TCTATGCAAAGGAAGTGATTCTGTTGTTTAATGCCATCACCTGTCATTCT
GTCTCTTACCATGGCTGGCTTGGCTAGTGGCACCACGAACAGATCCCTAC
AGACCCCAACACCAAGAAAANGTAGGTTTTTCTTCTTTCTTTGCAAGTTCT
TTGGTATAGATTTGATGTTCTAGGNGTGGGTGGAAGGCCATTCGTGTGAG
AAAAGATTACACTTAGTATTGGGAATGGGTGAAGGGAATGACTTTCCTTT
TTCTTACCCTAATATGGACTTNTTGTTTTTTAGAGATGCTGTCCTGTACCT
CAGTTTAAGATGAGG

>Sequence 358

AGGTACAACATACACTGTGTGTGTGTGTTTCAAGAAGGGACAGCCCAGAT
AAAGGGAGGTTACTGAAGCAGGCTAAGTTTCAGCAAAATGTAACCTTCAC
CTTAGAAACCAGGAACCAGAGTAATTAGATACAATCTTTCCAACACTATG
GGAGAGATTTGATCAATTAAAGCCAAGATCAGTTACATTATTTGGTTTAC
CTAAGTAATGGACCCTTAAATGCAATCAATACTTCTCTAGGCTGTGAGTC
TTCAAGACCTGAGATGCATTCAAAAAACACAAATGGATTTTCAAAGGGCC
TCGGGATGTTTCATCACAGGCTGAGGAGGAGGATTGCAGAGGGTGGGGGGC
AGAAGGAAACAGACAACAGACCTGAGCTTGCTGTATGAAGTCTTCATTTC
CTTCCCTCACTGATGTGCTGCTTTCATGTTCAATTTTGTAGTTCATGTATG
AATTAAATTTGTTTTACCAAAGAACCTTAATCTAGGGATGAGCAGCCATG
TCACTCAATTCATTTTAAAATTGCAGCATTA AAAACTCATTTAATAGGATA
AAGAATACGATTAAGAGTTCTATTTGTGTTTCTGAAAATCCACAAAACCTT
ACATTTGGGAGTTACGAAGAAAAAAGCAGAAGTTGCTCTAGAATCTTTTA
CCTTGTGCCCCATGGCCATCCTTTCCCAACATGGATTTAGGGAAGGCAAT
GGCCAGTTTGCTTGGAACAGGCCATGACCCATATGCCTGGACCTACT
GGAGCGGCCATATCTGCCTTTAGAACACCCTGGCTAGAGTGGAATCATACA
AGTCCGGGTACAGCAACTTTCCACCCCCATCTTT

>Sequence 359

AGGTACCCCTTTCAGACTGGCTTCTTTCACTTAGGAATATGCATTTAAGG
TTCCTCCATGTCTTTTTCATGTCTTGATAGCTCACTGGATAATATTTCTTT
CTTTTTTCTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTGAATGGACTTTGCTCCAGCC
TGGGCAACAGAGTGAGACCCTGTCTCAAAAAAAGAAAAAAGAACTAA
ACGTCTCTGAATCATGGGAGTCAGTTCTACCACTAGCACTGAGTAAACAC
CACAATGGTTATTTCAACCACCATGAGCTTCAGTTTATTTGTCTGTGAAAT
GGGATCATTGGTAAGAGAACCCAGACTCCCTTTCTAGCGATTGTT

>Sequence 360

CCGGGCAGGTACTTTTAACTTAGATACATTTACTTTTTATCCACTCAGCT
GAAAAAAGAGGAGAAAAATAAAAGTAGGTCAGGTCAATCTGTTTCCTTTC
CCATTTAATGAATTCATGCCCAGGAGTGAGTGAGAAATGGGAGGACTGAA
TCTGCTGTTCTCCAAGACTAGCTTAGGAGTTTCTGACATCATGGGCATCC
CAGCAAGCCAACGGTCACATTAGTCACCACGTATTTTTTCATATCACGTGA
TCCCTCTATCAGTGTATCAGCCTTTGCTGTATAATGAACAATCCTAAACA
TCAATGGCTTAAAACAAAATCACTTATTAGCACATAATTTGGTAGGTTCA
TATTTTGGGCTGGCCGCAGGTAGGTTTTGCAGATTTACCTGGTCTTGTC
ATTTTGCTGCAGTCGGCTGGCATTTTGACCAGGGCTGGAGGACTATCCAT
GTGTGACAGGAAGCTGGTTGGCTGGGGTGCCTAGTTTCTTCTTGTTCTC
TTCCATGTGGGCTTGGGCTTGGTCAAATGGTCTTGGGTTTCTCTATGCAG
GAAGAGAGGACAGCCCCAATTAACAAGTAGTTTTAACGGTTTGGCTTTTG
GCATGTTCACTGATGTCCTTTTGGCCAAAGGAAGTCACATGGCCAAGTCC
AAAGTCGTATTTAAACGGGTACCTTAGGGAGTGATTCAGGGAGACATGA
TTTATGGTCCCAAGGTTTCATACCCTTCCATGTGCAGATTA ACTACCCCC
TCCAAGATCCCAAAAGTTTATTTGGTTAAAAGTCCATTCTTTTGGAACAT
CTGGATGTACTAACCTTTTACTGAACCTTTTGG

>Sequence 361

CCGGGCAGGTACAGTGGGGTATCCCTGGGGAGGATAGCTTAGATATCAA
GCTTACGTTTTGCAGGCTTCACAGAACAGATGATATAGTAGAATAGCGGT
TTCTTCTCATCCACCCCGCCTGGCTTCCTGTCCATAAGTGAATAGCAT

Table 3

70/1077

CTGCCTTGATCTTCCTGAAATATTTTGTCTTTAATATAACCTCTAAGTAT
GCTAGCCCCAAGAATGGAAACAAGGAATTTTCATTAGGAAAATAACATTT
ATGGGAGCCTTTCTTTTAAGCAGTGTGTATATGTGTGTTTGAGTGTGTGT
GTGTGTGTGCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGAGAGTGG
GAGGGCGTAAACTGCACTCTCATTTGTGAAAGAGGGCTCACACTTTCCAC
AGGGGATTCCCTTTTTTTGGGCCAGGGCGCCTATTAGATGGGAAAAGCCTC

>Sequence 362

CCGGGCAGGTACTTCTAGAAATGCCACAGAAATCACCACATTTCGCCCCAA
ATCACCAAATCTCTTAATTCAGATTATACATGTCCAGAATATCCAGTTCT
CCTAGAAACAAAATGACACTTTTATGTTTCCCTAAGTTTGAAATATTTTT
GAAGTATTAAAATAAGCAGAGCCATAGTCCCACACTGTATTTTTCTACTG
AGAATACAACACCAGAAGCTAATCTCATGAAATTAGCCCATGTGAAGAAC
AGGCTGTAACTACTGTTGTGATGGTAAGTCCAGAAGCCCTGTGCAAAAT
GTGCTCCTGGAACCAGCTGGGCCAGCATCACTTCCTAAATCAGAATCCCT
GCAGGTGGGGCCCAGCCAGCTTTGTCTTAAGAAGTCCCTCCAGGTGATTCT
GATGCGTGCCTGAATTTGAAAACCTGCTTGTCAATTTTCAGAAGTCCACAG
AAATAAAAACAAAGC

>Sequence 363

CGTGGGTGAAACGCNTANCTGTAGGCGACTCGGAGCTCCACCTTGGTGGC
GGCCGCCCCGGCAGGACACTGTTGAGCTTTCTTTACATAAAAAGGTAATGT
TTATTTTCTTAATGATTTCTATCCAAAGTGACTTGATGAATAATATGTAA
TTAACTTGAGGAGAGAAAGCAGAAGGAGCCAATTGGTTGGAGAAAACAAT
CTTGATGCCAAAGAGATGGGTTAGGTCTAGAGAAGTGCACTTGAAAATAG
AGATAATAGTTGAGGTTTGTGGATAAATAAAATCGCTCAAGGAGAGTAAT
ACATTGGAAAGAAGGGAGGTGTAGAGCAGAACCTGTGGATTAGCAGTAAG
GGAGACTGAGAAGTGGTTAGCTGAAGAAGGAACAAGTATACCAAGAAAAA
GTAGGTAGATAAAAATCACAAATTGAAGATGTTTTGGGACCTGATTGTTT
GGCAGAGATTTTCTGTATTATTTTTTTCTACACCATATGTATGTATAATT
AGAAAATTATTTTAAAATCGTATTGGTTTCGTGTAATTAACAGTCCTATA
TTGTTACCTGGGCAAGTTAAATAGTCCTAATTGTCCCTGAGTTGTTAGAG
AATGTTTGTGAACCACTCAGCACAGACCTTGACAGATAGGTTTTTGT
TTGCTTTTTTGAATACCCT

>Sequence 364

AGGTACCTTACCACCCCATCCCCAGAGCATTGCATGGGGTGTTTGGCACA
CAGTAGGTGCTCAATGTAGACGTGTGCACTGTGACATGTTAGAGCCAGAC
AGGATCTCATCCAGCCCGTTCTCTGCACCCCTCCCTCCCTCTCCAAGTA
GCCCTGCTGTGGGTTCAAGTAAAGAGGGGCTGGGGCGCTGGTCTGATTGT
GTGGGTGATTTGGGGAGATCTCTTCCCTCTTCCGGAACCCCAAAGGTTGG
GACAAACACAGCAACAAGCCCAGCTCCCTGAATTTCAAGTGATTCATTTGT
GCGATAAAGGAGTGAATGATAAAGTGAAGGACGATTGTCCCCGCGTACCT
GCCCCGGGCGC

>Sequence 365

AGGTACAGGGACCCACTTTTTTTTCTTTTACCTCACTAGTCCTGGCACAG
TGCTTAGCAAACACAAGTAGCTCAATAAATAAATACTTATTGATGGACAT
AAGGAAGAGAACTGGACACTGTGCAAAGCCTGTCTCAGTATGAAAAGCCA
AACTCCCAGCAGGGCAACTGATCTCAGTCACCTTTCCAGAGTTCTCCCT
GGCCCAAGAGAGCCAATGTGAATCCCAGGACTCCCTGTGTTACAGGAATA
AAGTAGCTCTGGCAAAAACAGGCCTTTGCAGCAAATGCTCTAAGAGATCA
GGGAATAAGCACCATAGGGTTCCATCTAGGAAAAAATATTAATTTTCCTTG
AGGAGCAAAGTGACATGAAGGGCTTCCCTGTGCATGGGCCAGCTTGGGGC
GAAATCAGTAACATTCTTAAAACATTCTAAAACACAATTTGTACCTGCC
GGGCGGCCGGTTTAGAACTAGTGGGACCC

>Sequence 366

AGGTACCATGGACAATACCATCAGAGTTTCCAAAAGGCTGGTTCTCACTC
TTCTCCTGCCACATGCTTTCCCTCACACCCCTGGTGTGGAATAAATGTTA
AGGAAAGCTAAGACACAATTGGGAGGAGGGGACACAGGCCTTTCCACTCA

Table 3

71/1077

AGCGCAAATCCTTGCAAAATCCCTGGGTGCCACCAAAGAATTTTGCCAAA
AACCTGATTAACGGCAACGGGGCATTAAAAAAAATTGCTACCTTACCA
AGGGAAAAAAGGGGGGGGCCAAAAATGTTTTGGGGGGGGAAAAATTGG
CCATTATACACCGGGATAACCCTGGGGCTGGGAAATTCTATTTATTCCA
CAAACCCAATTAAAAAAATTCAAAATTAACCCAAATTTTAAAAGGTCCCC
CAAAAAAATGAAAAATTTTTTTTTTAAAACCCAAGGGAGGGATTTTATTT
GGGAAAGGATTTTTTTTTTTTAAACCACCAATAAAA

>Sequence 367

AGGTACTTTTAAATTTAATTTTAATAAATTATTCAAGTTATTCATGCCAA
TAGCAAAAAATTCAAATGAAACAAAAAGCAAGTTTAAGAAGTTAAAGTTC
CCTTTATCCTTTACCATTACATCCAGAATTCCCCACACCAGGCAATAAT
CAAAATTTTGGTAGCCACCCTTCTATAGATGGGTAGTATTAACATCATTT
CTATCCTACAAATGATAAACTAAGTATCGGCCAGGCACGGTGGCTCACG
CCTGTAATTCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCAGGTGGATCACCTGAGGT
CGGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGAGAACTCCGTCTCTACTA
AAAATACAAAAAAATTAGCCGGATATGGTGCCACATGCCTGTAAGCCCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGTAGGAAGAATCGCTTGAAGTTGGGAGCANNAG
GTTGCGGTGAGCCCAGATC

>Sequence 368

CCGGGCAGGTACTACTGACTTACCTGCCATGGGCTTTCTCAAGACAAGTC
CTGCAGGAGAGGCACACTCACTTCTAGCGTCAACTATTGAACCAGCCACT
GCCTTCACTCCTCATCTCTCAGCAGCAGTGGTCACTGGATCCAGTGCTAC
ATCAGAAGCCAGTCTTCTCACTACGAGTGAAAGCAAAGCCATTCTTCTT
CACCACAGACCCCACTACACCCACCTCTGGAGCAAAGTGGGAACTTCA
GCTACTCCTGAGAGCCTTTTGGTAGTCACTGAGACTTCAGACACAACACT
TACCTCAAAGATTTTGGTCACAGATACCNATCTTGTNTCAACTGTGTC
CACGCCACCTTCTAAATTTCCAAGTACCT

>Sequence 369

CCGGGCAGGTACTTTTACCTTTAGAAAACTTGTAGGTAAAAACCAACA
GGTGCAATTCAAACCAATCACACGCCAACTTTTACCACCCACCACCGTCTT
ACCTTCTGCTGCTGTGTTGGCTCATTATTTTGC GCGGACCCGAAATGAAG
GCTGTCTCGTCCTTTCTGTTTAATTGGAGCGCCTGGAGAGCACAGGTGAG
TTGTTAAAAACCCGGTGAATCCTGCATGGATTTGCAAACCAAAGTACATG
GAGAAATCAGTTAAATTCTCAGGTTTCAGGGTTGCAGCTGCCACTGAGAA
GTGTATTTAGGCAGGTTCTGGCAACAGACTTGGTGTTGGGCTTGAGTGGG
AA

>Sequence 370

AGGTACCCAGCACAAATTCTCACATGTGCTTATTTTGAAATTAAACCAATG
CAAAAGTTTTTACCCTGAGGTGTTGCTAATTCATGAACCTATTCTCTTGA
CAGTTTTTCCCTCCAATATAACCTATATCTTATTAAATGTCTTTTCTTCT
TCTAGATTGTTTCCAATAGTAGCTTAATTTTAGCTTTGTTTCAGGCTCCAA
ATTAGAAAAACGCTGAGATTAGCCAAATATTTGAACACTGTAAGGTATTA
ATCAGTTTAATTCAAGATTATCTCGTCTGTATACCTCTCATTGGTAATGC
TCACTTTGTGGCTTCATTTCAAATCTGTAATCCCGTCCAAATAAAATTCC
CCACCAGGACCTGTTTTCCGGCCCATCCTTAAGGGACCCCTTCAT

>Sequence 371

CCGGGCAGGTACGCGGGGGTAGCTGGGACTACAGGTGCCCGCCGCCATGC
CTGGCTAATTTTTTATATTTTTTAGTAGAGACGGTGTTTCACCGTGTTAG
TCAGGATGGTCTCGATCTTCTGACATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCTCC
CAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTCA
GGTGCTGGTTCCATGGCTCTTCCCTGAGCCGAAAATAAGGAACTCCATAG
ACCTTGTCCACTGGAAGTCGTTCCCATCTACCCTCCACTCTATCCAGGTA
AGAAACCAACCATCTCAGGAAAGGAACCAGGCAGGAGTCAGAGGGGAAGA
TGGGCACTGAAG

>Sequence 372

TTTGGTAGCCCTAGACTACACGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG

Table 3

72/1077

CCGAGGTACGCGGGGTTGTGGGGACCCAGAGAATGGTGTCTCTTTAATAG
TGCGATTGTTGTTGTTGTATGCAGCTCAATCAGAAAAACAGGAATCCTAA
TCAGGAAAGGGCTAGAGGGATGTTTACTCAAGGGGAAATCTAGATGGTTA
CTGTTCTGTATTGATAAGAATGTCACCTGTTAAGTGAAGTCAGCCTTTTA
ATTCAGAATAAGTTCAGAGAAGGAGACACAAAACTCAGATTTAAAAAAT
TTGAATGGTAAGGATGATATTGATTAGGCACCCTAAGAAGTAGATTGCTT
TTCGACTTTGATCCCAGAATAAGCTTGTCATTTTCTTTTGTACCTGCCCG

>Sequence 373

AGGTACTTAGCATGAGCTCATTGACGGTGAAATTGGCCATTTATACATAG
GCAAATCTATAAGGAAATTAACAATATTTACATTTCTTCTAATTAATGG
TCTTTTTGTGAACATGCACTGCCTACTAATGTCAGCTTATCTATGATTTG
AATGTATAGCTTTCTAAAGCGTAGCAATTTTTTTTGCATATTTATGTGTCC
TAAGAGAGTCCCCCGCTTCATTTTCCATCTCTCAGCCTCATGAAAGGC
TACCTCTATCTAGAATTTGTGACAGAGGAAGCTGAGTTTTGTGGTTGATT
GTATCTTCCTGGTTACAATCTAGAACTATCAGAGTTTTGCAATGATAGTA
ACAGCAATGACTAACCCTTGCTTGGAATAATAGCCTTTAATCATTATCCT
CAGTTTCTATCTGGGAAAACTGAGTGCTATTTTAAAGCAGTCTTCCTGCT
AGTAGTGGCAAGAATGGAGACATAAATCCATCCCTTG

>Sequence 374

AGGTACGTGTCAACATGTGACTTAAGATGGTTAATATATGTGTAGAAACG
ATACGTATTTCTTTTAGGCTGTGCCTTTAAAGGAAATGAGCAAACATTCC
CCTGCCACTTTCCCATTTTTTGCTGGCTAGTAAATAATGAAAGAGCTGGAG
CAGATATCTTGGACCCAAATATGGGTGGCAGATGTTGAGGATGATAGAGC
CATCTTACTAATTCTTGCTTGCCAACATCTGGACTGTTATATGAGAGAAA
AATGAAATTTTAGATGCAGTAAGTTGCAAAAGCACTATTATTTTATGTAA
CCTCAAGAAGAAAAATATACATACCCAGTTAACTATGACATAATGCTTG
AATGACATTGATTACAAAACACATTTCCATTTTCAAGAATTGTTTACAAGTG
AAAATTTTGTATTTTAAACAATAACATTTCTTGTTTAAAGCCACTGCACCT
GGGATTCAATTGTGTTAGTGGTTTATGCTATATTN

>Sequence 375

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCAGTGAAAGAACATCAGT
GTATCAGCACAGCAAATATTCCAAATGCCAGGCTGGATTCCCTCCAATTA
CCAGGACCTCCAGGCTTCTCCTCCTTTCAAGAACTTTCTGACCCTGGATC
CAGTCTAAATGTTGGTTATAAACTCACCTGACATCCACAGGGCCCTTCCA
AAATACTGTCAAGTAAGTGATTCTTAAATTTAGTTCAACAAACACCAGTT
GTTGGACTTGGTTGCATCCAGGATTAGTTTTTCAACAACATCCCATGAGGT
AGGTGGGGGCTGGCACTTTGCCCCATTTTATAGATAAAGATGCCATCTCG
GAGGCTCAAATGGCATGTGCACAGCCAGTTAGGGGCAGACCTGAGACTGC
ATTCAAATCTGATCTGCTTCTACCCATACCGTGGGGGAGACTTGGGAGGA
AGGAGGCC

>Sequence 376

TATTCAATTTCTAACAGGTAAATCCACATTCTTTATGCTATGTTGACAGA
ACATGGGAAAAGGCAGTAATAGACTTGTATATCTAGGATACAATAAAGAT
GTAAAATCTACCCTTATGTCTTTTCTAGTAGCTCATATATTCCGCATTTG
AAATGTGGTGATGATATAGTCACTTATTCAAAAAACACAGGAGTGCCTAC
TGTGTGCTTGGTATGATGCCTGGTGCAGAAAGTTGCAAAGTGTATATTCAT
GGAGACAGCCAAGCCAAGCAGGGCTGGGACACAAATGTGTCTGAATTGC
TGGGAGGTCCCAAGGATGAAATGCCTACCTGTTCTTTGCAGAATCAGGAA
GGCTTTGCAGAAGAGGTGGTCTCAGAGCTTGGAGTACCTCGG

>Sequence 377

GGAGTTAGGTCATTGACTCAGGCCGAATTTGAGCTCCACCGCCGTGGCGG
CCGCCCCGGGCAGGTACTACTGACTTACCTGCCATGGGGCCNTTCNTAAGAC
AAGTCCTGCAGGAGAGGCACACTCTCTTCTAGCGTCAACTATTGAACCAG
CCACTGCCTTCACTCCTCATCTCTCAGCAGCAGTGGTCACTGGATCCAGT
GCTACATCAGAAGCCAGTCTTCTCACTACGAGTGAAAGCAAAGCCATTCA
TTCTTACCACAGGCCCCCAACTACACCCACCTCTGGAGCAAACCTGGGAAA

Table 3

73/1077

CTTCAGCTACTCCTGAGAGCCTTTTGGTAGTCACTGAGACTTCAGACACA
ACACTTACCTCAAAGATTTTGGTCACAGATACCATCTTGTTTTCAACTGT
GTCCACGCCACCTTCTAAATTTCCAAGTACCT

>Sequence 378

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTTGGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTAAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GAAGTGTTGCTGATTAGCATTTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAACC
CCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCACTGATGAAGCT
GAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGCAGCTAGAGGCAGG
CACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATCAC
AACCTGGTG

>Sequence 379

CCGGCAGGTACAGACATACAAATATGGCTCCACCACTTATTTCACTCATC
TTTACATATTTCTTGGAGTCTCAGTTTCTTCATTAGTAAAATTAAGATAA
TTCACCTCATTGTTAGCACAAATTAGATGATGCATGTAAATTTAACACA
GTGCTAGTCACAAAAAACTCAATAAATGTCAGTTATTTTTATGATAAGAC
AATTCTAAGTTAAACAAACTGGAGGTATAGGTTTGATCAGCAGAAGAGTA
GAACACACGAGCATATGCAACAAAAAAATTAATAGGGTTTAACTTCCAA
AAGATCAAATATATCATTAAATTGGAACAATCAAGACCTAGTAGCTGGGGA
TAGGAAGAAATTAGTTACCTCATTCCAAGTAACTAAGTGATAACTAGTTC
TAAGAAATACAAAGAATTTAAAATGAAATTTTATTTCACTAACTTATTAT
TTCACTAGAATTTAAAATATACTATTTATGGATGTATTCCAGGGGGGGGG
AATACTGAACTTATTCTTATTAATACAGCAAGCGTTAATCACTAGATATT
TATTTAATAAAAATTAGAATTGTCAATATGGTTAAAAATAATATTAATAA
ATAGTCCCTGGGCGG

>Sequence 380

AGGTACCCTGCCCAGAGATTTCTCCAAAATGAGCTCTTGTGAATGCAGGC
AAGCTAAAGCCACACAATGAAGCTGAAATTCATTCAGCTTAGCTTCTCCT
GAGAGCCTTCTTTTTTGTGGGGGTAACATTGCCCTTTTGTTCACAGCGAG
GTCTGCGCTAAGACTTGCTACTTAGGGAGTCAAAGCTAATAAAACATACC
GTCTAGAAATACAGACATAACTGGTAGAACTATACAAGAAAAAGAAAGGG
CAGAGGAAGAAGAGGAATGTGATTGTGAAGAGGTATGAAGGGGATTACAA
ATCCCTGCTTCTCAGAGCGTGGTCCATGGACTAGCAGTGTGGACATCACT
TTCAAATCTATTAGAAATGTGAATCTTACACCCAACCCAAGAACCTGCAT
TAAAATTTTCAGCCGGGCGCAGTGGCTCACGTCTGTAATCCTAACACTTT
GGGAGGCTGG

>Sequence 381

AGGTACTTGATTGTCTGAAATTCCTTTTGCATGATTAGATTATAGAGTAA
ATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAACAAAAGTGAGATGCTAATTCTTGA
AAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCTAGATCT
TGAGTTAGCGAGAGAATATTCTGTCAGGTGATTCACTGACCTTGCCTATA
ACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCTTTGAAGTC
CAGGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGCATCCTGAT
TGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATTGACTCTTT
TCACAGTGAAGAAGCTGAGGTTGGAGCTTTGGCCTCATCTCTATAGGTTT
ATGCTGCATTTCTGATCTCAACAGGCGGGAGAAGGTCTTTCCTGCTCCCC
TTCCTCCTGGCACATGAA

>Sequence 382

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTCTTTTCCTTCTTTTTTTTTTTTTTTGAGAC
GGAATCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCGGCT
CACTGTAAGCTCCACCTCCTGGGNCACGCCATTCTCTGCTCAGCCTCTTG
AGTAGCTGGGACTACAGGTGCCACCACCACGCCTGGCTACTTTTTTTGTA
TTTTTATTAGAGACGGTGTTTCACTGTGTTGGCCAGGATAGTCTCGATCT
CCTGACCTTGTGATCTGCCCCGCTTGGCCTCGTAGCTCTTTTTGACCCTC
AGGGACAGTCACTGAATTATGTCTTGGGAGCCCATGCTTCTGAGGCAGGC

Table 3

74/1077

TTAGGGAGCAGGAGAGCATACAGGTGTAGCAGCCTTTCCAGCTGATCCCC
ATGCCCTGCTGCACCTGGAGGGCTGGAGCAAGCTATTCTCATATTGGGGA
AAAGGGCTGATGGGACCTCAGTCATGTGGCAGAGAATCTGAAAGCCAGAA
GCTTGGCAGGTCTGTCTCGGNGTGGGGTGACGGAGAGACATTTCCCTAGA
ATTCAACTGCTTGGAGCAGAAAGACAGAGCATGGGCAAGTGCTGGGTATT
TGAAGCCCCGAGTCCTTAGCATGGCCTAAGGCCGTCTGTTTTATGACAGA
ACCTGAAGAAAGGCCCAAGCATTATGCATCTATGTGTGCCAGTCTACTTG
TGCTAAAGGCACTTTTTTAACATTGGAACCCTTCCTGTCTTGTACCTTGTG
CGGTTTAAAAACTAATGGAATCCCCCGGCTCGAGGAATTTGAATATCAAG
CTTAAG

>Sequence 383

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTACGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAAGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAAGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAATACAGCCTTTCACCCTGACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATA
TATTAATTCACTGGCATGGATGATATTCTCAAGACTAATTGTTTCCAGTT
TGATAGGAGACAAATTAAGGCTGGAAGGCACTGGAATGCCTGATGATGA
ATTGGACTTTCAAACCTTGGGCACTACTGAAACAAATGGATGGCCAGAGAC
ACATGAGATTCAATTGGAGCCAGCTTCATAGCTAAGTGGGATACACAGAAC
CTGGAAATGCATGGAGCATGGAGCTTGAAGTTATCCACATTGGTTACTGA
TGAAGTGACAGGTGATGAATGGGATGATACTATTTTATTTTGAGGCCACA
GGTTCTCCATCCTTAGATGGGGTGACATCAGTTTGATATCATACGATGGG
ATATTATGATGAGATCACATCATGTGGTGATTGAGGTGATATATGATTA

>Sequence 384

AGGTACGCGGGACAAAAAAGGAATCCTAATGCTACAGAACTGCCACTCCT
ACCACCTCCTCCAAGCCTACCCACCATTGGAGCAGAGACTAGACGTAGAA
AAGCACGACGGAAAGAGCTAGAGATGGAGCAGCAGAATGAGGCTTCAGAG
GAGAATAATGACCAGCAATCACAAGAAGTTCCAGAAAAAGTAACTGTATC
CAGTGATCATGAGGAAGTAGACAATCCAGAAGAAAAACCAGAAGAAGAGA
AAGAAGAGGTTATAGATGACCAGGAGAACCTAGCTCATAGCAGGAGGACC
AGGGAAGATAGAAAGGTAGAAGCCATCATGCATGCTTTTGAAAACCTAGA
GAAAAGAAAGAAGCGGCGGGATCAGCCCTTGGAAAGAGAACTCTGATGTA
GAGATTACTACAACCACCTAAAAACCTTGGTTGGGGAGGGGACAAAAATG
AAACCCCGGAAGTGGAGTAGCAACTCTGG

>Sequence 385

CCGGGCTGGTACTGAAGATTTTGCACCATCATTTTTGTTTTTCTCATAAA
TTCTTTATGAGGCTATTAGTCTCTAGGGTGCTCTTCTGAAACCAGAAGGA
AATTTGGCTCACACACACACAAAAAAGTTGCCATATAAAGGCAACTG
CAAAATATAGTGGGAAGTTGGTGGAGGATGGAGTTTCACTGAGAATGGGA
CAGCAACATGATGGAAAGAACATGAACTTGAATTTCACTTCTACCACTTA
CTAGAAAGATGCCTTTGAACAAGTCTCAATTTCTGAATCTTCATTTGTTG
CTCTGTAAAATGGGGTCATATTATCTCACAAAGTTGTCACAATAATTAAA
AATGAGATCTTTGTTTCTAAGTGACCTGACATATATTAAGGGGGAAATCA
TTTGGGCTTTCCATTTTCTTTTTTATAACGCTCTCATAAATGTAGGGGAA
AGAATCCT

>Sequence 386

CCGGTCAGGTACTAAGGGATCAAGGGACTTTTTCCAAGGCTGAGCAGGTT
TAAGGAAAACATCTAGGTGAAACATCTAAGGGCTAGCTAGCAATAGGAGA
GCCATTATCACTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTANNANNNTGTTAAAACCAACCTTTTTTAAAA

Table 3

75/1077

GGTATCTTTGCTTTTTAAAAAATTTTTTTTTTAAAATTTTTTTTTTTTTTTT
TTTCGGGGTTTTTTTTTTCCCCTGCGCCCAAATACCTTTTTTTTCCCTGGG
GTGAAAAAATTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTCTTTTATTAATTTTTTTTGT
GCTAATTTTAGGTTNTTTTTTTTTTGGTTGTGGAGATTTTTTCCTCTAAC
AAC

>Sequence 387

CCGGGCAGGTACTTTGTTCTTCTCTCCCCTACAAGAGGGCAGGAACCTGG
TCTTAGTCATTTGTGTATCCAACAGCATCAAGCAGGTATGTAAAGAGTGC
TTGTTGAATAAACTTAATATAAAAAATTTAAGTTAGCTCTACGCAACATT
GATGTAAGAGACAGAAGTGCCATGTCTCTGTTCCAATTAGTTTTATTACT
TAGGCATGAGGGTTCAGGTTCCAAGTTCCCAGGTCGGTGTTAATGTCACT
GCTGAATTTACCTTGGAGAAGGCACCAAAGCTAACCACAGCAGAGACATT
GTCACTCACAGCAGTGTTGTGATTAGCCAATTGTCTTTGGTCGCGTTATG
TATTGCCATCCTTCACACCGCAGATGGTTCTTATCAGCGCGTCATGTCCA
TCCTTATTCACGGTTACCTGTTCTATGGGAATAAGGCTTTGAGAGAAATT
CGGCCCATATTAATCTAGAACAGTGTTTCCTAGACAG

>Sequence 388

CCGGGCAGGTCACTAATCTGTATTCTAAGTTTGAAGATTTGATCTTCATG
ATGATGTGAATCTGTGTTTCCCTAGTCTTGAGAAATGGATTTTAGGCTGGG
TTCTAGAGAGCTGAAGTGATAGTGAGCTGTGCTGGTGGAGGTGAAGATGT
AGAGTGTTCTAGAGGTGACTAGCATTTTAAGCTAAGGATTGTTGGCAAAT
AGAAGATGAAAGAATAGGAAATAATTCCAAGATCTTCAACTCTTCTGCAT
TACAATATGTAACCAAATGATCTTAATTGTCTAGTCAACCAAAGTTTACA
AAAAATAAATTCTGCCATAACTGTGACTCAAATATATGCGAATGCATAAA
ATATGGGTAAAGAAAGTGAATTTGAGGCTTGAACACAGGTAATTTAGAGGA
TCTTATAAGAATTGCCAAGACTTGATGGT

>Sequence 389

AGGTACATACTTCAGAGGCTAGTTTGCAGGAGTCACTATTTTAATCCATG
CACAGTGTTTCAGCCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACAACAGC
TTTTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTCAGGCT
CCTAGGGTAATATCCTGTCCCTATCACTTTCAATTGTAGGAAGATGGGCA
AATTACATAACCCCATAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACAGAGATAA
TAATTGTATCTACCTTATGGGTTATTGCAAGCAGCACATACAGTCACCCA
AATAAAGTATATAAGAGTTCTCTTGTAAGTTCCCAGTAAGTGCTCACTCC
TATGATATTTGAATGTTCCCCATTTGAAATTCCTGTGGTATTATGCAATC
ATTCTGTGCCATAGGAACCCGATTAGCATAGGGTCCTGGGATTCTGGC

>Sequence 390

CCGGGCAGGTACGCGGGTGATCTAGGTCCTGGGAATACAGCAGTGATCCC
AACAGACAAAGCCTTGTCTTCACAGAGCTTACCTTCTAGAACGAACAAAG
AAACACATAAACACACAAAATGTCAGATGGTGGGATGTGCTACGGGGAAA
TAAAGCAAGCATTCCCTACCCTACACTTCCTTGTAAGAGGTAAGAGTGGG
TTGCTAGTTTGTATCAGGTGTTTCAGGGAAGGCCTTACTGACATTTGACCT
AAAAGAAAGGTAAGAATGTGACACCTGATGATAAATAGGGAAAGAGTATT
TCAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCAGGGGGCGGAAGTTGCAGTGAGCCA
AGATCACACCGCTGCACTCCAGCCTGGCAACAGAGTGAGACTTCATTTTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCTTGGGCGCTTTTGAACAGTGGATCCCC
GGGCTGGAGG

>Sequence 391

CCGGGCAGTTACCAACCAGGTGAGGAAGTCAGCATCCAGCAGGGTTGTTT
AAGCTATTCAGGATCACACAGCAGGTTGGCTACACGCCAGGACTGGGTGG
GGCCACAGTGGGTGAAACTGTGAGGAAATCCACAAGCACCTCTAGGTGC
TCAGGATCGGCTCCTACAGATTCTAGTCCAATCTCATTTCATGACCTCATT
TGCTTTTCAGTTTAACAGTGCTTGGTTTTGGTTTACTATTTTCCCATGG
AAACATTTTTTAATTATGTCTTATCAGTTATTCTCCATTTATCCCAAAGG
GTCGGTTTTGTGATTTTAAAATTGACACTATGTAGACCTTTATCTTTCAT
CATACGCAAAAATCAACTCACAATGAGTTTAAGACTTAAACATAAGACCA

Table 3

76/1077

AAAAC TATAAAA CTACTAAAGAAAACCTAGGGAAATCGCTCCTAGATATT
GGTCTAGG

>Sequence 392

AGGTACCGCATGTTGACATAAGATGAAATGCATGAAGAACATTCTGAAAA
AAGTGAAATTTTCTCCAGTGCTTGGCTTTATCGAGAGCTGATCTTGTGAT
TTCTGTCACTCAGGCTGTGGATGCAAGTTAAAAAGCATCATCTGTAACCA
GTCACAGGAGGATTTCTGAGTTGGGCTGGGGTAGGGGAGAGAGATTTCTG
CTTTGGGTCCCCATAGTTTCTGTAACCTCTGGTTTAGTTTCCTTGTCACTG
GATCCTGCATTCTTGAGGGCAGCCATTGTATTTTATCTTTCAGCTTTAC
TAAAGTATATGAAAAGCCGGGCATGCTAAAGTGTACCTGCCCCGGGCGGC

>Sequence 393

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGTTGTGAGTGTGGAAGGTAGACTCTTTCCAG
ACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCT
AAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATC
CCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCC
AAGTGGAAGTCAGCAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGATA
CCAGTAAAGATGTCATCTGGCCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTTT
TTATCCAAACCGCCCTGTCTCTGGAAATAAGAAAAGCTCTGAGGGGTCTC
CAAAGGTTACCATAGGAAGGGCTGAATTTTATTGGGGATTGATAAAAATT
CCCAAGCTTATGAAGAAAAAATAATCATAAATCTTTTCCATGGGAGAA
AAAAAGAAAAAGCTTGTACCAAAAAAG

>Sequence 394

GGCAAATGGCTACTCGACTACCGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGAGGTACGCGTGGGGAGAACGTTTGAAAGTCCTGAATTTGCTGTTG
TCCTACAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGA
ACTCATATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTA
TTCTGAATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACAC
CCCCTGTTCTCACCTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAA
GTTTACATTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTA
AAATTTCCAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCC
GAATTCAAGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTCACGAGATTTCT
AAGTGGTGAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTG
TTAACC

>Sequence 395

AGGTACATGGCCAGCTCCTCATGGTGATTGTTGCCGTGAGGAAATGTGAC
CACTTTTGCTAGATCTAGTTTTTTCAAAGATGCCCGCATTTTGAAATGT
AATGTAAATTATCCTAATATTTAACTCTAGACAATTTAAGTAAAAACCAA
CAACCAACCAAATGAACCTCAACACAGGACGGGTATGGCCCGTGGGCCAC
CAGTCTGAGACAGCTAATCTAGAATTGCAGTCAGCCGGAGTGACTTGTAT
TTTCACGGTTCTGAGTGTAACACCCACAGTTCCACTTTAGAGTTGAAGAA
ACTGACGTAGGGGGAGTTAATAATTGAGCTAGTCAATGGTAAACATAAGG
TTTCAATTGCCGGTGTGTCTGAATTGTGAAGCCAAGTTTTTTTCCATCT
CACTGCCTTTAGGCAAAGGAGGGAGATAATAATGGAGAGATAAAAGGAGG
AATGGAGGAAAAGAGTTTA

>Sequence 396

AGGTACTTTTGGCAGACATCTTTAATCCATCACATCATGCCTTCCCCTG
ATCACAGATGTAGCTTCAGGGCATTTCGAGTTACCACTTAAGATGGATATG
AGTGACCCTCCCTTATCTCACTCTTCTCCTTTCACAGAAGCAGGATCTGA
GGCCCAGAGAGGGAAGCTATAATAAACTCCCCTAAGTCAGGTCCCTTCTA
AGAGGCAGAGGTAGGTTTAGAACTCAGGCCTCAGAACTTCCAGAAGCCA
AGCCATTTGGGCTGTAGTTGGTGGACAGTCTATCAGCGCTCTGCAGATGT
TTCTTCTCAGTTAGGGAACCTGGAAAATGCAGAAAGAAAGATTCTGTCTC
TAAGACTCTGTGTATGATCCTACTCGGTAATCTGCCTGCTTGGAGAAAAA
ATATTTATCTTCTGGGACGGCTTTACCACAAGGCCTGAATGCTATG

>Sequence 397

GGGGACGTCGACTCAGGCAATTGTGACTCACCGGGGGCGGCGAGGACTAA

Table 3

77/1077

TGAAGGTCTCCAATACCTAATTTTCCAATAGGGCTTAGATTTATGAAGTT
GTATATTTTTTTCCTCCTTATAAAAAGCTCTTTTTATAAAGAATATCCATG
TAATACTAAAACGGGGAAATCTCCTAAATAATATATTTTTTAATATTACT
TTTTTAAAAAGCTAGGGTGAGCACCTCACAATCAAATTTAATGTATTTG
TCATATTGAAATGCAGGGTTTTTTGAAGGAAACATGGTAGGTAAACATTT
TAGTTCCCAACTCCTGATCGTTAAAATGCAAAATTGGGCCTGGTGTGGTG
GCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGACCAAGGCGGGTGGATCAC
GAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCTAGATGGTGAAATCCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAATTAGCCCGGCATGGTGGCAGACCC

>Sequence 398

CCGGGCAGGTACTGAGCAATTTTTAGAGTCCTAGTTCTCATGGAAATTAT
TGTTCTGTAAAGAAAATAAATATACCAACTATTACAAAAAATAAGTTATA
ACATTACAGAAGCAATAGAACTTTAAGGGGCAATTAAATTTGTCAAATA
GGTCAGGAAACATATGGCATATAGCATCACAGATTTGAATTTAGCCTTAT
ACCCTAAAATACACATGTATATTTACTATGCTATAAACTACACAAGCAAG
ATATAAGTGTGTGTGTGTGGGGGGAGGTGAGGGGGATATATTTTGAAT
TATGTCCTGCTGCCTAAACTTATCTCTTATAAGGACATTGTTATCTGTTT
ATAACTTTTCAAATAAAAAATTTTTTTTTTATTTTAATATTTAATGGTTTT
AGTTGATTCAATTATTTATTCTATATGCGTTCCTAC

>Sequence 399

AGGTACTCATATAAGAGTATACTAATAATGATCGCTAGGGCAATAGTGGT
AGAAAAGGAAAGAAAGAATAGATTTTCAGAGATATTTTCATTGGCATTAAAA
ATTACATAACTGGATGTTTTGAGCTGGAAAAGTGTTTAGAGATCATCTAG
CCCATTACGAAAAACAAAACATTAATGTAGTCTTTCCAGAAAGCTTTTAC
CTCAAAACTTAAGTTGCATTTCAACCTCAACCTTTTTCTCTAGCTGAGT
CTAGCATATCCCCCACTGCTCCTGGCCCCACCAGGCTAATACTACTGCCG
TATCAGGGATTTTATTTTATTACCTCTTACTTAAATACTCA

>Sequence 400

ACGTACCCAATACTTCATAAGGCCCTGAGAGTCAAATAATACAATTATGA
AGGCCATAAGAAGCCAGACAGGTAAACACAGTCTTCCTTGTGATGCTGG
TGAACAGCCATATACTTACTGATGGATCTCACCTCCCAACTCAGACTCTT
ATGGGCAGAGGCATATTTAGTGCTTTCATAGGCTGAGATCTACTAAGGAT
CACAATTTTTTTCCTATAAGTGTTTCATCATCATAGATTCTGTGTTACACT
GCCCAAGGATTCATTGCTCCTAGCTCTTGGAATTTGTTTGACATCACTC
AGCTAGCAACCCCTTTGGGAATTATTTTGGCAGAAGAGAGTCACTT

>Sequence 401

TCTAACAGTAGAAGGTTGCCCAGGCAGAGCTGTGGTAGCAGTTGTGAAGA
ACGAAGGAGTAGGAGCTTGTTGAGTGTTGATTTACAAGTAAGAGACCATT
ATTTAGCACAAAATATAAATTGTATGATTAGCTTAAGAGATTTGCCTGGG
AAAACGTGTTTATTGAGATGGTTAAGTCATAAAGGAGGAGTTTCATTTT
TTTGATTTGATTTTTGTAGAGACAGGGTCTTGCTGTGTTGCCCAGACTGG
ATCAAATTCCTGGGCTCAAGCAGTCTTCCTGCCTCAGCCTCTAAAGCCAC
CAAGGCCAGCTTTTTAAACTTTATTTTATATATAAAAAAAGAGTTTAA
GGATTACAAAGG

>Sequence 402

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCTTGGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGAC
TTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTTCGGATGCCTTCCCCAGTGGGGCTT
AGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCCCTCT
GCCATAACACTCATT

>Sequence 403

AGGTACTTTCCAATTTAGGTTTTACCTGATTGACATGTGTTCTTAAGAAT
GATATTCAGCCAAGACTTTTGGGAAAATCCATTATTTGATTCCCTGCACA

Table 3

78/1077

GCAAAAGCCCACCTGATACAAACATAAGATGCTTTATGGAATAGATAAAT
CCAGGTTGGGGGAGAAAGGAGAAAATGGCTTTAAAATATCACTTTGCCAA
CTCAAGATGAGAGTTTTAAGATGAGGGCATCCCTTGTAAGTGAAGCACA
TAGGGAAGGCTCAATAAATGCTTACCAGGTGAAATTCTTCTCATGTAAGC
TACGAAAGCATCTCTTAAATATTTTTACAAGTATTTCCTGTTCAAGCTC
ATGCTTGCCAGTGAAGATACACTTTTCTATCTCATGCTAACAAGTAAAT
TTTTATAATTCTGACCACTTTCAAATGAGCCTATTTTGAAGGAAGCCTTT
CAGTGGGTGTC

>Sequence 404

GGCCGATGCATCGAGCTANATACGCAGTACAGGGCGAATTTTAGCTCCAC
CGCCGTGGCGGCCGAGGTACTGATTTGTCTAAATTTTGGATCGCTGTCC
TACATGTCACCTAGCTGCTGAGAGCTTTGTGATCCTAACAGGTGATGACT
CAGACCGACACTGCATTGGTAGGAATTCCACAAATAGGTGCCTCAATGTG
CCTAGATTGAAATATCAGCCTTTCCCAGACTGACCCGATGGGTGACTTC
AGGTGTGGCGTAAACACCTACATTTTAATGTAAACATTTCAAGTGAATCA
ATGAGAAGTATCATTCTGCTTTAATCACCAGTGTGAAATAACAAAG
GATTTGTCTGACATTCAATTCTAAGAAATTCATTCTTACCTGACTAAGAAA
CTTTTTTAACCTGGCACAATAATAAGAAATGACCTGTAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 405

AGGTACATGTCTGTGGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATT
GCTTGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATTGCTCCACTGC
CTTCCAACCTGGACGATGGAACGAGACTGCATCTCCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATCAAACCATGAAATATTTTGGACTCTTATACTAATTCCAA
CACTTTGAAGATCTGGGGAGAACAACTAGATTGGTGCTTTCCTTGGCTT
AGTATGTTCTGTTTTTATAGGGAGAGCAAATTATTGTTCAACAGCACTAT
TAAATAGCTACAACAGGATGGGCATGGTGGCTCACACCTGTAATCCAAC
ACTTTGGGAAGCTAGGGGNNAGCAGCG

>Sequence 406

CCGGGCAGGTACAAAAAGACTAAGTCAAAAAATTTTCAGCTGTGCACAGTG
GCTCATGCTTGTAATCCCAGCACTTTGGGTGGCCAAGGGAGGAAGATTGC
CTGAGGCCAGCAGTTTCGAGACCAGTATAGGCAACATAGCAAGAGCCCATC
TCTAAAAAAACAAAACCAAACCAATTAGCCAGGTGTGGCGGCTGGCACC
TGTGTTCCAACCTACTTGGGAGACTCATGTGACAGGAAGATCACTTGAGCC
CAGGAGTTAGAAGCTGCAGTGAGCCGTGATCTTGCCACTGCACTCCAGTC
TGGGCAACACGGCAAGATACTGTGTCAAAAAAATTTTTTTTGATAAAAAA
TAAAAGAGTTACATGACATTCAGAGACCATCCAAAAAACCTGTGGGTTC
CGGCTGGGCTCAGTGGCTCATGCCTGTGGTCCCAGCACTTTGGGAGGCCA
AAGTGGGTGGATCACTTGAGGGCCAGAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACA
TGGTGAAACCCCGTCTCTACTAGAAATACAGAAAATTGGCCAGGCATGGT
GGTGGATGCCTGTAATCGCAGCTACTCAGGAGAGGGCGCTGGAAAATCGC
TTGAAGTCAATGGTGCGCANGTTGCAAGGAACCCAAAATGCACCATTGTGC
TTCAGCCTGGGCAACAAGAGCAAACTTCATTCCAAAAAAGTAC
TTTGGGCG

>Sequence 407

CCGGGCAGGTACTCTGCATAGATGGCAGATTACAGGATGGATAGGAGAAA
GTGTTTAACATTCCACCCACATCATCGCGCAATCTGAGGCAGCACCACA
AAATCTGATGCCAGTAGCCCTGGAGTAATATCAGGACACCAGGAAATTTG
AGTTGATTGAGACACTATGGCTCCAGAGTTCTGCTAACAACCACTGAAA
CAAAGTTAGTAGGAGAAGACCAGCCTTCCAAAAAATTATTATTTTAATGG
AATATAAAGAATGAACTAGGAATAGAATAGTAAGTATGTGTGAAGGCCAC
ATACTATGAGTAGATATTAATAAAATATGTGTGCATTTATATGGTATAAA
GTCTAGAAATACAACCGATTTTGTAGCTAAAGATATATACATGTAGGTAA
ATTTAAGATTTAAAGATTTTTTTTTCGCTGTATGTATACATATAAGCTTAGA
TGTATATAATGTCTAAAACAGGTATGTATAN

>Sequence 408

CCGGGCAGGTACGCGGGATATGGAACTTCCTACATCACTTTGCTGTGTG

Table 3

79/1077

TGTTTACACAGGTGGATTTTGGCTTTACTTGCACTGACAGCACACAGGAGG
GCAGCACACACCCCAACCCACATCAACTGCCATTAAAGAAAAGAAATTTTC
AGCCCATAAATTTTCATGTCCAGCAAAAATAGGCATCATAAGTGAAGGAGAA
ATAAGATCCTTTTTCAGACAAGCAAATGCTGAGGGAATTCAATATCACCAG
ATCTACCTTACAAGAGCTCCTGAAGGAAGCACTAAATATGGAAAGAAAAA
ACCTTCACCAGCCACTTCAAAAATGCCAGTGAAGAACGCAGTGAATTGCG
CACTCCAATGATGCTAAAAACCAACCACATACGTTTAAGTCTGCAAAATA
ACCAGCTGACAGCATGAAGACAGGATAAAATCCACA

>Sequence 409

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCAACCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGA
AAAGTCGAAGGATGC

>Sequence 410

CCGGGCAGGTACCAAGTGCTTTACATGAATTATTGGATTTTCATTCATGAA
GTTGATTCCTTGCTGATTATATTAAGCACTGTTTCTTTTGGTTTGTTTAC
TTATCTAGTATCTGTCTTACTTACTTACAGGAGGGCAAGGAGCATGTCTG
TTTTATTCTCTGCTATATAACCAGTGCCTTATACCTCAATCAATGTTTGCT
GAATTAATAAATTAATGAATCTGTGAAAGAAAGGATGAGCCCTCTAGAAA
TGATCTTTGACTCTCTTCTATCAAGTGCTCTTGATTCTTTCACAAGCAGC
ATTTCTGGGATGCATTCATTTCTTTATCATTCTTACAGCCATAGGCCTGC
TCCTGACTGTACGGGCTTAAGTCTGGACTGTGGCAGCCACATCGTAATT
CTTATGTGGGTCTAGCTTCTTCTCACTCCCAGCCG

>Sequence 411

AGGTACCTGGAACATAGTGGTATTTGGCAAATATTTGTTGAATGAATGAA
ATGAATTTACTAAGCTCTATTTGCCCTATATTCTTCTGTGTGATTTATAT
TTTATAGCCCCTTTGTTTCCTAATAGCACCCCTAATTACCGTCATTCCTCA
CTGAGGAAACTGAGGTTTGGTGAGGTCAAGTGACTTCTTCAAGACACTTT
TTTTTTTAGACGGAATTTCACTCTTCTTGCCCAGGCTAGAGTGCGATGGC
GCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCATCTCCCAGGTTCAAGCGATTCTCC
CGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCATGCGCCATCACGCCT
GGCTAATTTTGTATTTTATAGTAGAGACGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGG
CTGGTCTTTGACTCCCNAACTTCAGGTGAATCTTCTTGCCCTTGCCCTCCC
ACAATGCTTGGGATTAACAGGCGTGAGCCCCTGTGGCCCGGCCAGACAC
TTCTTAAATAATACTTTTATGCCAAGGCCATTTATATTTATGCTATAAAA
AGTTGTTCCAAATTCAGGCTAATCTTTCCTTTTCTGAACCTAGAACATGC
AGAAGATTCTACTGGCAAACCAGTGATTTAAGAACTTCCGAAACCAAAA
AGACCANATTGTGGGGTANGGAAGGTAACAAAATTGGAAAAAGACAGACC
CTAGTCAATGGGTTTGGGAAAGCCTTCATTGGTGGTGAAGGCCCTTTGAA
ACCTTTTTTAAAATTGACCCTTAGGCCTTCAGGCCTTTTGCCTTTTAAAC
TGTTTTGACCCCTGACGCCCCTTACATGGGGTTCTTTCCTTGGAACCTGG
GAATGGATAATGGATGGTTTACACTTTGGCCTGAACATAAACTTGGTTGG
GCATACCAAT

>Sequence 412

CCGGGCAGGTACTAGCTGAGGTCATTAATTCCCCTTACCTTCACGTTTGG
CCAAAAATGAAGAGAAAAATATTTTCTGTTTTTTTTTTTAAATACCACAG
TGTTCAAGGTTCTTGATATGAGTAAATCACTTTTGACGGAGAAAAAAGAA
TCGTTAATGTTGACTGTTTCCACTAGTCAAATTACTTGTTTATCAGACTT
TAGATTATAGGAATCTAAAGAAAAGAGTAACATTTCAAAATAATTTTGAT
AACTGTTCAAGCCTTAGTGAGCTCTTCTCAAACAAGAAAAGCCACATCCA
CTTGAACACATTGTAGGAAAAATTAGGAAGAGTTTTTTTTTATTTATTGTC

>Sequence 413

Table 3

80/1077

CCGGGCAGGTACTGCAATGAATTCAGAAAAGAATCAGGCCTGTTACTCTC
CGAAGGCCTTTCTCTTTCTTTATCCTCTGAAGTAAAGCTGAGGACTGCTT
TTTGGGTGAACTAACACTTAGGAGTTGAGAGTTTCAGAAAAAGGGCTTGC
AATGTCATGTCCTATTGCCACTGAAGAAGAAAAAGGCACACCAACTTCAC
ACTCAGCTACTCCAAGTTCAGTTTCAATTAAACATAAAGAGACAGCTGGG
CCGGGCACGTTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGG
TGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGTTN

>Sequence 414

CCGGGCAGGTACCTACTTGAAGGACTTCATAAGCAAATTACGATTTAATT
TACAAGAACACTATGTCACACGTATACACACAGGTTTTTATATTTGTTGT
CTTTTCCGTGATTATCTCTTACAGTGTGTATATTTAATATATTCATTTT
CATTTTAATTTTATGTACGGTTCCTCANTTCCTTCATATGTGTATTACAT
TTCCCTGGAACTATCACGTATTTTATATACTTAGCAATGGAAAGCTCCTG
GTTTCAGTTGTCTGTGCAGCAGGCAGGGGGAGGAGAAGAAAATGGGTCAC
ACTCCTGACCCTGCCTGCATAGCCACAGGTTCCCAAAGCAGAGGTCCCT
GCTGTGCACCTTCCCTGGGACAACCTTTCTTATTGATGGGTCTTGTGTTTA
ATTAATGAGAGTTTGTTTTAAGGGTATGGGGCCAGGTGCAGCTTCCGAAT
CCAGTGCAAGAGTGGAATAAGCTTCCAAAACAGTATCACCTGAGAGAGA
ACTGAGTCCATCCCTGTAGTACCT

>Sequence 415

AGGTACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCAGTAATAGTTCAAAAATTA
ATAGTTTTTGACATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTCAAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATAATTGTCAATTTTTTCAATTTTC
TAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAGTAAAAAATTGAA
AATAAACTTGTGCTTATATTTTGTGTTGCAACACACTAGTTAATTTAACCT
GTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAAAA
TTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAAGA
AGTTTTTTN

>Sequence 416

AGGTACTCTAGTTTATTATTATTTTTTTTTTCTTTTAAGGCGTAGCATT
CTAGAAGTATAGCTTTGGGAACCTTGTAGCATCTTAAAGACTTTTAAAGG
GTTGACAGCTATTGGCAAATTGACTAATACAGAGAACTAACTTTGGTTC
ATGTATTCAATGTCTAAATGAAAAATGGGAAGATAAAAGAGCTAAGAATG
AAATGTGATTTTCATGTGCTTCTCCTTTTTAGCTCTTATAATAGATTGAAC
AGATTTGATATTTGTGGTAAATACACTCAGGCAGAGTGACAGAGGCTTGG
TTGTCATTTAGCCTTTAGGGCCTTAGTGGAGTTAATGAGAACTGCAAATG
GTCATCAAGT

>Sequence 417

AGGTACTTCAATCCTAAGATGCCACTGAATGGTCTCTTACAGTCCTTTAT
GGACTATTAAGAAAAACAGATTGCTAGTTCAATTGTCACATGCTATCAGT
TGCAAGTGGTAAAACTATACATCTCAGAATCAGTAAAGTGTGGTATCTGG
AATAACAGTTACAGGTAAATTTTTTTAATGATTTTTATGATGAATTACA
TACATAGAATTAAGTTCAAAAACCTACCTTAAAGGGTAAGATACGTTA
CTTTTCTATGCTAGTAGGAATTCAAATCCTTGAATGATAAAGCCATTTAG
AGTCTTATTCCAAGGTCCTGCTGANCAGAGCCTGATGTCAACGATTTCCA
TGACATAATCTTGTAACCTTTGTAAAAGGCTTTTCTTTTCCCGTCTTCTCT
ATCAGGGCTGGTGCGGATGGGAAGGGCCCCAGATTTTTGGAACCAAGGAT
GCATACATAACTTATTGGT

>Sequence 418

AGGTACTTGAGTTTTTTCCCTTACAACCTTATATAGTCTGTGAGGGATTAG
ATAGGTATGCCTTAACATGATGCTAAAGATGTGGCTAGGGTTGCATATTT
CTTATATGACTTAGTTAACTTTGCCCTCTTCCAAGGTCACAGATTTTGTC
CCTGACCCCAATCACCATGCACATGTGCACATGCACGTTCAACATGCCTT
TGGTAAAATAAAAGAGGACCAGGAGAAAGTGTTCAAACCTTGCCACTTCCT
GACTTCTAGAAAATAGCTGAAAGCCCATGCCCTGCTGATGGCATATCCTC
AGATTCAGATCTAAAATGCCGTCGTAACAAAACACAGTTTGTGTTTGCTA

Table 3

81/1077

GCTTTTCTTTTCCAAGTGGTATCTATAAACATTTGCGAATGGCAGCTAA
ATTGGTTTTTCTTAAACAGTCATGAGTTGATTGCCAATCAACAAGGCAAG
CCTTGTAT

>Sequence 419

AGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
CCTTTTCTGACTTCTGCTAGCGAGCAGGCCACGACACTGTAGGCACAAG
GCAGAGATCCCAATATTTTGATAAATAACGTAGCAGATGTCCTAAAGCTT
CCCAGAGACTCTGTAACTCTTGGAATAAAGTTTTCACTTTAAATCCTGT
ATATATCAGGAAATTCAAACATAATGGTATATGGATTTCTCTTTCATCTG
AAAAACACCAATGCAATAGATTAAATGCTACCACCAAGCCAGATGCAGCC
CCGCTCCAACCTGCAAGGAACCCATTCCCTCGACATAGACCTGTGCTGG
CGACATGGCTGACT

>Sequence 420

AGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
AGTAAAGGAGAATTGAATTCTTGAAGTTCACATTTAGGCAAAAATTTGGC
GTTTTAGGAGGTGAGTATAAGACATGATCTTTATAGAAAACGCTGATGAT
AAAAACAGCGCTCTCTGTAGGTGCCTTTATGCTTGACTCCATTGTCATC
TTTTCTTAAGAACTAAGCTCAGGACTGGGTGCAATGGCTCATGTCTGTA
ATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCTATAGGATCAGTTGAGCTCAGGAG
TTCAAGATCAGCCTGGGCAACATAGCTAGACCTCGTCTCTACTAAAAAAC
AAACAAACAAAAAAACAAAAAAACGTACCTGCCCCG

>Sequence 421

CCGGGCAGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
CTTGCTATGCTGTCCAGGCTGGTCTCGAATTCCTGGCAAGTGATCCGCTT
GCCTAGGTCCCTCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCTATCGCTCCCA
CACTGACGATTTTGGTGGGAGTGAGGGGCAGGGATGCCCTTCATCAGAA
GAGACTGAGAAGAGGGGAGAAGAGGGACAGCTGTGGACAAGGCCTTATAAG
AAGGCCTTGGATTTGGGAACCAGAGGGTCCCTGTGCTGGGTGAGGCCTTC
AAGTTTACATCCCAGAGATGTGGCTGTAAAGGAAAGGGGGGNGGTGGNAG
TAAAAAAAATTTTACAGGAAAACACATGCCAGGGAAATACTTTTTTTC
TCTTTGGAGGAAGCTTTCACATGCCTGTAAGTGGAAGTCAAGAAAGGAGC
GGAAATCCTTAGGGGTACCCTCGC

>Sequence 422

CCGGGCAGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
TACATGAAAAATGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
GTGATTTGGAAAAAATCAGCTTATTTGATCATTCTTTATTCAACTCAGT
ATCCTGGCAAAATAAAGTATTCATTTTCTCCGTATATTAATATAACCTG
GCATGCCCTACTTCAGTGCCCATATGATTCTCTTCCCTCCATAAGAGAG
ATGTGTTCTTTTCTTAACTTTTAAATGTTGTTTGTTCATCCACA
CCTGAATTAATTCCCGATTTTAA

>Sequence 423

CCGGGCAGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
AGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGACTTCTGGAGAGACCATTCAAGGCT
TCTGGCTCTTGACAAAGATAGGCCACTGGAACAATGAGAAGGAGAGAATT
CTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTGATCTGCAAATACGACTTCATCAT
GCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGATTCCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCA
TCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTGGGATGTCCCTGGACAAGAGACAA
GGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGGAGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCT
GTCCCGCTGGAAC

>Sequence 424

AGGTACATAGTAGCCATTTATATTATTTTCTAGTTTCCCATCTCTATAC
CAGACTACATTTCTAGAAAATCCTGGACCTCTTTACCACTCAGCAATGA
TTCTCCAAACATCGTATATAATATAGGACACAGTCCCAAGCTATGAGAAT
CTGCTTACACCTTTCTGGGCGTTTTAACATAATTCAGAGAGGCTCCGTTA
AGTATCTTCTTCAAGTATTCATGTTCTACGAACTGCAGTAAGACAATCT
ACCCAGGAACCCACAATATAAGCCTCCCTAAGTTTTTCTCCCTCTGTAA

Table 3

82/1077

TTATTAAAATAGATTTTTTTTACTATTATTATCGTAGAGACGGAGTCTCAC
TATCTTGCCGCGTGGTCTCAAACCTCCTGAGCTCAAGTAATTCTCCTACCT
TGGCCTACCAAAGTGCTGGGATTATAGGTATGACCCTGCCTCTGACATTT
TGGAACCTTTGCTCATTTCTAGACCCAATAAGTAAAAAAAACCCATTGC
CATTTTTGAAGAACGCTGTTGTTAATGTACCAAACCTTTTCTGGCCTGG
GGTGGCCCCAAAACCTGGAAGGGGGGATTTTCTGGCCTTTTGCCAGTGGGC
TTCAATTCTGGCCAATTGGGTTTGGTACCTGGCCCCGGGTGGGTCCGGTTT
TTGAAATATGGGGATACCCCCGGGCTGGAGGGATTTCGATTTCAAGGCTT
TATCAATCCCGTTGGCCCTTAAGGGGGGTGCCCGCTAACCCACATTTTGG
TCCCTTTAGGGAGGGTAAATCGCCGCTTGCGGAAACAATGGTATACTTGT
TTCTTG

>Sequence 425

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCCTCCAAC
CACAACTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTTTGAACGGGTGTGGCCCATTTGGA
AAAGTCGAAGGATGCCCTGTCAAATTTCTTTGGCTTCACTTCATAAACA
TTGGGTTTGAGCACAGGAGGAACCCAGCCGATAGATTTTGGCCAAGAAGA
CGGGCAGCGGAAAGTCACGCCGTTTG

>Sequence 426

CGGCAATCGAAGCTCCACCGCGGCGGCGGCCGCCCGGGCAGGACAATTTT
CTAAAGCAGAGAAAATCCTTCCCAAGAAAATAAACACTCCCAAACAACCTG
TCCCATTCTGTTACCTATTTGGATTACATAATTATTATGAAGTCAAGACT
TTCTTACTGACACGCCAAAAAAGACCTCTCATCTCATAAGCTGAACCTGCC
TTTTTCTCCACTATCCAAAGTTCCAAAAAATCTCCAAGTCCCTAAAAAGC
AATCACCCTGCTCACTGTAATGGTCATGAAAAACTGCACTGCCTCATCT
GTGCCCAGAACAGAACTGAGGTCAAATATTTTCAGAGTTTGGGGATAT
ATAAGTTATTGTATACCATATTCTTGAACAACAACAATGATAAATATCCT
CACAAATGCCCTAAAATGCCCTACATTGGGAAGAAAACACTGGATTTTCT
TCCACGCTTTGGTGAAGAA

>Sequence 427

CCGGGCAGGTACCGTATTTTTTAAATTAAGGAGTTTTAGTTATAATGAAAT
TGATTTGTAGTCTGTTTTGCCGTAACTTGTTTTCTTTAAATTGTTCTT
ACAGTGATATCTTACTATTTTTAACTGTCTGGGGTTTCTGATATGGGGAT
TTCAGCCCCTGGTTAATCAGTCTTGTCCTACAAGTCCCTGATGCAGTAT
GTTTATTTGTGATGTTTAAAGAACATTTCTTGGCTGGGCGCTGCGGCTTG
CGCCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATCACCTGAG
GTTGGGAGTTCGAGACCAGCCTGACAAAACATAGTGAAACCCCGTCTTTA
CTAAAAAT

>Sequence 428

AGGTACGCGGGATATTAGGGCTGGTTAAGAAAAANACAAACCAGGTGAAG
ATAATCTTTGACTTTTTCCACCTGGAATTTAACACTTTTTCTTTTCTCGG
AACATACAGCACCTAGAATCCTTAACACTGCTTAGGCTGCCCCGAGACC
CACATGTGACCTCCATTAGCCCTGAGCTCCACTTTATGATGCTATCTTCT
TCTTTGCCCATCAAAATGGCCCTCTGGTGCCACTTCCTATCTGGCCTCCT
GACCTCCTTTTCACTGAGTTATAATAGGTGATAAAAGGTATTAACCAGCCA
AAGGAGTTTTCTCTGGAAGGTAGCATTATCTCAAACCTGTTTCTCCAAA
CTTATGTGCCACAGAATGATGGTTTGGGAAATGGAAATAGATGGGCAGGA
AAATGATTTCTGTGGTCAAATGTTTGCAAAATGCTGTGTACCTGCCCCG

>Sequence 429

CCGAGGACTTTAAAATTGCTGCACTGAGAGTGGAAGAAAGACAGAAGTAA
CAGGGCTGTGGATAGGGGAAAGGGAATGTATTGGGAAGAGAGACGCACCA
TGGAGTCACGTCCCCACAAATACACAGCACATTTTCAGAAAGAAGGAGCAG

Table 3

83/1077

GCACTGGCCAACCAAAAACGAGTTTGAGGAAAAATCTATAAAAGGTTCTGT
GCCACACAGGAAAGACTGCCTGACAAATTAGCTAATGAGGACAAGGCATC
TGTCCTTGGAGGTCTCCTCCAGATGCAAATTGGCCCAAATTTGAGGCCAA
CTGACCTCTATGGAAAAAGCAAAACCAAAGTCAGATTCTGTATCCGGA
GAACAACCTGTCACCTTGATCACACTCCAAAATCAAGATAAAAGCTTGGCT
TTCCAAGGGTCACAATGGGCTTACAATAAATGAGCCCATGTAGGAAGAAA
TAAATATGTGAAGCACCTCTTTCACCTTGACATTTGGGGCAAAGGAGACGG
GCAGCCACTACAGGATGTCTCTCAGCCCCGATAGGCAGATTTCTCCCGGN
TGGCACCGCACAGTGTTGCAACTTGACCCATTTCTGCTTGAGTGGGCCCAC
GGAGGGACAGCATGGACTGAGAAGTCTTTTTTCAGCTGGGGAAGTATGGC
ACTCACAGCAGCAACAAAATCTCTAAAAGTCTTTTAAAAGTTCTGGGGTGA
CAATGCAAAAAAAGTACCGCCCATGCTACTGCATAAGCTAACTTTGACTAT
CGGTCAGCCAAAAGAGTTGTGGAAAGACTT

>Sequence 430

AGGTATCGCGGGGGTGGCTAAGGCGGCTTTAGTTTCAGCATGAAGCGCAC
CCCGACTGCCGAGGAACGAGAGCGCGAAGCTAAGAAAGTGAAGGCTTCTTG
AAGAGCTTGAAAACACTTGGCTCCCTTATCTGACCCCCAAAGATGATGAA
TTCTATCAGCAGTGGCAGCTGAAATATCCTAAACTAATTCTCCGAGAAGC
CAGCAGTGTATCTGAGGAGCTCCATAAAGAGGTTCAAGAAGCCTTTCTCA
CACTGCACAAGCATGGCTGCTTATTTCTGGGACCTGGTTAGGATCCAAGGC
AAAGATCTGCTCACTCCGGTATCTCGCATCCTCATTGGTAATCCAGGCTG
CACCTACAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 431

AGGTACAATGGTTTTCCTGGAACATTCTGAGTAAAGAAATGGGAAACCAAT
ACAGCTTACCTAGCTTGTTACCTTCTATGAACGCTGGCATTAAAAGTAAA
AGGCAGCCTTGGGAGGAAGAAATGCAAACACAGAGGGAGAACATAGCTTC
CCCTTGTCTCTCTCTGCCACAAAAGCCTGGCCAAAGTGACTCTACTAGGT
TGAAGCAGCCTGCATAATAAAACGCTTAACCTTGGCTAAGTTAACCTCCT
CAGCCATTAAAAAAGGGAGGGTGGGGGAAGGGCTAGCAAAATCAAGCTT
ACGGGAAATAAACCTAATCAAAGCCGAGTAGTAACAAAGG

>Sequence 432

GGCAGGTACGTGATCTTTCGGCAAGTTGATTGAGGGAGGTGGGGGAAGT
TTTTCTCTGGCAATGGGGGAGAAGCTTCTTTGGCTGGCCCAGAGGGTTCA
AGATTCTCCAGCTTAACTACACGAATACCCCCACACCAGGTTTCGTAGTC
CCACCCTTACTCGTTAGGGCTCTGATTGTGACATACGAGACAGGTCGAGG
CTGCACATTTGACCTACTTTGAAAATTTACCACATGGAAAAGTCATGATC
TGGGTCTGATTTTAGTGACGTTGGCCCTGAAGCTGCAGGAGACAAGAGTC
TCTTTTTCTATGGATACAGAATCTTTGCACTTTTAGAATATGCCTGAAGC
CAGCAATTAGCTGCTTTGGTTTTCATTTTCTTTTGGCAAGACCTCAAATGC
TTTCACAAATAGCCATTTACACATTCCTACTCTATAATGGGACATTATCT
TCTGCCAATCAATGATGCACCCAG

>Sequence 433

AGGTACTTGAGTTTTTTCCCTTACAACCTTATATAGTCTGTGAGGGATTAG
ATAGGTATGCCTTAACATGATGCTAAAGATGTGGCTAGGGTTGCATATTT
CTTATATGACTTAGTTAACTTTGCCCTCTTCCAAGGTCACAGATTTTGTG
CCTGACCCCAATCACCATGCACATGTACACATGTACGTTCAACATGCCTT
TGGTAAAATAAAAGAGGACCAGGAGAAAGTGTTCAAACCTTGCCACTTCCT
GACTTCTAGAAAATAGCTGAAAGCCCGTGCCCTGCTGATGGCATATCCTC
AGATTCAAGATCTAAAATGCCGTCGTAACAAAACACAGTTTGTTTTGCTA
GCTTTTCTTTTCCA

>Sequence 434

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTTTTGTCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCCCCATTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTACTAGAATA

Table 3

84/1077

AGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATTGAATGAAG
GAAAGGTTGGGGGAGAATTGGAATTGCATAAAAAATATCTGGGGTTTTTT
CGACACACCTTCATTCATTCCTTTTTTGGAGAGAAAAGAATGAGCCCCCCC
CCCCATTGGATCAGCCGCCCTTCTATCCCCAGAAATTCAATTATGGGCAA
GCTGTTTATAGTCCCCTGGCCTCTAAG

>Sequence 435

CCGGGCAGGTACAACCTGAATGCTTGTAATTAGATTTTCATAGGAGGGAAA
AATTTTCTTTATCAACCTCTTTGAATTTATTTGATTTGTAACGCTCCACA
TTTCCACCTAGACTTTTTTTTTGTTTTTTATTTTTTGTTTTGAAACAGAAT
TTCGCTCTGTTGCCCATGCTGGACGCAGGGGTGCTATCTCAGCTCACTGT
AACCTCCACTTCCCGGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTTAGTGGATTACAG
GTGCACACCACCACGCCTGGATAATTTTTGCATTTTATAGTAGAGATGGAG
TTTACCATACTGGCCAGGCTGGTTTAAACTCCTGACCTTATGTGATCC
ACCCACCTTGGCCTTCCAAAGTTGCTGGGATTACAGGCTTGAGCCACCGG
CCCTGGCTTTTCATTTAAACTTTGAAAAGATTGCCTTTTAATTACAGTAGC
ATTCTTTTATTAAAAAAATGGTGTTATTAAATTGGGTTTAAAAATT

>Sequence 436

AGGTACCACAGTTACTTCTAAAATGTGTTGCTAAATGTAGAAATCTCTAT
CCCCATTGACTTCTCAGTTGGAAATTAGTTCATGACCTAGAGACTGAGAG
CACCCCGGCTGTGCTTTCAGAGCAGGAGTCCTTGGATGTAGCTGTGGAAT
GAGCAGCGTTGGAGGATTTGAAAAAATCCTGGACCTGAAACGTAAGCTGG
CCTGTGTTTCCCTGATGTGCCCTATGCCTTTTATTGTGCTGATTTCTACT
ATCTTAATAAATAGTAACATTAAAGTTCTTTCTGTGTTCAAAACCTTTTC
CTTGTTTTCTATCAAACCTGTTTTTGAAAGCCTATTTTCATCTATTTTGAG
CAACACTGATAACTGATGTTTCATCGAAGGCAGAAAGGTTGGAGGAACTTT
GGCCAGTGTGGGGCAGACAGAAACCCATGGGTATTCCCCCTAGGCATCAA
GGGCTTTGTCAGCTGCATTCTGC

>Sequence 437

AGGTACAGCTGCTCAGCAGCAAAGCCGCAGGTTACTTAGACACCTCTTCT
CCTCTGAAAGCCAGAGCCAGTTTTCTTGTCCAGCCTGTCTTAGAGAGTT
GTAATGGTCAAACGTGTGAGAAGGAGCTCTGCAAATGTAACATTTTGCAT
AAGTATAAGATGGTATTATTTAGTATTAATATTGTTAGTAAATTTTAGTA
ATATTCAGTATCTAAGATATTCAACTTAGATATCCAATGGTTATTCATTA
TCTAAGTCCAATATCAGGGGTATGGCTCTAGATATCAATAGATATTGGAC
TTAGATAATGAAAAGCTATTGTTTCAGATGTGTGTTTAAAATTAGTGTGGA
CACATGCAGC

>Sequence 438

CGAGTCCANACTGAATGACANGGCCAATTGGAGTTCCACTGCGGTGGCGG
CCGCCCCGGCAGGTACATAATATCATATATGAGTTAAATCTTAATCACATG
AATTCTATATTACATCACTGAGGTAGAAGGAACAATATTTAATAGACAGC
TGCAATAAATATTTTTGTGAAGAATTCTTTTGTCAATAATCAAAATCATA
ACCTTAGTTCTGAAAAAGAAAAATTATATCAAATAATGGTAAATAACAATA
TTGGATCAAAATTTTTTTGTCTTTTACGTTACAAAATTTATGTTACTTA
TAGCAAGTATATTTATTCTCTAATATGAGATTTTTTAAATGTAGAGTTCA
CTTGAAGTAAGACAACTAATATTCTTAATTTTATTATGATGTAGATTCT
TGATACATGCATAAACATGAGAAATGTCATACATTTATTAAACCACAGTG
TGCTTGGAACACACTAGACATTGGGATGAAGACATTTAAAGGAAGATTCC
TGTCTTCACTAGACTTACAATCTAGTTGAGGAAACCAGACTGCTGTATAC
AAACTGACATTAATCATAATTTTAACTTGGTTCAAAATTATTTATATTTA
TAGGTACTAGCGTGAAATCCAATCCCCTAAGTCTATCAATTACGTGGATT
AAAATCTCAATATATCTTTTGATACATTAAAATAAGAATTGACTTTTCTG
GGGGCATCAGATCTTTGGGTAAAGCACTAATGCTGGCTTTAAAAGAATTC
CCTTGGCTTTTCAGTAGTTCCTTGAAAATTTTCTAAGCATTAATGGAACAG
GTTGTCTANACAGAAGTAGCATGGGCTGGAGCAACAAT

>Sequence 439

AGGTACGCGGGGGGGCTGAGGTGGGTGGATCATCTGAGGCCAGGAGTTCCG

Table 3

85/1077

AGACCGGCCTGGCCAACGTGGCGGAACTGCATCTCTACTAAAAATACAAA
AATTATCTGGGTGTGGTGGTGCACACCTGTGATCCCAGCTACTCGGGTGG
CTGAGGCAAGAGAATCGCTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTTCAGTGAGCC
GAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCCATC
TCAAAACAAAACAAAGGTGGGTGTCTTGAGTGCCTTTTGAGTATAGGCCT
TCAGACTTTCTGAGGATTGGGAAAGCATTTTTTTTTAACTTAAAATATT
TATTGAATAAAGAATGGCAAGATCAGAAAAATAAGCTCTGGTTAGGATTT
GATGTGGGGCTTCATTCTCAGCTCTGGTGCTACCTTCTTTATGAACTTCG
GGGGGCTCTTTTCCTG

>Sequence 440

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTCAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGCCCTCAATTCACTGGGGCCACGTTAGTG
GCCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTCATGGCCACTC
ATCTCTCCGGGATTTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCA
TTTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTTCTTCTCTACTTAGAA
CCCTCCCATAAAGCCGAACCCAATCTGCCTTTTCACCATCTTCCCATCTTC
CTACTGCCTCCATAGTTATTCTTCGGGATCTAGCTAAGTAACTCTAAGT
TATTCTTCCATGTTTTTCTAGCACCTAACATATCAGTTTCCCCCTCCACC
CCCATTTTCTTCCACATACGGAGGCTCAATAAATAATAGTTAAATGAGGC
TGGGTGTGGTGGCACATGTCTGTAATCCTGGCACTTTGGGAGGCTGAGGC
ANGAAGATCGCTTGAGCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTAGGCAATATAGT
GAGACCCATATCTCTACAGGGAAACAAAAAGTAAACAAACCACANAAAAA
AACAGGTGACCTGCCGTCCAACAACCTCAGAACCTGATGGTGGGAGATTCTG
TTTGAGCCCCGGGGAGGTAAAGCTTCAATAAGCCATGTAAGGCATGATCGG
AACCTTGTAACCTTGCCCGGGGTAGTTATACTCTAGGGAGGGCTGGTTTAA
TATAACCTTGGATACGCTTTTTTTTACTTATAAGTAATCTTTATGTTTTGC
CCCTCCTCTCCTCAGAGACTACTTTTATTTGAA

>Sequence 441

CCGGCAGGTACCTGGAAAGATGAACAGGATTGCAGCAGATAGAGACAGGT
AGAATGTATAGAGATTCCAAGTGGAAGGATAAAGGAGAGGGGAGAGAAGC
AAAGAGTGCAACTTCCAAGAAGATTTCTGGTTCTGGCACTGTCATGATAG
CTTGGGAGGAAACAGGCAGAGAGGGTTTTGGAGAAACAGAGCTGCAAAGC
CAAGTTAGATGTTAGGTGAGTTGAAAAAATAACTTAGGGCAAAGCAGAG
GGAGGGAGGTATTTACTCTGAACAGAGATGACAGGGTGGGGAGGACAGAT
TGTTTTGAGTAGGCAAAGGCCAGGAGCATGAAGCAAGCTAGGAATTGGGA
GGCTGGCCTAGAAGCATGGGCCACCTGGGAAAGGGACAAAAGTTAAAGTA
TGACAAACCCTTTGTGTTACCAAATTTCTTTTCTGGAGTCCTTAACCAT
TTGATCTTACTGGAATAGAAGTTATACTAGAACTCACTGCAAAGTGGAGT
AAGGCTTACAGAGGGAAAACAGCAGAGGGCCTAATGCAAGATTAACCTTC
TCAGGGACCCCTGCAGGGACTGGGAGTGCTAAGAATCAGGGAGGCTTGGA
ACAGCTCACTTTACAGGTTAATGAGAACAGGACTCACCTGGCTCAAGCCT
GGCATCCAATCATCAGCCCACTCTGGGTTTCATCCTTTGCGCTAGCTGAA
AGCCAAATGTACCTT

>Sequence 442

GGGAGAGGCCATCGACTCTGGGCGAATGTANGCTCCACCGCCGTGGCGGC
CGCCCGGGCAGTTACATTTGTTGGTGGCGTCGACATTATTATATAACCAC
TTAGAGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTG
GGAATTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGA
AACAGAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATG
CCATAGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATT
GTTTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATT
TGATGACAGAGGTCAGTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGT
GGGATTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAA
TAGAGACAGGCACTATAAACAGCGCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGC
ACACTG

Table 3

86/1077

>Sequence 443

CCGGGCAGGTACCTGGACTCCTAAGCCTCAGGGATTTACTGAAATACCAT
TCTATTTTATAATAATCCTTAACCAAGAATTTTAAGGATCTTAAATTTT
CTGTGGTTCTATTGTTATCTGATATATAGATGATCTGCTGCCATATCCTA
AAGAGCAGGTGAGGCCGGGTGTAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCAGACGAAGGTGGATCACCTAAGGTCAGGAGTTTGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGC
TGGGTGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTAGGAAGGATGAGGC
AGGA

>Sequence 444

AGGTACTTAGCCCCCTGACAGTCACATTCATTTGTCTGTTACTCTCTGTCT
CTCTCCACTGGATGCAAGCTCTACGAGACCATCCTTTCTGTTGTCCCTGC
ACTAGTCACAAGGCCTGGACCAGTGTCTGGCATATAATAGGCGCTTAATA
AACCACAGATAAATGGACGGATACCGGAACTACAACAATGGAAAATGCA
CACTGCAGAGGAATAAAAAAATTGTTCTGGAAGGTTAGCAGTAGGTATCAT
TATGAGCTATTTTGAGGTAGAGGGTCAAGAGGAGAATGAAGGAAGGTTAG
TATGAAATTCAGAAGAAAGATGACTAAGACAGGGTCGCTGTGCTTTATAT
GCAAGTCACTTGTCAATTTGAAAGCAGGTGGTGTCAACCATGTAGGGAGAA
GCTTTACAAGACAGACATGACCTCAAGATGCAGAAGACATGCAATCAGC
CTGGGACTTAACCTTGACAGCTCTGGACCCAACATTCATN

>Sequence 445

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGAAGAAAATTGCATTATTCAAGAAAATAAC
CAAGAATGTCAGTCACAGGAGAGCTGCTGTGTATAGATGTCTGGTTTTTT
AAGGAGTGATGATAATTTAATCAGCGGTGCAAAGGTGCGATCTAAATACT
GCATAAACCTAATCATCTTATTCTCAACCTTTCTCAATACTCCACCCACT
TAAAGAGGTGGGTGTGGCCTTCACAGATTCTTATAAAAGGACATAGAAGA
GACAAGCTCAGTTTTCTCAAAGGAGAAGGAGCGCACTTATAAGAAGCTG
TGTTTTGGTGACCCCTGAAACTTAGTACCTTT

>Sequence 446

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AAATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTGCGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTTCTCT
GGTAACTTTGGAGACCCTCAGAGCTTTTCTTATTTCCAGAGACGGGCGGT
TTGGATGAGAATTATTCTCTT

>Sequence 447

CCGGGCAGGTACTTATAACAACCTACAACTTCATCTCTATATGCTTTAAA
CAGATAAAAGAGAATAATGCAGTGATAAGGTAGTAAATATGGCCAGATAG
TTTGAGGTATAAATTCCTCTGTGTTGCTTGTCTTTAAAAGAAACAAAATAC
CTGTTACAGATTTCTCTGTATATAAAAATATTACAAGTCTTTTCTTTTG
TGGCTCTACCTAAACAAAGCCACCATGTCCATTTTGTTATTTCACTTGTT
TTGATTTTATGATAGTCAGTTTATGATCAATGGCTATATGCTAGTTCTTC
ACCATTTTACGCTGAAGAATTAAATTTAATCCATTAATAATTTAAAA
AAGCAATTACAAAA

>Sequence 448

CCGGGCAGGTACAACAATATCTTATTAATAAATAGTAGCAGCATATGATGA
TTTGAATTTTAAAAAACTAATAAAAAAGTTCTGTAATATACAGAATACC
CATATCACAAGGCAGGCAGGGGAAGGAGTAAAGAATAAAATACATCAAAC
GATCCACAAGATGAAACAATATACATTAATCTAAGTTAATATAAAAAATAG
TATAAACTCAGCCAGGCACGCTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTT
GGAAGGCCGAGGTGGGCGGATCACCTGAGCTCAGGAGTTTGAGACCAGCC
TGTCTCTACTAACAATATAAAAATTAGCTGGGAGTCACGGTGGGC

Table 3

87/1077

>Sequence 449

GGTACTTTAGGCTGAAAATAAATAAAGGGTGAGAAAAAGAACAGTCTTAT
GTCAGTAAAATGAAAGAAAAGATGGTAGTTGGGGAAGACAGATGGGAGAA
GGGTGCTGGTGTATATAACAGTAAGATGAGCATGTATTATAAAATGCTGG
NTGGNGAAGAANACCTTGTGGCAAGGAGGGTGGTAGTGTGGAGAAGAAA
GAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAACTGGGAGCAGGTGGGATCCA
GGACATATGAAGGTGAAGAGCCTTGGGCAGAGGTGAGACATCTGCAGGAG
GGAAGGAACTGAGAGAAGGGAAGGTGTGCAAATGTGGCATGAGGAAGTTG
AGTTAAGTTCCATCTGATATCCTCTATTTTCTCTGTAAATCATTCTGAAT
GAAGTATGAGACAAAGAGATCAAAGGGCTTGAGAAAAAAAGAAAATTTT
GAAAAAAAAGTACCTTGCCCG

>Sequence 450

AGGTACTTATGACTCACTAATCCAGCCACATGAAAGTGATCATTTCATCTG
AATAAATAAATAAACAGTTTTTCATTATTTTCTCCATGAAAAGGTCTGAAT
TAATTGATGCGGATTTCTGCCAGCTTACTTTTATCTTTAAGGATTTAAG
GAATAAACTCAAATTCAGAAGTCTCTGCAGAACATTTGCGCAACATGTGT
TACAGTATCAACACCCCCAAGTCATTTGCTGGGCATTTTCAGTTTTGTAAA
AGGTTTTTCAGGGGGGTTTCTCCCCCAGCCTTGGAGGGATTTTTAAATG
TATAACGTGGGGGGTGGCCCTTTTTTACTTACCAGGGGGCCCCCTCCCCCT
TTTTTATTAAAAAAATTTGAAACCCCCCCTTTTTGGTGGGCGCTCCTCC
TTGGAAGACCTTCCACATCTTTTTCACTTTTCTTTGGGATCAGATGTGAG
ATAATGCAAGAATTTAAAATTCGCCCTTTAAAAACCAAGTTTTTTAAAAG
GGTTTTTTTTTCCCACAA

>Sequence 451

CCGGCAGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAA
GAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCT
TTGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTT
GAGACTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTC
ATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGG
GCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATTTTCATGTTTCAT
TTGTTTATCTCTCATACTAAGCTGTGAGTTCCCTGATGACAGAGAATGTC
TTGTTGGTTTTTGAATTCCCAGTGCCCAACTTAATTCCTGGCACAGCTGA
GTAAGCAAATGAATGAACGCCATCTAGTTGAGTAAAAATAAGTCTCGTTA
GGCCGGATGGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAG
GTGGGCGGATCAAGAGGTCAGGAAAACGAGACCATTCTGGCTAACACGGT
GGAACCCTGGCTTTAACCAANAAAGAGAGNACNNAAGGGTCCCTCTGGG
CGG

>Sequence 452

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGAGACGAGGTCTCGCTATCTT
GCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGGGCTCAAGTGATCCTCCCACCTTGGC
CTTCCAAAGTGCTGGAATTACAGGCAAGAGCCAGTGCACCTGGCCTTTGA
ATTTTCTTACCCTCAATAAGTTTCTTTTCATGCTGCTAAAGTGTATCACTC
TCTGTGAATTGTCTCAGTTATTTTTGAGTCTTGTAGGGAACCTGAGGAAC
TCCTGAAATGCCTCACACTTAATACCCAATCCATTTCTTCCTTTTCCTCT
TTCTCTTTTTTTTCTTATCACCCCGCCTCCATTTTGCTGCAGGACATCCT
TAAAGTTATGGACTGGGGCAAAGACAAAACACAAAAACGAAATTCCTGCC
CG

>Sequence 453

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCTCG
TTTTCTTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT

Table 3

88/1077

TATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCAT

>Sequence 454

CCGTGCAGGTACAAAATTAATTTGCTCATTTGGTTAGAGTATGGTTATTG
ATTAGGGGGCTAAGCATTTAGTTACTGCATGGGGCAGCCAATAATAAAAT
CACAGCCCTGFGTATTTACCTCCACAGTGTGTGCTGATAAGTGCAAAAGG
TTTGTGCAAATTCTTTTGAAGTTATATTGTAACCATGGTATATGTATTGA
AAACTTGGCCATTTTACCCCATTCCTATGAATGAAAACCTATTTGGTGAAT
CAGAGGATAGTCTGAATTGGGATATGAAGGCCAGTATAAGTGTCAGTTAG
CAAAGTCAGCTCTAGTTTGTATTTTTTTTTTTCTTTTAAGGCGTAGCAT
TACTAGAAGTATAGCTTTGGGAACCTTGTAGCATCTTAAAGACTTTTAAA
GGGTTGACAGCTATTGGCAAATTGACTAATACAGAGAACTAACTTTTGG
TTAT

>Sequence 455

CCGGCCAGGTACAGGCACGTGCCACCATGCCTGGTTAATTTTTGTATTTT
TTTGGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTCATTAAAC
TCCGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTCCTGGGATTA
TAGGCGTGAGCCACCACATGCGGCAACCCACAGTTTAAACAGATTGTTT
ATACTTTGATTTGGTTTTGCAGATGATATGCATACTAAGGCTTTAAAAAA
TTATCTAAATGTTTAATAATTTTTTGTGTTTGTGATTGGGAATTATTAC
TTCTGGGAGTCATGATCCTAAAGAAACAGTAAATTGGCTGTTTAGAGTGG
GAAAAAAACTTCAGGTAACCTTTGTTACTTAAATCCTGTCTCTTAATTC
ATAGGTTAAGACCTTAATTTTGCCTCTCTCGGTTTATGACAGTACCTTCG

>Sequence 456

AGGTACCATTTCAAATTCGGTTTGTATAAAGGAAAGGGTGGGGAAACCTT
TGGAAGAAGAGAGACTAATAGCCAGGAGACTTAACTTTTTCATTGTGTTT
TGTCATTTACATCCTAAGGCTGTGCTCTCACCTCACTTTTCTTACTCA
GTTGGGCAGATTACCTTTTGGTTTTCCCCTGTTTGGTTCTCAGTTACTT
TGATTTTCATATTCCTTATTGTTTCATTCCTGCTGCCACTCTCTCTGGTTAA
ACCAAATTCCTTAAGGGGGAGATGGGGAAGGAAAGAGGGGAAATATCCCA
TAAAGCAAAATAGCTTTTGCTGTCTTGGAGAAATTTTATTTTGATTTATT
TATTTTTTTGAGATGGAATCTTACTCTGTTGCCAGGTTGGAGTGCAGTG
GCGAATCTCAGCTCGCTGCATCCTCCGCCTCCTGGGCTCAAGCTATTCTT
CCACCTCAGTCTCTTTGGTAG

>Sequence 457

CCGGGCAGGTACCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAGACAGGGCCTTGC
TCTGTCAACCAGGCTGGAATGTAGTGGCACGATTATTGCTCACCACAGCC
TCCAACCTCCTGGGCTCAAGTGATCCTCCACCTTAGCCTCCTGTGTAAGA
ATCCAACCCTATTTATAATACTCTTTTGTGACATTCAGATGATTTCTA
TTTTTTAATATTATAAGCAGTGCTATGTAGAATAATCTTACAGCTGAACA
TTTGCAAACAAGTATGATATTTCCATAGGAATTATTGGAAGTAGGTTGCT
TTGTTAAAGGGTATTCCAAACATCAAGGCTTTTAATACATACTGCCAAAC
TTATCCAGAAAAAGTTTACCAAGGCATGCAGCTGCAAAAATTCTATGAGA
GCACCCTGGGAAACCTATATTTTCTTAGTTTTAAGGATATATGCCTGA

>Sequence 458

CCGGGCAGGTACTGTCACCCATGGCCCTGATAGGAAACAGATGGCATATT
CAAGCTGGATAATTTGAAGAGGATTAATGAAACAAGTATTCACAAATAG
GTGGGCAGAGTTTAGAAAATCAACAAGAGATATTGTAGTATCCTGGGCTA
GCAACAGAGAGGATGGGAATATTGCCCCATAGACCTGAAGTGCAAAGAGA
AGGAGTGCTACCTCAAAAAGAGAGCTTTGTGGAGAAGGCTGCCTGATAGC
AGCTGTAGTCCCAGGTAGAGGGTGAGCCACCACGCCCGGCGGTTATTACA
TAGTTTTTAAAGTGACTCCTCTTAAGGAAATTTTAATTAAGAGAAAAATA
TCCTAGAACTATGATTAGGGTCAAAACAGTATCTATGTTCTTTAGGGATT
AAGGAAAAAGTGTTTCTGTCCTAAGAAAGGGTTTATAAGGAGAAAGAATC
TTTTCTG

>Sequence 459

CGCCCCCTTCGCCGCACACTACTGACTATCGGGCGAATTGTTGCTCCACA

Table 3

89/1077

CGCGGTGGCGGCCGGCCGGGCAGGTTCATGACCTGCAGAACTTAGCCAAG
AGTTTGGGTCTCCGGGCCAACCTGAGGGCAGACAAGTTGTTAAAAGCCTT
GAAAGGCTACATTAAACATGAGGCAAGAAAAGGAAATGAGAATCAGGATG
AAAGTCAAACCTTCTGCATCCTCTTGTGATGAGACTGAGATACAGATCAGC
AACCAGGAAGAAGCTGAGAGACAGCCACTTGGCCATGTCACCAAAAACAAG
GAGAAGGTGCAAGACTGTCCGTGTGGACCCTGACTCACAGAATCATGAAA
AGCAGGAAAGCCAGGATCTCAGAGCTACTGCAAAAAGTTCCTTCTCCACCA
GACGAGCACCAAAAAGCTGAGAATGCTGTTTCCTCAGGTAACAGAGATTC
AAAGGTACCT

>Sequence 460

CCGGGCAGGTACGTCCACGGTCAGCCTTGCTGTATGCTTGTGTGCTTAGA
GGAACCCAGGGTAACGATGGGGCAAACCTGAAAGTAAATATGCCTCTTATC
TCAGCTTTATTAAAATTCTTTTAAGAAGAGGGGGAGTTAGAGCTTCTACA
GAAAATCTAATTACGCTATTTCAAACAATAGAACAATTCTGCCCCATGGTT
TCCAGACCGGGAACCTTTAAATTTAAAAGATTGGGAAAAAAATTGGCCTAG
GATTTAAACCCGGGCCATTGGGGAGGGTAAAAACACCCCCCTTCCCCTAG
GAAAGATTGGGGCCCTTTTTTAAAAAACTTTTAGACCCCTTTAAACCAG
GAGGAGATGTTTTTGTATATTTTGACGCCCCCAAAGGGGTGAAACAAAT
TTGGAAAAAAGGCGGGGCCACATTCCCCCAGGGACGGAAGGGTCCCTTT
TAAATTTTCCACCTTTTTTGGGCTCTTCTCCCCACAATG

>Sequence 461

CGGGCATGTTACTCTAATTAGGAAGACCTGGAGCTCCATCTTGGTGACAG
GTCGCCCCGGGCAGGTACAGACTTAGTTTTTCAGAATGTTCCATGTATATGT
TTCTTAATTCCCATAAAAAGTTTCATCTTTTGCTTTTCCATGTTTTCTATT
TGCACTTCCTAGAAGGGGAATTCTAAGGTTTTATTTCTATCCTACAGGAA
TGTAAAAACTTGATTTTCATATAATCTACTGGCAAGTGTAGTTCCTGAGT
GGGGAGACGGGCTACAAAGGATTCTGAAGTAGATTGGCTTTTATTTCTGTG
GCTGGTGATCCAACTGAGTATTCCTCATAAGNAGTCTTAAGGGGATGGN
TGTTGTTTACCAACCAGGTTGTCTTTGCAAGTTAATGGAGGGGTGGGCCA
TTCAGGTTGAACCAGCCTGGGGGTAGCCCCCTAGCTTCTGGGATCCAGGC
ATTCAAATTTGGAGAAAACCTTTATTTCAACCATCCAGAATTCAGAGGTTA
GAACGCAACATTT

>Sequence 462

TGAGGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCGACTAAGATCCCAGAAGT
ATCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTGTGGGAGAAGCAAGCC
AACTGAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTAGCTCTCCAAAACCTTGCT
GTCTATGTCACCTTGGAAGGAATCTGATTCTTTTCTGCAAGGCACTGACAA
TACCTTACAACAGAGCTGGGAGATAAAATGCAGAGCTTGTGAAAGTCATC
AGAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAACGGTTCAACTTGATGA
TTTTTCGACTTGATGATGGTGTGAACACGATACACATTCAGTAGAACTG
TATCGATAAGGGCTGCTTTATTCACCAGAAGTGAAAAACACGATGGTTGT
GTGAGTATCTGAAGTACCTGCCCC

>Sequence 463

GCGGGCAGGTACTGAGACCTTTTTTCATAACTTACAGGTGCCTTGGCATAA
CTTACAGGTGCCTTGATTTGCTCTGTTTTTTCTTACATCAGTAACTTTTA
AGTGAATTCTGCTCAGGGATGTGCCTGGAGAAAGCAAGTTTGATGAGGAA
GCTGGTGGAGCTGGTGGTTTGAAGGCTGAGTGAAAGTAGGGGAGAGCCCA
TGGCCTGATCTATGTAAGTGGTAAGTCAGGGAGGGTAGCTGCGGTCAGCA
TGTCCCAGAGTCACCTTCATCCTGGGATGCGCCCTCTGATTCTCAGAGTG
AACATTAAAAATGGCAGACAAAACCAGGCACGGTGGCTTACGCCTGTAAT
CCTAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAGTT
CAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAATACA
AAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCATGCGCCTG

>Sequence 464

AGGTACAATTATTTAACTGTGTCAGGAAATTAACCTTTATTACAATACTAT
TGCCCAATCTAGCAATTTAATACAATATTATTGCTTAGTTGCTCAATCTA

Table 3

90/1077

GAGACGATATTCAAATTTTCATCAGTAACACTTTTTTCCAATGCAGAACGC
AGCCCGCAGTCATGCGTTGCAGTTACAGTTGGAGCGTGTCCCTTCGTCTC
TTTTAATCTGAACTCATTCCCTCAGTCATTCTTTGTCTTTCATTTTTAAAG
AGTGCTGATCAGTTGTTAACTAGAATGTCACTCCATTTGTGTTTGCCTGA
TATTCCTCCTTGTTAAATTCAGGTTATAGTTTCTGTCAAGGATAGCACA
GCAGCAATGGGCTGATTCCAGGGCTGGACCAGGCATAAGTGT

>Sequence 465

AGGTACCTGTATTTGACTGATGTGGTCCCCATCATTTTCTGATAGAGTTC
TTTTTGCTGGGATCCTGGAAGATGATCTTGGTTTATACATGAAGAATCTG
GGGTCCAGTGAAAGTGACTTGGTAAAACCCACAGATCTGTGCCGAAAGCC
TTGGTCAGCTGCCCCTTGGCCTGATGCTCTTTTCTCTGCATCAGTGCATT
GCTTCACCTCTTCTTCAAGGACTCTGATTAAGTGGAAAGTGGACATAAACT
GGGGTTATTTATGTGGGATTTGGTTTTCCCTTCTACATCTTAGATTGGGT
CACTGAATATACTTAGTTTTTATAAGAGATTTTTATTTTCTGATTGGAAC
TTCTGAAAATGTGCTTAAGTCTTTGAGAAGTTGCTTTAACCTATTAATT

>Sequence 466

CCGGGCAGGTACCCTAATGTTTTATATAATTATTTACTAAACCATTCCAG
GTGACTTAATTACAATTGTTGTTTTACATACATATATACCTATCTCTT
TATGTATCTGTGAATACTTACTCTATACAGTTCCTAGAAAACAAAATGCC
TTAAGCATTGCATAGTTACAACCTCACTTGGCCTGCTTACTTCCTTTTAAA
GGAGGGAATGCTTTAGGGAGGGGGAAGATGCAAGATGGTTTTTAACCCCT
ATGTGCTATTCATTCATTGGACATCTTATAATGTAATTGTGTTAAACTG
CCTGGAAATTCCTAACAGTTCTTAGCTTTTTATTTGAAGAAATTTTGGAG
TGATGAAAATATAGTTTATTTAGGGAAATTCAAAAGAAAGGGTTAACATG
AATCCAGCAAAACAACCTTATCCATAGTGGGTAAAAAAACCAAATCTGCT
CTGCAACCTGACCCTACTTCAGAGTTTTCTCCTAGTTCCTTTTCCCTACT
GTTACTTTCCAGTCCTTGCTCCTACCCTCCTTGCTAATGAACGTGATT
GAATTACCATTTAGAATGTGCTTCNTCTNCAACCCTAACCAATATGGCAT
GACCCATGTAGCTAGTGTGAGCGATGTACCTTGGG

>Sequence 467

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAATAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGA

>Sequence 468

GGGTGTCCCATATGAGCACATATGTAGACNCGAGCTCCATCGCGGTGACG
GCCGAGGTACCACTTCAGATCTGTTTTCACTGGATATGACTCTGAATGTT
TTTCTGTAGCTCGTATCCATCCCTAGTCACTTTGCCAGGATGAATGCTGT
TGGGCAGCAGTAGCCTAAGTTACGGAAGGGGAGCAGATTGAATGGGGTTT
TGAGACATCTTCTCTGATACCTTAGCTTTCCTTCTGCTCTGGTCGCTATC
CACTCAGTCGTGTGCTAGAAATGTTTAACAACCAGGATCTCTGGGGTGGG
GGTGGGGGGGGAAGCCCTTAATTTGTAGCATTTTGCTGCAAATATAAATT
ATAAATAAAATTCTAATATAAATTAGAATTTTATATCAAATTCTTTGATA
TAAATTAGTTACTCCTCCTGTGGCCGATTTCAAGCTACCACCTTAAAGTT
CAAAAAGGATGTGCACAGTTGGCTCAAAGCCCAGTGCTGGCAAACCA

>Sequence 469

CCGGCAGGTACTATGCACTTCCCATGCTCCTAGGGTTAGGAATAGTTTCA
AACATGATTGGCAGACATAACAACGGCAAATACTCGGACTGGGGCATAGG
ACTCCAGAGTAGGAAAAAGACAAAAGATTTGGCAGCTGACACAGGCAACC
TACCCCTCTCTCCAGCCTCTTTATGAAACTGTTTGTCTGCCAGTCCTGCC
CTAAGGCAGAAGATGAATTGAAGATGCTGTGCATGTNTCCTAAGTCCTTG
AGCAATCATGGTGGTGACAATTGCCACAAGGGATATGAGGCCAGTGCCAC
CAGAGGGTGGTGCCAAGTGCCACATCCCTTCCGATCCATTCCCCTCTGCA

Table 3

91/1077

TCCTCGGAGCACCCCAGTTTGCCTTTGATGTGTCCGCTGTGTATGTTAGC
TGAATTTTGATGAGCAAAATTTCTGAGCGAAACACTCCAAAGAGATAGG
AAAACCTTGCCGCCTCTTCTTTTTTTGTCCCTTAATCAAACCTCAAATAAGCT
TAAAAAAAATCCATGGAAGATCATGGACATGTGAAATGAGCATTNTTTTC
TTTTCTTTTCTTNTTTTTTTTTTTAACAAAGTCTGAACTGAACAGAACAAG
ACTTTTTCTCATACATCTCCCAAATGGTTAAACTTACTTTATGAGTGTT
TGTTTAGAAGTTCGGCCAACAGAAAAATGCAGTCCGATGTCATCTTGGA
ATGGTTTTTAAAAAATAAGGCATGTTCTTGCCCGAACTTAGGAGCATG
GAAATAAATCAAAGGTAATTTCTTTCTATATAAAACAGCCAATGCCCAA
AATTAAGGGTTGGGCAAAGCTATTAACGCCTTTCTTAAGACCACCAAGGA
GATTGTTTTT

>Sequence 470

CCGGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATG
ACTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTACCTCTGAAAAGCTACTCATCCA
CAGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGGGAGGAGATCTGGCTTCTC
TCTCCAACCTCTGAACAGATTGGATCCAAATAAGGGCCCTTCTACATCCCT
AGCCAAAATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCCAAGACATAGACAATGGGG
TCTGATGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCCTGGGCAAGAGGCTTTTCC
TGAGGCTGGCAATGCCATTTTCTTCAGACTCACAAAAGGGATTTAGGGAG
GGGGAAATGGGGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTTACCCTGGAA
AACTAGGACCCACTTTGTGGGAGCCCAGCCCAGCAGCTTTGCCA

>Sequence 471

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTAAATTGTTGT
CCCAGCCCATTCTACTTGACGCTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTCTGCTGCTGCTCCACTGCCACCTGTTTTCTTT
CTTTTGGTTGCTGGTTCCACCCACCATTCATATTCCAGCCGGACACACG
GGATTGTCCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATACTCTTACCCTGGCCCACA
TTTAGTTGGGAGGACTCCCTGATTCTATCTATTCTATACATTCTTGATAT
CCTAAAATTTTTTTGAACACGTAGCACTTCTTTAAAC

>Sequence 472

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGAATGGATGGATTATAACGATTTGCTTAAT
TTCTATATTATGATAACTCTTTTTATAATATTGGTTTTGAATACAACATT
CCTCCTC

>Sequence 473

AGGTACATAAAATAAAAACATAAATAGTAAATGGCACTTTTCTTCATGTG
AGGCAGGGTGCAGAATAGGTTTGAGGAAAAAAGTAAGTAAAACCAGTGAA
TGGAAGCACAAATAGTAAGTGGCTGTGCTTCTCTTAATTTTTCTGTAGAA
TTTTTTCTCAAATTCTTATTATTGAAATGCCTATTATGATGTAGCAAACA
CTGAGGAGATACTAAGGCTTAGAGTTTAAGAAATCTAATTAAATAGCTAA
ACAGAGCACAAATGTAAACTCCCACAATCTGATTCCAGATTCTGAGTCCAA
TCATCTCATTATTTGTCTCATTATGGAAGAATAACAAACCAACAAGTGAA
AATGCTAAAACTCTAGGGGAACACCATGAAA

>Sequence 474

AGGTACTTACTAGGACCAAAGTCGAATTTTTTAAATTCTGATATTTTTCT
TCATAATTTTCTTAAAATAAAAAGGGAAATAAAGAATAAAAATAAATATG
ATGGATAAGATAGAAGTCACTTATGTTTTCTTATCATTTTGAAGGCTTT
CTTTGCATACCTAGCATGGTTAGAAGATATTGAATTGTATTGGTGTATTT
GTAATGTTTCTAAAATTTTTTTATTTTTAATCATTCATTAATGAATTCCAC
ATATAAGTTTTTACCAATTAGTATTTGAAAAATATTTTTATGGCATTTTA

Table 3

92/1077

TAAATAATAAAATGGAAGGATAAATAATTTGATTATGTCAACAAATATGG
CCATTGTTTAAATGTTGGATGAAAAACTTGCATAAAATACTAACATTCTT
TTGCACACCTCATTTCATCTTGTTAAATAAGCTTTTCCCTCACCCTAAGTA
CTTCTCCTGGAACCTTTTCCCCTATTTAAGCCCTGGTATACTTTTTCAGGC
TCCCTTCAGGTTTAAAAGTACTG

>Sequence 475

AGGTACAAGCAGCCACTTCAGTTTTACCACATTCATCTTCCACACACTGA
TGAACCATATGGAGGCAGCAGGAATTGAAGTAGAACCAGAGGGAGTAGTT
AGGACAGACATTCTGATTCATTCTGATTCTCACTATTGGTCAGGAG
GTAAAGGTTTCATTGGAATTTTCCCTCTGATGAAATAAAATGGGTCAGT
TTTTCTCAGTTGCCAATGGGCTTACCTTTTTTGGAAAGTAGCATGCTTCTA
CAAGGACTTTTAACTAAGTTGATTTAGTTAAAAGTTCTTAGAACCTGCCT
TTTCTTGTATTTTTTTTTTTTTTAAAATTTCCAAACTTTTTATTTTTTAAG
ATTTGGAATAAAAAAAATGGTGGCCAGGGTTTTTATTGGTGGTGATTACC
TGTAAGTTTTTGGGGGGGTAAGTCTTGCCCCCGTGGGCGGAGCCCTCTT
TTTAGAAAAGTTAGGTTGGGATATCCCCCCCCCTGGG

>Sequence 476

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCCAGCC
CCCCACAATTGGGCCTAATGGAACAANTTACTTTATCCTGATTTTCCCCC
TAACCCTTCTGGCAAATGGCCTCTACAGACTTCTCTTCCAGAACTAACT
TTTACTCTGGTTTTTCCCTTTTTTAATGGATGGACCAGTTTTAATGCCAA
TTTGTGTCCTTTCAAACCTTATTAACCGACCCAGTACAAATTAGTA
TATAAACAGTTCAAACAATTTTAACTTGAAATATCCTTAAGTTTGTGGT
TTAAAGATGCCTCGTTTATTATTATGGATAATTTTTTAATTCCTTTTGT
AAAA

>Sequence 477

AGGTACATGTGGCCTTTCAGCTAGCGCAGAGGATGGAAACCAGAGTGGGC
TGATGATTGGATGCCAGGCCTGAGCCGGGTGAGTCCTGTTCTCATTATAC
TGTAAGGTGAGCTGCTCCAAGCCTCCCTGATTCTTAGCACTCCCAGTCCC
TGCAGGGGTCCCTGAGAAGGTTAATCTTGCATTAGGCCCTCTGCTGTTTT
CCCTCTGTAAGCCTTACTCCACTTTGCAGTGAGTTCTAGTATAACTTCTA
TTCCAGTAAGATCAAATGGTTAAGGACTCCAGAAAAGAAATTTGGTGAAC
ACAAAGGGTTTGTACATACTTTAACTTTTGTCCCTTTCCCAGGTGGCCCAT
GCTTCTAGGCCAGCCTCCCAATTCCTAGCTTGCTTCATGCTCCTGGCCTT
TGC

>Sequence 478

AGGTACTTGAGGGCTGCTGGGTGCCCCGCACTGTGCCAGGAAATGTGGAG
ATTAGACAAGCAGTGCAGGGCTGATGTATAGTTTAGTTAGGAAGGAAAAA
GCCAGACACAGAAGAGGTCAGATTATAGCCTTGGACAACATGGAAGACAA
CTCAAGGCAACAAGTGATTGGATTGGTTCAGACAGTGCTGTAAAGTCCTC
TCTTCCCCTTTTCCAAAATAGTTTATCTTTTCCAAACATAAAAATTACATG
GAGGCCGTGCATAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAACACTTTGGGAAGCC
GAGATGGGTGGGTCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACCAGCCTGGCCAAC
ATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATGCAAAAGTTAGCCAGGCGTGGT
GGCACATGCTTGCAAT

>Sequence 479

CCGGCAGGTACCCACCTTGTATTAGCTGAGTGACTTTGGTTAAGGACAGT
TACTTAATTATCCTGGGCCTCAGTTTCTCTCTTTGAAAAACAGATTCATT
CACTAAAATAATATTTATGAAGTATTCATTTTGTGATAGCACTAGTCTAG
CTACCGGGGATATACATTTACAAAACAGATTTTAAAATATCCTGTCTCTGG
TGGACCTCACATTACGTTCACTTAAACAGGGGATAATTTCAAGTGCCTCTC
TCATAGGATTGTTGCAAGAATTAAATTGATGAATACATACGTAACACTTA
TAACAGTGTCAAAAATGAGAGCTCAGTAAAAGCCATCATCACCATAATC
AAATATTGAATTTTCATAAAAAGTTTTCTTTATGTTTTCCCATTCCTTG

Table 3

93/1077

TTTCCTTGGAACCTTAGAAATAATAGATTTAAGTTATAAAAATAATAGTGTT
AATGTAGTATCACTAGACCTCAATTTCCCTTACCTATAAAAATGGTGATATC
CCCCTCTACAGTGTTGGTATAAAAATAAAAATGAAACAATTTAAATGAAAG
TGCTTTTGTAACCTATCAAGAGCTCCACAGACTAAATATGTCATTATGTAG
CAAGTGCCTTGGCTAAAGTCCTTGCACTCAGAGGTCTTCAATACACGTTA
ATTTGATTAATTTATGGCCTAGCAATTGCATAGCTACTATTTGAGCGGTC
TGAAATCCTGGAACCCGGAACCTATATAAGTGGGTACAGCTTCTAA
AACACTTCTGCTATTAAAATTGGCTATCATAATACCGGCATTTAAAGGGT
GAAAACAGC

>Sequence 480

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGTTTAAACTGGGAAATCTGAGAAATGGTAT
GGTTGTATGTGGGTTGGCATTCTTGCATGATGGGAGTGGCCACCTGCTTT
CATATTCTGAAGTCAGAGTGTTCCAGACAGAAGAAATAGCAAGTGCCGAG
AAGCTGGCATCAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCTAGG
GAGACCAGGAAAGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAACTC
TTCTTGAGACAGCCAGCGTTTTTTTAAATGGCACAAATTACAGTCTTTTCA
CCCTTACAGTAAAGGTCAAGGGTCAACAATATTCCTATAAAAATAATTTT
TCTGGTAAGGGATTGATTTTTTTTACTTAACCTATATTGTTTAGGCAATTTT
AATTATAT

>Sequence 481

CCGGGCAGGTACAGAAGGGCCCCTAATATGATTACTATAGCAGGTTATAG
CAGATATTAAAGAATTCCAAGGAAGGGGAGAGAAGACGCCTTTCTGGAAG
AGGTATGCTTTAAAATTGAGAAATGTTTAGGTAAGGAGAGAGGCACCGAA
GACATTGTGCTAAATGTAAACAAAGAACCTTGATTTATATAAATAAAGTG
AACTCGGTTTTTTCTTGGACAGTTTATTATTTTCTTCTTGTCTAAGGATGT
CTGTTCCATGACTTTTGAAACAGATTTTGTTCCAATGTGGAATATACCTA
GTAGGAATAGGTATGTCTTGAAACAAGGTAGAGTCTAATTAAGTTTTCAA
TTAAGAATGTGTGCTGGAATTTTTTAGTTCAACAAATCTAACCCAGCATA
TATTTGCAATGCTCTGCGACAAGGACTTGTGGGACAGAGAATTTGTGAAT
TGTGGATGAGTTAACAAACTGTGGCAGAAAN

>Sequence 482

CCGGTCTGGTACTCAACAAGTTGGTAAAGCTCTTTTAAGCTCGTAAACTC
ATGCTGGCTAGGTTTGGTGAACGACGTAGTAAGGTGTCTGGTAACTCATT
AGTTGTATAAATGACACTATACTAAACCAAGGCAATATAATTTTAAACAT
TCAGATAGAAAAAAGTTTTATTTGAGTTACTCTTTTTGTTCAGTTTTT
TCTAAATAAGATGAATTATTTGATTTAAAATTAATATATAGTAATTGTA
GAAAATTTGGCATAGAAAATTCATGAAATACAGTAAAAAAATTAATAATG
GATAATTCCATTATTCAAGTCACATATAATAACCAGTTAACCATTTTTAT
GTTTATGGTTTATGGAAACTATGTATTAAGCTTAATATATTCCGGTGGAA
AATCCCAATTACATTTGTTATTG

>Sequence 483

AGGTACCACGTCATTACTGTTACCTGGGGGAAAAAAGTAAAAAGCACTGC
TCCCAGCTAGCACTGGTTTCGTCCCCACACTCAACTGTGTCTGGCTCCGA
TAATGGGGCACATTTTTTTTTTTGGAGAATCCTTTCTTTACTATTCTGATG
GGCAAAGATTGAAAACCTGGCAATAAAAAGAAATTAAGCTGTACTTTTTTC
ATAAACAGATGGCAAAATTTTATGTGTATGGGTGTATGCATACAAGAAAG
GGAAATCAAGGGCCGGGCGCGGCGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTT
GGGAGGCCGAGGCGGGTGGATCATGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTG
GCTTACAAGGTGAAACCCCGTGTTTACG

>Sequence 484

CCGGGCAGGTACAATTATTAATACTTCCAGTCCTTGCTCTTTTACACCCA
AAGTGAGGAACCAAGAGGGTTACGAAACCAGGGAATATGAGAATTGACAT
AGTGGGCATGGAAGGGTAATGCTGAAAACACCGAAAAGGACAGTGTTCCG
ATAGAAGATAGGAGCCAGTGTGCACTCCCTCCAGCTGGGTTTTTACACCC
CTGGATAGACTTGCTGGGCGAGGCTGGATTTATTTTAAGATTACAGAGA
GATGCACCAATTTGTTTTTAAACATAAATATGTGTCAAATAGAATGAGGT

Table 3

94/1077

TTTTTAGGGGCCCTTCTTGTTATGGGGGAGGGAGGAAATTATTTTAAATT
TTAAGGAACCTAAAAGTTTTGGTTAAACCACCTATCTATAAGTTTTTTGT
TATTGCCCCG

>Sequence 485

CCGGGCAGGTACATTTTATTCATCCGTCGTTTGGGTCAGGGTCTGCGGGC
AGACACAGGTAGCTACTGCCCTGTTGTGAGAAGCAATACCTCAATTGGTG
CCCCATGTGAGGAGAGCTGTGTGAGGACAGTCAGGGGTCTGCAGAAACAG
ACCTTCCGCAATCGGAGCCCCCTTTGTAAGGCAAGCTTTGAAGGAAGTGTA
AGGACCGCTTTCATGAGGAAAGCTGCAAAGGAAGCCTGAGGAATGCGACG
GGCCCCCGGGAACAAAGGTGAAGAAAAACCGCGTGGTCAAGTCAGTGAG
TAACTAGTAAGTCATTGGTGCCCACTCAAGGTTACCAAGTTCTGGGGAAA
GTTGGTTCAAGCTGAGATTTTCATCATGGGACAACAGTTATTAGCACAGCA
GAAACATTATATAAAAGTATTACAACAGCTGCTTA

>Sequence 486

CCGGGCAGGTACATCTTTTCTTGCCTCACATCACCTATTTTCCTCAATCA
CTGCTTGGATTTATACCCCTTGAAGTGTCAACATTATAATCTGTGCATCA
GGCTCTGCTTTCCAGCAGATGCAGCCTAGGATACTCAGGCTAAAATCCAT
TATACCTAGTAGGACAATGTTAATGTTTTCTCCTTTAATCTCTTAGATAT
TAATATGGTGACAGATAGATAGATAGATATTGATACACAAATCTATCTTT
CACTTCTTCATTCTGAAATAAATTCTTCTCGTATTTTTTAAAACACTAG
ATTTTTTTATATGTTAGCATTTTATTTAGGAATTATTCATTTATGGTCTT
AAATAAGATCAGTCATTAGAATTATTTTACTGTCAGTATCCGGTTTCAAT
GTCA

>Sequence 487

AGCATCTAGTCACATACATCTGTAGCATTTCATGCATAACTAACTATAGAT
ATAATATATAGCTATGTTTCGTGAACGATTAGATGTCTGTATATAATGATC
TACTATTATTTGTAAAAAATGTACAGANCTGGACTTGGAACCACTTATTA
AGGCCAATTGGAGCTTCACCGCGGAGGCGGCCGAGGTACTATTTTAAAGA
AAACACTGTTGGCATCTAATATATAGAAATGTATACATTTTGAAAGTGTA
ATGTTTGGCTTTGAAACTCTTCTCCAGTTATTGAGTAGCACCAATTTCAG
AAGCAACCCATCAGGAAGTATAAGGGAATTTTTCTAGGACTTAAAATGTA
TTTTATTTTGCTTTTAGCCAACCAAGCCCGTTAGAAAGGGTTGAATGAATT
GAGTTAGGGAAGCGAAACACCACAGGCTTTAAAACCCCTTAAGGGCTGTT
GGGAGAAATTTCGAAAGGGTTCCCAATAGTTCCTTCCCAAAATGTTGCCGT
GTTGGAAAACAAAGGCCAGCTTAAAACGGTGGAGAAAAACCCATTGGAG
GGGCCTGGAAGGTTGGACCAACACTTTAAGGTATTGGGTTCAATGGAAT
TTGAAGGGGGAAAAATGGGGATAGGTGGGGGGTTTGGTTGGTGGTGCCTT
TGGGGAT

>Sequence 488

AGGTACAATTGAAGTATGTGCAGTTTATTGCATGTAAATAAACCTTTTAA
AAATTAACCGATACAAGTTGACTTACATGACCAGAAAGCTCTTGAAAAAC
TCTCCTGTTTTCTCCCCTATTTTTATTCTTGCATGCACCTTATAGACTGT
GTTAACACATTTTCTCATGCTTACGTGTTCTTTTTGATGTCTACAATTTT
CTCACAGAGTCAAATATTAACCTATTCACCATAAATTTCTTGGGTTATC
TTCTTTTAGTTTCATTTCAGATAAATTATTGAGATAAATGGTATTTGAAAA
ATGGTTTAAATGGATAATGTTTCCATTGCCATTTCAAGAAAATCCTTCTG
GCTCCTTCCCGATTCTAACAATAAATAGGTCGAAATTTATTGCCTTGTCC
AACCGATTTACCACAGGATATAATTTGGCTTTTTTTTTTTACTTTTTTTTG
GAGGACCAGAAGTTCTTCGGCTTTGGGTTTAACCTCAAGGGCTGG

>Sequence 489

AGGTACTACATAAACTGGGCTCTTTGTTCTCTGGCTTTAAATCGGGTTCA
ATAAATGAGAAGCAACAACCAAGGGTCTCTCTGGACTCCCACAACCTACTCT
CTCCCTTTGCCCTTGCTGGGCCAAATATGGTGCAACTTCCTATCATTGCT
AGTCCCTAGGTGCTGCACTATTCCTTGCTGGATTCCCGTAACCCCTTCCCA
TACCATTTGTAAATACCTGCTTCATTACACTCTTTGACCTAATTAAGAGTG
TACTTGTTTCCTATCAGGATACTAATAGAGAGGGACACCTAACTCAGTC

Table 3

95/1077

TGGGGAAGCCTGGGAAGAATTCTCAGAGGAGATGATGCTTCAGCTACGTT
TTTTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGAGACTGAGTCTCAATCTGTGGCCCAGGCTG
G

>Sequence 490

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTTGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTGAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GAAAATGTTCTGGATTAAACATTTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAAC
CCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCCTGATGAAGC
TGAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGACAGCTGGAGGCAG
GCACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATCA
CAACCTGGTGACTTGCACCCAAGTCTATTACTATTGTCTCTTG

>Sequence 491

CCGGGCAGGTACAGCAGAACTGCATGGATCAGGTAAGTGTGCTGAGCTGT
GGATCCTCCTAATTCCTGAGCTGGGTGTGTAGAGACAAGAGCAGGAGACT
AGGGGCTGATGATCTTTTAGTCACATCCATTTACCCCAGAGTGCTCTATA
CAAATAGCATTTTTATGTATTCCCCGGCATGAAAAAGCTGGAAAGCACCA
AGAGAAGGTTGGTGTAAACAACATGAAGTTTTGGAATCTCAGAAAGTCT
GAATGAGTTAATTTTTTTGAGCTTTAGCATACTTATCATTTTATAATGAG
GATAATTCCTTAAAGCAATTCTGTCCAATAGAAGTTTGAGATGATAGAAA
TGTTCTGTATCTGAGCTGTCCAATGGTGTAGCCACTAGTCACATGTGGCT
TTTCAGCATTTAAAAAATGGCTAGTAAGGTT

>Sequence 492

AGGTACCAGCTGCTAAGCATACAAAGATTCAAGGTTAAAAAAATCCTCTC
TTCATTCAAAAAGTTCAGCGTCTAGTAGGATGAATAAATGAATGAATGAA
TAAACCAAGTGAAACACTGCCAAGTGCTATTGTTTAGATCTAAACCAAAG
CCTGCAGAGGGAACAGTGGACTCTACCTGGGAAGATTAAGAAGATCTTAC
CCAAGTGGGGACAGGGAACAAGGTCTCAAGGTGTGAGATGTCTTCCAGGT
GAAGAAGCGAGAGAGGGGCCATTCTAGGCAAGGAGAACCCAGAGATGGGT
CAAACAAGAGGTTGGAAGTAAGTAGGAAAAAATAGTGAAGGGTGAAAAGA
TATCTGTCATTTTAAAATATTAATAAAAGACAGA

>Sequence 493

AGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTAAGAATTTTAATTTTCCTAGTTTCTTA
TCTTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGTATAGCTCCATTCTCCAAGACAT
TTAAGACATGCGCTTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTAT
GGGTTTTATCCATTTGTATACTGTTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAAAT
AGCCATAGGAGGTAGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAAC
GAGTTTTAAAGTGTTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAA
AGTAACTAAAGGTTGTTAGCATAACAATTCAACCAAAGATGCAATTGAAA
CAATATGTCTTTGCTGTCATGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGG
C

>Sequence 494

CCGGGCAGGTACGCGGGGTAATCTCAGTTACTTGGGAGGCTGAGGCAGAA
CTGCTTGATCCCGGGAAGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGGTGCGACCACT
GAACTCTAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACTCAGTCTCAAAAAATAAAAAA
TAGAACGACTGACAGGCCATCTTCCAATGTTCTGATCTCCCCTGACTCTG
TGGGTCCAACAGGACCATCTGAGCAGGTGCGAGTCCTGGGCCTGGACAA
GTTTGACTGGTCCCATGCCAGTTTTTTTCTCTGCTTTTACTCAATGCCCA
ATGCCCTCAAGTTGCCTTTGGGTGAATTCAACCCAAAATGGGCTGATGA
GCAACTGTCCCTGAAACATGGGCACTTGTTATTCTCCTGGTG

>Sequence 495

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTGCTCTGTC
ACCAGCCTGGTGTATAATGGTGCTATCTCAGCTCACTGCAACATCTGACA
TCCTTGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGTTTA
CAGGCGTGAGCCACCGCGCCCAGCCAACCTTTTGTCTTTTATATGTCTTTC
AGTAAGGGTCTGTTGCTAGTAACTTAGTCCTGATTGGTGTGAAAATATA

Table 3

96/1077

TCTTAAACCCACACTTGAATTAATTTTCAGGTGCAGGGTTATTTTCCATC
AGCATTTTGGACACTATTATGCCATCATCTATTATTACTAAGCCATTGTTT
TAAATATAAAGTTGGTGGTGAGAGTGCCTGCTTTTCTTTCACGGATAACC
TGCTTTTCTCTCTGGTATCATTTT

>Sequence 496

AGGTACCTTTAGTCCTTCTTTTTGCCTGGAACATGGACTCAGGAGGTGGA
AGAGCCAGGATGTGTTTCATGAGAACATGCAGTGACACGCCAAGGAGAGCA
GAACAAGACTCTAGAAGGCTCCCAAGCCTGTGATGAATTGTAAGTGCATG
TTTATTAGCCCAGGACCTCTTCCTCTGGAGTTGTTCCATGAGAAAAACAG
TATCTCTTTTGGTTAAACCACTCTAGGGTTTCTGTGGCAAGGAGAATGTC
ATCGCTAATTGACACAACCTCAGGTTTTGTCTTTTATTTTTATATTCAACA
AATATTAGCACATATGCCTGTAGCTATGTGCCAGTAACTACGACAGATAC
TAAAAGACAGTCCTACCTCGAGGCACTTGTGGTCTGGTAGGATAAATTCT
ATAGCTGGGTAAACCTGGCAAAAGGGATTAG

>Sequence 497

CCGGGCAGGTACAAGATTTCTTAGGGCGAATCCAATTCCATCAATACCTG
GGGAAACACAAAAAACCTGGTGCAGCTGGAAGGCTGCTGCACTGAAAAGC
TGCCACTCTATATGGTGTGGAGGATGTTGGCCCATGTGGGACCTGATCG
GCTTTCTCTGGACCTGTACTGCGGTAATGTGATGAACTATTGGATGGTCC
TTTCTCTATGAATCTTCAACATATAAAAACATGATTTTATTACATTTT
GAAAAGGCATATGTCCTTTTTTGGCAGCTTGGTAAATTTCTGTACAGGG
AGAAAATCCATTTTTTGGTTTCCAATGGGGGTAAATGTTGGCAAGCACCAGG
GGAAATATTTTCTGTATTGCAAAAAGATGGAATCCTACAACCTGGTTTAA
GACCTTTTGGTGGGAATTATAAAGGCCCTGGGCCTTTTAATGTAAAGTT
TTTTTACAACCCCTTATGGGGGGCCCAAATATATCACTTTTTTAACTTC
AAAA

>Sequence 498

CCGGGCAGGTACTAACTCTACCACTCTTATTCTACTGATTCTATTACTGC
TATTAATAATTCTATTATTACTGATTCTCCTTGTTATTAGGCAATATTGA
TAAAAAGGGGGCGGAAATGACACACACAATTACTTCTTTTTTCGAGCACAA
ATACATATGGACCCTTCTGGGTGCTTTCCTTATAAAATGAAATGGACCTA
TCCATTTTAGGTGTGACATCTACTTTTAAAATTAACAAAAAAACTAT
ACACATGTTTCAGAAAAGTTTGTAACCTGTCACAGTTATAATGCAACTTGT
TtagtccatcagtataaatatactTTTTTTGGTCAAAAATCTCTGGATGG
AAAAATGTGTGAATTATTCTTAAACTGTGCCTTACAACGTGGTAGAAAA
TTAAGCCAAAACACAAGACAGAATGACCAAAACCACCAGATGTTTTCTATA
GAATGCAGACATTGCTCTAATGAATTTTCATCCCTATGGAAAATCCCACCC
GATTTTATAAGGTTTATAATGTGTTTCCTTAAAGAATGGAAACATTATTG
GAATTGTGTCTTAACAGGCCGCACATAACTTCCCATTAAGAAAACAATTT
ATTCAATTATTTTTTCTTCTAATACCCAACCTTTGCTTATAAAAGGTCCAC
CAAGGTTTGGCTTTCTTATTCTAAAACGTTTATAACCTAAGATTACAGGG
CTTAAATATTTAAATAAAATAAATGGGCCCTTATTAAAGATGGTCTCCA
CCCAGTATGCTTCCATAAATAGGGCATATTCTCAGTGAGTAA

>Sequence 499

AGGTACTTTGGGCTTGATCATTTTAAGTTTCAATTGCAAAAAAAATTTT
TGACGGAGTGTTGCTCTGTCACTCAGGTTGGAGTGCAGTGGTGCATCTC
AGCTCACTGCAACTTCCACCTCCCAGGTTCAAGCGATTCTTATGCCTCAG
TCTCCTGAGCTAAATTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTGGTCAGGCGGGTCTCGAACTCCTGACCTCGTGATCCACC
TGCTTCGGCCTTCCAAAGTGCTGGGATTACAAGTTTGAGCCACTGCACCT
GGCTAACTTGCCCTATTTTAAAGTCAAGCAATGGGAAGAATAACAAGATT
ATATAGTAATCAGTTTCATG

>Sequence 500

ACGTACAGAACTAGCTAGCTAGCTCATTGGTTTAGATACGGGGTGCCGGTG
AAGGTTTGTGGCTTAGGAGGTAGATTAGATATTTATTTCCATTGGACTGA
GGCTTAAGCTCAGTTTAATGCTCATGGATATGGATAACTTATTTTGATTC

Table 3

97/1077

ACCTCCAGAAATTGTCGTTAAGCAATTTGTGTTTGTGCAAGTGTTACCAT
CTCTCACAAAGGATATGAGTTTCTGAACACTGATATTTTATAGTTTCTGT
ATCATTATACTTTGCAAGATTTTGGTCAAAAAGACCAAAAGCTTTATGTC
AAAATGGGAAAGTAGTGATAATAAAAAGTTACTCAGTATCTTTTTCTTTG
CATTAATTCCCATGAATGGATTAACTAAGAGATTAACCATACTTAGGGG
AAATGCAAACCTTTTTCTGTTTTCTTTTTTTTGTGAGACAGTGTTGCTCTGT
TCCGCATGAGTGCAGTGGTGCAGTCATGGTTCTCTCACCTCCTGAGCTCA
ACCTGTCTTTCCATCTCAGCTTTCCTTGCTCTTTTAATTTACGAAAATGT
TCCTGTCCATAGCCACTCCTGGGACAAGAATAAACATTGCTTTGTTGAAA
TAGTGTGGAAACACTTTTAAGTTAACAGAGGAGAGAATAGCAATGA

>Sequence 501

CCGGGCAGGTACTTTTATCTGACAGAGGCTTCATTTTTCTCAAATATTCC
TTTGAATCAAAGACATCCATCATATTA AAAAGAGTAAAATCATTT CAGGG
AGGATTGCTAGAGGATACAGAGGGCAGGGATTTAGCCTTCCAGGTGACCT
CTGCTGGGGTCCCAAGGGGTGGGACAGGGTTTTTAGTCACTAATTTAAAA
GTATAAAAAGGTTTCCAATGCTTTATAAGTTAACAAACCCATATCCTGAG
AATTCAAAGAATACTGAATGGCAACATTATAAATAGTAACATTTGCTATT
AAAAAAGGCAGTAAGACTCTAGCTACCTGAAACCAAAAATAAGCAGTTAAG
G

>Sequence 502

AGGTACATTCAGGGTCTTCAATCTTAAGCTTGCCATTATCTCCTCAAAT
AATAACCAAGTGATGCTTACTAGGTATTCAAATTGAGCTGTCACCAGAAG
TCTTGTTGAATATTTTCTCACTTCCCTAAGCAAGTTGAACCAAGCAGGAC
AGATATGGAGAATGGATGATTGCTGATCACCAGGTCATTATTGAAGGGC
AAATTGAAATGGGTTGGTGCTTGCTAAGAAGGTAGAAGAGGCCGGGCACA
GTGGCTCACGGCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCCAGGGCGAGTGGAG
CACTTGAGTTCAGCTCAAGACCAGCATGGCCAACATGGTGAAACCCTATC
TCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCTGGACGTTAGTGGCACGCCCTCTA
GTCCCAGCTACTTGGAAGGCT

>Sequence 503

AGGTACTCAAAGTCAAATCATTTATATTTTCATCATGTATTATTTTCACC
TTAAATTTCAAATAAACTACAGTGAATGAAATATGTATCTATTATTTACA
AATTAATTTTTACTTTGCTATACTTCCCCCAAATTCAGAAAGCCAAATTA
AGATACTGTTTCTTTGTAAAGTAATGCTTAATACGCCGTTATCTTCTAAA
TATAGTATGGCTTTACAGACTAACTGGTTTTAAAAAATTCTTTGCATCT
TATCTCATATAAGCCTTAGAGTTAACAAAGTCATTTCCCCTTTTTAAAAT
AAATTTAGTGACACAAAGTTTGCATGAGCAAAAAAGTTATTACCTTACGT
GAATGTCTTACAAATTGCTCTCTTATCAACAGGAGACAATTTCAAATGT
CATCTTAAATATTAACCTTGCTGGCTGGGCGCGGTGGCTCACACCT

>Sequence 504

CCGGGCAGGTACTTCAAACCTATTCATAAGCAAAAATCAGTGTCAAAAAT
ATTTAGTAACTTAAAAAAAACAAAAAGTATAAGTAGAGACGGACAAGAAC
TCCTCCTGCTTTCTCCCCTGCTCATCGTATTTCTGTTCCATTACATA
AGAGACTAAAACCTGACAACTCTGTTTTATCGCTAACACCTAAAAGCAAT
AAATGTGATTTGTTACCATATTATGATAAAATTTAACCAAAAAATTTTAA
AGATCGGATATTCTGCAGTTTACAGTGACATTTATGTATATATGCCTAAA
AGCTACATATAAACCTTGAATTCATTTAAAATTATTTCCAAAGAATAAAT
GAAGGCTGCTTTTGAAGTGCCAGG

>Sequence 505

CCGGGCAGGTACCTGCTAAGAATATTTTCAGCTACGAGTATCAGAAAAC
AGCCTAGAGGATCTTAAACAAATAGGGTTTTTCACATGTAACAAGAAGTT
TCTGGTTTTCGTCAGCTGCTCCATATCACCACCAGGAGCCCAGATTCTTT
CTTACCTTTTTTCTCCCCTCCCTAGAGAGCTTTCTGCATTTTTGTGTTCA
TGGTTGTTGCCCCCTGGACACAGAATTTGACAGAATTGCCAAATGTATCA
ACATTTTAGGCAGGAAAAATCGTAACGGGCAGAAAGGCTGTATCATCCATG
TCTGAAATCCTTTTTTAGAGGACAAAATTTTGTCCCTACAACACTGCTCA

Table 3

98/1077

GTTGATTTCTGCTTATATCTCAATGGCCATTTAATGGCCAGTGT

>Sequence 506

CCGGGCAGGTACATCTTGAGCCAGTTGTCACAGCTCTGTGTTAAAGAACC
CAACTAATGGTTCCTAGTTTTTAAGAAGGTTAAGGACTAACTAGTCTCTA
GACCATTATGAGATTAAGATAATCCTGAAATAAATAATACCGAAGAAGTA
ACCTTTTTAAGAACATACAGCCCAGAAATGACTGTTAGAATTCTCGCCTC
AGATGCTATTCATAGCTTATAAGTAGCCTTGCTCTTCTCACCATGAGGAT
TTCCATAACATTATTTTTAAAGTCAGGCACTTCTAAAACACCATGTGTGA
AAACACCCTAGGCCAATGCATGTAAGAAAAATGTGGAACCATATTTGATC
ATCAGACTTACATCACGTGGAGTGGGCTTCTCTCTTTCTCTTG

>Sequence 507

AGGTCCCCGGGTGCTGAGTAAAGTCTATAAAGAGCAGTTGAGAATCCATG
GCCAGAAAATAGGTTAGAGACAAAACCTGGTGTGGAACCTACACGTCTTG
TCTTGTAATTCAGGAGCCTCATCAAGTCACCTTGAAGTCTACCTTGGATA
AGATAACACAAGACCCATGACAAATTGAAGTGTATCACTTAACAATGCCT
GTGAAAAAGACTTTCTCTTTAGTAACCAGAACACTTTTACAGCAAGAGAT
TTTATTTTCAGATGTTTATAATTATTTATAAAAGAGACAACCTACATAACCA
CTTGCTTTGTTAACAGTGGACAGTGAGACATCTTGAAGAGGAAGTTGTTG
GTCTCTTTAGATTGGGCAGTCTAAACTG

>Sequence 508

AGGTACATTTTCAGGCTGAAGAAATGGCAAATCCTAAGGCCCTAAAGCAGG
AGCAAAATTGACATGTTTGAAGAAGACGAGTGTGACTGGACCTCTGTGAT
TGGGGGGAAGCGGCGCAGGATGAAACGAGGGAGGTATGTAAGGACCAAAA
CATGGAAGGAAAGCAAGATTTCCAGAAAAAGTGGATGGGAGAGGCACTAT
CCATGAATATGATCCAGTTGTCCAAGAAAGTTAATTTAGCAGAAAGAAAT
GGAATGTTAATGTTGGTTCAGATGCAGAATCTAATATGTGTTTTATTTTA
AATAAGGGAGAGTTAAGCATCGTTAAAGACATAAGAAAAGAGAAAGCTGA
CTCCTTTTCTTCCAGTGACCATTAGTAACGTATTCT

>Sequence 509

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTTTTGTTTAACTTTGTTGAC
TAAGATCTCAGAAGTATCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTG
TGGGAGAAGCAAGCCAAGTGAAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTAGC
TCTCCAAAAGTGTCTATGTCACTTGGAAAGGAATTTGATTCTTTTCT
GCAAGGCACTGACAATACCTTACAACAGAGCTGGGAGATAAAATGCATAG
CTTGTGAAAGTCATCAGAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAAC
GGGTCAACTTGATGATTTTTTCGACTTGATGATGGTGTGGAACACTATTCA
CATTTAGTAGGAAAAGTGTATCGATAAGG

>Sequence 510

CCGGGCAGGACGCGGGCAAATACTTCAAGCTGTTTTGGTGTGTTGATTATG
TCAAATTTTAAGAAAAGGCAGAGGATCAGTTCAGGTATTCAAAGGCCAA
CATATCCAAAAGGTATTCAAAGGCCAAGACAGAGCTGCTTTTGTGTGGG
TCAGGTAGAAAGTAAAGGACTGTATTTCTCTGTCCATTGATTTACAAAAG
AAATTAGTGTCCATTACCTTTCCAGGCACTCTAATAAATACTACTTATT
AAGAAGACTTTACATTTAAGTTTGACCTTTTTGTCCAAGGCTTAGATTTT
TTACGGGGTACTCTTTGCCTTAAGACTCAGACCCAATGGGCACCTATAT
TAGTTTAGGTTGTTTTCTTGAGAAAAAAGTTTTTGTGTTTTTCCCCCAGT
CTTTGAGTTGCCAATGGTC

>Sequence 511

CCGGGCAGGTAAGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATCAGGAAAGCGA
GTCCCATAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGTTGGAGGGATAGTCACCTCTATTTGAATGTGATTAC
AGTTCCTTTATCATTTTGCTCTTTACCTTCATATTTCTTTTCAATACTTG

Table 3

99/1077

ATTCTAATTGACATTCCATTTTACTATTGCAATTTTACTTTTTTCG

>Sequence 512

CCGGGCAGGTACCGCATGCAACCAGTTTACATGAATCTACCCCAGTTGTC
AAGATGGCACACCCTTCCACCTGCACATTAGTTTCATCCCTGAGCCCTAC
TTACAGGCTGGAGCCAGGAGAGCTGGTGGCCTTGGAACCAAACAGACTGG
GCCTTGAACCTCTGGTTTTGATGCTCCCCAGCTGTTCAACTATAACAAGCTT
CTTAATCTCTCTGGGCCTCAGTTCCTCATGTTAGGATTGTCTGAGGAT
TAAATGAACTGTCACTGAAGCACCTGGCACGTAGCAGGTGCTCTATCCA
TGTGGCAGTCATTATTTTACTATTGAGCGTCTGGTTCTGTTGAGGCCCT
GCCTAGCCCAGTGGCTATTTTCATCAGTCTGTCCCTGGAGTTGCTGTGTTT
GTCC

>Sequence 513

AGGTACCCTGAGATTGCATGTGCGCACGCCCTTTCTAATCTTCTGACTTT
GAGTGTGGCTGGTCTGTAGCTTTTGCTCATTCTTCCTAATGACCATGGGA
ATAAGGGAGTGGGGTGGGGGGCAAGAATGGCTGCAAGTAGTGGGGAGTAG
TTGAAGGTGTGCAAACTGTGTCTGCACCCAGCCTGACCCCCAAGAGTCC
TGGGCAGGCCCCATGGTTTGGGTGTGAGTCCTGGTGAGTGTGTTGCTCAA
ATCTGCTTGACTATTGATGGTTTTTTACTGAGTGTTAAATTTGATTAAAC
TCTTAAGTCCTCCTAAGTGCCAGGAAGACACTCTGCTTTCTCTCCCTCTT
TTTTCTCCTTGATTCATAGTGGTA

>Sequence 514

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAAAGCCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGTGCTATTTGG
CCGTTTTAGATGCGATGTTTCTTAACCTGAGCGTTGGGAACTAAAGGTCT
GTTCTCTAACTAATTGATCTCTTAAACTTCTTTGTACTTTACTTGTATAT
TGATCCGATACTCCCATTTTTCTAATTTTCATTTTTCTATTTTATATTCT
TCTATCATGTTTCATATTGAAATTCCTTAGTATGTGCGTCATTCTACATTC
CATTTATGAGATTCCTCCAGTTTGAAGTATTACCTCCAATTCTATATATC
TTTCCAATCTTCTCAGTTTTTTCCCATTTCCC

>Sequence 515

AGGTACTTCTTAATTAGAATTTAGGGCTAACAAGAGATATTATAACATCA
ATACTTGCAATTATATAGAGGAGGCCTTTAACTACTGTCTAGGGAATTCA
GAGAGCCATGTTCCCTTTACAACATTCTTCTCGTGCAATTCAAAGACAAT
TGATAGCTAGAAAATGTCAAGGAACCAAGATTCTTGACCAACTTGAAAAG
CAAGACTTGGATAAATGGCATTATGAGATATATTTGCACTAATTGTTTCA
ATTTGACTGAAGTATGTCATCTCTGCTAGATTGTAATTTCCACAAGGGCT
GAGGCTTCATGTCTGCATATCACCCCTTATTTATTTCTCAGAAAGGGTCC
CCTATTACCTAGTGGGACCCTCAAAAATATTTGATGGATCA

>Sequence 516

AGGTACGCGGGGTGATCAAGCTGGAAGATTGAAGAAGGAATGGGGATGGA
TTGGAGTCAGCATTGTATTCTGGTCATGGTAAACTTGCCAGTGTATATAA
ATCATCCAAATGGACATGGTGATGAGGAGTTGGACCTGTAGATCTGAAGC
GTAGAGAGGAAGGCAGAGTTGGAGATGTAGATATGGGAGCCTCTGGCCTG
TGGAGAGAGTGTATGATCACCATCCTGGACTACACGTGGAGAAGAAAAGA
TGACCAGCGACAGAGGGCTGGGTAGAGCCAGCAAAGGAGACCTCAAAAGG
ATGGCAGACAGGGTGAGGTAAAGGTCAGGAATGTGTGCTGTGGCATTACTG
AAACCTAAAGAGAAAAAAATCGTGTTTCAGGAAGAAATCAACTTATAAAT
GCTGAGGAAGAAAGGCTAGTAGTGATT

>Sequence 517

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCAGAGATGGTGT
CTCACTTCGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCC
TTCCACCTCAGCCTCCCAAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGCCACCATA
CCCAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAG
AAGACAGGACCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAATTCCTCAACTCAAGT
TGGGCATTACTATCACCCCTACATTAACATGTTCCCATTAGGAATATGAC

Table 3

100/1077

CAAGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACAC
ATGAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCT
ATGCCCCCTTGGAATA

>Sequence 518

AGGTACTTAATGGACAGGTGTTTTGAGCAGAGGTTTATAGCTCTTAGAAC
TTTAAATGAGGCCTCCAGTGAAGTTGATTACAATGGAATGAGCCAAACAA
GGCCCGCAGAGTTCACCTCCACTTAATAACTCACTAATGCTGTCCTTCAA
AAGTCCGAAGATTACAGCTCTGAACCAGAGCAGCACACAGAGGGAAAACA
CAAGGTAATCTCTCATCTAAATGAGGGAGTCAGAGGCTGCAATCTCAGCC
ATCTAAGAACTTGCCATCCACTAGCAAGCAGGTTTGTCCCTGAAAATTCC
TGAGCAGTGGACTTGAAATTAAACACAGACCCAGTAAAAAATGAATATCA
GTAACAAATAAAGGGGAAAACAAGGTCTATTTTCCAGATATAGAATCTAG
GAAGTGTTTAAACTCTTTAC

>Sequence 519

CCGGGCAGGTACTGTTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTTAAAGTTCATTT
CTCCACCCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGT
ATTAGGGCCAAGCTGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCC
TGTGACTCATGCCTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAG
CCATAACATTTGCAGGATTTGGAAATTCCACCTCAAGCTCCAATCCCAGG
GTGTTGATTCTGGCTAACCATGTTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGA
CTCACTTTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGA
ACACTTT

>Sequence 520

TTTTTTGATAAATTTTAAACTTCTGGTTTGAAACTTTTGTTTCCTGTGCT
TAAAAGGAGACAGTTAAAAACACTCTGATTTGGACTGACAGAATGTTTTT
TAGATGTTAGATAGATCTAGCTTTGAATATTTATTTGCAGAGAAGTAGCA
GGGAGGACTAGGAATGACTTTTTCTTAGGAGGTGCTATGCATTCCATCAG
GTGACTGACCCCTTTGTGAGCTGTAGTGGTCAGTCCCAGCATGGCCCACA
CTTGTTGGCTGTCTTAGCCATGGTGGCTGTGGTTGGCGGGTACCT

>Sequence 521

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGGCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACCTGGGGAAAATCTTGGCACCCAGAAGAAATTAACCTGGGG
CTTACTGCAAAAATACAATGGGCCTACATTGGAATTTGGTAGAAGGAGAA
AGGAAGCCCCTGTAATTGAGAAGGCTGTGCCTTTGAAAAAATTTTTTGC
CCCCTTAAATGTGGGCGGAAGCCCAAAGGGAAAAATCCTTGTGAGAAAAT
CATCAATTGCGTTGAAAAAAAACCTTGGGCATTTTTTTC

>Sequence 522

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGATGGGTGGAGGGATGCGTTGATCCCTGGGCGATATGTTATTGGGCT
AAGTACGTGGGCATGGGATCTGACGCAAAAGCAGGTAACCTTTAGGATG
CGTAGATAATATGCGTTGATTACGGGAGTGAGTGGAATGAATTGCATTTC
GTGTGTGTCTAAAAAAATTATATAGCGGGCGCAACGCGTGATAAGGTAGA
GTATTTGTCGGTCTTAACCTGAGGGAGAGTCGCCTTAAGCGGTACGGTGGA
ATTAACGTCATGATGGTGAATTAGATAATGACGTTATTGGAGTAAATATG
TTGTAGCATAGACTATTGGTTGCACCAGTGGACTTATATAACGTCTGTGG
CGGGTTGATAATTGATGAGTGGATTATTACGTGATTCATTAGATAGACGT
CATATCTATGGAAGTATCATTAGTGCATAGTATAACTACATCTGATGGAA
TGGTGGGAGACGTCATTGCGTCGGTAGATTATGTTGACGTTACAGATCCT

Table 3

101/1077

GCATGTTCTACTAAATGCATAGTTGACTCTTGATACAATATAAACAGTCC
AAGATATACGTAATCGTTTATGGCGCTCGCTGACTCACGGCTATATCACT
CGTAATATATTAGGGTGAATAATCCGTCCGGGAATTGCGTGGTCGAAAAC
CTTGTGGTCAAACAAGAAGCGGAAACTAATACCGTGTGCAACA

>Sequence 523

AGGTACATACTTCAGAGGCTAGTTGGCGGGAGTCACTAAGTTAATCCATG
CACAGTGTTCAGCCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACAACAGC
TTCTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTCAGGCT
CCTAGGGTAATATCCTGTCCCTATCACTTTCAATTGTAGGAAGATGGGCA
CATTACATACCCCCATAAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACAGAGATAA
TAATTGTATCTACCTTATGGGTTATTGCAAGCAGCACATACAGTCACCCA
AATAAAGTATATAAGAGTATCTTGTAAGTTCCCAGTAAGTGCTCACTCCT
ATGAATTTGGTGGTTCCCCATTTGAATTCCTGTGGTATTATAGGA

>Sequence 524

CCGGGCAGGACAGCTAAGAACACAGGGTTGCCTCTAATCTCAGCTCCAGG
TCAGAGTGCTATTCTCCTAGGAAGGGCAGGACATTAGCATTTCTCATGCT
GCTCCTAGCTACTTGTCTGAGGTTAAATTCTGTGTAAGTATAATTGAGA
AATGAAAGCTCCTTCCTTCCCCACCCCCACAACCTCAAGCCCCCATGCAT
GGAACAGAGACTCTAACTCCTTGAGCATAACTGCACTAGAATATTGGAGC
CTGTCTTTCCCTTGGCTTGTAAGGTAGAGATTCCAGGCTAAGAGAGGCAA
GCTTATAAGGCCTGAAGCTACTGCCTGTGCCCTTCTATTCAGTATTCAGC
TTCCAAAACAGTGGAAGTGTACTCAGAGAGGGAAATGCACATTATCCCT
ATGCCCA

>Sequence 525

AGGTACTGGTTCATGTGTAACCTCATACATCCCACAAGCATCTACTGTGTG
CAGAATGTCTCGTATGTGAAAGACACTGTGGGCATATAACTGTGGCTTAG
ATGGGCTTCTAACCCCTGAGAAGATAATATATCAGCAGAAAAAAGGAAC
ATGTATATGAACTGCCATCACACAACCTATCCAGAATTCCACAAGAAAAG
TATGGTCAAAGAGCTAGGAGGTGTTGAAGGAAAGATTACCTGCAGGAGAG
GCAATGCGAGATGATAGAAGATTCTGAGCTATAGAGCGAGGCGGACCCAG
ATGGGAATTTCAAGTTTTCTCGGGATGTGGGACCCTAACCAAGCTTCTTA
TACTTTCCAAGCATCCATTTTCTCATTTTAAAAAAGA

>Sequence 526

CCGGGCAGGTACTAGACAACAGCTGTTTCCCTGGTGTATGATGGAGCCAA
CACCAGTCAGGGGTATATTATTACATCTGATTATCAGTCAGGATAAGGTA
GGCAATTCTCTGGTAACAAACCATCCTCAAATCTCAGTGCTTATATAGGC
ACTATTTCTTGCTCCACTAGATGGTTCATACTTGCTCACACTACCCATCA
TGGGTCGTTAGGAGATCTCTGCTTATGGTCACTCAGGAATTCATCTGACA
AAGGAGCCACCACCTTGAATATCATGGGTCACTGTGCCTCGAGGGACTGA
GGCAGCTCTCTCTGTGAGATTGCTGATATGCAACTGGGCTTGGCCTCTTT
ATTCTTCTTGGAACCGACTTGACTTCTCACTTTCTGTTTCTCCTGNGAAC
ACTCGTAAGGAATGGCTCAGTGAATTTCTTCTCAAGGTCGGCATATGGT
GTGCTGGTCCTGGACCTGTTTGCCTCAGATCCATCCTTCTGCTCTGCCT
TGTTCTGGGGTGAAGAAGTTGATCCTCGGCAGGGTGACTTTTTCAGGCTC
CAAAGAATTTCTGAAAGGACCCCCGCGTACATCCATCAACAGATTTCTAC
TCAGCAATAAAAGGAACAACTACCAAGACGTTATCTGTCATGGACAG

>Sequence 527

AGGTCCAAAACCTGGTCTGGGATGCAAAAACATTATAGCACAATTGATGAG
AGAGAATTTACTAAAAAATTAATAAATTGATCAAAGAAATGGGATTCCTG
TGCTTCTTCCTATTAGTATTACAAAGTTTGACCTCATGACTTCTGCTTGG
AAATACTCAAACCTCCCAAATCCAGTGCTTACTGACTCAGTTTACCTGGCT
GTGTTTCTTTTGTAGGCTCTTATTGGCGGGAGGCAGTGGGAGGTGGTGT
AATGCTACCCTGAACATACAGAGGACTTTCTAAAACACTGTCTCCTGTGA
TGCCACCCAGCAGGCAGGAAGAAGTGTCCANTTTGTAATCATTANNTTTC
TATTTTNNNCAGATGAAGAAGACCTNNNGGGCTCCAGN

>Sequence 528

Table 3

102/1077

CCGGGCAGTATTTGGTTTTCAAAGAATCTTATGGAGAGCATTTTTGAAA
GTAGATGTTTGGAAATCTTTCCAACATTATGTGATTTTTGTCTCTAAAAA
TGATGTATATTGCTTATAAAAACTCATATCTGCACACTTATCTTAGAAAC
TGAAATTCCTAACCTCTTTTAGAAATCTTCCAAATGGAGAGGTTGAGTTT
TAAATATATTGAGGAATTCTAAGGAGGACAGTGGCGCAGTTCTGGCTTAC
TTAAGGCGTGCGAAGGGAAGAGAGTCAGCAGAGCTCGTCCAGAGGCAGCA
AGCCTCATATGCTN

>Sequence 529

CCGGGCAGGACTATTCTTAGCCACTGTTTTATTACAAATAAAACCTTCAC
AGGAAACAGAAGGTTAGAAGAATCTGAAAATCATTCTTTCCCTTATAATT
CTTGACTTTTAGATGATAAATCCAGTTTTTCTAGCAGTATGTTAAAATTA
GAAGATTCATCTGAATATATTTAGGCTTAAAACAAACTTTATTCACAAAA
CACAGCTATATCTATATAAAAAAAGCTAACTTCACCTCAAATAATTTCAG
ATTATATTCTTTTTTTTTTCTGTTTCTCCTTCCCTTTTTTTTTCTTTTT
TTTTAAAGTGATGGGGTCTCACTCTGTTGCCAGGCTGGACTTGAATTCC
TGGTCTTGAGGGATCCTCCTGCCTCTGCCTCCTAAGTAGCTGGGACTTCA

>Sequence 530

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACGCAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGTTTTA
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCTCCTTAAAAATCATCATTAAACAATCTTTCAAACAGTCA
GTGTTTGGCTCAGTAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAGTAGCTTGAATGA
ACAAAAGG

>Sequence 531

CCGGGCAGGTACATGCATCAGGCCATGGTGACCAATTGTCTGTGGAGGGT
GAGGCAGAAGGAATTGTTGAGGATGACTGAGGTGTCTGGGTAACGCTTTC
AACTGAAACTGGGAAAGGGGATCAACTGAAACTGGGAAAGGGTTTGGTGT
GGCAGGTATAAGTAATGAGTTCAAGTTGTATATTCTGAGATGGAAGTGTC
ATGAGGACATTCAGGTGGAGAAATCCTGTAGGACACTGGAAACGGATCCA
GAGTTCACAGAAGTCAGGATAAAGGTTAGGGCTCATTAGCATCTGGGTGA
TGAACGAAGGCTTGGAGAGAATGGGGTCCCTTATGGGGAGTGTGATTAAG
GACAACCGGCCGAAAATAGAAACCTGAAGCAAGGACCGAA

>Sequence 532

AGGTACATAAATATGAATATATTCTACCAGATGTCAATCACAGGGAGGAA
CTAGATAGAGACCCAACTATGAACACTTATTTAGTATCCTTTGGGTGTA
AGTTTGGGCAGAAAAAGGGTGAAAGGAGATACTGTCTTTTGATACAAATG
CTTCTGTTTGCTTGAATCTCTTGCGTGCAAATGTAGCCATGTATCATTTT
AGTAATTAAACATAGAAAAAGCAAAACAAGCCGAAGTGGTGCTTTGTTTT
TTGAACCTGGAGTTAAGAAGGTAAGAAAGAAGCATTGTCAGTATCTGCAT
TCCAAGCTTGTTCCAAAGAATGGAGCTGGTAAATGTCTCCTGCTGTCTTA
ATTAACAAAAATCTGGGATGAGAGAATTTTT

>Sequence 533

AGGTACAAATAGACTCGATCCTCAAAGACTGAACAACTTGGAATCTTCAC
AATCCTGGGATCATTGTTAGAGCACTTGTTCTTAAATAATGTAACAATG
ATGCAGTTCTCAACATGAAAGTCTGTGAATTTTAGCAAAAGAAATGGAGA
GGCTTCTGGGGTTCTGAATTCCATAACTCACAGCTCTGAAGGCGAGACTA
CTGAAACATTCCAAGTAGAGAAAGGTCAGCAATATCAGGGTGGTCCC
TTGTAAAAGGCCACAGGCTGGCTTCCAAGAGGACTTATACGGTGACATT
TATTATCTTGATGATTTACCAGTCTGGCTCTTAGCTTTTCAGGTTTCAGAA
ACCGATTTAATCAAGA

>Sequence 534

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCACTGAGTAGCTGGGTGAATTCTGGGAAAAAC

Table 3

103/1077

AAATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCT
TCCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAA
ATTCAGTATGCACAACTCTNTCCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAA
AAACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCCTAACCTCATCTATATCCACAT
CTTTCAGACCTCTNTCCTGTCAGGTTGAGAGGATTNTTCCTCTGCTTGC
TCTTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCG
TACTTTNNNNNTTNNNNNNNNNNNNNNNTTTGGAAAGACCACTCTGCCGCC
CTTTTCAAGATGTTCACTCTTGCCCCATTTACAGTTAATAGCAGGACATT
GGTCAAATTAAGGCCCAACCCCAAAACAAAATTTTAGGTGATCATCAA
ACAGGAGAACTTACTATGCAATCTTAGATGGTATGTCCCGGATATTATGG
AAAAAACCAATTTTCAGAAAATAGGCTGTCTTTTTTCATTAAAAAATCAT
TTGCAAAGGGATAATTTTATGTCCATTGGAAAAAAGTTACTAGCTGGAAA
ATGGAAATGAAAATATTTTCCCTGCGCCTGGTTTTGATAAACTTTCTCT
TACCAAAGACCCTTAAACCATTGGCGCTTTGCCTTTTTAATTAAAAATAA
AAACTTG

>Sequence 535

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGAAACCAAACCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAGGAAACAGAAACAG
AGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGCC
AAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATGC
TATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGAG
GTCAGTATGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATATA
CCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGGC
ACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACACTGTCTGA
AGGGGAAGGTGCTCAATCTTTCTTGCATAACTGAATGAATGAGTAACTA
TCTATTCATCCATCTATTCAATCCTTCCTTCACCCAATCCTTCCCTCCAT
TCATCCATTGGGGTTTGAGCCTTTCAAATGTAGAAAGGCCACCTTTATC
TAGTGGAGAAAACCTTTGGGTTTAGGAAGTAAAAAACAGATTCATTCATT
CCACAGTCCCTGGTTAACTTTTTTGACCTTGCCCAACCAAGGGCTCTTTT
TGGGACTACCTTTCTTAATCTTATAAATGGAGAAGGTTATTTAAGAATAC
CTTTTAAGATCCGCTTTAAAAATTTTGAAGTGGAGGCCTAACCTTAAAAA
ATATTTGTTTAGAGGCCAAACCCGGGGGTTACCCCTATAATCCCGTACCC
TGGCCGTTTAAGAAGTAGGGATCCCCGGGCTGCAGAT

>Sequence 536

AGGTACGGGTAAACATTTAAAGAATCTACATTATAGATAACATTTTATTG
CAAGTAAATGTATTTCAAAATTTGTTATTGGTTTTGTATGAGATTATTCT
CAGCCTACTTCATTATCAAGCTATATTATTTTATTAATTGTAGTTTGATG
ATCCTTACAGCAAAAACCTGAAAAGCTGTCATCTTCAAAAATATGATCTTA
TTTGAACATAAAGAAGTTTATTTCAACAGGAAGTTACTTACTCTATTG
AAAAAAAACCTACAACAGTGAATTATATAATATAAATAATCTATAATAAAT
ATAAATAAATAAAGTTACCTTGCGCTCGGGCCGTGCCAAAGGATACCTTC
TTGGTCTTTACACAATTTTTTCCAACCTTTCTAAAACCTTTCTATTTTTTTT
TCCAAAATTTGGTTTTTCATTCCTTACCAACCTTCCCCAAATTTAAATCCT
ATTCCCATTTTTTTCGGCTCTGCCCGTTTTTTAATAAAAAGGGCG

>Sequence 537

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGTCTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTAAATACA
ATAATTCTGTTATTGATAAAATTTAAGG

>Sequence 538

AGGTACAAGTGCTGTATGAACATGTGGGAATAGTATCATCACACAACCTAT

Table 3

104/1077

CTGTCCTTTTTGCTGAAAGTTCTGAAATCTCCACCTAAGAATGTTGGAAA
ATGGATATAATGTGTAGGCTAAATGTGTTGTATCCAAAGTTGTGTAAGGC
AGTGGTTTTTCAAACTTTTAATAGAAGCAAGTAAATTAGGATCTCTTTGG
ATTCTTATTAATAATGTTGATTTCTGGGCTCCACACCTTAGATCATCTTCA
TTAGAACCTCTCAGACCCGAATATGTGTATTTTACGTGACCCTATGGTTT
CCTGTGCAAACCAAAGCCAGAGACTCACTGCTGCAGGGGAGTCAAGCTTT
TGGTTCTTCCTTCCTAGTCACTCAAGGACTAGAAAAGCAGCTCTAGTATT
AGTCAAATC

>Sequence 539

AGGTACTATGAAGGAAAAGTATGCTAAAAAATATATAACAGAGGCACCAG
ATGGGAGGAGAGAAGTGGGTGGTGGATGGAGGTGAGGGTGGGCTGCCAG
GCTAGAAGGACATTCCAGGCTGCTAAAGCATCATGTGCAAACGCCCTGGG
CTGGTAAGGCCCCAGTCACACTCAAGGAACATAACGGCGGCTAGTGTGGG
TTAGAATGGCAGGAAAGGAGGTCAGATCACAGGGGACCTTATAAGCCTTG
GTAAAGCATCTGAAAATTTGCATTTCAGGGTTGTTGACCAAGCCCCTGCCT
GACCCAATCCTCCACTCTTGTATTGGCCCAAAAAAATCTTGGCCCTC
CATTCCATGGAAGGAGGTTTCACACCCCCCAAATTCAGCCTTCTGCCCC
TTTGCA

>Sequence 540

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTCT
ATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTCTCAAGGTCTTTTGGTGAC
ACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTGC
CCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGGCTTTGA
CTGAGGTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAAGGCTTTCTGG
TGGCATCACATGCTTCAGGAGTTGG

>Sequence 541

CCGGGCAGGTACAGAAAACAGAGTCTGTTGCTGCTATTGTTGTCACTTCC
CTTGGAGAGGACATGTAAGGCCAGCAGGGAGCCAGGCTCAAAGACAAAGA
ATAGATGCAGAGAGAAGTGGGTTTACAGTCTTCCCTGGTTCCCTCAGGGC
TGCGCTTGAAGCTCCCTAAATCCCAGAGCACGAGAGCTATACGTTCTTCC
AGCTGTCAGTCCAGATAGAGAATACCTGCAGCTAAGGAGCTATGGGACTT
CCATTCAGCCTGGCCTGGTTAACACATGGAAGTGGCCTGAGTAAATGCCC
TTTGTGTTTCAGCTACAGGAAACCCCTATGTCTTATGGAAAAGCTGCTCAA
GCTGAGCATCCTTCAATTCCCTGCTCAAAGGCAGCAGAAACAAAGATATGT
GCATGTGGAAGAATAGAGCATTT

>Sequence 542

AGGTACTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTCAGTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGTATTGATAAAAAGGTTTCTGGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGTGTGAAACCCCATCTCTA
CTAAAAATAGAAAAATTAGTTCACGTTGTGGGTGGCAGGGNGCCTGTAA
TCTCAGCTACTTGGGGAGGGCTGA

>Sequence 543

CCGGGCAGGTACGCGGGAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGCAGCAC
GGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGGCCAGGTTCCTTGGATATTG
TGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACCTCTTTGAGAACTTA
GGCTTTTCACATTCTGTAAAATTGGAAATAACTTAATTTTTTCAGAAGTTG
TCCATAAAACACCTATAATGGATTTTGGACTTTATATTCAAACCTTAAAT
TTCCTTACCTGTGCTTCAGTTGAAACCTTCAGACTTCAAGCCTGTTCCCC
CCTTCTTGGTATCCGGAATGCCCTTTTCCCCCAGTGGGGGGCCTTTTAG
GTTAATGGTTATTCCCCTAGCTTGGGGAATACACCCTGGGCCAAAGACTT

Table 3

105/1077

CTTTACCAACAATTTCCCCCTTCCTGTGCCCATTAACCAACTTCAATTC
TTTTTGGATAACCTGGAAATTTATTAAAT

>Sequence 544

CCGGGCAGGTACGTATAACAACATGAATTCATCTCAAAGACATTATGTTG
AAGCCAGATTTGACATAACTCATTCTTTGTCATTCCATTTATGTGAACTT
TGGGAATAGTCAAACTTAGCTATGGTGACAGCAGTCAGGGCAGTAATTA
TCTATCGAGTGTGGAGATTGACTGAAAAGGGCACAGGAGAACTTTCTGAA
ATAATAAAAAATGTCCTATATCTTGTGTTTGCATCGTAGTTACACAGGTGTA
GACAGTTGCTAAAACGCTAAAAACTAAATGTGTAAGATTTATGCATTTTA
GTGTATTTAAATTATAACCCCCAGAAAGCATTGCCTTATTTTTTCTGGAG
GGTAAATATGCTCGTTAGGAGCATAAGGGGATGATTTTGAGAAAACCCTT
GCT

>Sequence 545

AGGTACATTTGTTGGGGACGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CGTGACAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GGGGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAG
CCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAAGTCAATTGTTTTGA
ATGCTTATGAAGGAAAGAATAAGAAAATAGTNNTAAATAGTTCCTTAATA
TTTTTGATTAAACAGAGGGTCAACTAAGTTGAATTCTTGGATGAAGGGTG
GGTTTTCAAATAGAAATGGGTGGGGAAATTATTATTACCCCTCCCCTTGG
GATTTCAA

>Sequence 546

CCGGGCAGGTACTTTCCTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGA
AGCATCATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTACT
TAACAGTTATGTGACCTGGGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAA
AATGGAACATAAGTAACCCTCATAAGAATGACGTAGTGTATGGACACTGTT
TGGCCCAGAGTAGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTA
TAGTCTCTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCCTTCCCAT
TTTGTGTACGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGTATTTTTT
TGGTTATCTCTTTAGGCTCTTAGGATCTTATTCAGTATTATTTTCATA
ACATTATTTAAAATAATCTATAGATGAA

>Sequence 547

AGGTACACCAAGAACCATCACCGATTCTGTTGACGGAACATGAAGCAGTT
ACACGGGGCTTAGGCAGGAAGAGCACCTGAGGACAGATCATGACTTGCAG
ACACTGAATTTCAAAAAATATTGGTGATGTGGGATCAGATTTGTTTTAGG
AAGATGACCCCTGGGGCTGGGTCTTGTGGAGGGACAGAATTCCTGGGGAC
ACAAGTGAAGGTTAGGAGACCAGTTGGGGAATATGCGGGCGCAGAAGTTT
CGGTGAGATACAAAGAGCCCACGGTCAAGAATTTATGTCATCAGGAGGTG
AACGAGGGAGGACGGGGGTCCTCCCCTGGATGTGGGCCAGGGGAAGAGG
ATGAGGAATTCATAGGAGTCCAAGACAATTCCCGTGTGTCCCGCTGGAAT
CTGAATGGCTGGTGGGGAACCCTCAAC

>Sequence 548

AGGTACCCCTCGTTTGGGGTTCCAAAAAAGAGTCCTCTCACTTTAAAAAA
TTAATTAATTAATTAATAAAGGCCCAGCCTAGAACTGGAAGGAAAGAATT
CTCATGTAATGTGTGTCTATGATATGCCAAGCATAGCAGTGCTCTATTTA
TATCATTTATTTAACTCTTATAGTAAACCCCTGTTTTACAGATGCAGGGG
ACGTAACCTTAGTAGGAAGTTACTTATGCACAGTATAAGTAGGAACCAGGA
AGAGATGGAACGGAAATTCAAATTCAGGTCAGCCTGGCACTAAAATTCCC
ATGTCCTTTTCTAGTAGATTCTTTACCTCTCTCAGAGAATCCTTCAAAA
TTCAAACCTCAAAAGTAGATTCAATTTGGTTCTCCTACATAAGCAATATCG
GG

>Sequence 549

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTCACCGTGT
TAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCCACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGGCCTAACGAG

Table 3

106/1077

ACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCAATTTGCTTACTCAGCTG
TGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAACAAGACATTC
TCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGATAAACAAATGAACA
TNGAAATTATAANTTCAGTAACAAAGAATATGAGTGTTATGTGCAGAGGG
GAATGTTGTAAGAAGACTTGGGCAGGGGTA

>Sequence 550

AGGTACCCTATAATTTTTTAAAAATCTCGCCCCTCATTACTCCTCCACCT
GACATCCTTTTAGACAAAGGCTCAAAGTCAATTATGCAGACAATGGCACC
TTTCTCTTCTGTAGCTGACAACCCGGCTCTTGCCCTTCTGCAACCCAAAAA
ACAGCCCTCGACTCCCAATAAAATGAAAAGAACCTACGCCAGAGGGAAAA
ATCTAGGTAGGGTCTCCCAATGAAAGCACCAATATTTAAAAGTCCTTAAT
GGTGCCCTTTAACAATGGCCTTTCAAGCAAACCTTGGGCTTTTTTTTTTCC
TTTCACTTTTAGATGAAGAATTTTGAAGAAAGAATTCCACTCCGGTAAAT
TACCCTTTTCTGCCTCGCCCAAAACCTTTCTTTTAGTTCAAAAACCTTGAA
TTAGAGTACTCTGGGGAGAAAGAATACTTTCTTCCAACCACTTGGGGCTT
GGAAAGGTGGCATTGGCTTTTTTTCACCACAAAACCTTGAAATTAAGGGAT
TGGCCAACAAC

>Sequence 551

CCGGGCAGGTACCTAACAAAGACCCCAATATATGAAGCACAAATGGCAGA
ATGGTAGAAGTAGAAAATTCTCAATGTGAAGTCTGACTTTAATATACCA
ACTAGACCTAACGGACAAATTCAGAAACACCTAATCAAAAACCTTGAAAT
GAGCAAAAATTGATTGCATTTTTCACATTGTTTTCAAGCAAGCAATTTAAC
CACCTTGCTATTTTATGGCATGCTTATTTTTTAAAAAAAAGTTATGATGA
AATATGCATAACATCATACTCAGTACAAAGTTTCTGGTATATTTATAATT
ATGCAACTATAGCCATGGTATAACTTTAAAATATTTCCACTATCAGGACT
AGACAATCATTACTGATTTCCTTTTA

>Sequence 552

AGGTACCCATTCTTACCAGGGAGAGCTGGGTGCAATTAAAGTTTTTCCTG
TTAGGTGCAAGACTTTTTGAATGACTCATCATAGTTCCTGCTTAAGACGT
GTCAAAGAGGCCCAAGGCTATATTTAGGAACTTACTATGAAATTGCCTGT
CAGTTCCAACCAATTTTTCCAATATAGTATATATGAAGAGTTAGTAGCAA
GTAACTTTAAATACATGAAAAGGTTTTTGTGTCATTTTTTGTGTTGCT
GTAAACTGGTATTGAAGATTTTCTTAAACGGATGGACATTCCTTTCATTG
TGAAATGATTTAACACCCATTTCAGCATACACATGACTATACTGGAATGAC
CCTCATATGACCAT

>Sequence 553

GGCCCATATTCGACGCAAATACGATATTCGGGCGAATTGTAGCTTCAACG
CGCTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTTCACTTGGAAGGATTAAAACCTTAAT
TTTATTCATTAGAAATGGATTAACTACCTGTTACTTAATATAAAAAGGAT
TTACAATGTTATTCACAATGATATGCAATACTTGAAAATTGAAAATAGGC
CTGGCCGCTGTAAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGGGAGTGCATCTC
TTGAGCTCAGAAGTTAAAGGCCAGCCTAAGAAATATGGTGACGATCCGTC
TCTACAAAAAATACAAGAAGTAGCCGGGCATGGTGGCGCACGCCTGTAGT
CCCAGCTACTTGGAGGCGGAGGTGGGCTGGTCTCTTGAGCCCAGGAGGCA
GAGGTTGCAGTGAGCTGAGATCCTGCCACTGACCTCTAGTCTGGGTGAC

>Sequence 554

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTATTTTTAGTTGAGACA
GGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATC
CGCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCA
TCCGGGCTAACAAGACTTATTTTTACTCAACTAGAAGGCGTTCATTCATT
TGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAA
CCAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGA
TAAACAAATGAACATGAAATTATTAATTAGTAACAAAGAATGAGTGTTAT
GGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGGATCCAGCCGGG

>Sequence 555

TGATGCGCGTTCCATTCACTATTTGGCGAATTGGATCTCCACCTGGTGGC

Table 3

107/1077

GGCCGAGGTACATACTTCAGAGGCTAGTTGGCAGGAGTCACTAAGTTAAT
CCATGCACAGTGTTTCAGCCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACA
ACAGCTTCTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTC
AGGCTCCTAGGGTAATATTCCGGTCCCTATCACTTTTCAATTGTAGGAAG
ATGGGCAAATTACATACCCCCATAAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACA
GAGATAATAATTGTATTCTACCTTATGGGTATTGCAAGCAGCACATACC
GTCACCCAAAATAAGTTTTTAAGAAGTTTCTTTGTAGGTTTCCCAGTAAG
GTGCTCACCTCCTAATGAAATTGAATGTTCCCCCATTTGGAAATCCCTGG
GGGAATTAATGCCATTAATTCTGTGCCAATAAGGAACCCCGGATTTTCCC
AAAGGGGTTCTCGGGGA

>Sequence 556

AGGTACCTTTAGTCCTTCTTTTTGCCTGGAACATGGACTCAGGAGGTGGA
AGAGCCAGGATGTGTTTCATGAGAACATGCAGTGACACGCCAAGGAGAGCA
GAACAAGACTCTAGAAGGCTCCCAAGCCTGTGATGAATTGTAAGTGCATG
TTTATTAGCCCAGGACCTCCTCCTCTGGAGTTGTTCCATGAGAAAAACAG
TATCTCTTTTGGTTAAACCACTCTAGGGTTTCTGTGGCAAGGAGAATGTC
ATCGCTAATTGACACAACCTCAGGTTTTGTCTTTTATTTTATATTCAACA
AATATTAGCACATATGCCTGTAGTTATGTGCCAGTAACTACGACAGATAC
TAAAAGACAGC

>Sequence 557

CCGGGCAGGTACTATCTTGCACTTTGCTTCTTCTTCTTAATGTTTTGACT
CAGGCTTCACCCTAGTTAAAGCTCCTTTGGCATTTTCTCCAGTTTTATGG
CGCCCTTTTTTTTTTCCAGTTCAGCTGGCCTTTGAGCTCCTCTTTTGATGT
TCAGTATGTTTGTCTAGACAGTCTGGCCCCAACTCTTTGTCACTAATTTA
TTTTCGTATTGTGATCCATGATATAACCCCAACAGGCTTTAAATAATTTCA
AGAATGCTGTTTATAGTTGAGCAAATTATAACCTGCATAAAGGTGGAAAA
TGAGGGAGTAATGGAGAGGTGGGGTGTGGGGGGGGGACTGCTTGAAATCCA
GCCTGGAGGAAAGGGTGCTTTTTTCTAATTGGTCAATGGGTGTGCCTTAAA
AAAAA

>Sequence 558

CCGGGCAGGTACAGATCTGCGTTAATTTTTGACAGCTCATATATACAGAT
TTTTAGAAATGTAATAGAAAATGATTTTGCACATATGGTGCAAGTCTTGC
TGGTGTATGTTTAAATGTGGCAACACGTGCCAGAACTGTTTGGCAAAACAT
GTTAAATGGAGTGCTTGAGTCAGAACTCTAATGTAAATGTGTCTAAACAG
CAGTATGTATCATTATGATGTATTTTTGTAAACATAGTGATGGCTGCTTT
CAGTCATGTAAGTGCTGGATAAAAATAACCACTTCAGTTGGAGTAATGTA
GGAAACGTCACCCAGCAGATGGGTAGTCTCTGCAAAGTTACACTGTCA
GCCAGTGGCACTGGTTCTTTTATTTATGTTGGGCTTTTTGTACTTAAAAT
AG

>Sequence 559

GGGAAATCATGCACTTCATATACGGCGACTCGGATCTCCTCCGCGGTGGC
GGCCGAGGTACTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT
TTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT
TCCTTCCTTCCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT
CACGACCTCAGCTCACTGCAGCCTCTGCCTCCCAGGTTCAAGTGATTCTC
CTGACCTTAGGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTAC
GGTGTGAGCCACTGCGCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAG
AGTTGAGATTTCACTGACTAACAATAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTA
TATGATACATTTGCATTTTAGAAAATGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAA
CAGATTGAAATGGG

>Sequence 560

CCGGGCAGGTACAGCATGGAGATCAACTAATTGTATTAAAAATTATTAGG
AAGATCAGTTATCTTTTATCTTTACTAGGTAAAGTTGATGAATTTGAGGA
ACAAAGTTTCTTCGTTATTGATAGTAGGATGGATTCTTGTTGGTTTTTA
TAATCTTCTTCTGGGATTTTAGTAGAATGTTAATAACAAAATTGCTTTTCAT
AGAACCCTTTGAAAAAAATAATTCTATTCATTGGAACACCAAAGGAATTC

Table 3

108/1077

TAAATATTCAAAATTGTTTTAATCAAATTCTGTTTTAAAAACGACTACAG
TGGCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAAGCCAAGGCAGGAGGATC
GCTTGAGCTCCGGAGTTCAAGACCTGCTTGGGCAACATAGCGAGACACCA
TCCCTAAAATATAAAAT

>Sequence 561

CCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAA
TCCAGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCC
ACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCAT
TGTGGTTTCACATACACAGATGTATATTATTTTGTAGCCGGGTAATGAC
AGTCATTGTCAAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTCATGCCT
TGCTTTGTCAATAGGGAAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCTCTCA
GATGACTGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGAGG
GAAGGAGGCTTGGACAGCACATCCTCCCCGATTAGATCCCTGCCCC

>Sequence 562

CCGGGCAGGTACCAGCAAAGATGGATGTATACACATACACGAGTCAATTT
ACTGTAATCCTGTTTCATTAGTGAAACACAGAGAAAGAAAAACAAGAAA
CCACATGACTGTCCATCAACAGATGATGGCTCGACATAAACTATTTAATT
AAATCCAATTTTGGTTGAACTTGCTTGAAAATTTTAACTTCGGTTTTCA
AACTTCTCGCAAACAACTGTACTCTAAAAATTGATAATCTCATTACAT
CTCGATGAATAACAGTTAAAAATATTGTTTACCTATAAGGACATATAATA
TGAAGGCTTATTTCAACTAATACCTAAATAGCCTATGGATCCTTCATTTT
CTTTATTAACAAAACTCCAAAAGAACTTATAACATGCAATTATATTGTC
ACTAATCATTCTTTTTCCCTAAAAGGTAAGGCATTTAAACGAAGTGAAAC
ACCAACAAATTTTTTACTTATTATTAATAATGCTTTTTTTTATTTTTTAAC
CAACTTTAGCCTATT

>Sequence 563

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTTCAGCTGGGGGGGGGGGCATTTTGAAGAAAACGATGCCATAGAA
GCCAAGATGAAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGA
ATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTTAATAGTCCTTATATTTGATAAC
AGAGGTTACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGAATA
TTATACCTTCCTGGGATTCAACTGAAGTAAGGAAGGCATCCAAAAATAAA
GACGGGCTCTATAAACAGCTCTCATAATTGGATTCTAACCATT

>Sequence 564

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTC

>Sequence 565

AGGTACTAGGAACTGAGTAATTTGGAAATAACATTAACCACTTTCATATA
CCACACACCTATCTTGTTAAGTCCAAAATGTCAGTAGTAATAAGGCTTAA
TCATTAAGATTAAGAATATTGTTATATGTTTGAATATGCTAAATTTATA
TGCTCTTCTTTGACCAAATTCAGTGTCAAACAAATGTCAATCACGTATCT
GATTTATTCCCTGGTCGGCATTACTGAAAGAAAAATGTTTATTTAAATCA
GCATGTTTCAATTTATTTTATTATTTTTTTTATACTTTAAGTTCTGGGATA
TATGTGCAGAACTTGCAGGTTTGTTACATAGGTATGCATGTGCCATGGTG
GTT

>Sequence 566

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGA

Table 3

109/1077

TATTGCGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAA ACTCTTTGAGAC
TTAAGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTTCGGATGCCTTCCCCAGTGGGGGCT
TAGTTAGGGTATACCTTGCTGGATTACCCTGCCAAGCTCTTTACACATAT
CCCTTCTGCCATAAACACTCATTCTTTTGTACTGAATTTTAAATTT

>Sequence 567

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CGTGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GGGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTCAATATAATGGGGGGAT

>Sequence 568

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCACCCACC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCC
GGGTCAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAAGGTATT
CAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCATGGACT
TACTACTTTAAAAACCACATTATTAGAAACCTAACACCTTGGAAGCTCTG
CATATTCTGAATGAAGAATACTAAACCACTCAGAGGGAAATAGTTATT
AACCATTTTACCACAGACGACTAAACAACCTACCATGGCCCTTCCCTT

>Sequence 569

CCGGGCAGGTACTTTATCACAAAGGAAAACCTATTCTACATTATCCTGACC
ATGGGGAAAGACTTGTATTTTGGTAAGCCAATTGTTGCTTACTTATTCTC
TGACCTAACACACTCTCCTTCTAGCACCCCAAGCTGGTTCACAGGGCTA
TAATGCAAATTCGGATACATTTCTTTATGGACCTTGAAATCAGACTGTTT
GGCAGAGAACATAGTCCACATTATTTTGGAAAGCCAGCTGTATCACCGGA
GTCTACTTTTATTTAATCTTTTACAGCCAAGAAATCTATGGCATGTTTTT
GCCAGTCTCCCTGATATTTACATGGATGATGAAATGTCCCCAAATTTAC
TGAACCACAGCAAACACTTTGACTACTATTGTGGCAGGACTGTAATAACA
TTGAGTGCCCCCT

>Sequence 570

AGGTACAGTTATTATACTGCATCTTAAATAGTGGGGTGATATTAAATGGT
TATATTCTGGAAGCTCATGCCCACACTGCCTTTGAAGTTCAGGCTGCCCCA
GCCACATTCAGGCATTGATTCAGGAAACTCCCTTGGCCTTTCAGTAAGAG
AGAGCTCCCTTATGCCAGAACTGCTTTGAAATAGAATCCGAAACGTGTTG
TGCACGCGCTTACTGAGCTCGATTCCGATGGGGTCGCATCATCAGCATAG
CTTTGTGATGGGTAACCGGAATGTACAGAGTGACCCACCTAAAACATTTG
CGAGACCGTATTCATCTCTCATCTATAGCATTGGAAAAAAGCCTCCTAAC
AGGCCTCCCCAATTTCACTTGCCTACCTAAAATATTTCTTACTTGCAC
AGTCAGAATATTTACATAGAATGCTTATG

>Sequence 571

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGGAAAAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACATCAGGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTGCGAGACTGAGGCAGGCGGATCA
TGAGGTCAGGAATTTGAGACCAGCCTGGCTAATATGGTGAAACCCTGTCT
CTACTAAAAATAAAAAAATTATCTGGACATGGTGGTGTGTACAATATTTT
TTGTCTGTTTCCATGTGATATCAAATTTATTCTTTAATCCTATTGCATT
ACATGAGTCAAGGCATGAAAGTTCTTGCTTCCATGAATGCAGATGATA

Table 3

110/1077

CTAGCAAGTCAACTTGTTCAATTTGCTTTAGTTAAAGGCCCTGGTGAATTA
GTGTGTGCTCGAATTTGAGTATATAAAATGGGAAATTTCTTTTTTTTCAT
TTTGGTGTAACAAATTAACAGCGGGTTAACTGATCATCCATAATGGAT
TGGATTAGGGTCTTTCAATATTCTTGTACCTGGACCTTGGCCGGTCTAAA
CTAGGGATTCCCCGGCTG

>Sequence 572

CCGGGCAGGTACTTACGTTGCCTCGTGTACCAAAATTGGTGTGGCTGCT
GTGGTGCGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCA
GCTGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACC
AAGATGTCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTAT
GGCCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTC
CTTCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAG
CCCAGGCCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTT
ATATTCTATGTACCTCGGCCGCTCTAG

>Sequence 573

CCGGGCAGGTACTCAGCTAAGAAGAGGATTGCTTTGGGCATAGGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTCCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTCTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGTATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCGATGCTTAGG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGCCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACCTTTTTT
AAAAGTAGGTAAATTAATAATTAATAATCACGAGTTTTGTTACATTTTGT
CCCATAGGGTTCCTTAGTGCAAAAAA

>Sequence 574

TTTAGCCCTTTAGTATAGCGCGAATTGGAGTTCCACGTCAGTTGCGGCCG
AGGCACTTTGTTCTTTATTTGAGATNGAGGTCAAGGCGCTCACTGTACCA
AGACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGTAAAATTTTTATTTCTGGCTG
GTTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTACATG
GGAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATTGTGCAAA
AACATTAAGACAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTT
GTGGAGTAACACGAAAGGCCTGGTGGATGAGATGTTTGAAGATCTAAATG
CCTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAAATCATGGGCG
AAAACCTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCACTGGGAGATGGG
AGGTGAAGGGCTCTGTAGTGCTTAACTGAATAG

>Sequence 575

CCCGCTCATATAGGCGATATGGGCCAATAGCGAGCGTCCACCGCGGTGGC
GGTCGAGGTACTTTCACTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAA
GCATCATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTAATT
AACAGTTATGTGACCTGNGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAAA
ATGGAACTAAGTAACCCTCATAAGAATGACGTAGTGTATGGACACTGTTT
GGCCCAGAGTGGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTAT
AGTCTCTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCTTCCCAT
TTGTGTATGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGAAGTGGTTG
GTAACCTCTCTGGGCACTCAGGATCTCTACACTTGGTAGTTGCCCAACAGC
CCATCACTGTGTCTTTCACCCCTAGGGCTCAAAGTGACATTTTCTGGCC
CCATCAGGGTGTGCTGCACACCTGTGTGGAGTCTTTGCCAGGTGAGCTCT
CCCCATCCCATCCCTGCCTTCATCAATAAAAAGCTGAGTCAGGGAAAGGG
AGTACCTGCCCG

>Sequence 576

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAATT

Table 3

111/1077

TAGATGTTTAGGGATTAAAAATCATAGAGGGTGGCGCTAGGAAATAT

>Sequence 577

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACCTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGGAAGG
TTTTACAAGTTAAAAGTAAGTCAAAATCAATAGGGTCTTTATTTTCATAA
TCTGTAAATGGGTTTAACCTCTTCGGGGAAGTGTTA

>Sequence 578

CCGGGCAGGTACACTATTATGTGCTATAAAGGAAACCATTGCAACAAGAA
AATGTCTTGGAATTTGGCTCCCAAGTTTGGTGAATCTGGAGAATGTATT
TTAATATGGAATAATATGGACAGTCTTCTAATTTTTCAGTTTACTTTCTCT
CCTCTTAAAAATATCACTCTATTGTATTATTACGATTTTTTTTCTTTTTT
TGTGATGGAGTCTTGCTCTGTCACCCAGGGTGGAGTGCAGTGTCTGAAT
CCAGCTCACTGTCGCCTCTACCTCCTGGATTCCAGCTATACTCCTGCCTC
AACACTTTGGGATGCCGTAAGCTCACGTTGGGCTAAAATTTTTTGCACCC
ATTCAGTTTGTATATTTACCAGTGAGCCTGTTATATTTACCACTGTTCTT
TCTTGTCTGGGTAAACGTAATAGCAGAACCCTGTTCTTAAACTCCAGGAT

>Sequence 579

CCGGGCAGGACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTGAGTATAAGCCCCCA
AATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGC
ATATTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTTGG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTTATAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGACAGTTAGAACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGGTGGTTTTTTCATANGCCGCAAAATGAACAA
GTTGCAAGNTTGAGT

>Sequence 580

AGGTACAAAAGGACACTATCAACGGTATAGAAGGAAGAGTCAGGGTCTAG
ACTTCAGGCCCGCCTTACCACCTACCATGGAACCTTGATCTAGTCAGTG
TGTCTCCTTGGGTTTACTAATTTATAAAAGAGGTGGGCAGGGCAGGTATT
ATTCCTATATTTATGATTATGATCAACTAACTAGATGCTTTTGAAAATGT
GTAGCACCGTGCCACCTTAGTTTTGTTTTTCTCTCTCCTTTCTAGTTTA
TGGTAGTAATTAATGGTAGATGTTGTGGGTCTCCAGGAAGGTATTGTTA
AGATAACAGTTTCTGAAGACTGATAAGTCTGACATGACAGATGACTACTT
GCCGTCACATTTTAAACATACTTTGAACTGATGAAAATCATTTCAAAAA
GAGT

>Sequence 581

AGGTACCTTCCTCCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTGTCTATCTTTTT
AGATGTATATTTGGGAAGTTGCTCCTTGCTGACAATCCTTGAAAAGTGCC
CAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCTGGGCGCGGC
GGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGGCGGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGGGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAAACTTAGCCGGGCGTGGTGGGCGGGTGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGG
CGGAGC

>Sequence 582

CCGGGCAGGTACGCGGGGACACTTCCTGGGCTCTGTGACTCTGACAAGGC
ACTGAATTTAGCTGCTACTATCAGTTAAGGCTCAGCTCATATGTAATCAG
TTCCAGGACCACCGGTCCCCAGGAAGAGGATGGAGAAATTGAAGCTCCAA
ATGGCTAAGCAATCTACCCAAGATCACACAGCCAGATTGGTGGCATCTAA
AATTCGAACCCAGTCCTGATGTGCTGAACTTCGCATCTGGATTTCTCAA
ATGAAGATGTGGCCAAGGAGAAACAACTTCCTATTCCTATCCTGTAGCCT
GCCAAGCCTGAGAAGCTACCTCCCTGAAAATCTTCCTAGGACTCCTCAGC

Table 3

112/1077

TTCCTCAATGCTACCAAATACCCACTATCTCCATAGACACACACAAATCC
CCTCCACCCACAATGATGTCCTGG

>Sequence 583

AGGTACAAGAAGAAAGGTCAATAGACTGTTGTCATGGAACAAAATTCAAA
ACAGGATGTATAACAGATAGGAGAGAGAAAAACCTGCTGGCAGCCTGGGA
ATCGTGAATCTTGCAGGCATATTTTTGGGGTAAACAAATCAGTTGGCAGC
TGATAAAGAGATCAGTCTGGGCGTTCTGGGTAGGACAACCTAGTATCAAAG
AAAACAATTAAGTGTGGACAGATTTTTCGAACCCCTGATGGTATGGCTG
AGGAGCATATGAGGCTTGCTGCCTCTGGACGAGCTCTGCTGACTCTCTTC
CCTTCGCACGCCTTAAGTAAGCCAGAAGTGCGCCACTGTCCTCCTTAGT

>Sequence 584

CCGGGCAGGTACCCTTTATGATCTAGATAAACCATTGTGTTCTTCTATAG
TTTTTCCAACCTATATTTGAATAGGTGAAGTTAATATGTTTAATCATAAAA
TGCTCTCAGATGCTTGCAAAAACAATTACTCCATCAGATAAGAACACATT
AAAAAATTTGAAAAATTTAAAAAAAGTCATTCCAGCTATATGCAAATAAC
TTTTAGTATATGCATCTGAAAAGCTACCAAACGTAACAATGAACTCTAA
ACTTGTAGTAGAAAGGTAAATGCACTGTGATCAGCTTTCACATCACTTCA
GAGTATATTCTAAAACCTTCTTAGATTCTACATTATTTATAGAGTGAAGTC
TAAATTCAAACATTTCTCAGGAACAAAACGACTCCCATCCAATTATTTAA
TTAGGGAAG

>Sequence 585

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGAGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGGAATGAAAAAATGGGATGGAATTG
ATTGTTTTACTCATTTTCATTTCCGTTATGCCAGAAAGGATTGAGCCCATC
TTCCCCAATAGTACAGGTGG

>Sequence 586

AGGTACATTGCTTCTGTTCTCTGTCACTCTGTTTCTGTGCCAGAAGACAC
ATTGCTTCTCCTCATTCTCTTATGCAGTGCTGTTTAAGTGGTGGTCCACA
AATTGTTGCTGGATGGTGATGAGATCGATTAGGAGTTTATACCTCAATGT
AAATTAATGCACTTCCTTCCTTCCTTAAGAATGTCTTGCCATGAAAATAT
CAGCATGCCTGTGGATGTCATTGATTTAAATGAGGGCACAAGTTCCGTAT
TTCCTTGCAAGATGGGTCCAGACTGTTTGCAGACTGGCCATGGTCCTTGGG
CCACACTGGAAGAAGAAGTGGGCTAAGTATTTTTTATGCCTGTGATTTAA
CTTCTCCAATAAACCGCAGCTCTTGTAGGATATGATGGTCCGGCTGTCAGG

>Sequence 587

AGGTACTGCTTGAATACACTGGCCACCATTGTTTACCTGTTATGGGACAG
GCAAGATGGGGAAGCAAAGGAATTATTGCCATCAAAGAGAGAATAACAGC
TTACCTGGAAAGTTCCACTATTTCTAAGAATTACATAATGTTCAATTTGCC
TGATCATGGAAGGATACCCCCCGTAAGAATGGGAATCTGTTCCCCTCTAC
TGATGGCTGCTGGGGGCAGAAAGAATGATGTTGCATTTATCTAGGTTTAT
TAGACAAAGAAAAGCTACAGCGTTGGTGAGAACAAACAAATCCAGGTAAGA
CTGCCTAAGAAGAGCCTGGCCCTGAAATAATCCTTTTCCTCCTTTCTGCT
CATCAGACTGGGACCCTTTGTCTAAACTCCTCCTG

>Sequence 588

ACGGGCAGGTTCTGCTTCAAAGGCATGTATAACTAAGACATATGAAAAC
TAAAATGACAAATGGGTTATTTTCAACAGGAACACTTTGAAAGGAAAAAG
AAAACAAACAAGAAGTGTAGGATATTCTTTTTGAAGGCAACTGCATGATG
CTAGATTGTGTCCATGGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATT
TTTAAATACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATT
TTTGAATTGACATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAA
TGACAGAAGTAATCGCGTTCCACATAACTTTTGTGTTTGTATTTACATAT

Table 3

113/1077

ACAAACACATTTTATCTTGTCACAATATTATCTGAAACA

>Sequence 589

CCGGGCAGGTACAGTCATATGCAGTAAAGGCAACAAATGCTTGTCCTTGA
ATCTGAACAATTTCTCAAGGCATTCACCGTCTGCCTTTTTCCTAGTTTAT
TCAATTTGGGATAAAATGTGTTGAATGGAAGTTACGTTACTTTTGCATAA
AAAGAAGTCTAAAAAAATCACAATTTCTTTTTTCAAGAATCAAGTTCTAA
TTCAATTCATCAAGCATTAAATTAAGCATAAAGTTATATTCAAAGAAGCAC
TGGGCTAAGAGTTTACGGAACAAAGGAGACACAGGTATCTCACGAGCTTA
AAATGAGGGATGAAGAAAATATATTCACAAATAATTACAGTTAAAGACAA
CATGCGGGGCTGGGCGCGGTGGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTCGG
AGGCCAAGGCAGT

>Sequence 590

AGGTACAAGGAGGGCATGTCAAATTCACAGTAAAGGAGTCTAAAGCGAGG
CCATTATATGCTTCTCTTCTACCTATCTCATATATGCCATTTATGAGCCC
ACTTAATATAGGACCTGCCCTCACCATAACGCTCAGGCCTATAAGAAGTT
TTATACCTACAAAGACTTCCTCACACCTTTGCCTTCTGCTCTATAACTGG
CCATGTCTGTATTCTGTTCAGATTAGAGAGAGGTCCACTGAAGCTTTCCC
CAAAAGTTAGGAGACAAAATAACAATGCCCTAGTAAGCTGACAAAGGGA
AACATTGAAAACATAAATGAGGGCCAGGTGCGGTGGCTCACGCCTGTAAT
CCCAGCCCTTTGGGAAGCCGAGGCTGGCAGATCA

>Sequence 591

AGGTACAGTTTCAATAATATGTTTTTTTAATTGATGTTAAATATGCTCCT
AGAAGCTGCACTGCAACAAAGTAATTTTCAGAGAAAGGCAAACTGGATTCA
GTTTTTCAGATAATAAATATATATGTGCATAATTAAGAGATTGATGTTT
CCAGAAAGGAGCACAAATGGAATGAAGAAGGTGGTGCAGAAAGGCTGAGCC
CTGTGCTATTAGTGATGAGTTTCACCGGAGGTCTTTTTTTTTTAAATAAA
AACTTAATTTCTCTGTCTTTGAATTCTATGAGATCTCTTTCAGACAAACA
CAACATTCTGAAAATCAAAGACTTGGGGATTACTTGGGAAAN

>Sequence 592

AGGTACAAGTTCTACAAGTTGCCTTTTAATAATGAATCACAACCTATTACT
AGGGCATGCATGGCTTTGTCTAGTTCTAAAAATGTTAAAGGATGGAATAT
AAGATACAGACTGAGATATGCTTGATTACAATTAGTCTACCATATTTAAA
TATGCCGCAGTGTATTCATTTACCAGGTGAATTATTTTCCTTCAAAGTGG
TCTTTTTTTTTTTTTTTTGTGAGACGGAGTCTTGCTCTGTCTCCAGGCTGGA
GTGCAGTGGCGTGATCTCAGCTTACTGCAACCTCCGTCTCCTGGGTTCAA
GCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCGAGAGTAGCTGGGACTACAGGCATGCAC
CACCAAGCCCAGCTAATTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGATG

>Sequence 593

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAATTTGAGTCTCACT
CTGTCGCCCAGGCTGAAGTGCAGGGGCACAATCTCAGCTCACTGCAACCT
CCACCTCTTGGGTTCAGGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTTCCAAGTAGCTG
GGATTACAGGGGTCTGGCCACCCACCTGGGCTAAATTTTGGATTTTAA
GTAAAAAACCAGGGGATTTTCACCAATGTTGGGCCGGGCTTGGTCCTTGAA
ACCTCCTGACCCTTCAGATGGAATCAGCCCCCGCTCTAAACCCTTCCCAA
AAAGGGCTTGGGAATTACACAGGTGGGGGAAGCCCATTCATTGCCCCCGG
GCCAAAAAATTTTAAAAAACCATACCCCTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTCC
CCCTTTTTAAGAAAAAACCAGGAAGATCTTTGGCTTTTCTGGATAACCTA
AGGGGTGGGGAA

>Sequence 594

AGGTACGCGGGGTCCCAGAAGACAGGTATTATTGTATTTAGCACAAAGCA
AAGGGAAGAAGAAACACTGTTTATGTCCAAAACCTATGGGGCAGTGGTCTT
CTCTTTTACTTTTCTTTGCTGCTGTTTCATGAAGCTTGTTACCTTTTCGCT
GTCTTTTTTTTGTGAGACGGAGTCCTGCATTCCAGCCTGGGTGACAGAGCGA
GACTCCATCTCAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAAACAAATAAATAATTGT
CGATGACACATTGATGGCTTTGAATATGGTCCAGATTTTGCCACCATTTC
TAATCATGATTAGTAGAGGGCTTATTGTGAACCACCTAATGAGAGAAAG

Table 3

114/1077

AAAGAACTGGGGTGGGGAAGAAGGATGGCAAGAAGAAGCATGGGAAAAT

>Sequence 595

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTTAGACCATAATTTAGAT
CTTTCCATCCTCCAACCTAAGATTTACCTTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAATCTGAAGTCTTTAAGAACCAAGATGTT
TCTGATGTTTATTTAATGTTTCAGGGATTTTGGAGGTGAGGGGCTAGAAA
CACTGACTCCTGCCCCTGACTCCCGCCCCTGACTCCCGCATTTATTTTCA
TAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAGGGTATTATGTGGAGAATAG
AAACAAGAGTAAAGGACTGAGAGTATATTAGAGAAAACCTATCATAATTTT
GGCAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGTTAGAGAA
AGGAGTAGAGGACCTCGAGATATAAGGAGAAAGTAAAGTCTAAACTTGCT
AAATGGACTGGATTTGTGGGATGAGTGAAACGGTGAAGCAAGGATGACTT
GAAGTTTGAGTTAGCTATTAGATCTCCAAGCAATTCCCAGGCAAATGTTA
GAGGATTAGGAAATATTTAGCCCTGTTGAGAGAAATTTTGTGAGTCATTC
ACATATAAAATGGCTTTGGTAAGTCCATGGAAATCGAAGAGGTCACACTG
GGAACCAAAGAAAAGGAAATTTCCCAAGTGTGGAAGCCACCCCTTTACGG
CCCTTTCCAACATTTTGTGAAGAGGGGCCTTTTTTTTGGGGGGGAAAGGG
AAAAAAAAGGGGGGGGGGGGGGTGATTATCG

>Sequence 596

CCGGGCAGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCA
TTTTCTGTCCTGACAAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAA
TAGGATTGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTAT
GACATTAGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGA
GGGGAGCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGT
TCTGTTTAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTTATGATTGCAAAT
TGGCTAGTGGCAGGGCAGGCTCTGACTATATTGCTAGAAGCAGATGTTC
CACA

>Sequence 597

AGGTACTGCCTGTCCTTCTATTACAGCACATGTGGCAGCAAACCCCAT
TTACAGTGATACATCCCTGCATCCCTTATAAGAATATATATAAGCTTTGT
TTCCTCATTGAAGCAACAAGACATGGTTTCTCACTCGTCCTTATGTTCT
CATAGCTCATATTATGCTACTGTGTTTTAGTAGGAATGGGTGCCTATGG
TCAAATGTATGGTCTGAGTGTACTTTATGTTTCAGCATAATATATTTGGAT
TGGCTTGGGAGTTTCAGTTTATATTTTCCAGTATACATATTAGCAATTGT
AAGTATACTATGATATTTTACACGTTTTCTATTATATCAACCTCCCCTT
TTTCTGTTTTTTCTTTGTTACAGTTTTAGTATTTGACATATTTTATATTA
TTGCATGTTCCCTTTCTTGGGGACCTTATCATTCCGTTCTATAAATCC

>Sequence 598

AGGTACAGGCAACAAAAGCAAAAATACACGAACGAGATGNCCATAAACT
AAGAAGCTTCTCTGCACAGCAAAAGAAACAGTAATAGATTGAAGAGACAA
CCCACAAATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTAAGGGGT
CATACCAATAATATGTAAGGAACTCAACCCAGAAATGAGAAAACAAGCTT
ACTAAAAAATAAGTAAAGGAGTTGAATAGACATTTTCTAAAAACAGACAT
ACAAAAGGCCAGATTTTTATCAAAAATGTTGATAAAAAACATCAACATTC
CTAATTATCAGAGAAATAGATGTCAAACCATGAAGATATTATCTCACAG
ATGTTACTGAGGTTATTATAAAAAAGATGTGGCGGGGCACGGTG

>Sequence 599

AGGTACCACAGTTTGCTTAACCATTACCTACTAATGAGAGTAGGTTCCC
ATAGGTCCCCATCATCACATCCTTGAGAGGCCCTCTGAGCAGGGATCA
GACAGTCCCCTCCTCGGGAGAGGGGACGCTGGAGAAATTTATTCTTAAA
CTAATTGGCCTCTTTTTTTCTGTCAGAAGACCATTTCTTAGTGAGCACT
GTGGGAAATTTTGGTCACCTCATAATAATTCTAACTGCGCCTCACTGCTG
AATATTCAATGGTCCTACATTTGGATTTTGTATAGGAATAAAGGTAGCCC
TGTTATTGGAGAGCTCTTGCCTATTGAAAAAATTTTTTATGCCTCTTTT
ATGTTGGTTTTTATTCCCAATTTTATTGTTCTTTTTAATATGTTTTTTC
AATTACT

Table 3

115/1077

>Sequence 600

AGGTACTTTCACTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAAGCATC
ATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTACTTAACAG
TTATGTGACCTGGGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAAAATGGA
ACTAAGTTACCCCTCATAAAAATGACGTAGTGTATGGACACTGTTTGGCC
CAGAGTGGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTATAGTC
TCTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCCTTCCCATTTTGT
GTATGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGAAGTGGTTGGTAA
CTCTCTGGGCACTCAGGATCTCTACACTTGGTAGTTGCCCAGCAGCCCAT
CACTGTGTCTTTCACCCCTT

>Sequence 601

CCGGGCAGGTACCTCACCATTCCACCTCATTATTCAAAGCTCAATGTTGC
AGCCCACTTTAAGCTGACAATATTGATGACTGCCTCTAAAATACAGGACA
GGGTTACTTATAAACCTTTATACAGGCCGGAGTTTCAGATATATCTGTGG
TAGATTATGGTTTCAGCTTGATGTGAGAGAATAACTGAAATAATTCCTAC
CCCTCACCCCTTGCCCCCTGCTTTTTTTTTTGAGACAGGGTCTCATTCTG
TCACCCATGCTGCAGTGCAGTGGTGTGATCACGGCTCACTACAGCCTCGA
CCTCCTGGGCTTAGGCAATCCTCCTGCTTCAGCCTCTCAAGTAGCTGGAA
CCACAAGTACCTT

>Sequence 602

CCGGGCAGGTACCGGGCCTTGTGCCAAACACCTTAGATGGGTTATCTCTG
AACTTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTACATTTTAC
AAGTATGGAACTGGGGATTACTGAGGTTATTTGCCCAAGGTAACACAGA
TGGTAGATTCTGGAGCCAGAGTTGGAACTGGGTAGTTTGCTCCAGACCC
AATGATCTAGCATCCTAGATGTGGTCCATTAGGGCTCTCTCTTTTCATCC
GTTTGTAAGAGAGAAGTTTTCACCTTCTCTCAAACCATTTGAGAAACAAC
TTGGAAGTGGAAAGTGCAAAGGGAGAATTCTAAAGAAAGCGTTTTAAAAAG
GAGAAAGAACAAGAAAGCAGGACACCATTTCCTACCTTTGGTATTCTCCA
AATAGTTGGCACCAATTCTCATAAAAAAAAAAATGGCACAAAATGGTGCAT
ATTTTTACACACACACTNTTGAATGTTTCATTTAAGATTTGACCACAATT
TAATTAATTAATAATGATATACCCCAAATATTGGATTGTCTATTGCTGGTT
CCCCTTTGTTAGCATAGACTGTGGTCTTGTGCCTTTGTCCCCAGGGAGGA
CTTACCACAGTGGCTGCCTCAGCAATTCCAGGCTTTCATTATTCCTTCCT
TACTAGAGCATTCTGAGTCTGTTGGTATTCATAAAATAGTTCCCCGTAG
ACCTACCTTGAAAAAGCTATCGGTACTTTACCCAAGAAAGGCTTAAAAAC
ATTGATATGGAGGCCGGAATAAGAGTTAATATCCTCTAAAACCTAG

>Sequence 603

AGGTACCTAAGGAGGCAACATCTAAACTGGTCTTGAGGAACAGCCGAAGA
TGGCGAACGGGACAGTTCCTGAAAAGGGAATGTGAGATTTGGCAATCAGG
ATAGCTGTAGCCTTTACTACGGAAAAGTCAGTGGTGGAGACAGCAGACAG
ATTCAGCGGGCTGAAGAGTAAGCATAAGGTGAGGATGGGTTGTGCAGGAT
ATATGAAACCATTATTTGTTTGAATTTTGATACTTAAATAGTAAAGGAAA
GTGCTAATACTTTGATAGGGGGGAAGTTTTTTCTAAAATGGGTTGGGAAC
TTTGAAACATGTTTTTACTTACCAGAAATGAAGAAGGTAATTGTTGAAAA
AGGCCCTAAACGTTATATAATAGGGCAAATATTTGGGTTGAAATCAAAAA
GCCTCTTGTAAGGTCAGAACTAAAACGGTCTTTTCAATCCTCATAGCA
CTCTTTTTATATATTTTTTTTATTTCACTTGCAATATTTTTTTCCTTTTG

>Sequence 604

AGAAGGGCATTCTCCCTACTTGTGTGTCATCTTAGGGACTCTCACTTTGA
CCCTGAGTGTGATAGGAACCATGGGGAAGTCTGAGCTGAGGTTGGACGTG
AAAGGTCTCATGTTTTAACAGGGTCACTCTGGCCCCCTCCACTGAGAACA
GGCTGAAGGTGGCAGGGACTGAGTGGAGAGACCTCTTGGGAGACCACTGC
AGCAAGTCAGGTGAGAGCTGGAGGTGGCTTGGCCCAATGGGTAGCTGTGA
GGTCGAGAGCAATGGCTGGAGCCAGGAAACCTCTGAGTACCT

>Sequence 605

CCGGGCAGGTACCATTGGAAGTATTTTTATTTAAGTTTTAGCTCAAGG

Table 3

116/1077

TTCTCCAGAATCTGGGAGTTGAGAAAATGCCAATGGAAATAGGAAATATG
AAATATCCAGGATCAATGGTAGACTTTTCTTCTTACTGTAACAGTGCTCT
GGGCACATTTCTTACCTTGCTATTTTTTTGGAGACCAAGAAAATATTGCA
TCTATGTCCATCCCTACATAGACCTCACAAAGCATAGGTCAAATTCTAAT
AGGCAGCCATGATTCTCCAATTTTTTTGTTCCACAAATAAGTCGACTGACTT
CCTAATTGGAGTCATTGGGGGTAAAGGAGCAACGGACAATGTCAGAGAGGA
CCACCTCACAGGTGGACTTGTGAGGGGCTGGGAAAAGAAAAGAC

>Sequence 606

CCGGGCAGGTACTTTGTTTTTCAATGCAGGACTTCTGCCTACTTCAAAGA
AAGGGGTTCAAAGTTTCTCAAATGATTTTTTAAGTAAAAGTCTGTTAGAT
TTTTTAAATTAGTAACTGAATATGTATAGATTTCAAAGTTCTATACACA
TATATATATACACATATCTGTGTGTATTTTTTTAAAACCTAAACGAGAAT
ATTCTGCATCCTTACGTTGTCAATTTTTACTTAATACTTTGTGTTACTTCT
TACTTTTGATAAGGTAGAACTTGCTTTTGGTAAAAACAATTTGACCAT
TAATTTGGTCATAAGAAAACAAATGCTGCTACCCTGTGATGCCCAGTGTC
TAATAAAGATTTTTTTTTTTTGAGGCCAGGCTGGTATGATCTTGGCTCAC
TG

>Sequence 607

AGGTACGCTCCAGCATTACCTCTAAGCAAACCTTCAAATATGGCTACTGT
AGAAGCACTTCTCTCAGCAGCACCCCTCACTCTTTCCTCAATGAGAAAAG
AAGTTGAGGCCCAATTGCATCCTCTTTACTGATCCACCCAAAACAACT
CCCTGCAGGAAAGTAGAGGGATAAGATTTCCAAAGGAGATGCTGAAGAGT
AAAAAGCAATCACACTTCAAATAGGACTTTACAAATAATTAACAACAGC
TCCAGATCCATCCTGTTCTCTTCTCTAGAACCACTAGAACTCTCAGATC
TGAAACTGTATCATAGATTACACACCTACATATCCCACTCCATGATACAC
ATGTTGAACTTCCTATGTCCATATCCATCCTCCACATCCTCAGAGTTAGC
AAACGAGTTAGACATCTAAGACTTT

>Sequence 608

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCC
TTGGCAACAGCCCTG

>Sequence 609

AGGTACCTACTTTGTGGGGTTATTCTGAGAGTTAAATAAGAACCAAGGAG
ATCCTAAATATATTCATCCAACCAATAGGTATGTCATTTTTGTAGTTGCT
TAGGAGTTATTTCTAGATGAAACAGACAAAACCTCTGTGCTTTTATAGAAC
TTATTTTCTAGTGGGGCAATAAATATAAAAAGTTACCATGACTTCCACAA
TGGCAGCATGAGGACCTCTGTAGACCTACTTCTCAGTGAAGTGAGCATAA
CTGATTAAAATTATGTAGGTCTTTGGGATCCCAGAGCACCTTTAGTCTCG
GGAGACGCTCTGCCAGCCAGAAATGATGGAAGAATTGCATAGCCTGGACC
CACGACGGCAGGAATTATTGGAGGCCAGGTTTACTAGA

>Sequence 610

CCGGGCAGGTACTTTATTATTCCGAGAGAGAAAGGCTAGCCCGAAAAAGC
TGTTACCTAAGCAGCTTTAGCATAATTGCTCTCTGCACAGAAGAAATCTC
TAGAAATCCAATTTTCTCTTTGGATAAGACTAAAGAACCAATTAAGAAAT
TGAGCTCCAAAATTCCTGTGATCACAGCCCACATGGCACACGGGGCAGCC
CAGTCTGCATTGCTGAGGGCTGAATATCTGTTTTCCCAATCACCTTTCTT
TGCTTCTTTCTCTTTCTTGAGCTGCTTGCCTTTTAGCTGCTTTATTGCTC
ATTAATATGTCCACTGGAAATTGAAAGAGGGAGGAAAGGGGGCTCTTAAC
TTCTGCATTTCTACTTATTAGTGGCTTTTGGTTAAATGGTTTTCG

>Sequence 611

Table 3

117/1077

AGGTA CTAGACCTCCCTGTCTCATTCTCATTGAAACATTTTCTTTTGGCT
TTCATAAACCTTTTCAGACCAATCTTCCCTCCTCCTTCTACTTGCTCCTTA
AATGTCAATGTTTTCCAGGGTTCCATTCCCTACATTTTGCTCATTCTTCA
TCCAACCCTCATTCGCTCTTGACTAAAATTTGACCCTCTCAGAATCAAGA
GGAGTTTGAGATCCTCTTTGCTACCCACACTTGTTTTCAAACCATTACTT
CCCCTCATCTTAAAAAGCCCTCTGGGCTGGGCACAGTGGCTCAACACTTT
GGGAGGCCAAGGTGGCAGATCACTTGAGGCCCGGAGTTTGAGACAAGCCT
GGGTGACAGAGCAAGATTCTGTCTCAAAAAAAAAACAAAAACCAAAAACCT
CTGTTTCTTT

>Sequence 612

AGGTACCACCATGCCTGACTAATTTTTATATTTTATAGTAGAGACGGGATT
TCACCATGTTGGCCAAGCTGGTCTCTAACTCCTGACCTCAAGTGATCCGC
TCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGCGATTATAGCTGTAAGCCACCGCGCC
TGGCCAGGAGGGTCTATATTTAATGTCAGACATGGCCCCCTCTCTTACAAG
AGCAGGTCCACCAAGTCCAAGAGGGTTTGAGATGCACAGAGGGACACACA
TAACGAGGCAGAGACTCCGATCCAGTCCACTCTGAAAAAATCCAGCTCC
CCAGAGTTAAGGACCCTCACACCCCCCTTGAACAAGGCCTGGTGTCTGG
GAATATTCAACTCGAGTCTGCTTCCTCGCTCGGCCTTCCTCT

>Sequence 613

AGGTA CTGGTAGTTTAAAATATCTCAATATGAAATGGCTGAATAAAATCA
TCACATTTTCATTTTATATCAATGGTTCTGAAAGAATGATGCAAGAAAA
TCTCTAACCTTAGTGAGATGAATTTTGTAAAGTTCAGTGAATTCCTTCCA
TGCACATTTGAAGCCAGTCCAGGTTTTTCGACCTAAGTGGCCTCAGTCAT
GTTCAACCTAACGAACAAATCATCTCCTGTCTCCAATGTCATTAACAA
CTCTATGGGTGAATGAGGATCACTAACTGTGGAGTAAGAAGGAAGCAGGC
AGCCTGTTTCCAATAACATGTTGTGATTCAACCACAATCAAATGTTATAA
AACTAATGTCTTAAAGTTAATTTGACCTTGAAATGTCT

>Sequence 614

AGGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAGGAAGAA
CTGCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCAGCAGCA
GTTGTGTAAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAGTCCTCAA
GGTTAACAGAAGTCTCAAAAAGCCCAAGCCCCAGATTTTGTAAAATACAT
GGTTTCACCCCAACCTAATCAATGTCACCAAGAAAACCTTGTAAGTCCAAT
AAGACAAACAATAGTTAAGTCTGCAGAATATTTCCATATAGATTTAGAAG
TATATTTAACTCTTAATTCTCTGCTTTCAATATCAATTGTTTTTGAGCCT
TTTCTTGGGTAAAAGTTACCGAATGCTTTTTTTT

>Sequence 615

CCGGGCAGGTACACAGTTAATAGTAGTATTGTATAAGCCATGACAGTGTA
GCTCCCTTTTCATTGTTTTAAACATGTCTGTCTTACTTGAGATCTTCCTAT
TTAAAGCGAAAAAAGAAATTTTTTTAATTTCCAAGGATAAAAGCTGGGGT
GATAATTTTAAAAAACCTGACAATTAATTTTTCGTTATTATTTTTCAG
TGAAACGAAAAGCCAGCAATTGTAATAAATTTCCGTTTCATGAATGATAAN
TTAGGGCTCTTTCAAATATTGGAAGCCCAAAGTTCTAACCTTTAATAAC
CTTTTAATANNAAAAATATNTNNCATGTGTAGCACCCCATTA AAAACCAT
TTNNNGTTTTAGGGAAATATATTTATTTGNNA AATGGGCTTTTTTTAAC
CTTTTTTCCTTGGCCTTCAACTGTGGTGGAAAAGAAGTGAAAATTGGGTA
AGTTTGGTAAAGGCCACCATTTATTTCCCTTGTTAAAAAAACCAGGCTTT
AAGTCATTTCCAAATTTG

>Sequence 616

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGTAGTAAGCCACATTACTCAGTTGTGAGGGG
GAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAGCC
ACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAACCG
ATTTTTTAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAG
TGTCACCCATTGAGTAAACCAAGTGGAAGTCAGCAGGAAAGTAGCTGGG
ATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTCTGTCAACCAGGCTGAAGTGAAATG
GTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAAGTGATTCT

Table 3

118/1077

CCAGCCCCAGCCTTCCAAATAGATACCAGTAAAAATGTCATCTGGCCAAT
TTGTGTGAAAAAA

>Sequence 617

TTAACACTATATAGGGCGACTTGGAGCTCCTCCGCGGTGGCGGCCGAGGT
ACTACTATTTTGGTTAGTTGTTTATTGCTTTATTTTGCAGATGAAAACCTC
CGCTATTGAGAGAGGTGAAATATTCTATCCCAGCAGAAAATCTTCCAGTG
AGTCAAACATCTGCTAGTGAGTTGACAAAAAAAATCTAGGAGCTCTTTC
CGTCAGCACTTGGAATATTCTTATTGTTACTGTTGGATGACCCCTGGTT
TGTAGACACCGCCTAAGGGCAATGGTTGGGTTTCAGAATTACAGAGCGAG
AGGCATAAGCATCATAGCACAGAGAAACATATTAATAAAAGCCTCTGAGA
AATAAAAATGAGATCCCAAATCCACCAACTGACTGAACAGAACCCCTTTT
GGCCAAGGGGACCTCAAAGTAATCTTGAAAATTGAGTTCTCAGTCATGGA
CGGATGTGAGG

>Sequence 618

AGGTACAGAAGGGGGGAAATATGCCCCAAATGTCAATTTCTCTTGCAGCA
CTATATGTGGCTCTCACAGTGGAAGACGGAAGCACCATGAAATGTGGGAT
ACACAAGATAACTGAAAATGTGAGATGTTCTTGATGAGTTGGTGGTGACC
TTTGCAAATTTCTCCAGTTTGTAGGAATTGTCCTTGAGCAAGTCAGTCCA
AGCAGATTTTATTTTATTATTTTGAGACAAGGTTTCGCTCCATCACCCAG
AGTTGAGTGCAGTGGCACAGTCATGGCTCACTGTAGCCTTGACCTCCTGG
GCTCAGGTGATTCTCCTGCCTCAGCCCCCTGACCAGTAGCTGGAACCTACA
GGCACATGCC

>Sequence 619

AGGTACATTTGAATGAGTAAATAAAGCAAAGTCATATACATATATCACTC
TACTAGCAGTCCTGGTAACCTCCACCTGTTTGTATTGGAGTAGGGGTG
GCAATAAGCTGCTGTTTTATAAATTTAAGGAGTCTCAGGGGTGATATCAC
CAGTTCCAAAAAATAAACGAATTATGAGATTAACAGTAAAATGTCCATTT
TAATGAAAATCCTATGCTAATTCAAATGAGGACCCTACTGTTGAAGAAAC
ATTTGCTCTTCACACATAAACATGAAATATACCCTAACTCATTTATGAGC
TGCAGTCTTGAATCCAGGCACAATATATCACT

>Sequence 620

AGGTACTTGAGGGCATCATTAAAATCAGCCAGTGTTTCAGTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAATGGGCAAAAATGCCCTTGGCCTTTACA
TGCTCATTTA AAAACATATAACAAGAGCACGTAAATTCAGGCAGGTTATC
ACTTTCTACTCAAAGCATTTTTCGCTCTTAAAGTCACAAAATGTGCAAGC
CGGGAGGGCCCTACGGCTTGATTGTGCTAGGCCTCTACAACTCCCACGTCA
CTTCCCAACCGGAAGCACAGAAGATGCATCGTATGGAGTCATTAAATGT
AGCAAAACCAACCCCGACAACTCCTACTACTTATTA AAAATCATGAGGCC
CAACAGAGCTGCCCTGTGCCTGGGGGACATTAATACGTGGGAGAAAAAAA
CAATGCGAGACAATGGTTCCAAGGGTAGCGTCTTCTTGGAAGACACCTGC
CCTTTCGGAAATAGCCTTGTTGAACCCCCCAACAG

>Sequence 621

AGGTACTCCTTCATATAGTAGTAGGTTTCAGAAACTCAGGCTAAGGAAAGC
ATCCAGAAAACATTGTCTGCCTCTGCAACAGTTTGTGGATAGCTTGTAAT
TGTAGTTTCTGATCTTGTCAAATCTGTCTTATAAACTCTAAATGTTGTGG
TCCTCACCTTGGCTTAGATTACCAGAATAATACCCTATTCTTGCTTATTA
GAAGTCAGTGCAAATTCCTTCATACCCCTATTAATAAAAAGTATGAGTTT
TCTTAGGAACATTTCCATTCTAAATAGAGTATATGCTCATGTTTTGCTCT
TCCTTGTATTATTGTTTGACCTAGTTCTAGGTCCAATTTTTCAGACTATG
TCACATTATTTTCATGTCACCTTAGTAGGAAGGTACTTTTCAGATAAAAAA
GTTTTCTTATGTTTCAGGTAAAAGTTCTTTCCACGCCAACCATTATTTT
TGTTTTTCTCAGAGTTCCTTAATTGGGCAAATTTCCCTTCAGGGAATTCT
TGGA AAAA

>Sequence 622

CAATTGAGCTCACCGCGGTGGCGGGCCCGGGCAGGTACGCGGGAAGGA
CAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAG

Table 3

119/1077

TTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGAT
GATGTTGGATAACTCTTTGAGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAT
ACTTAATTTTCAGAGTTGTCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAA
CCTAATTCCTACTGGCTCATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCTG
GATGCCTTCCCCAGTGGGGCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATAACCCTGC
CAAGCTCTTACACATTCCCTCTGCCATAAACTCATTCTTTGTTACTGAA
TTATAATTTTCATGTTTCAATTTGTTTATCTCTCATACTAGGCTGTGAGTCC
CTGATGACAGAGA

>Sequence 623

CCGGGCAGGTACCCTGCACACACTATGTTCTCAAGAAATATTCATGTAAT
AAGTGAATAATTGAATGAATGAATGACTAAGTGAACTTCTCTTTACAAC
AAGCAAATGTAATNAGGCCTTTCTAAGCTCTCATCATCCTCATTGTCCTT
GGTGGATTCCCACCACACTCAGAATTCCTTTTCACCTTTCCATGCATATG
AGGCCCCACCTAATCAGGTGCTGGTCTTCTTAGCTTTCTGTCTCCTACCA
CTTTTTGTCTTGCTTCGGGAAGTCCACTGTCTTTTCTGTTATAGGAACAT
GCTAAGGGTATTCTTCATAGTCAAGAGCACAAGCTCTGAACCCAGCCCCAA
TCTGTTTTTGAAGTCAAGTTCCTTATGTGCTAACTGGGTTATATCGTG
AGAACATTTATGTACTGTAACCTCACCTCCCTCATGTGTCAAAGGAAG
TAATGATGGTGCCTCGGCCGTACGGACAAGGATCTTTTTTCATCATAATTA
AATATTTTAGAAGACAAAATTGTTTGAAATATTCAGGCGGAACGCATTTG
CATAGATATACACGAAGCACTACATTCTGGGATTTAAGCGAATATTTATG
CCTAAATCTACACAGATAATTGTCAGGTACGCGACTGATGGGTATACATA
TACATGACATTAGAGTGATTCAAAAGTCACTAGACATACGACTATACGAG
CGATAGGAGGCATACGTATGAGATACGTGAGAGTTTTAGACATTATAAAC
TGGTATTGAAGATAGATTTTACACGATTGCGTAAGAGTAATTCATATGAT
AGACATCTCAGATATGTGATATATGAGATACATCAGACT

>Sequence 624

AGGTACAAATTTGATCATTTTATTATATCTGAAACAGACTAAAGGCAGGT
TGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTTGGGTGATAGATGGTGAGTGGTC
TGTAGTGCTGGTTATTCCATATAGACTTCTGTCAAAGCTCATGGAAGTGT
TTGTTTAAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACTTCACTAGTGAAA
TCTTTAAAAACTATGCTGGTGGCTTCCTGTCTCTTCTGAATAAACCTG
ATTCTTCTTTTCAAGGTAAACAAGAACTTCTGGTGTGCCTTCCACCTTT
CCCATACTCCCTCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCACTTCAAATTGCCA
TCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGCTCTTGCCTCTGG
GTCTA

>Sequence 625

CCGGGCAGGTACAATGTCCTATATTTACGAGGACCTTACTACTCTTAAAT
CGCTGTCGTTCAAAAACAAAACAATTTTTTTTTCAGCGTGTTCTTATATGCC
CATTACTGAGCTGGTCCCTGGGGATGCAAAGACACATGGANCTCTCATTG
TTTTCTCCAGGAAATNNTCACTTGGAAAAAGAAACACNGGGAGATGCTG
CCTAGAATCCTTGATGCCTCCGAAGTTAGACTGGAGTTGGATTAACCCGG
CCTCTCTCTGTGGAAATAGGAGATGGCTAGAAGAGTGACATCAATCAGCC
ACAAGTCTTTCAGCCTCATAACGTCNGAGCAATGGTATCAGACTTGATGC
AGAGAACTACCCGGCATATGTGGCTTTTTTTTTTTTTTAAAATGTAGTGAA
AAAATTTCAAGTCACAGCCACAACACTGGACTAATCAAAAGATCATTTT
ATGTTTTGGTTTGGATTAAAATGCTCTTTTGCCTATGGCTTTTTGTATG
AGAATGCTTGAGAAATTCTATGAAATAAGGGAGTGGTTGAAGAAGAATCC
ATTGTTATAGAGCAGGGAAGTAAAAGAATACAATCTCTTGGCCCCCTAT
TTTCTCTTCCCCTTTCTGAATTTTAAAAAAGAACACTTTCAAACCGGATG
AAAAGTCTTTTATTGTAATGGATGGGGACCAAAGTCAACGTGAAAAGT
GAACCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAACAAAATCTTGGGGAATGCC
CATTTGGACCTGGAAACAAAATTTTTGCTGTGGAAAATACTTGGCCAAGG
GACTTTTTCTGAAGGCCCCCCCAATGGCCAAAAAAGGACTGGTGAAAAGG
CCAAACTGGGCAATATATTGGGGGGAAACGGGTTTCTTATTGAAGGGAAG
GCCAAAACCATCTTTTTATGGGGGTGG

Table 3

120/1077

>Sequence 626

CCGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAGC
ATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTTCAAC
AATTTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGTG
TTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTTT
CTCCCAAAGGAAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATAA
TTTGTAATTCTTTTCAATATATCTCATNTTTTTTTTTTTTTTTTGTGAGAC
AGAGTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGGCGATCTTGGC
TCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTCAAGCAATTCT

>Sequence 627

AGGTACGCGGGGACAGAGAGAAGGTTAAGAGCAACAAGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCCTGAGGAAGTAAACAGAGTTTTACTCTTGTT
GCCCAGGCTGGAGCGCAATGGTGCGATCTCGGCTCACCGCAATCTCTGCC
TCCTGAGTTCAAGCGAGGAGCAAGTGAGTAGCTGGGACAACAGCCCTACC
TGATGGACTGGACTTCTGCCTGGATTGGAGTTTGATCATGCCTCCATATG
GGTGTTTACCAGGCGTATGCATTGAACCTGAGTTTGTCCCTTCAATACAA
GGAATCTCTGCCGCTTAGTGATTTTCCAAGAAACATGAGCTTCTGCCT
TTCAATGAGGAAGATACTCAGAAGTCATGTTTCGAGCACTCCGGAAAATGT
CCTTGGAGTTTCAACATTTCTTTGGTCTTCCACATTTTCAATTTTGTCTGA
TTAAAGAGGAAGCCAGTTGCTGTTTGTGTGGCCATGTGAGCAGGCAGGGA
GATGGTGGCTGCCTAGAAGCCAAGAGAAGTGGCCTAAAGATGAAATCTAC
CTTGCTGGTACCTGGCCG

>Sequence 628

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCA
CCCACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGC
CTGGCCGGGTCAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAA
GGTATTCAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCA
TGGACTTACTACTTTAAAAACACATTATTAGAAACCTAACACCTTGGAA
GCTCTGCATATTCTGAATGAAGAATATACTAAACCACTCAGAGGGAAATA
GTTATTAACCATTTTACCACAGACGACTAAACCACTACCATGGCCCTTCC
CTTGTTTCAGCTGGTCTGGGTCTG

>Sequence 629

CCGGGCAGGTACTAACATTCAAAAAACCATAAATATACATCCACTTAAAA
AGACACATTCCAGTTACGATACCCTTCTTAAACAGAAGTCTGATTATTT
TATATATTATCTGATACTGTTACTGGCTTGCTATTTTGTGAGCTATAAGA
AGTAAACTGATGGTTAAAATACTATAACCTTGAAAATATACACTAACCTT
CATTATCCAAAAGAAGTGTCAAAAAACATAGAAAAACAGAAAACAAACCT
TTTGAAAGCTTTGTTTCTTCTACCGCTTTGGTTAGATGCCCTTCGACGAT
CAGCTTCTCTGCCAAGGAAAATAAACGTTACCATCCAAGCCCAAACCTGAG
CAGCATTTCCCTGAGCTGGGCAGTGTAACACATTCCATGACCAAATT

>Sequence 630

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA
TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACA
GAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCAT
AGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAGGGAAGTAGTCAATTGTTT
TGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGAT
AACAGAGGTCAGTATGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGA
TTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGA
GACAGGCACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACAC
TGTCTGATGGGGAGGTGGCTCAATCTTCTTGATAACTGAATGAATGAG
TAAACTATCTATCCATCCATTTATCCATCCATCCCTCCACCCATCCTTTC
CTACATCCATCCATGGGGTTTGAGCCTTTAAATGGAGAAGGCCAGCCTT
ATCTAGTGAGAAAACTTTGGATTAGGAGTTAAAAAACCAGATCATACTT
CACAGTCACGGTTAGCTTTTTGAACTGGCCAAACCAGGGCTTTTTGGGAC

Table 3

121/1077

TTACTTTCCTTATCATGAAATGGGAGGGTTGGTTAGATACACCTTTAAAA
CCAGCTTTAAATTTTGGATGAAGGCCTACCTTAGAATTTTTTGGTGAAGG
CCGACCGGGGGTAAGC

>Sequence 631

CAGGTCCTTGGGCTTTTGTTTTTTAAAACACCAATGAGTATATGCTCATT
AGATAGTTTGGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCAT
TGTAAGTGTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCTGTTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTTA
AGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTTTGTAAAATCTTATA

>Sequence 632

CCGGGCAGGTACCATAATTTAGTTATTGCTCAGTGGTTGAACATTTAGGT
TGCCTCTAGATTTTTCTATTTATTAGAAACATTCAGGGTTTCTAGATTTT
TCAGTTTTATAAGGAACATTCCAGTGAACACTTTCGTGGAAGACTTTTGC
AGGAATTTCAACACCTAATTTTGTACAACCCTAACTTTCTCCATTTGTT
TTGATGAGTAGTAAATTTTTATTTTGAAAAAGTCTTAAGGCAAATAAAT
GTAATGCACTTATATTTCAAAAATATAATTGCCATATACTACCTATAAAA
TAGGAGTATTTTCAAGGAAATCAAACAAAAACAATGATTTTTTCTCAAGCATA
AAGAACTATGCCTGGTATGACCTGCTCCTTTTGA

>Sequence 633

GGCACGATGGCTCACACCTGCAATCCCAAAGTGCAAGGATTACAGGTGTT
GAGTCACCGTGCACGGCCCCAAGAGATGGTGGTGGTGGTTTGTTTTTTTT
TTTAACAGTAGAACTGTTTTTTTCGTTTCCATTATTTATTTCTGATTCA
CTTATAAATGTTGGAGCTATTGAAGCAATTGGAATTTTTTTGAATTATAG
TTAACAATAGTAAAGATGTATCTTAAAAGATATAGTAGCTTTATTTATCA
TTTAATAGTAATGTAATATAAGGCCTTACTTGTGTGTTCCATAATTTT
CTTTCTGCCAGTATGAAATAGCCAAAAGTGACTGAAAGCCAGTAATTTTC
ATATCCCGTGCCAGTTT

>Sequence 634

CCGGGCAGGTACATTACAGAGCATATGATCTTTCAAGGTTTTGTTCCACA
TGTGTTATGCATAGTAACTGCTCATTTCTATTAATAAATACTCATAAATTG
AATCACATTACAAATAAGTGCCATATACTTAACTGAGCAATATACACACA
TACGCATTCCTGATAGGTGATACAAAGGCAAGAAATTCTGAGAAATTTTA
AGATTGTGATCTGTATCATTTGGATGGTATAGCAGGAGTGGCAGAGGGAG
GAACGTTTCTTAAGTTCTTCACTTACTGGCTCCTGCACTTAGGTAGGATC
ATGTCACTAGTGCTGGCCAATGAGCAAAAAGTATGGTGTGCCATTTCTGGA
GTAAGGGAAACGTATGTGCAATTTCTAATTTATTTTTTCTCTTCCATTGA
TACT

>Sequence 635

CCGGGCAGGTACCGTAAAATACTTGTTTTTCTTAACTATATCTCCCACTGG
GCTCCTGGAGGACGTGATCATTTGTTCCCCAAGTGCCTCTCATATATT
TGGTGGTCTATAAATATGAAATAACAAATGAATGATGGTGCTATGAATTC
AACCACACCCACACTTCTTTTACCATCTGAGAGAAACAGAAGGATCCAA
ATCTTGGTAATCTAAATGCATGCCTCCAATACAAAGATCTTTAATAATCA
CCAGGCCTGAACCACTTCTTAGCAATTGGCCAGGCTGCAAGGAGCCGTAT
CAACTCCTTACTAGGACAGCTTAAGCCCCTGAAGAAATTATCTCATGCAC
TAAGGAATGACCTGACATAAAAGCCTACTTGAAAATAAGCTGATGCCTGC
CCAGAGGGAATAATTTAAAAT

>Sequence 636

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG

Table 3

122/1077

CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAGAATGGTNGGGATTAT
ATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATA

>Sequence 637

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTTCAGTCAGATATGCCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAAACTTCTAATGATTTTTTCTGGTG
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTCTTAAAAAAATTCCCA
TAAAATATATTCATTTATCAATACATAAATATTTGATGGATATCAACTCA
AGAAAGGTAGATGTCCTCACTTCTTAAGCATTATTTATTAAAAAATTTC
CAGGGCAGTTCCTTTTCTTAGGAAAATATATTGCCAGGTGAATCCC
TTCTTAGCACTTTATTGTCATTCTTGGGGGATTATTAAAAACCAAGGC
TTGCTTGAAGCATGTCCTTTGTACAACCCTGCTTCTTTGTGAACACAAAT
GTCTTCCCAGGCCTTGCTTTAATTTTTTGGCCCTTATTAACTTCTTCAA
AAGGTTTGTATTGGGGCCCCTGGCCTCTTTAGGAAGGGGAAGGGTTATTG
CTAACACAAGGAATTGCT

>Sequence 638

AGGAACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCATTTATATTTCAAAAATTA
ATAGTTATTGACGTTGGCTGTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTCAAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAAATTGTCAATTTTTTCAATT
TTCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAATAAAAATT
GAAAATAAACTTGTGCTTATATTTTGTGTTGCAACACACTAGTTAATTTAA
CCTGAGACTAGTTATCTTTACCGAAAGTGGAAGTGTAAATTACTGGTTTT
AAAATTTTAAGCCAACCGGGAAAAATAATCCTTCTAATTTTGCTTATCTT
TCCCAAAAAATATTTTAAATAGAATAACCCCCCTTTACAAAATTTGGAA
ACAAACGCCTTAAATAGCCAATGCC

>Sequence 639

AGGTACCCAGACCTGCAAGAGTTGTCTCAAACAATAACAACAGTATACAA
ATGTTAACCCAATCTTAATTCAGAACAGCTTAAATGTAATAAGGTAACCT
TGGAACCTATGGCGAGCTCTCAGGTAGAAGCTAGAAGCTGTTTCACGTG
ACAGAAGCAGACAGATTGTTAAGAATCTGTTATGAGTGGAGTCCCATGCC
AGGGCTTACCCTGGCCACCACTTACTAGCGGAAGCCTTGAGCAAATTCTG
CAGCCGTTGTGAGCGTCACAGAGTGGTGAATGTAAAGATTATATAACATT
CTCTATGGTCAGTGTCTCCGCATCTAGCACCCCTAAGAAAATCCAAATGC
CACCTGCNATTGTGACAGGGACAATCTCTGGGTGCTACTTGCACCCTGCG
AAATCCACCCTCTCCAG

>Sequence 640

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAAGAAATT
GATGTCCTGGGAACCTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTTTGAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAACTAATAATAAAATATCACATTATTGCCTACCC
ACTAAAGGCAGCCTGAAATTTTACAAAACAGTCTTCCTGGGGTCGTCTCG
ATGGTGAGATATAACTGCCTTTCATAATACTAGAAGTACTGAGACAGAAG
AAGAGGCTGGGACCCATCTGGATTGGCTGTAGGTAAATTTGTTTGTGCTG
GGGGCTGCGTTGGGACTGCTTGACGCAAAAACACAACATTGGTCTGAGTC
CGAGGTGTCCCATTTGATATTGGGGCCTGGGACTGGCC

>Sequence 641

AGGTACAAAAGCCTGACGATATGGTCTTGAGGGGTAATCCTAAGGCTGTT
AGACCGAAATTAAAACAAACCTTACCAGTAGATCTGTGTTTTTAAGACAG
CTCTATTTAAGAGGACCATGCTGATTATACCAAGAGATAAGCCCCACAGA
ATGTAAGGGTGATCACTTCAGCAAACATGGGCATGGCATTGCAATTTTCT
AGTTTTTTCACCTCACAGAAGAGCAAAGATCTCACAATCACTTCGTAAAT
AGCAGCGGATTCTCAAGACATACAGTCCGTGGTATGCATGAGCCTGAGT
AAGAGGTTGACTTTAATTTTTTCAGCCTTGAAAATAAAAAAAGTTAAATG
CTCACGTATATAATTGGTTCAATTATCACTAAAATAAAGCAGTGCTGA

>Sequence 642

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA

Table 3

123/1077

TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCCAAGGGAACC
AAAAACAGAAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCC
ATAGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGT
TTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGCAAATAGTCCTTATATTTG
ATAACAGAGGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGCGG
GATTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATA
GAGACAGGCACTATAA

>Sequence 643

AGGTACATCATCGGGAATTCATGATTAAGTGACTAAATGATTTGTTTCTA
AAACAGAGATGTATGCTGTCTGTGGCAAGGGCTGGGAGCTGGGCAACAGC
TGGGCAGGGGGCACATCGCCTTAAAGCCTCATGCACCAAAGAGCCAAACC
GGGGAGGGCTTTCTTAGAAAGCAAAATACAGCGCTCACACTGCAGGGGTG
GCGGCGCAGGTGTGGAACCTGTCTTGATGCCTAACGTGGGGGTACACAGC
TATCCGAAGGCAGGCTCCAGAGAGCACCTTGACCATTTCTGCTTGTTTTC
TCCCGTCTATGCCCCAGCCTGGCAGTCACTGGCCTCTGATTTAAAGAGTC
GAGTTTGCGGGTGGTTTGCTAATTATGACCCCA

>Sequence 644

AGGTACTCCTACTCATATGCTTCAGTTAATTATATATGTTGAACAGGTAG
GAAGCAGTGCTGTTTTTATTTATTTTAATATGTTATTCATACATTTGAAG
AATTATGTTCTTTCTGTAGGCAGCTGAATTTTTTTTTTTTGGAGACGAAGT
CTTGGTATTGTCCCCCTTGCTGGAGTGCAATGGCATGATCTCGGCTCACT
GCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAGGCAATTCTCCTGCCTCAGACTCCTGA
GTAGCTGGGATTACAGGCGCCTGCCACCACGCCCCGGATAATTTTTGTATT
TTTAGTAGAGACAGTGTTTCACTATGTTGGCTGGGCTGGTCTCGAACTCC
TGCCCTCAGGTGATCCGCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACT
GGCGTGAGCCACTGCTGCCAGCCGGCAGTTGAA

>Sequence 645

CCGGGCAGGTACTGACCTCCCCACTCCTCCCTTAGGTGTGTAGAATATGA
GAGAACGATTTAGCCTTCATTTAGCAAGTTCCACAGGGAAACCAGTATCT
TCAAGGAACAGCCAGGTTTTAGTGAAGGCGAGGTAAAGGCAGGAATGTTC
AGTAAAGATGTTGAGGAGTAGAGGAGCTGGTTCACAGTGGAATGGGGGT
TCAAACAGCTCAGTAAAATGGTTTATGAGGGAACAGTTTAGAGAAGGGTT
TCAAAATTCCCTAGAGCAATTTTGTGTGATGATCTGGATTGAATATCAAA
TGTTGTTATTATGATCGTTTTATTCATATTTTATTAATTTTTTATCATT
TATATTTTTTATTCTTTATTTTATAATATTTTTTGATTTTTTTTTTAATAT
ATTATTATTTTCAATTATTTAATCTTTTATTATAA

>Sequence 646

AGGTACTCCAGCCTGNGCGACAGAGCGAGACTCCATCTCAAAAAAAAAAA
AAATAGCTGGTCATAGTGGCACACACCTATAGTCCAGACATTTGGGAAGC
TCAGGCAGAAGGATCACTTGAGCCCAAGAATTCGAGGCTCGGGACCATGA
TTATGTCACTGCATTCCAACATGGGTGCAGAACAAAGACTCCCAACTCCAA
AGAAAGAAAAAGGATTATGGGTTTAAACACTTGGAAGGATGTAAGCTT
GTAGGAAATAAAATATCACTGTCCTCTTTTGCTCAGGGTCAGCAACATGG
TAAATGAGGAATTTTAGAAATTAACCTCCAGGAAAAAAAAAAGGGAGAG
AGAGAGCANGAAGAAACACAAATATTTACAGTTTTGAAATTATCTACTAA
TTAGGTGATAAGTAGTGTGTAGATAGTGGAACAGAATAGGATGCACAGA
AGAATGTTTTGAATATAGAAATGATACAAAACCTTGAGCACTGATCACAAA
TGCTGAGGCAGACCTGAAGATGGCACTTCANGGTTTGGACATATGAAGAA
CGAAAGTTCCATTGATAGAAATGAGAAGTTGCCAGGGGGAACCTATTTAT
GGTGAAGAACATTAAATTAGTATTGAAAACACTGCCTTTGGGCAATCTG
CACCTNCCTAAATGCTTAGNCCTATTTTCCACTGTCCCCTTTAGGCTCCA
AACACACCTGAACCACTGCTGGTGGCCGAAACCTACTTGGTTTCAAAACC
CTAGGTTCACAGGGATATTGAATGCCTAGCCTTCTTCCGGGGATTGGTG
CGTCTTCATATTCCCTTCAAGTCCCAACCCAGAGGTACCTGCCCCGCGCCG

>Sequence 647

CCGGGCAGGTACTTTGAAAGAATTGATCCAGCTGAATTGGAAAATGTGGG

Table 3

124/1077

AAGGGGATGGGGAAGAGGCTGCTCCACCTGAGATCTGGCTCCAGGACTTA
CAGCAAGGGGAACTTGGGCAAGTTACAGACCTGTCCTATGCCCTCAGTTT
TCTTTATCAGCAGAAACAGAAAATCATCCCATANAACCTATAAGGGTCGAT
GGTATTCAGCGGGTCCCCCCTGAGCTGCACANTCTGNNAGTCATGT
TAGACAAACACATTTCTCAGGCCCCANCCTGNNAGCCCTCTGAATCAGAA
ATTCCCTGTAAGGAGGGATGNNATGAACTTGAATTTGCACTGACTTTCCC
ANGCTGTTTTCTTACTTCTGATCAACTTNGGGGGTAGGGACCCATTGAAG
CTGCATA

>Sequence 648

CCGGGCAGGTACGTCATTTGGGCCAATTGTTTCAGACTCTTTCTTCCCTCT
GAAACCATTAACCAAAGCCACTAATAAGTAGAAATGCAGAGTTAAGAGCC
CCTTCCTCCCTCTTTCAATTTCCAGTGGACATATTAATGAGCAATAAAGC
AGCTAAAAGGCAAGCAGCTCAAGAAAGAGAAAGAAGCAAAGAAAGGTGAT
TGGGAAAACAGATATTCAGCCCTCAGCAATGCAGACTGGGCTGCCCCGTG
TGCCATGTGGGCTGTGATCACAGGAATTTGGAGCTCAATTTCTTAATTGG
TTCTTTAGTCTTATCCAAAGAGAAAATTGGATTTCTAGAGATTTCTTCTG
TGCAGAGAGCAATTATGCTAAAGCTGCTTAGGTAACAGCTTTTTTCGGCTA
GCC

>Sequence 649

CCGGGCAGGTACGCGGGGCGGGGCGGGTGGCGCGTGCCTGTAGTCCCGA
GTAGGTGGGATTACAGGCATGTGCCACCACCCGGGCTAATTTTGTATTTT
TGGTAGAGACGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTTGAACCTCCG
ACCTCAGGTGATCTGCCTGCTTTGGCCTCCCAAAGTATTGAGATTACAGG
CATGAGCCACCGCACCCGGCAAAAGCCACATGTTCTTAGCAGTTCTTAGT
AGTGGTAGAGTTAAGTTTGTCTCTGGGGCTCTTTGTTACCACCGCTCCAG
AGTTGCCCATTTGAGGACTATCAATTGGAAATATGTCCCTGAGGAAAAAAT
GATATACCAGTTGATTGTGTGTTACCACTCAGATACACAGGCAACAGGG

>Sequence 650

AGGTACTATAAAACCAATGCCATGTTTTTGTAAAGGCCGGAATGAAAGAAC
CACCTGGAATCCGACTCATGGTGCTAATACTGAACTCATTTGGCACAAGT
TATTTAGATTCAAAAAGGCCACCCCAAGAGCACTCTCTTTCAGTTTGAGC
AGAACTCCTGAAAATCATACTAACTACCTTTCATTGTGTTCTTATTATGA
GCAGGATATTGGGATAAAGAACACTGGTTTCTCTCATTTAATTCCAACAG
CAGTCTGGTGGCTCAGGAGCTATTAGGATTTTTTTTGTATCGATAAGGAG
ACTGAGGGTCAAAGAGGTGACGTCACCTTGCCCAGGGTCATAGCACCAGGA
AGCAGGAGAGTTAGGCTTTACATACAGC

>Sequence 651

CCGGGCAGGTACATGCATACTCAATGTTTAGTTCCCACTTATAAGTGAGA
ACATGTGGTATTTAGTTTTATTCTTTTTTATACTCAGTCCAGATTTGTGG
CTCACAGGCTGGGTAGATAAAGACTTTTGTGTCCAAATTTCCAACCAGTA
GCTGCTATACACACATATCTGGGCCTGCCGATTTTCCCATTGCTTGTTG
AAGAATCGACTTTTATGAAAGAATCAAGATCTGTTTATTTTCCTAAAACA
ACAGTAATGACGGAATCATAAGTAGAAGTGGGTAAACCATGGGTCCCTGA
ATCCAGCTTCTAGGAACACACTTTCTCCTGTTTCTCCACAGTTAAGTTTT
GTGGATAAGGGGAAGATTTATCATAAAAGCAATATT

>Sequence 652

AGGTACAAAGCAAAATCAACATGCTTTTTTATTTTACCTCATTATTACATA
AAAAATTTTTTTGTAGAGACAGAGTCTTGCTTTGTTGCCAGGCTGGTCT
CAAACCTCCTGGCCTCAAGCAATCCTCCCACCTTGGCCTCCCAAAGCACTG
GAATTATAGCTATGAGCCACTGTGCTGGGCCCCTACACCTTTTAAACAA
CTCTTCTCCTGTACCTCTCAGGTGTTTTATTTAGTTTGGTATTATATT
TAAGAATTCTTTCTTAGTGGCATAACATTTCTGTGATCAGAAATCA
GA

>Sequence 653

CCGGCAGGTACATCCATTCTCATAATAGAGGTATCTTTCATTAAGGATGG
ACTTCGAAAGTAACTGAAACACCTGTGTGAAGGGATGTGTGTGCCTGTTT

Table 3

125/1077

ATGGGGAAGGGGTAAAGAGAAGAAGAAGGGATAAAATATCATTCTCTTT
ATATCCAGACTGAAAACAGTCAAACTAATACATTTATACATAAAAGAGA
TTCTCAAATACACCCTGCCAAATATAATTTATAAAGAAGAAGAATGGCTT
ATAAATAAGTCAAATATAATAAAATTGACTCATTGCAAAGTAATAAAGCT
CCATCTGATAGCATTGGGAATACCGACTTATGATTTTCAGCAAATATTTCT
GATTTCACTTTAGAAACAGCCTTATATTCCTTAATTATCTTACCTGATA
AATTATCTCAGTAAGTCCAAAGTAGGTCAGTGGAACTCTTTTCTCTGGG
AACTATTCCTTAGAAGTAATTTAGCCTGGAACCTTCTGTTGGTTCTGTCA
GTCAGAAGTAGTTCAGAGCCCCGGGGTNGATACTTGATTTAATATACATA
TCCCTCCAAAGCCCTGGTAGCTTGGTCTGACCATAAGAATGGCTGGGTAT
GAAAATGGCTGGCTGCCATATTTTTCCGGAACAGAACACAAGTGCCACAG
GTTAAAAACCAATGCCGCCCAATGCCAATGCCATTAGGGGGCCACTTAATT
ATTAGGGTTTTGGCTTAAATGGATTCTACAACCCTTTTTCCCGGTAAAC
CTTCCTTTGGAGTTTCTCCCGCCACCCGCTCCCTTAACAATTTTTTTG
GGATAATGCCATTACTCCTTAAAGTATTTGGTTTGAAAGCATAAAATTAT
TCCACGTTAAGGAG

>Sequence 654

TGCCCCGTTCAACCACATTAGTTAGGGCAATTGGAGCTTCCCGCGGAGGCG
CCCGAGGTACCTGAACAAATCCTATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAG
TTGCAGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCTT
TGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTG
AGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTG
TCATAAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTC
ATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGG
GCTTAGTTAGGTATCCCAGCTGGATAACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACCCATTCTTTGTTACTGAATTATAATTTTCATGTTTAT
TTGTTTATCTC

>Sequence 655

AGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCCCTCCCTCCCGGGTTCAAGTGATT
CTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGCCACTGC
GTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGG
CCAAGCTGAATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTTCCACCCACCTTTGG
CCTTACCAAAGTGCCTGGGTATTACAGTGTCGTGAGTCCAACCACCGCCT
CAGCCCTACCAAGCATATTTTTTTTAAATACTGTACACCCTATTACCTGA
ATACAAATTCCTCCTGTTTTAAAAAATTCCTATTTTTACTTATTTTTAA
ACAGATTAAAGTATTTAGTTTTTTTTTTTAAACATACCAACTAATTTTCTG
GTTATTTGAATAAAAAATTTAAAGTGCAATTTTTTCATTTGCCCTTTTTT
GCAGGATTTTAACTCATAAACTTACCCTAACAAAGGGAAAGGAAGGGT

>Sequence 656

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAGTCTTGCTCAGTCGCCCCA
GGCTGGAGTGCTAACCTCTCCTTTCATGTGGAGATGGACAGGGATGGCAG
GAGCACTGAGTGCTCTTGACAACACCATTGAAGATGATGCTGACGATCAG
CTACCCTGTGGAGAAGGCAGGCCAGGCTGGGTGAGAGGGGAGCTCCTTGG
AAGTCAGGGGGTCTGTAAGGACAGCAAGGATCTCTTTGTCCCAACCTCCA
GCAGCCTTTATGGGTGCTTCTGTGTTGGCCTTGATTCTGGGATGGCCATC
TCAGTGCTGTTGCTGGCTAGCGATTTTCAGAAAACCTAGATTTTTCTAGGCC
TGAGCCCTGTTTTGAGAAAGAAGCTTCCCTCTGGTTTGTAGCTCAACATT
AATGAGTTTTGGTTCCTGG

>Sequence 657

AGGTACAGTGGCATGACCATAACTTGCTGCAGCCTTGAACCTCCAGGATTC
GAGTGATCCTCCACCTGAGCCTCCAAGTCGCTGGGATTACAGACATGTG
TCACCATGCTCAGCTATTTACATCTTTTGATGTGATGTGACACAAAGTA
TACAACATCACCTATGGGTGTCCATGCCAAAAACGGGAAATGTTTAACAG
TGAGTTATTATATGTAACATCCAGCTTACAGGAATGATAGGAAGAGAGGA
ACTAGTGAAATGATGCCACAAGGAAGCACACAGATAAATCCAGAAAGTTA
GAAATTCTGTAGGACAAATGGCCTGGTCTCTTCAACAACCTGTTGCTGATA

Table 3

126/1077

ATATGACAAAAAAGAGAGTAAGAAGAGCATGAGGCATGGG

>Sequence 658

CCGGGCAGGTACAGAATTGATTGAGGTGGTGGGTCTAGAATTAAGAGAGC
TGGATGAGAAATTACTATAGTCATCTAAGAATGAACGGTAGAGCAGTCAG
AATGAAAAGAGAAAACTAGGTCTTAAGACCAAATGACATGAGGCCATGTG
TGGTGGCTCAAACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCAG
ATCACGAGGTCAGGAGATCGAGACCAGCCCAGCCAACATGGTGAAACCCT
GTCTCTACTAAAATACAAAAAATAATTAGTTGGGCATGGTGGCGCGCGC
CTGTAGTCCCAGCTGCTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAGCCC
AGGAGGCGGAGGTTACAGTTAGCTGATATCGCGCCACTGCACTCCAGCCT
GACGACAGAGCAAGACTCCATTCCAAAAGTAGAGAATAATTGAAAGTCTC
GTACCT

>Sequence 659

CCGGGCAGGTACCTAACTTATTAGGGCCCTGATAATCAAATTAGCCAATA
AGTAAGAAAATGTTTTCTTAACCACACTGTAAATTAAGAGGATTCATATT
GAAATCACTTTTCCATTATTGCTGTCTTAGCCTGCTAAAGTTATATTTAG
TGTAAGTGCAACTAGGCAGGGTTGTGAGAGCTGGGAAGGTAGACTGTTGTA
TTGGGCAGGGTCAGGGCAGATAAAGGACCAAAATAATGCCTGAAATGCTG
TATTAACCTGCTCTACCTTGAAGTCTGTCTTGAATTGGGGGGAAAAATG
AAGCTCTGAGGGGATGGTGCACAGGGAGAAAAGAGAGAATCTCAGGAATT
GAAAGTCTCGATGGAGAAGAGGTGGGAGAAGAATAGGAGGCTAGAGTGA

>Sequence 660

CCGGGCAGTATTTGGTTTTCAAAGAATCTTATGGAGAGCATTTTTGAAA
GTAGATGTTTGGAATCTTTCCAACATTATGTGATTTTTGTCTCTAAAAA
TGATGTATATTGCTTATAAAAACTCATATCTGCACACTTATCTTAGAAAC
TGAAATTCCTAACCTCTTTTAGAAATCTTCCAAATGGAGAGGTTGAGTTT
TAAATATATTGAGGAATTCTAAGGAGGACAGTGGCTCATTTACTTGCTTA
CTTAAGTGTCTCACTCAAGGAGGATATGTCTTTAATTTTTAATTCTATAA
TGCCAATATACCTTTTATTTTTTTAACCTCAATACATTTCCCATCAATGG
GACTTTCATAACATCATGTATCCCATTTTTATTAATGTAATCTTCGATAA
CAA

>Sequence 661

TAACCTAGTCGATCGGTAAGGCCGAGGGGAATAGCAGCGGAGTGGCCGCC
GAGGTACCTGAACAAAGTCCATCAAGGACAGATTCTCACTCTTGAATATG
CAACACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGG
ATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGA
CTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTGTC
ATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCAT
TGAAGTCAAGTCAAGTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGGGC
TTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATAACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCCCT
CTGCCATAACACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATTTTCATGTTTCAAT
GTTTATCTCTCATACTAGGCTGTGAGTTCCCTGATGACAGAAAATGTCTT
GTTGGTTTTG

>Sequence 662

AGGTACAAATATCTATGAGAAGTCAGATTCAGTGGAAAGTCTGTGATTAT
GGTTTTGTTTTTAAATGAAATTGAACATTTAAACTGCAAAACGTGGGGA
ATGAAAAAGCCATCTGTCAGGCACTATATCACAAAAGAATCCACCCACTT
ACAAATAATCCCTGAATGTCACCACTCTTCTTTCTATTCATCATCCTGGT
GTTGTAAATGGAATACTCACAATAAAGCTGCCATTAGCAGAGTATCCCTG
TGATCTATCCTTACCAACCATGTTGATCTAAAGTTGGAGGTCAGTGTGAT
TAGAAAACCTCAAGACACCACCCCTGCCCCACCAGGGTTGAAAGGGACTG
AAAAGTAGATTTTTAACTGT

>Sequence 663

CGAGGTACTATTAAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGT
TCAAGGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTC
ACTCCTTTCCCTTTCTAGTTTTTGACATTGCCAACTTTGNCTTCTCTTCT

Table 3

127/1077

TTTATAAAAGGCTTTCCAAGGCCCTTTTTGGAAATAAGGAAAGGCTTG

>Sequence 664

CCGGGCAGGTACTTCTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATG
AGAGACAAGATTTCACTCTGCTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCT
CGTGATCCACCCGCCTCGGCCTGCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAG
CCACCACGCCTGGCCTCCAGTATTTTTAAATTAATTTTCTTGCTCAAACC
AGAATTAAGTTTCTCTTACCCTAACTAAGGGAACCTTTGGCTAAGACAAAA
AAACGACCTGTTACTTACCTTAAGAAAACCAATTTTATTTCTGATTATTG
CAAAAGCACACAAAAAATATGCTGGTTGTTAGCCCTATATTTCTGCAAA
ACCAACATTTAAAGTATTTGACAACCTTTTTAA

>Sequence 665

AGGTACTTTCAAATGAGAATGGAGTTCAGTTTTACCATCTTTAAACCCCA
TGTAGGGCAAAGTGGAGTCACAACTCAGCTTGAATTATAAATATAATTGT
TCTTGTAATGGTGAGGAGATCTACCTTTGAGGTTTCCCAGAGTCAAGATG
AAAATCATCTTTTCACTCTGGAGAAAAACAGCTCCTTACTGGACTGAGGC
TGTCAGACGTAGACTTGGGTCATTGCTGGAAGAAACATAGAAAGCAGCAC
AGCTCCGAGGTCCTTTNTCATCAGATGTGTAAATATGGCCTTCTCTCTTC
AGAGCAGATTGCCTGGCAGTCATCATCCCTCCTGTCTGTCTCCAGCCCGG
CTGCTCATGCAGTGTCTCAAGCTTCTTGCAATTTGCTGTGTTATGTGGTTT
TTGAG

>Sequence 666

CCGGGCAGGTACAGTGGATATGGTGAGCACTGGTTAGAGTCTGGATATAT
TTTGAAGGGGAACTTTACTGAAGGATTACATGTGAGGTGAGAGAGAAAAA
GAGTCAGGGAATATAACACAGTTTGGAGCCTAAGCAGCTGGAAGGACGGA
GTTCCCATTTATTTTGGTAAGGAAAGATGGTTTGGGGAAAGAGATAAGTT
TTGGACATGTTATTTTGGAGGTGCCTATTATACATGCAAGATGCATGTCA
TGTTGAGGGCAGAGGTCTGAACAGGATGTGTAAATGTGAGACATCACCAA
GGGAGTGAGTCTACTTGAAGGAAAGATCTGGGAGTGGAACCTGGGGTCCCT
AACATTGAGAGTTTCAGGAGG

>Sequence 667

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCACTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTGGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTCACCATGTTGCCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCT
GCCACCTTGGACTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCATG
CCTGGCCTTAAATCAACTTTAGAGTCAACATCTCTTATCACTGGAGCTTC
TGGAGAAACTCCATCACGTGGTGCTCTTTTCCCTGATGTGTTGTGCCCAA
ATAGCTTGTTCTCATCAGAT

>Sequence 668

AGGTACCACAATGCTAGGGCTGAGGTCTCCGGGATCCTCTGGGCCTTTTT
CATGGTTGAAAAATGACAGTGGCAGCTTCATTCCTTGTGCCCAGTTCCAG
AGAGGAGGAATGAGAAAGGAGCAAGGAGAAAAGGCTGACATCTATGGGAA
GCCAAACTTTTTCAGGAATCCCCTGCTCAGGTTTGCTCAGGCTTGTTTGA
CATCTTACTGGTAAGAGCACCATTTGTATGGCCAGCCCTATATTCAAGGGA
GGCTGAAAACCTGTAATTTTACAGCTGAATCCCGCGTACCTGACCGGTCTA
GAATTTTTAATTTTTACATCTATTAACCTTTTAAGTTTATAAAATCTGTGA
TTCATTAAACATTTTACATTTAAAAAATTTTAAATTTATTAGTTATTTTA
TATTG

>Sequence 669

AGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTGTCTTGGTAGCAGAAAGAACTTCTCA
AAGTAAGGGCTTCACACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCAGCCATG
GCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGCCACAC
TGAAAATACTGTGGGGACAACAGAATGGATTTGCAAGTTACCACTATCTC
TCACCAGCTGTAAGACCCTTGGCACATTTGTGATCCTAAGCCTCAGTTTN
CTAAATCTGGAAAAGGGGGAAATTAAATGGGTCCTTGGCACAAAAACTGG
TTTTTGAAAAATTAACCAGAATTTACGCATATTCCAAACTATAACCAAAG

Table 3

128/1077

TGGTCTGGCATTGAAACAAGAAGCCCTCATTAATTTCCGGGGGAACATTTT
TGGGTTAATGGGAAAACCAAGGGAGGGCTTTTGCCATTGGTGGGGGTTCA
CACCTGGNAATTCCCTATTTTTCTTT

>Sequence 670

GGCTCAACACTCCTATTACGGCGAGTCGGAGCTCCACCGCGGCGGGGG
CGAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCAAAT
ATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGCATA
TAAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGGCCAG
CCAGACGAGGTCAATTATTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAGGCAA
GTCTTGATGGAGCACTTCTTGGACAGTTAGAAGTTTACCAGGTTACAGG
AGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGGAGAC
CTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGCAAGT
TGAGTAGATCAGTGTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGGAGAC
ATTTGGCAATGATGGG

>Sequence 671

CCGGGCAGGTACTTTGAGCTGTGGCATCTCCTGAATTTCAAGTGGCTTTGC
TTTTATTAAGCTCTGCATTAGAGAGCACCGAAATGATGGATATATTTAAA
AGCTGCATATTTTTAGAAACAGCAAAAATCTAGGGCTTGTTCCCTTGGTGA
AAGAGGTAGGGCAGTGGTTAGAACCTCCTGGCTGACTGTGGGAATTGATT
TGCTGCTAGAGGAGGGTAGATTGGGTTTTCCAAAGTCTTTTTAAGACCCA
GACCATCTGAAACAAGGGAAGGGCCATGGTAGTTGTTTAGTCGCCTGTGG
TAAATGGTTAATAACTATTTCCCTCTGAGTGGTTTCAAGTATATTCTTCAT
TCAGAATATGCAGAGCTTCCAAGGTGTTAGGTTTCTAATAATGTGGTTTT
TAAAGTAGTAAGTCCATGCTGCTCATATGACTTTCAATTCAG

>Sequence 672

GCGGTGGCGGCCGAGGTACAGGAACTGGCTTAGCCATAGGCACTGAAGAC
TTGAGTTTTCCAAGCTCAGAGAGAAAAACAGTCCTCAAGCACACATTAAC
CCTTCCTGCACCAAAGGTGGGGTGCAGCCTTCTCAACTCTGGCTTCTCCT
CTATTCCAGGCTCTTTTGGTTTCTATCCCCTAGAATTGCATTAACATTTT
TTTTCCATATTGGCTGTAAACATTAGAGGTAAACCCATGAAATGGTGTTT
AAATGGAAATCGGTCCTGCAGGCTTGTAAGTGCTTTTGTGCTTTCTCTC
TACTGCTAGAGATTCAACTGCTGTAATTTCTCAGAAAAACTGACTCTC
TCTTTAATTCTCAAAGCTAATTTGGTTATAACATAATTCTTTCTTTAAA
AATCATATTTTTGTTTGCTCTTA

>Sequence 673

AGGTACTCTTGTGTATGTGCACATATATCATACATGTGTGTGCACATGGG
TGCGCATATATATGTTTGCATGGGCATGTGTGTGTATTTGGGAATGTGCA
TGATATGTTTCATAGAACTGGGTAAATCATGATCTTGACTAGTTTTTTTAGC
TGTCCAGTTTTTGGACATTAAATTTGAGGTGCCTGTAGAAGAAGAGAGAGG
GGGCCGGGCACAGTGGTTCACACCTGTAAAGCCAGCACTTTGGGAGGCCA
AGGTGGGTGGATCACGAGGTTCAGGAGTTTGTGACCAGCCTGACCAACATG
GTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCTGGCGTGGTGGC
ACATGCCTGTAGTCCTGGCTACTCCCGAGGCTGAG

>Sequence 674

AGGTACTGATCTCCTGTTGGCCTGCTTCATTTGTCCTGCAGTTGTCAATC
CAGAACAATATGGAATAATTTCCGATGCTCCTATTAATGAAGTAGCACGA
TTTAATCTGATGCAGGTAGGCCGCCTTTTGCAGCAGTTAGCAATGACTGG
CTCTGAAGAGGGAGATCCCCGAACAAAGAGCAGCCTTGGAAGTTTGACA
AAAGCTGTGTTGCCGCTTTCTTGTGATTGGGGGCGGTACAGTG
GAGACCCCTCCATTGTCTTCCGTCAATCTTCTGGAAGGATTGAGCAGAAC
TGTGGTTTATATAACCTACAGTCAGCTTATTACTCTGGTGAATTTTATGA
AGAGTGTGATGTCTGGGGATCAACTGAGAGAAGATAGAATGGCTTTTGAC
AATTTATTGGCAAACCTG

>Sequence 675

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA

Table 3

129/1077

GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTATATGTGTGTCACTGAACTTATGGC
AGTGGAGTGAGAATAATTTTGAAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGGC
TGATGATTAGAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCACTCAA
ATTCATACTAATTTTAATGTTATGGTATTCTAACTACTAGATGGGTAA
GGGAAGTTATAGGATTCTGAACAATACCATTAGAATTAGGATAGGATT
TCTACTGTGGTGTACAGAAGAATCAGAGCTAGCAAATTCATAAAAAGAA
AATTTGATTCCCCAAGCCCAGGGTAAAAATCCAGAGTGCTGT

>Sequence 676

AGGTACCTTCTCACTAGGGTTACTGTGAAAATTAAGTGTATGTGTAACT
GTTCCCTCACAACCCAAGATATTAACTACTCAGTGAATGGTAGCTTACAGC
ATCATTTTTATTATTAATAGAAATATCTCTCAGACCGGGACACAGTAGGC
TTCACGTCCTAGTAATTCCCATGCACCTTTGGAGAGGGCCAAGTGTTGGGT
CCGAATTTACCTGTAGATTCGGTGAGATTCATAGAACCATACTTGACC
ATACATGTGAGTAAACCCCCCGTTCTTCTTACTTATAAAATTATCAAAT
ATTCAATCTTGGGGCCATTGGTTGGTCAACAATTGGCCTGTTAAATCCCC
AACCTATTTTTGGGGAAGGGCCTTGAGGCCACGGGAAAAAATCACTTTG
AAACACCCAAGGAAGGCCGAGTAGGTTTGTCTGGGTGAATGCCAAGTATTC
GGCAACCCACTTGCAACTTACCAAGTTCTTTGGGCAAACCTAGG

>Sequence 677

AGGTACACAAACCATAAGGTCAGTAAATATCACAAAGAGAGTATGCCTGT
GTAACCACCATGCAATCTCTGTTTATCATTGTAGGTGATAGCCACCTCTG
CCCAAGTTGGCTAATACTTGAAAAAAGTGGCCCAGAACTCACGTGCTGC
ACATTTTCTGAAATTACTCTTGACTTCTGATTTTCATGGCAACTCTTCTTA
TTTTCCAGTGTTGCTTAAAATTTTGTCTTATTTTTGGTATTCATTTATTT
CAGAGGTCTTTAAGGAGACATTAAAACAAACAAACAAACATGGGTTCATT
ATTAAACCTGGAATCAGGTTGTGGATGAACTGCTTAAGGAGAATATAAA
ATGAGTAAGAAAAAATACCAGTTTTTAAGAGGAACCTTGCAAAAAATGTG
CATTGAAGGCTTCA

>Sequence 678

GAGGCCCTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCCGCGGGGCCGGCC
GAGGTCCCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACCCATCA
CCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGC
CAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCAC
AGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAAC
TGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTC
TTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGG
TTTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGNGTCTTTATTTTCATATCTG
TANNATGGTTTAGCTCTGCGNGGAAGTGTA

>Sequence 679

AGGTACTCAAATTGGCTTAGATATCCTTGCCTTTAAAGGCTTTGTATCCG
CAATAACTGCTCTCTATTGTCCTTGTTAATAAAGTATTATTTTACCTTA
TTATTACTAATCTTTTCTTTGTAAGTAACCACACCTGGTTCTATCCAAA
AAAAAAGTGCCTAAGTATTTGCCCTTTGTGGTAATACAATGCATA
ATTTAGTTAATCTAGGCTATCTTTCCGTGAGAGGTGATTGTTTCTGTATT
ATGAAATGTGTTACAGTAAAGCAAAATCCACGCCAGATACCTAGAGGCA
GACGGAGAGCCACTTACCAAGCACGAAGCTGCTTCAAATAACCCTGACG
CGACTGTATAGCCACTCCCACACACAAGGTATTACTCATGCCAACTTAGC
CTCTGAGTTATAACCGCACCTTTCTTTTACAAACATGGCCCTTTATTAAG
TTAACATTACACACAGCCAGGCCGAGAGTCCCACCCCCAGACCCCATGAA
AAGGGCTTGAAAAAATATGAACTTCCGGTTTCCATTTGAGATCCTGACAT
TACTCTCAACGTTACCTGGATGAAATCTAGAAACGTCAGCGGCAGCAAAT
CATCCAAGTGTCCATGTCTTTGGAGAAACGATTTAAATTCTNTCTGCAAG
AACGGATATGAAAAATTACTCATTTTCCCAGATGGACCCTTTAAAAAAC
AATCCCAAACAAATCAAAACAATATTTTAAATGCATATGTATTTATATA
ATAATCATATGAAATAACCCATGTCAATGGTAAAGAAAAAGAAATTAGAC
CAATCCCTAAAGAGAACT

Table 3

130/1077

>Sequence 680

CCGGGTAGGTACTGTCTTGGGGGCGTTTGGGGGCTTTCCATGCCCACGAC
AAAGTGTAACATCTGGATCAGGAGACAGGAAACCAAATAACAGGTTCTCC
TCTCAGCCCCAAATGAGTTATAACTGTAAGCCCGTGCATACAACCTTTAGA
GTTTGCTTAGCAGAACTGCCCCTAGCAGTTGGCACTCATACATAGAAATT
ACTTTATAGAGATTTTGGCTAAGGCCTGACGGTGTTCAGAGCTCCTGATT
GAGGTTGCGTAAACCCACCGAGTGTCCAAGAAGCACAAACAGAACAGGCCC
TCACATATTCTACCACTATACTGCAAA

>Sequence 681

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCATTGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGCTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACAACCTCCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACCTTTCTCTGTTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGGGTTA
AGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTT

>Sequence 682

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGGCCAAGGGACAGACTGTGT
TCAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACC
AGGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTAC
CTTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACA
CAAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGT
TATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGT

>Sequence 683

CCGGGCAGGTACATTATTCATACACTGTAATGGCGTAAAAGAACCCTAGA
CACATGGACTCCCTTGCTAATAAGTGCACCTTCAAAGCGATAGTCATTAT
TTAGCATTATCGGAAGAGGCTGGCCCCAGCTCTGGTGAAGGGCAGAGAA
GGTGTGGGTGGCCTCACGTGTTCTCAATGTCACAAAATGATAGCATTAAA
CAGACCCACTCCCTCATGGAAGGCAATTTGACGACCTTCTATTGATATTG
CAACATGTGTCTCTGGCAGCAGATCTCAATCCTTATGTAAGGGATATGGG
AAGACTTCCTCCACTTCATGTATATGCTTTCCCTAAGCAGATCTGGCAGA
TGCAAATTTATCCATATCTTTTCATTTCCATTGAAGTTTTAGTATCCACA

>Sequence 684

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTTTAGACCATATTTTAGAT
CTTTCCATCCTCCAACCTAAGATTTACCTTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAATCTGAAGTCTTTTAAGAACCAAGATGT
TTCTGATGTTTATTTAATGTTTCAGGGATTTTGGAGGTGAGGGGCTAGAA
ACACTGACTCCTGCCCCTGACTCCCGCCCCTGACTCCCGCATTTATTTTC
ATAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAAGGGTATTAIGTGGAGAATA
GAAACAAGAGTAAAGGACTGAGGGTATATTAGAGAAAACCTATCATAATTT
TGGCAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGTTAGAGA
AA

>Sequence 685

AGGTACGCGGGGGCCTCAGGGACGGGTCTTTTGAAGTGCCTGGTGTGACC
CATCTTCCGTGCTTGAAATCGACGTAGTGGACCCTGGCTAGCATATTTTT
CCCTGCCAAGATTATTGCAAAAAGACCATGTGGTGGTTAATATCGGAAAG
AATGTGTGGTTAATATCAGGAAGAACACGTGAAATGGAGAATTTACAGGGC
TAACATTTCTTGTTTTGTTTCTGAAAACATCGGCATGTCCTAAAAAGTGT
TGCCTGTGCCCATCATCTTTTAGGCTTGGGAAGCAGGACACCCGCCGGCT
TACTTTAAAGCCCAGGGAAAAGAAATTTGGACAAACCAAACCTACGTTTTG
GGAGAAGAACCCCCATGGTTAGCCAAAGCTCCCGCTTTTAATCTGTGGGC

>Sequence 686

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC

Table 3

131/1077

TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCCCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTT
ATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAACA
GAGAAAAGT

>Sequence 687

AGGTACCAGGCAAAGTGTTAGGAACGTTTTATCCATTTTCTCTTATGTGC
TAAGCAGTCCCGCTAGCTGCTTCATCCTGGAAATATAGATGGGAGACTGA
AGTCAAGGACTCCAACCTGTGTGTTTAAACATCTCCCTTGACTCCCAGGAAC
CTCCAGTTTGGCATGTCCAAAATGAAACACATGTCTGTCTTCTATCAATA
TGTTTTGCCCAACCCCTGCAACACTCCCCTTCCAGAAAAATCACACAAA
CAAAAAACCACACACACAACCATTTGTGCCTTTCCTCTCTCAGGGAGTGCC
AAGAAACCATCTGGTTCATGCCAGAACTTGGGAGTCAACCTTGCCCCCT
TCTCTGCTTGCCCCCATAAATCTGCCACCACAAATCCTGT

>Sequence 688

AGGTACCAGGCTCAGTGGAAGCCAGGAACCTGGCAACTTAATCCTGTTAAT
GAGATTTTGGGCAAGTCGCTCAATACCCCTTAGCCTGATTTTCCTCATC
AGTCAAGTGGCAACAATCATTTACCTTCCCTGACTCCCAGGGTGGTTGGG
AGAATCAATGAAATGATGCACATGAAAAAGCTTTGCAAATTACTAAGGGC
TATCTATGTATAAGCATATGTGTGTGTGCATCCAAACATACACAACCTAA
ACATACCCCAAAATGAACATCAAATTACAGAGAAAGACTGAAGTCTGTTA
AGCAAATTTCTGCTCATCTTTTATGATCCAGTTGAAATGTCCCTGCTTCT
ATTTATTTGGCTCAGTGCCTAAAATAATTAGCTTGAATTTTTTTTTTAAA
AAAAGAATATAGTCAAACAAAAGGAATTGCACTTATGGCAGAGTGGTGAT
CACTGAACAGTGAGCAATGAGACTGACCAAAGAAGAAAGCAGTTTTGTGT
TTTCTATCCCATCTTCACTGTGGAATATCAATGCTCAATGAGTGTAACAA
GTGGTCATAATAACCCTACCCGCTAAAATTCCGGTTCTGGGGTCTTTGGC
CTCTCATAAAAAATAATATAGGGTTAATTCATGCCAATAAAAGGCCATT
TGATTGGACCTCTACTCTTACCAAAGGCTTCATGTTTCTGGCCTATTGA
ACTGGGAGTTCTTATAAAATTCTTTTAAACACAAGGCTCCCCTGGTAAAA
TTGTGATGGGACTTGCTTTTAAACAACCAGAAGGGGACTTTTGAATGGGTT
GTTTCAAAACCTGACCCCGAAAAGGGGGAGTAAAATAAGGGGTGTGGATT
TGTAAGTCTTCAAGGCC

>Sequence 689

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGCACTTTTACTCTGATGTCGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTCGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAAATTTGGTGGACCAAGCCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACCTTTTAGAGCAGCACCCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCAGCCCTGCCTGAGAGCTCAAATGTCTACAGGTAT
T

>Sequence 690

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAA
ACCACAATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCCGGGCTTTCCGGGCAAT
GTGCTAGAGCTTCTGGGAAGCAGTCGTGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCT
TCGGATCCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGTCTGCTGGCCTCTGGCGTT
TTGCTGAGGGGTAACTCGGAATGGCTAGAAACAAGAACATTGAGATGGC
CCAAGTCGTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGT

>Sequence 691

Table 3

132/1077

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
 GACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGGAAAATTTTTATTTCTGGCTGG
 TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTACATGG
 GAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATAGTGCAAAA
 ACATTAAAGACAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTTG
 TGGAGTAACACGAAAGGCCCGGTGGATGAGATGTATGAAGATCTAAATGC
 CTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAAATCATGGGCGA
 TAACTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCA

>Sequence 692

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
 CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
 CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
 GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
 CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
 CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
 GGTCAGTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
 ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
 CACTA

>Sequence 693

CCGGGCAGGTACTGTTTGTCTCCAAAATCCAGCTTTCCGTTGAAAGTCA
 ATGAAACATCTCTAAAATGCAGACATACCCAGGTTCATTGGGAACACAGT
 CACTGTGAGTATACATGATTATGTCCTGCTAACCCTATTGGGAAAGAATG
 CTGGGCTTGGCCCTAGTAAGTAGACTTGGGTAAAGTTACCTCCGCCAC
 TAACTAGCTGGGAAGTTCAACTTCCCTGAGCTGAGTTTGTACGTTAGAG
 AATATTAATAAATATGAAAATTGTGGAGCAGTCTTAAGTTTAAAAGGAAC
 TTTTCATGGACATTAGCTCATTTTGTCTGTGCCACCCTGGGAAGGAAGCAG
 GACAGGCAGGCAGTGGCATCCCTGTCTCAAGCAGCCTGAGGACTGCTGT
 GA

>Sequence 694

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGATCTCATTTCAGAC
 ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAAACTCAGATGTCCATCCC
 CTCCTTATTCATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACG
 CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG
 ACCTCAAAGAAATTTTTTTTTTTAGAGGCTGGGTCTTACTCTGTACCTA
 AGGGTGGAGTTCAATGGGTAGGATCATAGTTCATTGGAACCTTTGAACTT
 TTGGGGCTCAAGGCAATCTTTTACCTTAAGCCTTCCAAGTAAGCTGGGG
 ACTACCGGCCCTGGGCCTACCAATTACTGGGTAAATTATATTTTTTTTTT
 TTTTGGGGAGGGGACCAGAATTTTAACCACGTTTCC

>Sequence 695

CCGGGCAGGTACTTCTTGGAGTGCCATTTTCCTTGTAACCCTTAGATTAA
 TTCAGATTGACTGAGTTCTGTGTCAGTGGAAATTGCCAGAATTACATCAT
 TGTGCTTTGCATCTAGTTTCACTTTTCCAAAAGCCTACACAGATTTTATA
 ATGTTAAAAAATAGCATCTTGTTTTCTTTCTGGGCAAATCTTTTTTCA
 TAGTCACCAACTCTTGTCATGCATTCTGCACTTTGGGCAAATTTTCTTA
 GTGACTCTCCCCTTTCTGTCTTTCTTTTAAAAATTACGAATAATACTTAA
 TCTCATATTGTATACTGCATGCCATTGTCCCATGTAAAAAGTTCTTGACT
 TTTGTTATTTGTACTTTATAGTATCTCTATAAATTCAACCCTTTTTCACA
 TTTTACCTATTTTCTAAAATTATAACATTTTCTCAAATTTTATTTAAT
 CACCTATTTGTCCT

>Sequence 696

AGGTACAAGAAACAGAAATCAATGAGGCTTACTTAAGCAGGAAAGGAATC
 TATTGGAAGAATGTCCAACAGAATTGATGGGGAGCCCGCAGACACAAAAT
 CTCATATACGATAAAAACTTGCAGACAGGGCTACTTCTATCATCAAAAGG
 TGTTTCTTAACTTTATAACACGTGTGAATAGCCAACCTTAGGCCAAGCCT
 GGAGGGTAGGTATATAAAAGGAGTAAAGGTCCTGACAGTAGGAAAATGGA
 TTGAATTAATAAAGTCCGGGTGTGGTGGCTCATGCCTATAATCCCTG

Table 3

133/1077

CACTGTGGAAGGCCAAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGA
CCAGCCTGGCTGACATGGTGAAACCCTGTCTCTAGTAAAAATAAAAT

>Sequence 697

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAAACTCA
GAAGGTTTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAAATAGGTCTTTATTTTCAT
ATCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTTATATGAATTA
TGAAGAATTTAGAAGACAATCCCTAAACACATGAAA

>Sequence 698

AAAACAAAACCTTCCAGAACAGATAAAAAAATAAAACGAAAACAGAAAAA
ATATCAAGCGCAGAGAAACAAATAAAAAACAGGAAAGACAACAAATACCAG
AACGAGTCGAACCAATTAAGAAATACGGCGAATAGGTGCTCCACCGAGGC
GGCGGCCCGCCCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCC
CAGCTCATTTATGAATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCA
GGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAA
AGATGCTGGGATCACAGGCCGTGAGCCAACCACACCCTGGCACCTCGTAT
ATAATTCTCCTTTAAAGAAGAGAAGAAAACTATTGAGAAGGGCCAAAAA
TTATTTTAAATTAATAATCCTTTACCCTTAAGCACCAAAGGGGAAAAAAA
TGGGGAATTTGGCCTAAATATAAGGTTGAATGAAAGCATTACAACAAATG
AAACAGGAAAACCAATTCACCAATTTTTAGTTAAAAAAGGCAAAAAAAA
TATGGAAGAACCTTAATAAAGCCAATAATGGGGTAAGCCTTAATTTTATT
GGGGGTGGGGGGAAAGAAAAATGGAGGAAAAAAGAAAATATAAAACAAAC
CCCTTTAACTGGGGCATGGAACAAAA

>Sequence 699

CCGGGCAGGTACTAATCATACTGACCATTATGAGCAGTCATTTCTGGATT
TCTCCACTGTCCCTTTGCTATTTGGAATGATTTTGGGCTTCACTTTCTTT
ATTAGGTTGACTGAGCTGCTCTTGGTTAAAAAACAATAATTAACTTTAA
AGAAAATATCATATCAGCATTTAATTAAGTTTATTGCAAATTGTTGCAAT
AAACCTAGAATGCTTTCAACAGTTTTGCAGGATTTTGTGTGGTTGAAAT
GTTAGTTTCATTTGGTTTACTTTTAGCTTTAATTTTAAATTTTACCATAAT
ATTTCAACCAGATATTTTATAATTCCATTTTAGATGAATGTTCAATTTTCAT
GAAAAGGGATAACATTTCAATATCCCTGG

>Sequence 700

CCGGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAG
CATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTCAA
CAATTTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGT
GTTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTT
TCTCCCAAAGGAAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATA
ATTTGTAATTCTTTTCAATATATCTCATTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACA
GAGTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGCGATCTTGGCTC
ACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCCGCCTCC
CGAGT

>Sequence 701

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTCACGAGT
GTTTATTTGCTTTCCAGGAACCTTCAGGGAAAAAGGTTAATTAATGGAGGG
AGGAAAGAGGGAGGGGTTGGCAAATCAAACACAGGACTTAAAAGTCCTAG
ATCTAAACCTTGAAATCCCCAAATATTTTATGTTATAAAAAGATGTCCCA
CTTTCAAAATCCAGTTCTGTAAATAGTTTTCAAAGTCGGGGGACTTGCA
AAGATTTAATTTGCCTGACAAAAATTTTCATTGGCATTCTTCTATATTTCC
TAGCGCCACCCTTTATGATTTTTAATCCCTAAACATCTAAATTAATGTGG
ACATCTGCTTCTAGCAAATATAGTCAGAGCTTCCCTGCCACTGCCAATTT
GCAATCTTAAAACCATAGGAATAAAGGAAGA

Table 3

134/1077

>Sequence 702

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CACTATAAACAG

>Sequence 703

CCGGGCAGGTACCACAGGACACCTGGTGGGTAGTCCTGGGATGGGGTCCT
AGGTCTCTGGAGCCTCCTTTCTCTCCCAGTGGTCATCCCAGGATGGGCCG
AGGATTCTACACGCTGTCAGAACATGTCTCTCTGGTTGCACAGAACAAGG
ACGTCTGTCTCGTTCTTACAGGAGTGGGGACCATTTCCTTGTCAAACCTG
CCTTTCTCTTAGAAGCTTCTCAACCTCAGGCCACGGAGATTTTAAAGTGC
TCTTTGGCACCAGCAGGGGATTGATTTTCTGAGTTGGGTTTTGTTTTGGG
TGTCAGATTCAAATATTTGGTGTGCCTTCTGAGGGAATTTTGATGTTTGG

>Sequence 704

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGT
TCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCC
ACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGG
CCTAACGAGACTTATTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTTGCTT
ACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAAC
AAGACATTCTCTGTCTCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGATAAAC
AAATGAACATGAAATTATAATCCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGGCAG
AGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTA

>Sequence 705

AGGTACTCCAGCCTGGATGACAAAGTGACACCCTGTCTGGTAAAATAAAT
TACCACGGGCAGATAAAGTGCTCAGTGAGCCCACACTAATTTGCCACAGA
AGGGTGGAAGCAAATTCAAGGCTGAAATCTAGCTCTTCATTTCTGAAAT
CATTCATGCCCACTCTCTCCTGGCATGAAATGCTGATAACCTGGTTTCAA
TTTTAAGCTTAAATTTACAGCAAACAGTGCAGGTATCTCAGTTCAATGCC
TTGGAACCTCCTCTAAAGATGATTCTACTAACACTCATTTTAAAAGTGAG
TGCAAAATAATTTTACATAAACAACCCAGTTTTTCCCCCAGGCCTTGCT
TACTAATTTTACTCAAAAACCTACCCTGCAC

>Sequence 706

AGGTACAATAATCTTGGAATATTAGATGCCAATATAAGTGGAGCAGTGTG
TAATTATTTGGAAAGAGAATAAAAGTATAATTCAATAACTTCTATGCCCA
GTCAAGTTGTCATTCATGAGATTAAGTTTCGCGAGCCAAGACAACAAAAAG
ACATTTTAAATATACAACCATTTATGAATTATACAACCTCAAGCATGCTTC
CTAAAAGTGGTTGTGTCTTATATTCCAAACAATTGAAAAATAAACAAAA
TAAAGAACTCGTATAGGGAAGTTATGAAATGATAGGAGAAGAAACACCTG
TTTTGCAAGACAGAGACAGAGAGAAACAGAGAACTCCTAATGTTCTTTGT
TGAGGCCAGAAAGGACTAACAGGAGCTACTTAAGCAATTAACATTCACTT
ATTGAA

>Sequence 707

CCGGGCAGGTACTCTCACCTGTTTTCCGATAAGCACAAATGTGCACCTGA
AATTTAAGTTTAGGTTTTTGTGTAACATATTGCATGTTGTAGGTGGGTAA
TAAGTGAATGTCATTTTAAAAACCTAGTTAACTGTATATATATATTAGCT
TGCACTGCAGTGTGTTACTTAGGTATACAGTGGGCTAAAAAGTCAAAGTA
AGCTAAAATATGTGCAAAGTATACATTTTATTGTCCCTGACATTAATTAC
TAGAAATTGCATGGCTGGGTATAAATCCTACAGTGGGNGTTTATAGAGCC
AAAATTACTGAGGGATGCTGGGTGACCTGTTCCGCATGCCCAACCATCTCT
TTCTGGCTTTAATATG

>Sequence 708

Table 3

135/1077

AGGTACAGAATTTGATATTAAGATAATTCCTAATTTAAAACTACTCTG
CCAACATATGGATACTGAACAAAATAAAAGACTATATGCTCTAAACCCTAA
AAGTTGTCCATCTAAATTACAGAACACTATGTCGACAATGTGTAACCATA
GCAACATTTTCAACTGTAATCAGGTCTAATCATTGCAAATGTCATATTGA
TCTAAAAGGGTATGTTTTTTCTTCCAACAACCTTACTGACATTTACCCCAT
TTCCCAAATAAGAACAATGAAAAGAAATAGCTGACAATTGTTAAGTTGC
CTTACATCATTCTATAATGTGCACAGGACATGGAGTCTTACTTATGACCAA
ATCACACTTTTTGCGCAATGAAAACCTTCCAATCATT

>Sequence 709

AGGTACGAGTAGAGTCAGTAGCTTCTCTTGTCTTATCCCAAAGGAGATGG
TGCCTGCTCCTGAAGCTGATCCTGGAATTTGGTTGGATTATTAACCTCTG
TGCCCAAGAGCTGGCCTTCTGATGGGCAGACTTGTGCCGGGCTTGTTATTA
AGACAGGGTTTTATGTCTCTAGTCGTTTCATTCCCATTTTCTGTTCTATT
TGGCCAGTCTCCATTTTGTGGGTCTTACCTCTCCATGCTGACTCTAGATA
TTTGAGAGCAAGGTTAACTAAGACCACATTTTAGTTCTAGTTCATTGTGC
CTGACACTCAGTTAGAGGTTCAATAAAGAATGTATCTACCTGTCCCTAAC
TGTGCAGAACTCACTTCTTTGTAAGCAGTGAAGAT

>Sequence 710

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGAATCCTTTGCGCTCTCGGTGCCCCCTCCA
CGCCAGGAGCGTGGGAACCTGCTTAAGGGCTTTACTAGGGAAAACGGT
GCTGGTTCACTGGGGCGCGTTTCCGGGAAGGTGAATACCGGTGAAAGTTA
TGCTGAGGGTGAGGTAGGCTCTGACGACGCACTTGCAGGTTGAATACTGG
CACATCATTTACTTGTTACTCCCGTGTGGTGAGTGCACCTGTGGGTTTTG
ATGCCGGATCAAATTCCTGGAAAGAGGCGCGCATTAAAGACTGCGGATTGC
TGAGCTGCGCGACACTCCGTATTTTTTCCAAAACGTATTTGTAATATTCTT
TCAACCTGTTTGCATAATGGGACATC

>Sequence 711

AGGTACTATTAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGTTC
AAGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTCACC
TCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGTCTCTCTCTTTTATAAAGTG
CTTCCAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATCCTTCCTAAAGAGA
GGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATAAACTTTCCTTATT
AAGATTCTTCATTCATCTATAATCATCTCCTTTTTCCTCACTGCTCATTC
ATTTATGGAGATAGCACCCATATCATAGCTACTTGGTCAAATCATGGGTG
ATACTTCCCACTTAGGAGAGGAAAGATGACTAGGG

>Sequence 712

CGGGCAGGTACTGTTCAATTTTTCTGAATATTTGAAAAATTTTAAC
ATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGTG
CAGTCAGTGTGGAGAACAGAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAAAAATT
CACCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGCAGAACTTAACAGATTG
GCCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAAT
GCACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGG
AAGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGG
CAACCAACAGAAAAGGAAGGACCGACTGGGCTGGAATCCAGGAGGAGCAT

>Sequence 713

CCGGCCAGGTACAAGAGATATGGGGTGGATACCTGGAGAACGCTGTGACC
ACACTATCATATTACAAGACACTGAATGGCTTGCCACCCATTGGGTGCCA
ATGATCAGTTATTTATTGGCTAGCTCCAAATGGGACATATTGGCTATTTT
GGCACTAACTTATGGCCGTGGTTACCTCCACAGTGGCTAGGACAATGTTC
CCTATGTTATGCCTGGGCACAAGGACTAGTTATCCAGACCTGTCAAACC
AGCAAACCTTTTTTATTTACAACCTGGGCTAGGACCCAATTTGGTATTTT
TAATGGAATTGAACCACTTTATCTTTCAATCTATTGTACACCTCCAGCCT
AATTTTAAACCTTTGTGGAATCCCCCTGTCCTGGGAGGAATTTCAATTA
TTCAAGCCTT

>Sequence 714

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTTTATAGTAGAGACA

Table 3

136/1077

GGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATC
CGCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCA
TCCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATT
TGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAA
CCAACAAGACATTCTTTGTCATCAGGGAAGTACAGCCTAGTATGAGAGA
TAAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAAAATGAGTGTTGT
GGCAAAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCCGGGTATCCAGCAGGGATACCTA
ACTAAGC

>Sequence 715

CCGGCAGGTACAGTAATCTAGTATAGTTAGTGATAACTATTCACTTCATA
ACATGTTCTTAATATTTATATGAATAAAATATAGCTCCTTTTCAAACTG
TTTTCAAAATATAACTTGTGCATTTCTTCCAAATTTTAACAAGTGTATTC
CAAGTGATAATATCTTCAGAGTTAAATTGAAATATTTTGATAAATATGAT
AAGCTTATATTTTAGCTAGACACCAGAGAATATTCATGAATAACTTTTCT
AAGGAAAGATCTTACCCTAGAGGGAATATTTTGTTAAGAAAGTGTCCTCT
GGCTGGACGTGGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTATAGGAGGCCGA
GGCGGGCGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAACAT
GGTGAAACCCCATCTCTACTGAAAATACAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGG
CAGGTACCTTGA

>Sequence 716

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAAATAAATACCCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCACAATCACAGTAAATTCTTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTTGGGAGCTGGACAATAAACAAGTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCAATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGC

>Sequence 717

CCGGGCAGGTACTCTGTGTTCCGCCTGCTCAAGTTCTAGACTTCTGGTGT
CCATAGCAACCCAGCAGAAAACATCTGCATAGCCTTTGGGCTGACGTGAG
TTAAACTTGAGCAGTGAAGCAGCATAAGTTTTATGGTGCAAGGCACACTA
CAGATCCTCCCTTACCCCTCACATCTGATCCCTCTGCCTATGCTCAGAGC
CACTGCTATTTCTACAAATCTACAAGGCCAGACTGAGGTGATGACCGGG
CCAATCTCTGGAATAGTGTGAGACAATTAGATACTCTNTCCTGTCTTCAG
GAGCCCATCTGGAATAAAGCTACTTATCAAGTTTCAAAAACAACAGAAAA
GAAATGAGATTGAGGTGGAACAACCCAAAGTGTTTCATCAACAGATGAAT
GGAGATGCAAAATGTGGTCTCTCCATATTACAGAACATGATTCAGCCTCG
AACAAGAAAGCAATGTTGATGCAAGCGTCAACACAGATGAACCATGAGGA
TATTATGCTAAGTGAAATGAGCCAATCTCAAAAAGCAATTACTGTATGAT
TTCATTATATGANGGACCTAGAGTTGTCCAAATCATAGAGACAGAAGTT
GAAGGTGGTTGGCAGGGGCTTGGGAGAAAGGGATGGAAGTGACTGCTTAA
TGGGATAGAGCTTCAATTTGCAGGAGAAACAAGTCTTGAGTGGATGGTATG
ATCCACCACAATGGAATTGACCTATGCCCTAAAGTTCCTTTAAAATGTTA
CATGGTCCTGGCCGTTTAAACTAGGATCCCCGGCTTGAGGATTTCAATTA
ACTTTTGTACCGCCACCTCAGGGGGGGCCGTACCACTTTGTTCC

>Sequence 718

AGGTACCCTCATTGTAGCCATGGGAAAATTGATGTTCAAGTGGGGATCAGT
GAATTAATGGGGTCATACAAGTATAAAAAATTAAAAAAGACTTCA
TGCCCAATCTCATATGATGTGGAAGAACTGTTAGAGAGACCAACAGGGTA
GTGGGTTAGAGATTTCCAGAGTCTTACATTTTCTAGAGGAGGTATTTAAT
TTCTTCTCACTCATCCAGTGTTGTATTTAGGAATTTCTGGCAACAGAAC
TCATGACTTTAATCCCACTAGCTATTGCTTATTGTCCTGGTCCAATTGCC
AATTACCTGTGTCTTGGGAAGAAGTGATTTCTAGGTTCAACATTATGGAAG
ATTCTTATTCAGAAAGTCTGGATAGGGCTTATAGCAAGTTATTTATTTT
AAAAGTTCCATAGGTGATTCTGATAGGCAGTGAGGTAGG

Table 3

137/1077

>Sequence 719

CCGGGCAGGTACACATTTGACATTGCATAACTAATTTACTTACTTCACAT
TTAAAAACAGATTTGTGTATGTCTGTGAAAAAGACAATGTGTTGATAGT
AGAACTATAAGGTAGAAAGTTCCTCTTTCTCCTTCTGATCCTTCCCCCTGC
CCTTTTCCTCAAATGTGACTACAACTGTTAACAGTTTGAAGTCCCCTAA
GTTTTAAATCAAATGGAATGAAATGGCATTAGGAAGTTGGAAGAGTGG
AAACCTTTTTTCCAGACCTATGCTACCAACTGAGTTTATATTTTCAGGCA
GATATGATGAATTTGCTGTGGGCCTTGGAGTCAGCCCACTGTTCCAATTT
CTTGTTTCATTCTAGAGCCACACGCCAAGTG

>Sequence 720

CCGGGCAGGTACCTGATTTGACCAAGTCTTCACACTTTACCTTGAATGAT
CACTAACCACAAATATTCTCCAGTGAATCTCTTTAAATTAAAAAAAAGC
ACTATAGTAGCCACATATGCAAGATTTATCCTCCTGAAGGCTGAAAACCT
ACCTCTTTTCCCTTTTTATTTAAAAGTCACTAGTATATGTTTCTTCCTTG
TAACTACTCATTCTAAAAAGTCTTATCAGAGTTCCTGAAACAGGAGGA
CAACAAGTAGAGAAATAAGCAATTTAATAAACCCAGATGTGAGCAGATGT
TATGTTTCAGGAATAGTCTTAAGAAGTGGCTTCCATGCATTCACTTGACAA
GTATTATCAAGCACCTTCTCTGTCCAGGCAAAGAGCTAACCCTC

>Sequence 721

AGGTACCCCTGGCTGATTCCAAGCCTGTCTTTGGCTGTTGCGGGACCAT
AGAAACCTTGAACATCTGGCTGTGACTCCCATTTGGTATTGGCCTGAACA
TTCCACCTTGCAAACCTTATTCTAAAGCTACCTCAATTTATGGCAGTGAT
TTCCCTCTGAGAAGCTTCTGGCAAGATTTTAGTTAGATCTGGGTGGT
TCTACCCTGCACAGTAATCTGGCACTGTTTCAGGAATGCTAAACTCTGTA
TCTCCTCTGCCTGACCACATTGTGGTTTACATTGATGTGACTCCACCCCC
AGTGTTAGGGGTAGCCTAAGACTCTCCAATGGAAAATGGAGCTCCGGTGA
GTAGGGTGGGACTGTTGAAAAGTGGAAAGTTGGCACTTGTCTACTTATGT
TACTTTCCTTTCTTCTTTTTTATTTTCCCCAC

>Sequence 722

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGGGG
AGTCCCAAAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGAC
TGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCAC
TAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGA
TGGAGGGAAGGATGGGTGGGAGGCTATCGTCGTACTATATAGTTCATTTT
GACTAATCCTTGGATTTCTTCACTCTAGGCTAGATATACTCTACTCTCCC
TCCTG

>Sequence 723

AGGTACAATGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTC
AAGCGAACTCCTGCCTCAGTCTCTCAAGTAGCTGGGATTACAAGTGTGCA
CCACCACGGCCAGCTAATTTTTTGTGTTCTTCGTAGAGACGGGGTTTCAC
CATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCTGC
CACAGCTTCCCAAAGTGCTGGCAATAACAACCGTGAGCCACTGAGCCCGGC
CCCTTTGTCCACCTTGGTTGAATGTCAGGCGTTATTTGTCTCCTACCACA
TTAGAAACATCCTGCAGACAAAGCCCTGAGCTGAATCTTCTTTGGGGCCC
TAACACCCATCTGGACAGGTAAGAGGACAGGCAGTGAATGTTTACA

>Sequence 724

CCGGGCTGGTACTACGAGGGACTAGCTGTGCAACTCTGGGCACGGTGCTT
AATCTAGGCCTTAGTTTTTCATATTTGTAAAATGTGGTCAATTGATAAAGA
CCTCTCTCATAGAGTTGTTACGAGGATTAAGTAAGATAATACGTAGAAAG
CATTTAGCACAGTGTCTAAAAATAGTAAGTTCTTAAAAACTGCAACCTGT
TATTATCATCCAACCTTACTTGTGACTACATCCAGATATTTAAACACTTGG
AAGTAAAGCAAAATATAAATGTAACCTTTGAATCACACCAATAGAAAAAT
TTAGAAAGTCATATGGTCCCTGAGAAGCCTTAAATTCATAAAGATAAAT
GGGCGAACCGGCTTCCAAGGAAAACAATTCTGAAAAAATAAGGAATTTT

Table 3

138/1077

TGGAAACACAAAATTTATTTTGGTT

>Sequence 725

GCCGCCCCGGCCAGGTACTATAGTCCAAGATTGAAATCTGTCTTATTAATC
ATTTTCCCCTTCTGTCTCCCCTAATTGCCTTACTGTATGGTTCCTAATGA
CTTCTAGTTATTCTTTTGTTCCTTCCATTAACCTAAAGGATATGTGTA
TCCTCTTTTATGTATTCATAGAAGATACCTAAAGGAGATATTGTATACA
TATATATAAGATGTTTCATATGTTTCCTAATTTTACAATAATTGTTAAATGT
TATGTAGATACATACCCTGTAATATGTATATGTAATATGTAATACAGAGA
AGTGTGATATACGGGGAAATTACCCATTTAGTAATCCTTTCACCAGTTGG
TTTTCTGTCTTCTGTGCTATGTCTGTCTTCTCTGAATTCT

>Sequence 726

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGATGGGATGT
TGCAGTGTGTCTGGGCTGGAGTATAATGGCTATTCACAGATGTGATCAT
CACATATTATAGTATCCAACCTCCGAGACTCAAGCAATCCTCTAGCCTCAG
CCTTTCGAGTAGCTGGGACTACAGGCATGTCACCATGCCTGGCTCTTACA
ATTACACATTGTTATTTTTTGTACTCCACTTAAAATAGCTGAGATTCTCTT
GATCAAATAAAGCCATCAATTAAAGGGTTTAAAAAGCCATACACTTGTTT
TTGGGAGGATTACCCCATTTTAAGCCATTTAAAAGAGTAACCAGAAAATT
TAAGCCAAAGTGCCCAA

>Sequence 727

TAGGCCCTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGGGGCGGCCG
AGGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGGAATCGACCCCACT
CTTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTC
CTCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCATCATCC
CTACCCTGTCTTCTCTCCACCTTCTACTTAGGCTGGATTCAGTCCTA
ATTATTTACCAAGCAACAGTGATGATGAAGCTAATAATCATCATACATGT
TTGTGTGTAGCCTAGTTCAACCTTTAATTACTGCTCTCTCCCCAGCACCT
AGAATAGTGCCCAGCCCATTATTGGGCTGATAAATATTTGTTGAATAAAT
GAATACATGAATATTATTCGTATG

>Sequence 728

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
GACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGGAAAATTTTTATTTCTGGCTGG
TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTCACATGG
GAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATAGTGCAAAA
ACATTAAAGACAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTTG
TGGAGTAACACGAAAGGCCTGGTGGATGAGATGTATGAAGATCTAAATGC
CTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAAATCATGGGCCA
TAACTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCACTGGGAGATGGGA
GGTGATGGGCTCTGTAGTGCTTAGCTGAATAGA

>Sequence 729

AGGTACTTCTAGAATCCACAGCTCTGGGAGGGCTACCTTAAATTAACACT
GGCAGTTCTTTGCAATTAGGGTGCCATAAAAGCAGCACAGTTGACTCCAA
AATGGACTGAGTTTTGGAAAGATGTCTGCCAGCAAAATCATATAGACTCT
CTTGCTGAAGGGATGAAAAATTAATAATGCCTTGAGGTATATTAATATAA
AAATATGTGACCAAGCAGTGTAATTAATCCCCTTTTCTCAAAATGTA
GCCTTTTTTTTGTAGATGGAGTTTCACTCTGTCACCCACGCTGGAGTGCA
GTGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAACCTCAACCTCCTGGGTTCAGCAAT
TCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGTGTGTGCCA

>Sequence 730

AGGTACTTAGTGTAGATATTTAAGGCTGATCATTTGGATGGATCAGACAG
ACCATGTCTCAAAGCATGCTGGTTGTATGAGCTAAGGCAAATAATGTCAA
ATTTTATGCACTGACTTGAGGGTTCTTGTGAGAGTTAAAGGAGATAAGGG
AGGCCAGGCCAGGGGCTCAAGCCTGTAATCCTAGCACTTTGGGAGCCCG
AGGCAGGTGGGTACGAGGTGAGGAGTTTGAGACCAGCCTGGCCAATATG
GTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCAGTCATGGTGGT
GTGCGCCTATAATCCCAGCTACTCAGGAAGCTGAAGCAGGAGAATCACTC

Table 3

139/1077

AAACCTGGAAGGAGGAGGATGCAGTGAGCTGAGATC

>Sequence 731

CCGGGCAGGTACTGACCTTATACAATAAATTGGGTAGTTTTCTTCTCCC
TTTATTTTCTGAAAGTTTGTATAAGAGTGTTAGTTCATTTGTTGGTGTTT
CATTGATATAAATATATCTTAAAGTTTTTCATAGAATTTACCAGTGACCTT
TTGAGTATTATAAAATGTCCTTTTTTGCCTCTTATACTCTTTGTCTTGAA
GTCTATGTGGTAGCATTAAATATGGGCACGAATCAGCTTCTTATGCTTAT
TATTTACATAGTTTATCTTTTCTGTCTTCTGGCTGTCTTAAAGATTTTTC
TTTTTCTGTTTAGATTTCCCATAAATGTTCCACGGTGTTAGTTTTATTTTG
TGTTTTATTCTTGCTTTGCAGCTTTGCT

>Sequence 732

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTA AAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTT TAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGAACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGC
AAGTTGAGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAAG
AGACATTTGC

>Sequence 733

CCGGGCAGGTACAGCATTATTAGCTGGGGCTTTCCTGAAAACCCCAGGG
TCTCTTTCTATTGTCCCCATATGGTTGGAGTCACAAGAGTGGGAGAGATG
GCCAAGCTCTCTGCAGAGGATCCTGGCAGCAGCCTGAACCCTCTTGCTAC
TTCCATCAAAGGAAAAAAAATCAAATATTTACCCCCACGAGCTTATAAT
ATTACAGAGAACTCCACCATCCTGCCCTGCAAAATATCCTGGGATTTGAC
TAATACTAGAGCTGCTTTTCTAGTCCTTGAGTGACTAGGAAGGAAGAACC
AAAAGCTTGACTCCCCTGCAGCAGTGAGTCTCTGGCTTTGGTTTGCCCAG
GAACCCTTAGGGCCCAACGTAAACACAC

>Sequence 734

CCGGGCAGGTACCAAGAGGAGAGAGCTGTCCAAAAGTGGAAGATATCGTT
TCTGGCTTAAGGTGCGATGAAACAAAACAGGAGACACCAAAAAGAAGTGC
GGAAAAGCTAGGTCTCAGAGTAGGGCGGCAGGCTGAGGAGGGCCGCGCTG
AGGAGGAAGTGATGGGTGCCAGGGGGTGAACCTCACAGGGAGACCCTTTA
GAAGGGGATGACTGCCTGATCTGTTTCCATGGACTCTTCTATTTTTATTA
GGATTATCCATTTCTCTTCCTACAAGCTCTTTTGCTTTTTGTCCACCCTT
AAGTTATAATGTATATACTGTTTAAAAACATTTAAGTGATACAGAAGTAT
ATCAAGGAAAAATGATGACTATTAGTAGTTTGGTAA

>Sequence 735

AGGTACCTGCCCTCAATGGAGCTCACAGTCTAGTGGGGGTTGAAAGACAG
GATATAGACAATAAAATAAATATGTAAAATATTTGTCATGTTACATTTTG
ATATACAACATGAAGAAAAATTAAGCAAGGAAGAGATAGGGAGTAAAG
GGTGGAGGGTTATATATATTGATAGGAATGGTCTATGGTGCTAGCATTTG
AGGAAAGGCTTACAGAAAGACACTTATTGCTTTATATCTTAGACAGGATA
TTCTTTGGCCTTGAATGTATAATAACCCTTTTTAACTCGCTCTTGATGA
TAATGTCAATAAACCTTTTTTTTATTTCTTAAGTGACGGATAAATAATACT
AAAGTAACCTTAAATTGAATGTCCTCAGAACCCTTTATAAATAGTATTA
AAGCCTTTTGGGTACCA

>Sequence 736

AGGTACTTTCTCCATTTTAATCCTGGAAATTAGGCAACCTTCTGGGTAA
AGCAAGCGTTCTCCGCACTGACTAACAGTGAGTGTATAATGGATCTGTT
TCCCCACAGATAGCCAGCTGTCTGCATTAATTACAGGACTGCATTGCATT
TCTGGTGAAAGAGACCTTTTAATTTCTGGGGTCAGGGCCTTGTTTCACAT
TTCCTAAAGACTAAAGGTGGCCACTTCTCTTCTCAATGGCTTGGACACTT
TAGTCCAAAGAACCCAATACCATATTCCTTTCACCCCAATTTTAAAGGAA
ACAACAATGTTATTAAAAACCAGTTCAGGCCACAGAATGGGACGAGGCCA

Table 3

140/1077

TTCCCTGGCTTTCTTTGCCTTCTGGCCATGGAGAACCCCAAACACCCCTT
TCCCTGATTTTAATTTTGGGACATTTAAATGGATTAAATTACCAAAAGCC
AAAAGTAGTTAAGGCCTATTTTGGTTTGATTCTTAAAACCAAAAATGGGT
GTTGTAAAAATAAAT

>Sequence 737

CCGGGCAGGTACTGGGACCTTCACACTGCACAGGGGAGCAAGAACCTCTT
CTCTTAGCCTCTGCTTTGTGGGATTTTCCAAAATCCTCCTGGCTTCTTTT
CCCTTCCCTTCCTTCTTCCCAGAGCAGGGGGCCAGCTTTACCTCAGTTGGT
AGGGCCACACACCATGGGGTGGAGATGGTCAAAGGTCTCTGCTTGGACA
AGTTGCTCCCTGTCTTCATTCTCTGGCCAAGGCCAGTGTTAGGTGGGGA
CTGGTGAGCTGTCTGGCCCCACAGGGGCTAAGCTTTCCTTTAGGTGGGTTT
ATCCCACTTCTCAACAGTCTAACAAAGAACAGATTCCACAAGCCCCTTC
GTCTCTTGCTGCAAGCTATGCCTTCCGATTCTGCCTTCATTAGAAATAAG
GGTGATAT

>Sequence 738

CCGGGCAGGTACACCTATAAAAATGGAATGTTAAGTAACATTAAAAATTAT
GTGGAAAATTAAATAAATGTTTCATGAAAAAAAAAACTACGGAACTGTAGC
CTGGTCTCACACAGGGCCTTTGCCTTGTTTGCCCAGGGTCCAGGTTACCA
AGGTTAGGGAGAGACTGAGCACAAAGACCGTGAACCCCTTACCACTTAAC
CCTGATGCAGGGCAAGGGGGCATCGGCTGGACTGAGCGCAGTGTTGGGTGG
GAGGCCTTGCGTTCCATGAGCCTGATGCTCAGGAGCTTGTGAGCTGCCGG
TGAGTGTCCCTCTATGGGATGCAGCCTGAGAAGTTTTTTCCACAGAGGAG
TGTTTAATAACCTACAGGCTTATCCAGCCTTGT

>Sequence 739

AGGTACTCAGGCTTTCAAAGGGTTGAGGAAAGGTCTTTTGTGTTGAAGGAA
GGAGTATCTGAACATGTTTAAATGCAAAGCTGTATGTGCCAGGAGTGTA
GGCTGTAGCTAGATCAAGTCATTTATCAAGGGAGAGGTCCTAGGGCACAG
GAAAAGGGGTTCGTCTTGGGCAGGACAGGCCCTGGCAAGAAGGTATGGAA
GCGTGTGTGTGTGTGGGTGTCTAAGAGGGGAAGTTCTGCCCCAGGCTGATA
TTTGGTGGGGGAGTGCTGAGATTATACCGCATATATTGTATAGATAGGT
GGGGTTTAAAGTGTTTTTTTACTTACCAGTTTAGCTTTATTTCAGTTTAT
CTACTTTATCGTGGTATTTACTTTTTTTCTTTAATAATCTTTATCGATT
CTCTTAATCTCATCTATTTATACATCCTAATTTTTTTTATACTGTTTCTTA
TTATGTT

>Sequence 740

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGCCTGCTTGGGTGGGGAGCATGGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTCCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTGAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCTTTTAGCCTCTGCCTTCTCACCATGCCAGGGATGCTTA
TTCATGGTGGGACCACAGGTGGAA

>Sequence 741

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTTCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATTCCGAATAGAGACAGG
CCCTATAAACAGCTCA

>Sequence 742

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA

Table 3

141/1077

CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTAAAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGGTTGTAAAAAAATAAGAGGAATTATATTATGAAAAGGTTTAA
AGAAGAAACTGGAAACCCAGGTTGTGATCCCCAGAACCATTATGAAAGGG
GGAAATAAACCTTGGGGCAAAAAGTTTTAAACATATTATTCAAGGAAG
GGAAATGGAAACCTGTACAAGAAAGGGTAAGGGGTTTATACAAAATGTT
GGGCAAGGAAGGGAGTTTTTTGAAATTAAAAATTTCTCATTCTTGAAAA
TCCCTCCTAATTTA

>Sequence 743

AGGTACTTGCCCCTTCAAAGTATATCATTTTCCAAATTATCTTATATTT
GTGGAGAATATAGCTGAATGGCACATAAACTATCTTGCTTATATACTTTT
AGATCACTGTCTTTTGTTTGATTGATTTTGTGGATTGTTTAAATTCTTA
ATGTTTTTTGTTTTTTATTTATTAAATTTTTTTATCTTTTTCATATTTT
ATAATTTTTATTTTATTTAATTTTTTAATATTTTTTAATATTATTGATT
TTTTTTAAATTTTTATTTTTTTTTACTTTTAAATTTTTTCTTTATTA
TAACATTTTTTTCATATTATTATTTTTATTATTTTTTAATTATTATT
TACTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTCTATTTATTTTAAATTTTATTATTGT
TCATTTTTTAATACTTTATTTCTTTATATTTATTTTTTGATGTATTTATT
GTTTAATATGATTGAGATTGTAT

>Sequence 744

CCGGGCAGGTACTTTGAGAAGGAAATACTGGGTTGTAATCATGGATAAAA
TATGCAGGGGAGGGGAGGAGATTATAGATATTAATATAGAGTTTAGGGTG
GCATTAGGCAAGGATGACATCTGAATATCTAACTTCCATTTTACATTGCC
ATGTAAGTCTTTTTGCCCAGTGGGTTTGGGGGACATTGAGGCAGAACTCC
TGGAATAAGAAAGTGAAGGTCACTGGTCTCTCCAATAATCTTGAT
GGGAAGGACTAGACAACACCATTAGCAAAATGTGCCTCTTAAAACTCAA
GACACAAGCATTATCTTCATCTCACTGAAATAACAGCTACATCCTTTATT
AACATGAGAAAATCGAAAAGCTTAAGAAAATTGTCCT

>Sequence 745

CCGGGCAGGTGAGAGCAAAGAAATGTGATGAGCCAGCTAAGCTGACCAGA
CTTGTCTGGCAACCTGCATGGAGTATAAAATGGGAGAGCATTTTCACATT
TTCATATTTCCCCCCTTGGTCATTCTCTCTGTGGCCAGAGCAGAAGTATT
ATATTTTGGGGGTGCACTGAGAAAGGGTTTTGAGGCTGGGCGCAGTAGCT
CATGCCTGTAATCCTAGCACTTTGGGAGACCGAGGCGGGCAGATCACCTG
AGGCTCAGGAGTTCAAGACCAACCTCAACCTGGCCAAAATGGCAAAACCC
CATCTCCACTAAAAATAGAAAAAATTAGCAGGGTGTGAGTGGTGGGCACC
CGATGCTGAGGGAGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCAGA

>Sequence 746

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGATCTCATTTTCAGAC
ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAAACTCAGATGTCCATCCC
CTCCTTATTCAATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACG
CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG
ACCTCAAAGAAATTTTTTTTTTAAGAGGCTGGGTCTTACTCTGTACCTAG
GGTGGAGTCCAGTGGTAGGATCATAGTTCATTGTAACCTTGAACCTTGG
GCTCAGGCAATCCTCTCACCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGTGACTACAGGC
CTC

>Sequence 747

AGGTACTGGTAGTTTAAAATATCTCAATATGAAATGGCTGAATAAAATCA
TCACATTTTCATTTTATATCAATGGTTCTGAAAGAATGATGCAAGAAAAA
TCTCTAACCTTAGTGAGATGAATTTTGTAAGTTCAGTGAATTCCTTCCA
TGCACATTTGAAGCCAGTCCAGGTTTTTTGACCTAAGTGGCCTCAGTCAT
GTTCAACCTAACGAACAAATCATCTCCTGTCTCCAATGTCATTAAACAA
CTCTATGGGTGAATGAGGATCACTAACTGTGGAGTAAGAAGGAAGCAGGC
AGCCTGTTTCCAATAACATGTTGTGATTCAACCACAATCAAATGTTATAA
AACTAATGTCTTAAAGTTAATTTGACCTTGAATGTCTTTGAGTTAAGAT

Table 3

142/1077

TAGTCACACCCTAATGTATTAATTCCTCGAAAAATTTT

>Sequence 748

AGGTACTTCATTCCTTTTTGTGCTGAGTAATAGTCAGTTATAAGGATACA
CCACGTTTTGTTTATGCATTCATCAGTTGATGAACATTTGGGTTGTTTTC
ACTTTTTGGCTATTGTGACTAATGCTGCTGTAAGTATTCTTGTATGAGTT
TTTGTATAGATGTGTGGGTTTCAATCCCCTCTTAGTGGATTACCTAAGGAG
GAGGAACTTGCTGGGTCGTATGGGTAACCTTTATATTTCAACAATTTTGA
GGGAACCCACCAACACTTTTTTTCAAAGGTGGGCCACCACCATTTTTTAC
CCAATCCTTGCTAGGCAACGGTATTGAAATAATTNCCTATTTTCTCTTTG
CATTTCTTTACCAAACAACCTTTTGCCCATGTTCTTGTCTTTTTTTTAA
TTTTTAAGCCCATTCCTTTTTTGGTGGGGTATTGAAGGGTGGGTATTCTGGC
TTTGTGGTTTTTTGAATTTTATATTTTCCCCTAAATGG

>Sequence 749

CCGGGCAGGTACAAATATTACTATACCAAGGTGTAGAGGAGTATGTCTAA
GCCTGTAATGATAGCAGGTGGCAAGGTGGAGGTAGATGGCCTTCTGTGGT
AGTTCACGGGGAGGAAGACAGTGGATCCAAGCAAATAAGAAAGGCCACAT
TTTTTTTTTAATTTTGCATCTCAAGGTATTTTAGTCAAAATTTTTTTTTT
AGTTTTCCACAGCAAACGATTACGTAAAATATAAACCTAATGTATTCTTT
AGGACTAAGTGTGCCTTTTCTCTATATGCTAAGAGGTGTAAGTAGAGAAT
AGACGTTTTAGTATCCTAACCAATGAATATTCACAAGAAAAGGCTTCAAA
ACTTAATTATCTTGGCCTTATTTCTAAATTTAACCTAAAGTCATCTTGCT
TTT

>Sequence 750

GGGGCTGCTCGATCTCTATCATAGGGCGACATTGGAGCTCCTCCGCGGTG
GCGGCCGCCCCGGGCAGGTACAAGGGTTCCCTTTTCTCCACATACTACCA
CCATTTGTTATTGCCTGTCTTTGGATACAAGCCATTTTAACTGGAATGAA
ATGATATCTCATTGTAGTTTTGATGTGCATTTTCTGATGATCCAGTGAT
GTTGAGCACCTTTTCATATGCCTGTTTGCCATTTGTATGTCTTCTTCTGA
GAAGTATCTATTCATATCTTTCACCTATTTTTTGATGAGATTATTAGATT
TTTTTTCCTGTAGAGTTGTTTAAACTCCTTATAATTCTGGTGATTAATTC
CGATCCCTCCACTGGCTTTCATTTTTCTTCCCCCTCCCCACTCCACCT
ACCCATATGTAGGGTTTTGGTCACCATTTGACCTTGCATCCCTGTTAGCC
GCACA

>Sequence 751

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGGAAGAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACATCAGGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTGGGAG

>Sequence 752

CCGGGCAGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTAT
GAGGCTGGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAACCTGCAGAGGAAAGAAGGCTGC
CCTACCCCTGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTT
CTCCTGCCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGA
ACCGGGAGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAACATTTTCGGCGG
GGCCTCGTGCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAAA
ACAGCCAGTAGTTCCATTTCCACTAACATCTTATAGTGACCAATAATACT
CTACCATAACTGTCGAAAATCCTAAAAACTCTTTCAACCCTGAGATTCTA
CTTCTAAGAGTTN

>Sequence 753

CCGGGCAGGTACACAGGCCAGGCACAGTGGTTCACACCTGTAATCCCAAC
ACTTTGGGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCA
TCCTGGCCAACATGGTGAAACTCTGTCTCTACTAAAAAATACAGAAATTT

Table 3

143/1077

ATCCAGTCATGGTGGCACGTTCCCTCTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGA
GGCAGAAGAATTACTTCAACATGGGATGTGGAGGTTGCAATGAGCCGAGA
TCGGTCCACTGCACTCCAGCCTGGTGACAGAGCGAGACCCCTTCTCATAA
ATAAAAATGTTGTATGTGACAGCTTACCATTTTAAAAAAAAGACTGATGG
AAGAGAGAGAAAGTTGGGACAGCACTA

>Sequence 754

AGGTACCAACATTTTCTCTACAAAACTTCCCACATGCTGGATGCAGTG
GCTCACTGGAAGCAACTTGAGAGCCTGAGGTGAGAGGATGTCTTGAGCCT
GGGAGGTTAAGGCTGCAATGAGCTATGATAGCACCCTGCTCTCTAGCCG
GGGTGATAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAAACAAAAACCCAAAAAACTC
CCACAAGGTCAAAAGATTGTTTATTTTAAACAAGATCAACATTCTTTGTT
TATTATGAAAATTACTTGTCTTCTCCATAGAACTGACGNAAGTCTGAACC
TTTTTATATATACTATTCATTTTCTACCGTGGNGAATCTAAATGAATG
ACGTTTGCTATTTAAATCTTTTGAGGAAAGA

>Sequence 755

CCGGGCAGGTACTTTTCCACTTTGTCTTCTTTCCTGTCACACACCCTATC
CTTTCAGGCTGTGTTGGGATGGACAAAAGCAGTTCTGGAGTCCTAAGGAG
AAGATGAGTGGGATATGTTTCTGTGACCTGCAGTCATTTTAAAGTTTAGC
TGTTGCTAGCTGACTCCATGTAAGAATACCTTCCAGGAATTTGATGGCTG
TGCACCTCTGGCAGTGCAGCTGGCATGGTTATAGGGTGCTTGGCCGAAGGT
TTGCATAGCAATATGAACGCATCCTACGACACATCTAGCCAACACTGGAA
GACTGTGGGTAATGGACGAGAAACCAAGATTGACTTTTTTGCAAGTTTTTA
AAAATAATCTTCTTGTAACCTCACATGTGAAAGAAACAT

>Sequence 756

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTTGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTGAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GGAAGGTGTTGCTGATTAGCATTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAA
CCCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCCTGATGAAG
CTGAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGACAGCTAGAGGCA
GGCACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATC
ACAACCTGGTGACTTGCACCCAAGTCTATTACTATTGA

>Sequence 757

CCGTTACAGGTACGCGGGTTAATAACAAAAGCTCTCGTGTTACTTTTAAAC
AAGGTAAACTTAAACAGTTTTTTCCTCCGTTTCTTTTTTTATGGAAATA
AGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAAATCAATGGCAGGGGCAACTGAAGC
ACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGATACAAAT
ACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTCTATCACTGGGTAGTTT
GAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAATGGGTTTAACTTGGAACATCAAA
GCAAGTTACAAGGAACTTAGTTTTACAGTGTTGGCAGCCTAGGCGCCAG
AATTTGTTATAAAGTGTCTGAAAGTGGCACAGGTATTACTTAACTTTTCT
TTAAG

>Sequence 758

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTCCTCT
GGTAACTTTGGAG

>Sequence 759

CCGGGCAGGTACATATCTGCAAGGAGACATATACAAGGACGTTTCATGCCA
TGGGTAGAAACAACCTAAATATCCACCAATAATAGAATAGTCCATCTTT
AGAACTCTTTAGAAAAATTAAAATATACTAAATATATATTAATTTGCCT

Table 3

144/1077

AAATTTCAATAGCAATGTTGAGTAAAGATGGAAATTACAAAATGATAAAA
TGGAATACTTTATGTAGTTTGTGTTGTTGTTGGTTTTGTTTTGTTTTG
TTTTTGGATTTTTTTTTGGAAATGAAGGCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGA
GTGCAGTGGTGCAATCTCTGCTCACTGCAACCTCCACCTGCTGGGTTCAA
GCAATTCTACAGGCGCATGCTGC

>Sequence 760

AGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACTGAGTGC
CTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTGCAGAAG
AGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAAATTGCCGGTAAATATGTAA
AAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAACTGAT
ACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCCAGATTC
CCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGTTAGCCA
GAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAATCCTGCA
AATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCCTAAGGC
ATGAG

>Sequence 761

AGGTACTTCTTGGGAGAAAAGCAGACTCCTCTAGAATCCCACAATTTATA
AGGCAGAGAACAAAACCATTTGTTTAACAAACAGGAAAAAAAAAACCTCAC
AGAATAACCATCACTGAAGCTAATGAAGGAGAAAGTTTCAAGGAGGAGGA
GGTAAACATTGCTGAAAGTTGAGATGAGGGAGAGAAAAACAAATCTGAGA
TTAGACTTTTGGACTTGGCATGTAGAAAATCACGGGTGACATCATTGGA
GGATTTTCAGAGCCATTAGGGAAAGAATTCAGATTGTTACTGAAGGTGAA
GGAATAATAAACAAAAGCAGACTGTTCTCCAAAGGAATTTTATCCTTAT
AAAAAAAAACAGCCGGAAATTGAGAGAGAAACC

>Sequence 762

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTAGCAG
AGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTA
GGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAACTAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCATTTTAGAAAACCTGATCTAANGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGA
AATGGAAGGGGGGAGAAAGACTAGAAAGCAGAAACATTTACTCATTAAAG
TAATTCTGGACCATGAAAACCTGAAAAAAGGTATAGGGGACTTCCAAAA

>Sequence 763

AGGTACTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTTCAGTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGTATTGATAAAAAGGTTTCTGGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC
TAAAAATAGAAAAATTAGTCACGTGTGGTGGCAGGGGCCTGTAATCTCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTGGAACCTGGGAGGCAGAGG
TTGCAGTGAGCCGAAATC

>Sequence 764

AGGTACTGTTTTAACTCATTTATCTTGTGGTAACTTGTAGCAGCCGCCG
TAGGAAGCTAATTCACCCTCATCCCTCACATTACACCACAATCTCCTTC
TCCTCACCGGCATTCCATCTCCTCTGCCTCCCAAGTCACAGAGCCCCAGG
TGCCACAATGGCTGTGGAGTCTGCGGTGCAACCTCATTGCAAATATTTGT
ATGCTCGGAAGAAAAACACGAGTTAAGCAGTGGTAACAAGCAGAGTCCCG
GGAAGCAGTGGTAACAACGCATAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAACAACGCA
GAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAACAACGCAGAGTCCCGGGAAGCAGTGGTA
ACAACGCAGAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAACAACGCAGAGTACCTGCCCCG

>Sequence 765

GCNCAGGTTTCGAGCCATTCGAATATCCGGCGAATTGTAGCTCCNACGCGC
CGGCGGCCGAGGTACCTTCCTTCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTTT
TATCTTTTATAGATGTATATTTGGGAAGGGGCTCCTTGCTGACAATCCTTG

Table 3

145/1077

AAAAGTGCCAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCT
GGGCGCGGCGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCG
GGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGTGAA
ACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAACTTATCCGGGCGTGGTGGGCGGG
TGCCTGTAGTCCCAGCTACTCCGGAGGCTTATGCAGGAGAATGGCGTGAA
CCCGGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCTTGCCACTGCACTTCCA
CCTGGGCGAAAGAAAGAGACTTCCGCTTTAAAAAAAAAAAAAATGAAAGAA
AAAGGG

>Sequence 766

AGGTACAGGCAACAAAAGCAAAAATACACGAACGAGATGCCATAAACTA
AGAAGCTTCTCTGCACAGCAAAAGAAACAGTAATAGATTGAAGAGACAAC
CCACAAATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTAAGGGGGTC
ATACCAATTATATGTAAGGAACTCAACCCAGAAATGAGAAAACAAGCTTA
CTAAAAAATAAGTAAAGGAGTTGAATAGACATTTTCTAAAAACAGACATA
CAAAAGGCCAGGATTTTTATCAANAAATGTTTGATAAAAAAACATTCAAC
ATTCCTTAATTAATCAGGAGAAATTAGATGTCCAAAACCATTTGAAGGA
TATTTATCTTACCAGAATTGTTACTGAGGGTTATTAATAAAAAAT

>Sequence 767

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGACGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGGTGGGTAAATTT
CTCTTTTCTTTTAATCCTTATATTCCCTAAGAGAGGGCTCCACCTCCCT
CGTAATGTACCTTGGCGTG

>Sequence 768

GCATCGTCAATGTTAGACGCTGTTGAATCCGGCGAATNGTAGTTGGAAAA
CTCCGGCGGCGCCCGGGCAGGTTACAGCCAAGCGCTTAGGCTGCAGCT
GTGATATGGACCCAAGCCCCAGCTTTCACAGGGTTGATACTACAGCCACT
CAAAACAGGGATGTCATGAGGCTGCAGCATCTTAAATATCTTAGAGGAAA
ACATTCTTTAAAATTTCTTTAACAACAAGCCTAATAAAATGAAGAACATT
TTGCAGGGGTAAAGGGTTGATGTTGAGGAGGAAGATAATATGTTAGGCAT
TAACATTGGATTTGTTTCATAACAATTATTAATATTCAAACACATGTTAAT
TTTTAAGATCGGGGGCAGTAACTACTTCTGTAAAGGACCATATTATAAA
TTTTTAAGGCTTGGGGGTTCAAAAAATCTCTGGTCAACTACTCAATTTT
TTCCACTGCAGTGCAAAATCATCCTTAGACCTTG

>Sequence 769

AGGTACATACTCCCATTCCACAGCTTAGTCTAACATGCAAAAAGGGCATG
ATTAGAGATTGTTGGTCATTAAGAAGAACAGGAGGAAACGTTCTGGAGCC
TTGGCACTATGCCTGGGGAAGAGAGGATCTCAACACCCCTCAGCCATCTC
TGGGCCAGAGGAAAGTCACCTAGGGGTTGTCCTAAAGAGTTCCACGGGAG
AAGAGATTATGCTGTCTGATGACCCCTTACTGTTTTCTCCAGTATGTCCC
TACTTTTTTTGTCCAGCTGAGTTTATTAACTTGTCTGCTTCTGAGGT
CGGTTTCTTTTCTACCATGTGAAGGTTTAAATCTGCTTTACTGTCTTTGC
TCTCTTTTCTTACTTTTCCCAGAATTCTTACACTTACTACATAACC

>Sequence 770

CCGGGCAGGTACGGCTTCTATGTGTGAACAACACAGACCACTAAGAGATG
TGACAAAGCTGTTCCATCAGAGGAAACATAGTCTGGGGGACAAATCCTCC
CATTCCTGATAGGACAGGAGGGAGCGGTTGGCTGGGGAAGACCTGAGTGA
GGGAGCTTTCTTGAGGACGGGTTTTGTGCGAGTGTAGTTCATATACCATG
CACAGCCTGTCAGCATACAGCTTGAATGAACTCACGTGTGTAACCAGATC
AAGAGGCAGAATATTACTAGGGTGGCAGTTTTGAGTCCCATGAAAACAAA
CACATTTACTCTGTCTAGCTCCATCTCTAGTTAATTCTAATGCAGTTTAA
ATGCTCACAAAATCCTTATTTGAATGGATGAGTCAGTGGTTTGAATTGAA

Table 3

146/1077

TAGTTTTTG

>Sequence 771

AGGTACCTCAGAATGATAAATCAGAATCTCTGAGGAATGGGCCCAGGCAT
CAGTATTTTTCACACGAACAAGCAGAGGTGGATCCTTTACCTTCTCCTAA
AAAACGTGTCACAAGGGACAGGTCACCTTGGAAAGGCAGTTTAAGAGAAAACC
AAAGGAAAAATCTGGTGACACATGTAACACTGTGATTAATCTATTGCTTA
CGATGTTTTATATGTTGAAAGTCTGGAATTCTGAATATTTTATTATGTAA
GAGATCCAGTTCTCCAATGTCACAGCCTCTATAATTTGAATAATAATAAA
GGAGCACAACAATTCACCTATGATACCCAACAGAAGACTGCAAGGATATG
CTGGGGCACAGAGCCCAATTAGGGTTTAATAAGACAGGGTTTATGGGTGA
AGCAATCTTA

>Sequence 772

CCGGGCAGGTACAATCTTAAAAGAATATTAGTTACAAGTAACTAACAAAA
AGATTTTTTAAAAGGACACTAAAATTACTTTCTACACTATTCAAACATCTG
ATACGAGCTGTGCATCAGTTAACCCTGCTCTATAGCAAACCTACCCCAA
ACTCAGTGGCTTACAACAACCATGGATGATTTACACATCTCTACAGGTCA
GCCAGTGGGTGATTCAGGTAACCCTGGCCGACCTAGACCTGCTCAGGAGA
CAGCACACAGCTGACAGGTCAGATGGCATTGGCTGGTCTATGATGAAATC
GGCAAGCACAAACCTGGCCCCCTCCACTGGGCTAGCCTGGGCACGATCTC
ATGGAGGTGGCGGGGTCTGAAGGTGCAAGCCCAGTCCTGTAAAAGGATAT
C

>Sequence 773

AGGTCATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGAC
ATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAAC
ATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGACCAGAAACAGA
GCTTCCAGCAGGGTGGGGGGCATTGTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACACTGTCTG
ATGGGGAGGTGGCTCAATCTTTCTTGCACTAATTGATGAATGAAGTAACT
ATCTATCCATCCATCTATCCATNCATCCCTNCACCCATNCTTCCTTCCAT
CCATCCATGGGGGTTTGAGCCTTCAAATGTAGAAGGCACAGCCTTTATTT
AGTGAGAAGACATTTGGATTANGAGTTAAGAGACGGAATCATACATTAC
CGTCACTGGTTAACTTTCTTGACTTTGGCCAACCAGTGCTTTTCTGGGAC
TTACTTTCCTAATTATTAAATGGAAAGTTAGTTATATAACCCTTAAGATC
CACTTTAAATTCTTGACTGAAGGCTAACCTTAAAAATATTCGTTAGAGCC
CAACCCGTGGCTTACCCATAATCCAGTCCTTGCCGGCGGCCGTTTGAAAT
AAGGATACCCGG

>Sequence 774

TACGCCCCGATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGGGCGGCGG
CCCGGCCGGGTCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTA
ACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGA
TCTTAGAGGTTATCTAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTG
AGTCCCAGAAAAGCACTGGCTTGACAAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGAC
TGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCAC
TAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGA
TGGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGGATGGGTTGGA
TAGAGTTTACTCATTCGTTTTAGTTATGGC

>Sequence 775

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCT

Table 3

147/1077

TCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGA
N

>Sequence 776

AGGTACAGACGAGGGAACGTCCAGTCTGGCCTGCCAAAGAAGAAAAGAGT
AAGCTCAGATTTGAGAATGTAAACCCTAACAAAAACAAAAGCTGCTCTCT
TGCTGTGAAGTCGCTACAGCTGTCTTCACTGGTCAAGTGGGTGATTTTGA
CATGTTCAAACCTGGACTGCTTTGTGATGAAGGGTTTGATTTTCCTCTAA
CTAGGACAAGGATGGGACAAAGACAATTTGGTAGCTTGGTATCTCTAAAG
TCAGGAGGCAAGGATTACAAACAGCCGGCCTGTAACAGCAACACAGTCTG
CGCACCAGCCACAAGAACACAGGCATCTTATCTGGCTGGTGACGCACAGT
AACTGTGCGGGGCACAGCAGCCAGCAAGCGGGTCAGACATAGGAGAGACC
AACAGG

>Sequence 777

AGGTACTTCAATGGTGGAAAGAGGGCATCAATGATTAACCATAATCATTTC
TGATCATGACCAAGTCACCCCTGAGACTAGTAACTGCAGGTGCTCACAAA
AAAATATGCAGCTGTCCTTCCTGCCTTCAGGGGATCATTCATGAAAGTAA
TTTCTCACCTGACCAAAATGATCGCTTAACATTTATTGCATCATTGCCCC
TGTTTCTGTAGACTACTCTACCGAAGTTTAAATTTGTCACTAGTTTAAAG
GGCCAAAAGATCTGTTTTCTTCAGATATTAGAGACACAAACCAAGCATCT
CCCACCTTTCTTGAATTCTTCTCAAAAATGACTAAAGTCTGAGACTGTT
TTCTTATTTAATGTCTATTGAATTCTGTTTTACAGAATTTCAAAAGAGCA
GGTTCTTAGCTTACTTTTCAATGGAACATTTTAGCCAGGTAGTATAAGTA
CCTGCCCCG

>Sequence 778

AGGTACAGTTTTTGTAAAGCAAGATGATTGAAAGATCTACTGAGTGCCGTGG
AGTCACAGAGAGGAACAACCTACCCTCAGGCTATGGAGTTCAGTGAAGGCT
GCCTAAAGAGAGGATGAGTTGTCAGCTGAGACTTACAGAATGAAAGAAAT
GTCCTAGTTGTTTAGCTTGACTGTAAACAAATGGGGCTTATTACAGGATT
CTGTATGCATTTTTTAAGTCTGATGTATTTTCCTCAAAAGATGAGGATGGT
AAGGATGATATGGGGGGAAGGGCACTAAGCAGAAGGTTCTTTATTCTTCT
TACTGCCCTGTTTCTCCCCTGCTGTCTTATTTATAACCTCTTGTTTAATG
ACAAGAATTTCTATTGAACAAATTATTTATTTTATATAAATGTGGATAAT
TGGAATCAAG

>Sequence 779

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGTGTCT
CACTTTGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCCTT
CCACCTCAGCCTCCCAAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGTCACCATAACC
CAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAGAA
GACAGGACCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAATTCCTCAACTCAAGTTG
GGCATTACTATCACCCCTACATTAACATGTTCTCATTAGGAATATGACCA
AGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACACAT
GAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCT

>Sequence 780

AGGTACTTTGTTCTTTTACTACTCAATGAGACTGAGAGCCTGCTGGATTC
ACTAAGACCAGGTGAACCCAGAGGGCTCTCGGTCTCATTGACTCAATTGG
GTTTGAATCTCAATTCTGCAACCTACGTGGCTTTGGGCAGGTTTCCTCAT
TTTCAAAATTATACAATAATATTTACCTTTTAACTTATTGAAGGATTGG
AAAGCTGTAACACCTAGCATGCTGTCGTGGCATAAGGTGGGGGTAAAGTA
AAAAGTAGCTACTATTAACATTTTGAAGAGTGCTCCTTCATTTTCCCTG
CTCCCTTTCATACTCTTCATCCTACTTTCCTGGTAGTTCATTTCTTCTTA
GTTGGCTG

>Sequence 781

CCGGGCAGGTACCTACTAAACAGCAAAGAAACCATCCTAGAGGAAACAAA
GAGCCTGACTCAGAAGCGCTCAACAAGCAGCAAATTAAGCCAGAGCCTAA
TTTGGTCTGTGGTCTCTTAACCTGTGGAGCCAAGAACAAGGAGAAACAAA

Table 3

148/1077

GTTGGGGGCCAGATGAGAGACCACAGGAACATGAGGGAGCACCAAATTAT
TGCCCATTCCTTTCAAGGCCAAAAGCTCACTTTAGGGTATTGGATATTAG
GCCAGTCAAATATGTTTTGAAAGGGGTTTAAATGGCATTCCAATCCCTAG
GCTTCCTAACTTAAAGACACGGTGAGCAAATTATTGCGCCAAAAGTTTG
TATCTGTGATTTTGCCTTTTTGTGGAACATGTCGCTATTTCTGGGCCCCG
AATCAAAGTTAATACAATGGGAACAAATAGGGCAACACCGCTTTGTTGGT
TAAATAACCTCACTTCAAGCCCAAACAATATG

>Sequence 782

AGGTACCCAAATTACCTTGATTTAAACCCCAGCTCGCCCATTTATTGGCC
GTATGACCTTGGACAAGTTATAGAATCTCTTTGGGTCTGTTGTAACATGG
TAATAATAATACCTACCTACCTAACACACAGGGTGGTTGTAGATTAAAGG
AGTTGCCACATGTTGGAAGCATGCTTATGCTAACAGGCATACTCATGAAG
TATCAGCTATTTAAATTATCATCCTCCCTCAACAGGATTCTATAAACTGG
TTCCAAGATAAGGTAACCTGGGATAATAAAGTTTTCTGATTTGGTTAGAA
ATACACCTAGAAAACCTTAGAAAACAGGCAAATGTGAAACATAAAGAGTAG
ATATCTGGGAACAAAAAAGTATATTATAAAATGCCAATACTGTCAATTCA
TATAAAAGGCATCTTAATCAATCTCCCACTCCCCACAAATGGAAAGCGGA
GGATGGTACCCGGGATTATCATTATTATTATTTTAAAGAGACAGGGTCT
TACTAGTTGCCCTGTTGGGCTTGAATTTCTGAGTTCAAGCGATCCTTCC
ACCTTAAGGCTCTTAGTAGCTGGGACTAAAAGCATGTGCCACCACACCCA
ACCTCCATTCAAGGGTTCTAGAAATTGGTGGGGTCATATTTTAGAACCTT
GAAATTGGCGCCTTTACTTTGGTTCATAAAATGGTCTTGAAATAAAATTT
TTCCCTTGCCCCGGGGGGGGCTCGCTTCTTATAAAAAAACTCTTTAAGG
GTGGGGGGGAATTTTACTCTTCTCCTCCCTCCTGGGGGGT

>Sequence 783

AGGTACTTGAGGGCATCATTAAAATCAGCCAGTGTTCAGTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAAATGGGCCAAAATGCCCTTGGCCTTTACA
TGCTCATTTAAAAACATATAAAAGAGCAGTAATTTACGCAGTTTACTT
TTTCTCAAAAATTCTTGTTTCTAAATTATAAATTGCCACACTATAGACCC
TACTTTTTTTTTATACCTTTTAACTATTATATAACTCTCTTCACTTCAC
TAATTAACATTACTTAATAAATCTTTTAAACCTATTCAATAAATATCA
AAATATTTATTACTAATAAATTTATTATTAATTATACTTATTATAATATA
CTTAAATATAATTAATCTTTAACATAAATATTAATATTTATTATTTAA
AAAATATTATCTTTTTCTAAACATATTTATGTTCTCACTCCATACTTTT
ATACC

>Sequence 784

AGGTACCTTCTTGGCTATGTCTGCCAGCAGGAACAAAGAGGCATCCAAAG
CATGTCCTTTGGGCCATGGCATTGTCTTTTCTTCTAAGTCTAGGATGG
GTGTGTCTGCTGAAGCTACATCATTGTGTGGAACCTGAGCTGTGGTCCAG
CTTCCAGCCTCTAGTGAGCAGTAAGGCACACTGCAAGGGGAATGTGGCA
GAGGTGAGTGGATCCACATGGAGTATTTACTACATCCACTTCATTGGATT
CTACCTGGATCACTGTGTTGGAGGTGGAAGGCCATCTGTGATTTGTGGTG
CTTCTAAACATTCTAAGGACGTGCCCTATTTCAAGTTAAGACACACATTT
GATTTCTAGCTATGCAACCTTTACAACCTGACCTGATACTTCCTGAACTT

>Sequence 785

CCGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAGC
ATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTCAAC
AATTTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGTG
TTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTTT
CTCCCAAAGGAAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATAA
TTTGTAATTCTTTTCAATATATCTCATTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGA
GTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGCGATCTTGGCTCAC
TGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCCGCCTCCCG
AGTAGCTGAGATTACAGGCACCCACCACCGCCTGTCTAATTTTTGTAT
TTTAGTAGAGATGGGGTTTACGATGTTGGCCAAACTGGTCTGGAACCTC
CTGACCTCAAGTGATCTGCCCCGTCTCGGGCTTCAAAGTGCTGGGATTAC

Table 3

149/1077

AGGCGTGCGCCATTACGCGGGCCAATACGTGTCATTCTTAATACATGTCT
TCCTTTTTTATTTTTTTTTTCCCCCGCTTTTTATTGAGCTTCTACTATTTG
CTGGGTATGCAGAGGTGGAAAAAATTAAGGTTTAATCTTATTCCCCTGA
GAAGCCTTTTTTGGTATTTTGGTGTACCTGGGCGGTCTTAAACTAAGGAT
CCCCCGGCTTGAGAATTGGAATCAGCTTATTATTCCGGCACCTGGGGGG
GGCCCGGCCACCTTTGTTCCCTTATGAGGGATATTGGCCCCTGGCGAAC
TAGG

>Sequence 786

CCGGGCAGGTACTGGGAACCTCTGGCAGGATCCTTGATGTCCTCTTAATCT
CTTTTAATTTTCATAATACTGTGATGCAGGTATCATTATCCCCCTCTCC
ACTACCTTGTTTTATCCCAGAGGGAAGTAAAGCTCAGAGAGGCTAAGACA
CTTTCTCCAGGTGACAGACTCTGGAAGGGGCAAGGTTAGGATTTGATTGT
CTGTCAGATTCCATTATGCTGTGTGCCTCAAATGCCTGGTGATCCTATAC
GCTACCATGGGCACTATGTGGGGCAGTGCCACTAAGCTCTGCTGTGACCT
CGAGGTTACCTCTGAAGTTTATGAGCCACTGCCAGAGGCTCAGGGTGGAT
GATCCAAGATAGCTGGGCTAGGGTATTAAAAGGGCCCTATCAGAACAAAG
ATCATTCACTTTTGAAGTCTAATCTCTTTGGGTTCTAGATGGGAAGGAAA
CATATTAAGTGGATGAAGGAAGGAGGTACCTCGGCCGCCCGGGCAGGT
ACTGCCACCATCTCCGGTTCCAGGAGTCTTCTGCTTGGACTTTCGGGTCT
TCCTCACGGATCCTGGAAGGGGGGTTCTCTGCAGAAGCGACCAACCCATC
TTCCTGGGAGAGCTGGTTCAAGAATTTTCTGCTGGGGGACAACCTGCCTT
CTTTCCTGAGGAGGGCCCTCTTAATTAACCTCTCTGCATGGGGCTTCTAG
ATGGGTTTTTTGAAAATCTTTTCTTTTGCAGATGGCTGGCCCCAGAGGTGG
AAACCCTGCTTTTTTTGAACACAATCAACCCTGTTTTATTCCAACCAACA
AATCTTCCTTTTTCCTTTCCAGAT

>Sequence 787

AGGTACAAAATATGAGAGAATTCATTTCCAGTAGGCCTACACTACAATAA
ATTGACAAAGAAAATTTGTCAGGCCACAGGGTAATAATATGAGATGGAAG
CTCAAACCTACAAGAAGAAAATATTTATAGGAAATATAAATATGTGGGTA
AATCTTTTTTTAATTAATGTAAGAATCAAAATATTATTTTGTGGGATTTG
TGATGTATGCAGATGTAAAATATATAACAAAATAGCACAAACAATAAGGG
AAGGCAAGTGGAATTCTACACAACCTGCAAAGTTTTTACATTTTATGTGAA
GTGATATGACATTAAATCTAAATAGACTGAGGATAAGATAAAGATGTGTG
GTATAATACCCAGAGAAACCACTAAAAACAAATATCCAAAAGCAGCAGAG
CTAAGAAGTCATTGTTGGAATTAATAATAAATACTAAAAAATGGATTAAC
ATAAAAGATGGCGGGAAAGAAAGACCAGAAATGAAAAACAGAAGGTATCA
ATAGAAAACAAATTGGAATAATAGTAAACCTTGAACCCAGTCATATTAGTA
ACTGCATTAAAATACAATGGGACTGGCATAAGCCATTTAGTGTTGGTTAT
AACGAATTACCTGATCCTGGGTGGTTATTGAAGAAAAGAAGGCTTCCTTA
CTTGCGGGTCTTGAAGCCTATTGGAAAGCAGGCTTCGCTTCGGTTGGCTT
TTGGTGAGGGCTTCATTCTTATTCAAACCTTAATAAAAAGGCCAAGGGGAA
ATGGGCGGGCGCAAAGGAAACCTANAAAGGTTGGGTTTTTAACAACCTATT
TCACGAACCTTAATTTCTTAAAGTCATTTTTTTTAAGAGGAGAACTCTA
CTCTCGGAGGAT

>Sequence 788

AGGTACTGTTTTTACAGTCATTTTGGATTCCCTGCTGTCTTATACACCAA
TAAGTAGTTAAAGTGACACAGTTCATAGAATAAAATGAATGAAAACACAG
ACATGGAAATGGAAGGAAAGTGCAGAGCTGCTTTCTAAATCAACCAAATT
AATTAATCCTGACCACAAATACTGAAATGCAGAGATGCAAAGTCCTTTT
TGAGTAGCCTGGATCAATTGTTTCCTAAGAGCAGATGGGCACTACTTTAG
CTGTGTTGTCTACAAAGAAATCCAGTTGGCGAGAAAATATTTTCATCCACA
GAACTATGATTCACGGGGTTAGTTCCTAGAGGTATCTGCCCCAAGGCCAC
CTGGGATGATTACCAAAGTCACTTTAAACCAAGATTCTAAGCCTAATACC
CTTGCCCC

>Sequence 789

AAATNTATCGACGCGCTAATACATCACTATAGGGTCTAAATTGAGAGATC

Table 3

150/1077

TCCACTCTCGAGTGTGCTGGCTCGCCTCGGGCAAGGTGATCTTCAAAAAA
GAATCTTATAAATACATTAATATTATATAATTACCTAAAAATATGTGAGA
TATTATAAAATAGTCTATAAATGATGCAAAAACATATCAATACTTAAACA
TTATATTTTAATTTATTTTAAATATAAAATATAAAATAAAAAATACTA
AATGAAAATAAAAAATTTTAAATTAATAATTTATAAAAGTTTTTACTACTAA
CAAATCTTTATAAAATAATATTAATTTTATACTACAAAAAAAATAACATT
ATATTAATATAAATTAAAAAAATATTTTAAATTTAAATTAATATTTAATG
ACTTAAATTTAAAAAATTTAAATTTTAAAAAACTAAATCTAAATAATTA
TAAAAATAAAAAATATTATAAATATTTAAATCATTAAATTTAAAAATACT
TATAATAAAAAATTTATATAAAATTTTAAATATCAAAAAATAATTAATATA
AA

>Sequence 790

CCGGGCAGGTACCCGGGGGGGCATCACGGACCTACCCAATATGTGATGTCA
CCCCTGGTGGGCCCAGCTGTGTCATGGAGAACTTCAGCTGGGCCCAGAG
ATTCTGCAGCGGGAAAATCCAAGGCTTATTTATGCCAGGCTGAGTGGATT
TGGCCAGTCAGGAAGCTTCTGCCGGTTAGCTGGCCACGATTTCAACTATT
TGGCTTTGTCAGGTGGAAGGAACAGCATATTTAAGTTCTTTTCTGTGGAA
AACTTAGAAATTGAGTCTGTGGGAAGCACCTCTAGGACAGAACATGTTGG
ATGGTGGAGCCACCTTTTTTTTACGACTTTACAGGAACAGCCAGATGGGG
AAATTCATGGCTGTTTGGAGCAAATAAAAACCCCATTTTTTTCCAGCCTG
CTTGATCAAAGGAATTTGGAA

>Sequence 791

AGGTGCCTCAGAATGATAAATCAGAATCTCTGAGGAATGGGCCCAGGCAT
CAGTATTTTTTCACACGAACAAGCAGAGGTGGATCCTTTACCTTCTCCTAA
AAAACGTGCACAAGGGACAGGTCACCTTGGAAAGGCAGTTTAAGAGAGAGCA
GAGGAGAAATCTGGTGACACATGTAACTGTGATTAATCTATTGCTTAC
GATGTTTTATATGTTGAAAGTCTGGAATTTCTGAATATTTTATTATGTAAG
AGATCCAGTTCTCCAATGTCACAGCCTCTATAATTTGAATAATAATAAAG
GAGCACAACAATTCACCTATGATACCCAACAGAAGACTGCAAGGATATGC
TGGGGCACAGAGCCCAATTAGGGTTTAATAAGACAGGGTTTATGGGTGAA
GCAATCTAG

>Sequence 792

AGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATTTTTGT
TTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCT
CTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTTCCCAAAAAGTGGCTGGGAT
CAAAAGGCCGTGAGCCAACACACTGGTCCCTTCTATTTATTTCTCTT
TAAAAGAGGAGAAGAAATACTAATTGAGTAGGGCCATAAATTTATTTA
ATTTAGAAGTCTTTTACCCTTAAGACATCAATGGTGAATAAAAATTGGNN
AATTTTTGCCTTAATTATAGGGTTGAATGATAGTCATTAACACAAAATGA
AAACAGTAAAACACATTCATCATTTTTTAAAGGTAAAAAAGGGCAAAAAA
TTTTGGAGGAACCTTTATAAAAGCCTTACATTGGGTAGCCTTTATATTT
TTTGGTGTGGGGTGAAAGAAAAATGAAGAAAAAAGGAATTATTAACAA
TTCTTTTTTACCTGGG

>Sequence 793

AGGTACGCGGGGATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GNTTGGACATTTGNNCATAAANNAGAGGTCCCATATCCAAGGCCTTAAC
CTTTCTAAGAAAAATTTTTTTAATTTCTTCAAAAACCTTTTAAGTTTTGG
GCCCCTTCTTTTTTTTTCTTTTCTTGTTCGAAGGAGGGGAACCCAATTT
TCCTTTAAGTTGGGCCNNACCTTGGGNGNNAATTCNNTTGGNCACCN
CCAGNNAAGGAAATTTNCNNACTGGNCGCCTTCANNCTGCANANNAAT
ACCANNATGGNCCTNNNACATTGNNGANNTTTGTAGNANNGGAGAAAAGG
GNAGCNCCTGTTATTTTGGTGAAGCCTGTTGCCCTTATGAAGAAANATT
TCNNTTTACCCCCCTGNNNAATGTNNGGTNCGGATGCCAAAAGGGAAAGA
ATCCCTTGGGAAGAAAGTCAN

>Sequence 794

Table 3

151/1077

CCGGGCAGGTACCCTTTATGATCTAGATAAACCATTGTGTTCTTCTATAG
TTTTTCCAACCTATATTTGAATAGGTGAAGTTAATATGTTTAATCATAAAA
TGCTCTCAGATGCTTGCAAAAACAATTACTCCATCAGATAAGAACACATC
AAAAATTTGGAAAATTTAAAAAAAGTCATTCCAGCTATATGCAAATAACT
TTTAGTATATGCATCTGAAAAGCTACCAAACGTAACAATGAAACTCTAAA
CTTGTAGTAGAAAGGTAAATGCACTGTGATCAGCTTTCACATCACTTCAG
AGTATATTCTAAAACCTTCTTAGATTCTACATTATTTATAGAGTGAACCTCT
AAATTCAAACATTTCTCAGGAACAAAACGACTCCCATCCAATTATTTAAT
TAGGGAAGAAGAGATCCCAAATTTTCTTGCTAATTAT

>Sequence 795

AGGTACCACCCCTTTGAATACCCACATGCACCGTGGTCCAGAGGAGAGAG
CCTGAATCCAGAGCTGACAGCTGAGGTTTGGATCCTGTCCCCACCACTCA
CTCACCTTGAGAAGGTGAGCAATCTTCCTGTCCTCACAGCACATCACTTA
GAGGCTCACTTGCTTCACATACACAGCAAGGACAATGATATCCACCTTAG
AGTCAGAGTGCACCTATTATTTGACACTGTTGTAACCATGCCTAGCACAAAG
ATCGGGCCCTAAGAATTCCTATTGTCGCTAAGAATTCCTATGACACCTT
CACACTTCCAGTCTACCCTGGAGAGCTCTGGGCAGCCTGGATACTCCAAG
TATTTGGAATTTTGGCCACTACTGAAGCCTGGACTTCAAAGTTGTGCCC
ACACCATTCTGCAGAGAACGCCTTTCAA

>Sequence 796

AGGTACTCTAACCATTTTAAAGAGCCATATAACAGGTTAGTTAACAAAA
TTAAACACAATAGAAAATAGTTTATTGTTGTATCCAACGAAACTAGTTAA
ATATAGCAGAGAAGTAGATGTCAGTAGACATTTGAAATGTGTGTTTCAGAT
TAGTAGAATAAACATATCAGCAAGATGCCTAGAAGCCAAGGAAAGATGCA
GGAAACTTGTTAAGTCACATATCTTTGATAAAAAGTAAGCACCAAGCTAA
CTGAATCACTCTCTAATTTCTGGATTTAAGTAGATTATTTAATAGGATCA
GGTAATGACACTATTGATGGGGAAATTTTATCAACCTTCTTTAAAGGTG
AGAAC

>Sequence 797

AGGTACTGGGGAAGGCGGCTGGAGGAAATGTGAGCAGGTGCAGCGCCCTG
TCCTGCCCTGCCCTGCAGGAGTCCTCATTAGTGAATGGACTGAGAGTGG
CCTGGGCAGTGTTCTATCTGGACATACAGATACATTATTTTTAGGGCTTA
AAAACAGTATTGAATTTGGCAAATGGGACCCACCAAGTTTGAAATCACAA
TCTCTAAANNCCCAGGAGCATTTCNNCTGTGGTTCCTTGTGGAGNNCAG
TTTCCTCTTGTTCTGGGTAAAGTGTGAGGGACTTGTGAGAACATGAACCC
TTGTCACATTANNGAGTGGTGGGACCAAGGGAGTTATAAGGGTTGGGTGT
TGAAAAAAGTTTTGGCTTGTTTAAACCAACGGGGAACCTGGTTTATTGGG
ATTCCACCTTCTTAAAGCCCAAGGGGTAAAGTTTTCG

>Sequence 798

CCGGGCAGGTACAAAATAAATTTGCTCATTGGGTAGAGTATGGTTATTG
ATTAGGGGGCTAAGCATTTAGTTACTGCATGGGGCAGCCAATAATAAAAT
CACAGCCCTGTGTATTTACCTCCACAGTGTGTGCTGATAAGTGCAAAAGG
TTTGTGCAAATTTCTTTGAAGTTATACTGTAACCATGGTATATGTATTGA
AACTTGGCCATTTTACCCCATTCCTATGAATGAAAACCTATTTGGTGAAT
CAGAGGATAGTCTGAATTGGGATATGAAGGCCAGTATAAGTGTGAGTTAG
CAAAGTCAGCTCTAGTTTATTATTTTTTTTTTTCTTTTAAGGCGTAGCA
TACTAGAAGTATAGCTTTGGGAACCTTGTAGCATCT

>Sequence 799

CCGGGCAGGTACAGTAGTATTTAACCTAGACGTGAGGAAGGAGTAGGAAA
TTTTCTGGTGAATACAGAAGAGCAAAGAACAGCAGGTCAGCAGGAATGAC
TAATGTTTTTCTATGCATGTTTAATGGAATATTCGTGTAGGATATTTTGA
GTAGGTAATTGGATAATCAGCATTGTGTAACCTGCATCCTAGTAGTCTGAC
TCTCACTAATAAGACTTGTCAAAGATCCAAGAATCCGAAAGTGGATGATA
AATGTCCATGTGTATCACCATCCATGACCGAAAATCATCATCCACAGAAC
ACAGAATTGGGACAGATGAACTTAATAGATAAAGATGAATATCGGAGTTG
TTCCTCTTAGGGAATGATACTCTCCATGACCTGTGGGAGTGACAGCTGCC

Table 3

152/1077

AGAAAAGAA

>Sequence 800

CCGGGCAGGTACAATTTCTTATTACTGCATCTAAAAATGAGGACAACATT
CTTTAAATATCACGCTTATATAAAAACTTGCAGAACTCAATCCACATGT
CTTAATTAGAAGCCACCATAAAGAAAGACATTTTCATTGTTTTAATAACTT
ATG TTCAGAAATAAACTGCTCTTACTTAAGCACTGCTTAGCAGAAACGT
TAAAATCAAGTCTAGAGAAAAAGTAGAAGATGGTAATGTTCTAAGATAC
ATGAGAACTGAGTTTGGTTACAGTTAGAGAGAAACAGAATTTTTTCCACT
CCCAAACCAGATCTATTGAATTTACTTGGTTTATTTTTGTATATATTTGG
CATCTAAAGAATGAATTGCCTTTTAGACAAAACCTTCTCGGTGAAGTTG
TTTCTTTTGT

>Sequence 801

AGGTACAATGTGATTTTCATCAGTGTTTATGTTTTTGAAAGGAAAAAAA
TGGCTGAAGTATTATTTTAGTCCATGTGCAAAGCAAATTCTGTTTTGTCT
GTTAAAAAATAAATGAGCAATAATCTCCAAGAAATCATCTTGACCAGCA
TTAATGACTAGTTTGGTAGTTAACAGCCCGAGGCATAGCCAGAGGCTATT
AAGGCTCTGGGGGAAAGAAAAGGTTGGTAGATTGTGGTTTACCAGTAATT
AACTATAGGTATGAATCAAACTTCCTAAGAAAAGAGATTTAAGTTACTT
TGGATTATTTAATGTGTATGCTTATCTTTTCATACATCCCCCTCCCACAC
CTTTTCTAATAGGAAAAGAAGATGAAGCCATTATTTACAAACCAAGTTG
AATTGGAAATAATTCACGTAATGAAACAGGAAACACA

>Sequence 802

AGGTACTGTGTTGTAAGAGATGCAGGTTAGCAGAAACCCTCCACATGAGA
TCTGCTTTAAGACTGACCCAAGCCTGAAACGCTCTCTCCCTAAGTGATCC
ATGTCCCTGCAGTAATACCATAACCACTAAGCTAACACACTCACTGTAAA
AGTGTTGCTTCTCCATGAGGCACCAAGACTTGATGACCATTTGCAGTTCT
CATTAACTCCACTAAGACCCTAAAGGCTAAATGACAACCAAGCCTCTGTC
ACTCTGCCTGAGTGGATTTACCACAAATATCAAATCTGTTCAATCTATTA
TAAGAGCTAAAAAGGAGAAGCACATGAAATCACATTTCAATTCTTAGCTCT
TTTATCTTCCCATTTTTTCATTTAGACATTGAAT

>Sequence 803

AGGTACGCGGGGGGGCGGAGCAATCCCACTGCTGAGCCTGGGGGGGTTT
GGAATTCTTCGGCGAAGTGAGCGGGCCGAGAGTGGGTTTCCCGTCCCCG
AGCCCTCCCTCATCTCGGAGATGCCGCACTTGTGAGCGACAGGGCTTCAT
TTGAATTTTCGCACCTCGCGAGTTGCGGAGCCTGCATCTCTGAAGCTGCC
TCGGTGAAGAGCCACAGCATTATTTTTTTTCTCTTTGGGAGAGTAGCTGT
CTGGGATTTGAGATCCTATCTTCCCTGCAAATTACCAGGTTGCATCTTCA
CTGATAGGAATACATTTCTTCACCAAAGGACATGGATGAAAATGAAAGCA
ACCAGTCTCTGATGACAAGCAGCCAATATCCT

>Sequence 804

AGGTACTGCCCAGATAGAACCTTCTGCCTCTTTGGGGTAAAATTTCGATTT
CAAAGAGAGAGAACTGTGGGGTGAGAAAGGAAGACTGGGACCCAAGGGGC
CAAAGTAGTGACAATGACTGCTGTCATGAAGGGTGACAAGGACAATACCT
GCTGAGCTCAAACCACCCTTTGGACCCAGTGAAGCTCAGATGTTGCTTCC
AGTGCAGGAGTAGTTAAGCTCAACTGTTTTACAATATCCAGTTATTTGGC
TTGGGTGTGATGGCTCACACCCACACTCCTAGCACTTTGGGAGGCCAAGG
TGGGTGGATTGCCTGAGCTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGG

>Sequence 805

CCGGGCAGGTACTACCTCTTCCATAGGTTGTGTCAACCAGTTCTGAGATC
TTTCAAAGCACTGGAAGAGAACCGCCAAGTTCTCAGCTGTCAGTGCAAAC
TGGTGTCACTGAGATATCCATTGTCCTAGCTCATATAATGTCCAGGTCAG
TGTCTTTCTGTTCTCTGAGCCCTGTTTTGACACTAGAATCTTTGCCGTA
GCTGCCTGCGGCTCCATCTGCCAAGGAGACGCCCCTAACCCCTCTAAGGT
GACGTTTTCCAGCAGCACTGCCAGAGAACAGGGTGAAGGGCCCTGCATTC
CAGGACCCACAATAGCTCTGTTTTTCTTTCTGTCTCTCCATTTCCAGGA
GAATTGTT

Table 3

153/1077

>Sequence 806

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGA
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGATGGAATGATTG
TTTACTCATTCACTCATTAATGCTAGAAATGATTGAGCCCCCCTTTCCAT
CAGTCAGTGTGC

>Sequence 807

CGGGCAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACCTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGTTTCACCAAATTGACCAGGTTGGTCTC
GAACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCCACCTTGGCCCCGCAAAGCGCTGA
GATTACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACTTCTCAACATT
CTGAGTTAGTCACTTTCCCTTTGGTTTAAGCCAGCTCGGGTTACTTGCAA
CCCTAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACACCTAGAATA
AAATTCATTTTCCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATGGAGGGTGGTGGA
ATTCAGAGAGCAGAAATCTGTCCTGACCAGAGAAGAGTTCTTAACAGGTT
CCT

>Sequence 808

AGGTACTAAAGTCAGCAAGACCTAATGTCTAATTTACTTATACCTATGAT
GAAATCTAGTGCCAAGGATCATCCATGGCCATTGCCCCACTTCAAATATT
CATGAGCCTCCACAATCCAAAATGCATTAAATGTGGGCAGGTTGCCAATA
ACACACAATCTTCCTAATGACAGGGAGCTTTCTCAGATCAAAGGAGCAAG
ATGTTAAAGACTTCAAACCTAACTGTCTTTGTAAGAGACACCCAGAAAAG
AAATGCCAGATCCCACACCCTGTTTCAGTTATGAAACATCAATGAAATAG
AGAAAATAATAAACATTCATTCATTCCTCTTTGGAACCTCATTTTTTTGCA
ACAACCTTGCTTCTTTCCTTTCTTACCATTGCACTCAATCACTAAGGATG
TTATACACTA

>Sequence 809

AGGTACCATCAACTAGCGTTCATTATATTGAGAACTAATGAATGGTTGG
TCTCTACTAAACAAACATCATGTGTTTACAGCTAAATATTGTATATCCAA
AATGTGAACAGGAAGATGAAACCAATTGATAAAGGTTCTTACTTCACATT
TTCCAAGTATAGTATTAATTCAAATTTCTGAGAAAAATCAAGAGACATAT
ATCACATAAGGGCAATAAATACTACCATAGAATTTTCATGGTATGGAAGTT
CCTACATACTTATGGTTCTGTCCTTCACTCTTTTTTTGAACACGTTTGT
GGTAGAAAAAAATAAATACAAAAAGAATCATTTCCAAAATAATTGGATTT
GAATTCTTAAAAATAGTTTGGTATTTACTTATGTGTTTGTTCATGAATGA
C

>Sequence 810

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAGACGGGG
TCTCCCTATATTGCCAAAGCTGGTGTCAAACCTCTGGGCTCAAGTCTCTC
CTTAGCTTCCTAAGTAGCTGAGACCAAAGGCACAGGCCACCGTGCCTGGC
TCTACTTCTCACCTTAACCTAAATAACCATCCACCTGAGAAATAACATATA
CATGTAAGCTTAATTCAAATATTCAGGTTTTGTGATCCTCAAACGTGAAT
GATCAGAATCACCTAGGGAGCTTTTTGAAAAAATTAAATCCCCCTCTAC
ATCAGTTTCTACAGGGAAGTCTGGGAATTCATGTCTTAAAAAATAAAAAA
CCCCTTATAGGCTGGGGCTTGGGGGCTCACAACTTAATCCCCGCCCTTT
TGGGAGGCCTGAGGCAGGCAAATCCACCTGGGGTTCAG

>Sequence 811

CCGGGCAGGTACCTGGCTTGGACTTGAAGGAGAAATGAGAGAGCAACTAT
CCGCAGTAGAAGGCTGAGCATTTCAAATCCCTGTGAAACCTAGGGTTTTG
AAAACAGTATGTTTCGGCAACAGCAAGTGGTTCAGTGTGATTGGAACCTT
AAAGGGAACAGTGGAAGATGAGGCTGAGCATTTAAGGAGGTGCCAGATT
GCCCCAAAGGCAGTGTCTCAATACTAACTAATGTTCTTCCACCATAAA

Table 3

154/1077

TGAGCTCCCCCTGGCAACTTCTCATTTCTATCAATGGAAC TTTCGTTCTT
CATATGTCCAAACCCTGAAGTGCCATCTTCAGGTCTGCCTCAGCATTGT
GATCAGTGCTCAAGTTTTGTATCATTTCTATATTCAAAACATTA

>Sequence 812

AGGTACTGTCACCCATGGCCCTGATAGGAAACAGATGGCATATTCAAGCT
GGATAATTTGAAGAGGATTAAATGAAACAAGTATTCACAAATAGGTGGGC
AGAGTTTAGAAAATCAACAAGAGATATTGTAGTATCCTGGGCTAGCAACA
GAGAGGATGGGAATATTGCCCCATAGACCTGAAGTGCAAAGAGAAGGAGT
GCTACCTCAAAAAGAGAGCTTTGTGGAGAAGGCTGCCTGATAGCAGCTGT
AGTCCCAGGTAGAGGGTGAGCCACCACGCCCGGCGGATATTTTCATAGTTT
TAAAAGGGACTTCTCTTAAGGTAATTTTTATTAAATAGAAACAATATTCCT
TAAACTATGAATTAAGGATAAAACATGTTTCTATG

>Sequence 813

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTGTAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCAGCG
CGCCAGGCCAAGAATTTCTTTCCATCTCCTGTGTCAATTGCTTTGGCAGTG
GAAAACGCACGTGGCCTCTAAAGAGTGGGTCCCAAGGTCATGAAGGCCTG
TGGGGTGGAGGGCAAGGTATCTCTTTCCAGGCTGGAATGGCAGAAGACGC
GGCGGCAGAGGGGCTGCATGTCCTCCTCACAGCAGGCCCTGAGGACCTT
TATCCTCCTGAGCCATGAATGTCCCTCAGGAGTGTCTAAAGCACCCGGTG
GGGCAGGGGGACCCCTATAGGCCTTAGGAGCTT

>Sequence 814

CCGGGCAGGTACATCATCGGGAATTCATGATTAAGTGACTAAATGATTTG
TTTCTAAAACAGAGATGTATGCTGTCTGTGGCAAGGGCTGGGAGCTGGGC
AACAGCTGGGCAGGGGGCACATCGCCTTAAAGCCTCATGCACCAAAGAGC
CAAACCGTGAGGCTTTCTCAGAAAGCAAAATACAGCGCTCACACTGCAGG
GGTGGCGGCGCAGGTGTGGAACCCTGTCTTGATGCCTAACGTGGGGGTCA
CAGCTATCCGAAGGCAGGCTCCAGAGAGCACCTTGACCATTCTGCTTGT
TTTCTCCCGTCTATGCCCCAGCCTGGCAGTCACTGGCCTCTGATTTAAAG
AGTCGAGTTTGCGGGTGGTTTGCTAATTATGACCCAACGAGCACTTCTGG
CTTCGGTTGGAGTGAGTGGGGTGT

>Sequence 815

CCGGGCAGGTACGCGGGAGAATAACAAAAGCACTCGTGTTACTTTTAAAC
AAGGTAAAACCTTAAACAGTTTTTTCCTCCGTTTCTTTTTTTATGGAAATA
AGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAAATCAATGGCAGTGGTAACTGAAGC
ACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGATACAAAT
ACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTTCTATCACTGGGTAGTTT
GAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAAATGGGATTTAAACTTGGAAACATCAA
AGCAAGTTTACAAGGGAACTTAGTTTTACTGGTGTGGCAGACCTTAGG
CGCCAAGAATTTGTTATAAAAGNTGTCTGGAAAGTGGCACCAGGG

>Sequence 816

CGGGGCCGGTCTGCCCCGGCCAGGTCCAAAGCGCAAATAGGCAATTTGGTT
CAATATCTCCCAACTTAAACCCACTGCTTTTTCAACAGAAATGTTTTTTA
CATCAAGTGTTGCCTCTGTTCTCACTCTCCCTCCTTCTTGATCTTTTAAT
CTAACCCTGTCTTCTTGACTTCTTTCTAGCCCCCTGCCCCATTGCCATTGG
TTTATAGGTCAAATTGCTTGAGTTAAATGCATAGAAGATGCAACTATTTC
AGACCTCACTTTAAACAATGTGGTAAGTGTTAAGACAGAATAAAAGATAA
ACCAAAATATTGTAGAAGATGATTCTAATGGCATATCCAGGAGCTAACCT
GCTCTGCATTGATGAGTTTAGCTATCATAATTCCAAAGGAACACTATGAT
TGAGAACAACCAAGAGCACTACTAACTCCAGCATCACCAAGG

>Sequence 817

AGGTACTTTTTAAATGACAAAGAGTAATTTCAACAAAACCAAATGCTGCA
GTGTGGCACTCAGCTATAACAGTGTATTTTCTTTATCCAAATAAACACAA
TAAAAGCTTTGCTTTGCATTGTTTATTATAAAAACTGAATTTTTCTTTT
GCAACTATTTATTTTTAAATAAGGAAGTAAAATTCTCAAATGATACAGT
TGCTGCTGCAAAGTATGAATAATAAGACTGAGGGAGGTAAGAGAGAAAGG

Table 3

155/1077

ACTAGTGCAAGCCCTAACAAAAGCCCTGTACCAGATGGAAAATGTTTTTG
GTGATCTGGCTGCTGCTTAAAGCCAGTTTTCCCTAAGAACTCCAAAGGCT
AAAG

>Sequence 818

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTCTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
CCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATA
ACGACCCACACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTG
TGTTAAGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTTTGTAAAATCTTATAAG
GTAAGTGCTGTCATTATTCCACATTACAGAGA

>Sequence 819

CCGGGCAGGTACGATTATGGTTGGGCAAGTTTCCTGCCCAGTGGTGCTTA
CATTCTAAAGGAGGCAGGCAGTTAGTAAGCCTGTAAACAAGTAAATAAAC
ATGGCTTCTTTAAAGACGTAACATTTCAACTGATTCTGAATGATCACAGA
GAACCATCTTATATCCAGGGTAACGGCATTTCGGTCAGAAGGACAACCTGC
AAAATCCTGAGAAAAGAAACACTTAGTATGTTTGGTGGA AAAAGAGGTCT
AATATGGCTAGAGCCACATGAATGAGGAGGATGGTGGAAGATGAAATTAA
CAAACCTGGGATCACACGGCCTTGTCTTGTAAGGAGTTCCGGTTAACTGCC
CAAG

>Sequence 820

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGGAAACAGAAAC
AGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAG
CCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAAT
GCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATTATTTGATAACA
GAGGTCAGTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGGAATGGGGGGATTA
TATACCTCCCTGGATTTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATTGAGA
CAGGCACTATAAAAAGATAAT

>Sequence 821

AGGTACTTTTTTTTTTAATTTTTTTTTTTTTTTTTATGTAGAGGTAGGGT
CTTGCTATGTTACCCAGGCTGGGCTTGAACCTCGGCCCAAGCAATCCT
CCTGTCTCTACCTCCCGACAAGAAAACATTTTAAAATTACATTATATTC
TCTAGCTTTGTGCTGAACCTCTGAAATATAAGATGAAACAGAACTGGCC
CTGCCTTGAAGGAATTTACAGTAGTGTGGGGTGGGAAGCATGTTTCATGTA
GAGATATAAAGAGATATAAAGAATTAAGTGCCAATTGGAAGTGAAGTTTT
TCTTCGGAGTAATTAATTCTAACTGCAGGTTAGGCGTAAGGGGATAAAGG
CTTCTCAGAGAAGGTATCATTTTAGCTGACTCTTGAATCAGGATTTTTAG
TAG

>Sequence 822

AGGTACTTTCCTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAAGCATC
ATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGA AAAATACAATTACTTAACAG
TTATGTGACCTGGGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAAAATGGA
ACTAAGTAACCCTCATAAGAATGACGTAGTGTATGGACACTGTTTGGCCC
AGAGTGGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTATAGTCT
CTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCTTCCCATTTTGTG
TATGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGAAGTGGTTGGTAAC
TCTCTGGGCACTCAGGATCTCTACACTTGGTAGTTGCCAGCAGCCCATC
ACTGTGTCTTTCACCCCTAGGGCTCACAGTGA

>Sequence 823

AGGTACCTCAGTTGGAAATGCAGAAATCACCTGCCTACTGCATTGATCTC
GCTGGGAGCTGCAGACCGGAGCTGTTCTTATTCAGCCATCTTGCCAGCAG
GTATTTCTTTATAGCAACACAAGAACAGCCTAATACAATTTCCAGTATCA

Table 3

156/1077

ACGGGCTGTTACAAGTTCCCCCTACCCCTTCCCAGTGGGATGGAGACAGT
GGAGTGTCTAAACTTTCAACATCGTCCAGAAGTAAAGAGGCCACTCGCTC
CCTCTTCCCTCTGGTGTCAATGGAGAGCCATGTGGTAGAACAGTGAATGA
GGACAACTCCTTATTCTTTTCCAAGTGGGATCCAGCAAGAGGC
CCTAGAAGGGGGAGCCCAAAAACCTCCCTAAGTCCCACCCATGGCAATAAC

>Sequence 824

CCGGGCAGGTACCTTTATCTCTTTACCTCTTCCTTTCTTTCTACCTGAAG
GTTACAGTAAGTCAGCCATCATGTGACTATGAAGCAGCAAGCATTGCCA
AGGCAGGTAAAGCAGAAAGATAAAAGGAACCTGGGGCTTTGATATCATAA
AGGCAACAACATTATTGTCAACTGTATTAGGAGAAAAATAAAGTCTTCCA
TTGATTCAAGCTACTGTTTTTCTAGCTTTTATTACAAATAGCTAAATATTA
TTTCTAACTGATATACCATCAGAACTTACCTGGACAACCTTTCTATTAAT
GACTGAAAAAGCGTGTGTCTTTCCAGTTTCCTTTACTTTGGTTAGAGTTG
AGGACTAGACTCTGGATATAA

>Sequence 825

AGGTACAGAGGTGGCTCAGACACTGCCTGCCCTCTGGAGCATATAGTCCA
GTAGAGAGGGAGGAGGCTGGGCTTAGATGGATATGGAGTTAGACAGGACT
AGCTAATGCAGTCAATGAGGGAAACACGAGGGTGCGAAATATGACCCTCA
GAGGAACAGGCCCCCTGACTCAACTCTTTACACCAGGAAACACACCCCT
GTGAGAAGGGGTGGTTAGCTTTTAGCTGAGTACTCCAACGGAGATTGAGC
TGGAATGGCCTTGGCTTAGCCTTTTGATGGATTTAAAACCCAATAAAAGG
GAAATAATTATTCTTATTGTAAAATTTTAAAATTTAAAAAAATAATCCTA
ATTCTAAACAAAAAAGGTTAACCCAACAAAACCAATATGGTTAAAAAGGA
ATAAGGCCTGAAGTACTTGGGGAAGGAAGAATTATTTAGCCCATAGTTTA
ATATTAAACCCCAAAAAAAGAGTATTGGGTGCAATCCAAGAAAATGGTGGT
CAAAGGAGGA

>Sequence 826

CCGGGCAGGTACAGGCCAGGTGAGCCACCGCGCCCGGCCTACACAGTTTG
CATTTTAAAAGATTACTTTGTATACCCCTAGAGAGGTTCCCCCCCATGGA
ATTCTATATTGTCTAACTGTTTTCTGATGACATAAAATTTCTCCTGAGTC
TTTGGAATCAATTGAAAGGAAGGAAGAATTGCAATGGCCATTCAGATT
CCTCTCACCATTGATTGGGTGGTTCTGACCACTTTACCATTTTTTTATG
TTGATTCTGATCAGAGGAAGATGGCTGAGGATTAGTAAACAGAAACCTGG
ATAACTGTAGGTGGGCCTAGGTAAAGAGCAAGGACAGTAGAGCCAGACCA
CTGAGTTTGAATCCTGCCTACACTGTCTAATCTCTGTGCCTCAGTTTCC
TCTTCTGTAAN

>Sequence 827

CTCCACCGCGGTGGCGGCCGAGGTACCGGCTGGGCAATGAGGGGACAGTG
TTTGCTATCAGACAGCTCACTAATGTAGAAAAAAGAAAAGTGGAGTGGG
AGACTATAAATGAGACCACAGGGTTAAATTGCAATGCAAGAGGAAAACAA
TAAATACTTTTAGAGGCTATTTATGTTTTGCCACATAAAATCCCAAAT
AATTAATTTACCCTTGACAAGTTAAGCATTCTAACATTGGGATTTTGTTA
ATTCCTCTCCCTTTTAAAAATACAATAAATGTAGACTTGGGTCGTGGATG
GCTTCACAACACTGTTAATCTCCAAGCAACTTTTGTGTGATAGTTCAAAG
TGTTGGTGTGTTGATTGGCACTAGAAGCTTCACGTGAGTTTTTAAAGTA
CTCAGTCTCTTGGTGTCAATCTATTGAATTGATAAACCCCCCATTTCTTCT
TACCTATATAATTTCAAAAAAATATTTTATGTCCTGGGTCCTTTGTGTCG
CCACCTTGGCCGTCCTCTTTTAAAATTCCCAAGACTTT

>Sequence 828

CCGGGCAGGTACTATAGTCCAAGATTGAAATCTGTCTTATTAATCATTTT
CCCCTTCTGTCTCCCCTAATTGCCTTACTGTATGGCTCCTAATGACTTCT
AGTTATTCTTTTGTTCCTTCCATTAACCTTAAAGGATATGTGTATCTTC
TTTTTATGTATTCATAGAAGATACCTAAAGGAGATATTGTATACATATAT
ATAAGATGTTTCATATGTTCTAATTTTAAAATAATTGTTAAATGTTATGT
AGATACATACCCTGTAATATGTATATGTAATATGTAATACAGAGAAGTGC
GATTTACGGGGAAATTACCCATTTATTAATCCTTTCACCAGTTGGGTTTC

Table 3

157/1077

TGTCTTTCTGTGCTATGTTTGGCTTTTATTGAATCTTTTGGACAGTATCC
TTGTTGTTCTGTGTGCTTCA

>Sequence 829

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAAAGCCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGTGCTATTTGG
CCGTTTCAGTTGTGATGTTTTTTAAGTAGAGTGTTGTGATCAGAAGGGCC
CTTTAGAAAGATTGTGGCTAGAATATGGAGAACAAAGAGGAGACCACCAG
AGTGGATGTGGGAGGCCAATATGTAGGTTATTCTAGTAGCTTTGCAGTGA
CTTACACAAAGGCAGTTTTAGCGGACTTGTTTCATGAGTTACCTAAGAGAT
AAAATTGACAGGACTTGAGAATGAGTTAGATGATGGGG

>Sequence 830

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCGCCCAACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTTA
GAAAGGTTTTACAAGTTAAAAGTAAGTCAAAATCAATTAGGCTTTAATTT
CCAAATCCTGAAATGGGTTTAACTTCTTCCGGGAAATGGTTTCCC

>Sequence 831

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTGGCAGGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGGATCACTGACACCTAGGNGCTCCGAAGCGTTGTGTGGCCACAA
TGGA AAAAGTCGAA

>Sequence 832

CCGGGCAGGTACTCAGCTAAGAAGAGGATTGCTTTGGGCATAGGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTCCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTCTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGTATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCGATGCTTAGG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGCCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACCTTTTTTT
AAAAGTAGGTAAATTAAAATTAATAATCACGAGTTTGTTTACATTTGTCCC
ATAGGTTCCCTAGTGCAAAAATGCAGGGAGATAAAAAGCAAACATTTGAACT
CAGTG

>Sequence 833

AGGTACCCAAGTGACATGACTAATTACAGTAACCATGAATTCAGTGCCTG
GCCATTTATCCTAGCAATTTCAAGTCTCAGGAATCTCTTGACGATTAAG
AAACCAGAGAGACAACCTATATGTTTAACTTCTACCTTCTGTCCCCTGAGA
AGTCACTACTCATCTTGCTTCCCTCAGGATGAACTTTCTGTTTCTATGTT
TAAAAGTCTGCAAAATAGATTTAAAAAACAACAAAAAAGCAGACTCAG
TATGAGATCAAACCTTACGAATCATTGTCAAGGTCATTTTTTACCTCTTC
TATACCTAGACTACTGGGTGGGATAGTGCATTCATAAAATTCCAGATTCA
ATGCTCTCATTTCCATCGTGACAAAATGCTACTTTATGAAGAATTATG

>Sequence 834

CCGGGCAGGTACTTGGATTTCCCTTCCTTTGTTGACTCAACTTGAGAGCTC
TCATTGTTTCCAGAAGCACTTTGTTGAGGCTTGCTTTTGGCCGCTGCATC
TGGAAGCTTAGAGGCAATATTCCTGGGTGGGAGTAACATCCGAGTTGGAT
TTGATGTGATTAAACTCAAAGGGGGAGGAGGCTGATCACGGAAAACAGAT
GTCAAGCAGAGCTGCACAGTCTCTTTCATTGCTTTCATCTGTGACTCCCT
GTCAAGAGCTGCTTTCTCCAGTTCATTTTTGGCTACAGCTAATTTTTGTT
CCAGATCAGTAAGCTGCTGCGCCTTAAATAATAAATCCTTCTTCCATAA

Table 3

158/1077

CGAAGCTCCTTCAGCTGGGCTTGGATTTTTTTTGGACTCTTCTGCGTGAAT
GCCACAGAGCTTGTTTCCTGACAN

>Sequence 835

CCGGCCAGGTACTTCAGAGCTAAGATAGCTCTTTGGGTTCTAAATTCTGC
GATCTTCTTTTTGATTTCTCTTGGAGCAATAATGAAGGCCAAAACATCAAT
AAACATAACAACTGGGTAAGGGAGACCATTGAGAAGGACTAAGGACACC
TTCAAAGTTCTGAGTGAGTTTAAAAAGAAGAATGATGAAAACCTTTGATAG
AAATATGAAAAAAGTATAGGAACTTGTATGGCTTGAACTTCTTAATGT
TTAGGCTAATTATATTGAAGATGACAGTGGTCATTGAGAAAAACAAAATC
CCCAAAGCAATTTTGGAATAAGGGCCAACATTTAATACTTACCATACAAC
TATTCTAAGTATTTTACTATATTCACCTTATAGCAACTCTAAAAAGCATGT
AGTATTAACAGAGAAATTGAGGCA

>Sequence 836

CCGGGCAGGTACTTCTCTGCTGAATTAAATAGAATCCATTGATTTTCATT
TAACTTTTACTTAATGATTTGGTATTGTCATTATGAGCATAAATTATTAT
AATGTAATGAATAAAAAATAATATAATAACAAATATATGCCCTCTAGGTTAT
AAAACACTTGAAGGACAGGGCCCCAGTATGTTATTCATCAATGTATCCCT
ACTACTGCAAGCATCATAATAATGGCTTGCATACAGTGGTGGTCACTTAT
GAATTATAATTAAGTATTGCATTAAAATGCTGAACGTGTATATCTAGCTC
ATCTCCACCTGAAAGTCACTGGGAATATATACATGTGTGTATACACACAT
ATACACCTGTGTGTCCATATGTAATATATGTCCTTAAGTGTATATATACA
TTATATATATACC

>Sequence 837

AGGTACATTTGTTGGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTAACTGAGGTAAGGAA

>Sequence 838

CCGGGCAGGTACGCGGGCTCCACATAATTGCTGTTCTCAGATATAGAGAT
AAGAAGTTTTGATAGCAAGTTTTCTGTTTAATGTGTAATAAGCACTTTCT
CTTTTTTTAATTCTCATAGGTGAATCATCTCTAATCATGAACAAGTTAAA
ATGCCCTCATTGTAGCTATGTAGCCAAATACAGACGAACACTAAAAAGGC
ACTTGCTCATTACACAGGAGTGAGATCATTTAGCTGTGATATTTGTGGA
AACTGTTTACTCGAAGAGAACATGTAAAAAGACATTCCCTGGTAAGTAA
CTTTAAATACAGCTGATCTTTGAGATAAACTATATTTATGTCAGTGAAGT
TTAAAGGGATTTAAACAGTTAATTGTGAATTTAAAGAAGATTGTCTCCTA
AATTGCTTTAAACAGTTTGACTTTATGAACTGATAGTGAGCTTTTTTACAG
AGAAACCGGTGGATTCACTCACCTATAAATGGGGGGGTAAATTTGAGTG
GTTCCAAAGCATTCTATTATATATAATAATCTTATTTTGGATTTTTTTCC
CCTTCAAATAANGGGCATTAAAAGGGTTAAAAATTCCAATGTTTTGTGGG
TTAAAAAAACTTCATGGTTTCAACCGGGGGTTGGATAAAACTAGGAACTT
AACAGTTTGGCGTTGGGTAAACGTGCCGATTTAATACCAGCCGAAAGGC
CGAAAGGTGTAACAGGGCAAGGTTCCAATTCCTTGGGTTGAAAATCCCA
GAAGATTAACCTTGGAACCTTTTAA

>Sequence 839

CCGGGCAGGTACGGTTATAAGGGAATTGGGAAGTCTTCGTCATGGGAGAC
GTATCAGAATTCCGGAGGTGACTTTAACTTCAGATTAGATTCTAGAATCA
GTTTGCAAAATAGAGTCATTTATGAATTTGTATTTTGACAAAAAGTTCAT
CAACACCTTTTATAATATTCTATGTTGTGGAAAAAAGTTAGGAGCAACCT
GACTCTGTATGTGATATTATGACTTCAAAGGAGCTTGGTCTTCTCTCTC
TCTCTCTCAGAGGAAAATTTTAGTGTGCTCATAACTTAATATAGACCCTT
TTCAGACATTTCCGGTTGGTTTCCTGCTTCTGATTTACCAAATAATGCCAC

Table 3

159/1077

ATTGACCATCTTTGATGCCCTAATTATGCCCTGGAAATCCTTCTAATAAA
ATTGAATTTTGGGGTCCGG

>Sequence 840

CCGGGCAGGTACACATAGCTCAGGAACACTGATGCACTGCCTTCCATTT
TAGTGGCAGTTTGAATTTAAGAATTTCTAGTTTGTCTTAAGCTTTTCTGT
AATCTCTCACATATATATTCTTAATTTCAACTGATAATTTCTTTCTTAAT
GTCTAATATAGCCTATTTGCCCTCTGAACAGCATTGAGATGCTTTGAAAT
TTTAATGCCCAAAAAGTTGGCTTTGGTAAGGTGGTCTTCATTTCTGCAGT
AGAACCATGGTTGAGGCTAATGGTCCCATCAGCATTAGCAGGCCCTTGGC
TAGTTGCACAGTAACTGCATGTTTCCCCTAGTAAAAGAGATAACCCCA
ACAGTTTTAGGATTAATGCTGAGTTGTAGTGTCT

>Sequence 841

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGA
GACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTT
GATCCGCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCC
CCATTCCGGGCCTAACGAGACTTAATTTTTACTTAACTTAGATGGCCGT
TCATTCATTTTGCTTAACTCAGCGTGGTGCCATGGAATTAAGTTTGGTGC
ACCTGGTGAATTTCCAAAAACCCACACAAGGACATTTCTTCTGTTTCATTC
AGAGGTAACCTCACGAGCGCTTAGTTGTGGAGAGCATAATCCCAAATGTA
ACATTGGAAATTTATAATTTTCAGTTAAACACAAGAAATGACAGTTGTTA
TTGCGCTAAAGAGGTAAATGTTGTTAAAGAAGACTTAGGCCAATGGGATA

>Sequence 842

CCGGGCAGGTACGGTTGCTATTTATAGCCACTATCATAACATACTGCTGC
CTCTAACTCCTGGCCTCAAGCGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTCGGTAGC
TGGGACTATAAGCACATGCCATCACACCTGAATTAAGGACACTTTTTGTT
GTTAGTATTAATGCATTGGTTCAGCTGAGCAAATATTTAACAAAATTCTA
CTAAGCACCAGGCTTTCTTTTCTAATATACAGGTATTAATAGTCATTAGC
CTGAGGCACATATAATACACAGACTATTTGAATGAATCAGACTGATGATA
CAAAGTATAATTGATGAGAGACATGTAGTCCAACCAGAAGATTGAGGACA
ATCATCCT

>Sequence 843

AGAGAACGAAATAATTGGAAAGACATTACCACTCGTACGGATGGGACGAG
ACACGACACCGGGACAGGGTACTATTTTTTTATTATTTTTATTTTATTA
CTTTTATTTTTTTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTAATAATTTTTTATATATA
AATATTATTTTTTTATTTTATATAATAAAAAATTAAAAAAATAAAAAAA
AAAAAAATTAATAATATAAAAAAATAAAAAAATAAAAAAATAAAAA
AAATAAATATAAATAAAAAAATAAAAAAATAAATAAATAAAAAA
AAAAAATAATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAAAAATAATACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
ATATATAAATTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA

>Sequence 844

ATGCGACGCATATACGGACATATCGGGCGAATTGTAGCTGCACAGCGCTG
GCGGCCGCCCCGGGCAGGTTCCGGGCCTTGTGCTAACACCTTAGATGGGT
TATCTCTGAACCTTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTA
CATTTTACAAGTATGGAACTGGGGATTACTGAGGTATTTGCCCAAGG
TAACACAGGATGGTAGAATTCTGGAGCCAAGAGTTGGAAAACCTGGGTTAG
NTTTGCTTCCAGAACCCCAATGAATCTTAGCATCCTTAGATTGTGGTTCC
AATTAAGGGGCTTCTTCTTTTTTTCATTTCCCGTTTTGTGTTAAAAAGTAG
AAAGGTTTTTTCACTTTTTTCTTTCTTCAAAACCCAATTTGATGAAAAAC
AAACCTTTGGAAAACCTTGGGAAAGTTGCCAAAAGGGGGGAGGAAATTTCT
TAATAGGAAAAGGCCGGTTTTTTTTAAAAAAAGG

>Sequence 845

AGGTACACAGAGACACGATCCACAGTTGTGTAGGAATAACTTCCTAAACA
TCTTTAGGATCTACCTCTTTTTCCTGTTCCCACTGTTATTTCTTTGTTTC
AGGCCCTTAACATCTCTAATATACACTAGTATTTCTGTCTTCACACTGTT

Table 3

160/1077

TTTTTTTCTTTACACAGCTCTTTTCATAGCCCCCTCCATTAGCACACAGAT
TGGAATTGTGTCTCCTTGTTACCCACAGAATAAAACCCAATGTTCTTAAT
ATGTAGTCTTAATATAGACTCTATAAATAGCCCCCTTGTTAATCTATCTT
GAATTACTCACTTTTAGGTTTCAGCTCCCTACTGAGACCCCAACTGGCTT
TACCTTTTGTTCCTCCTGG

>Sequence 846

AGGTACTTGTCTTCAATTTTGGGAAATGCTATTATTTGATAATTTCTCT
TTTTGTATTTTCTTTGTTTCTCTAGATTCTTAGTTTTCAATTTTGTCTTT
CAAACCTTGTATTTAATTTTATTCTGCTTTCATATGTATATATAATTT
GTCATTCTGAATGTTCTTTTTTTATTACCCTTACCTTATATTTTCATGGA
ATGCAAGTAGCTTTAACCTTCTTTTGTGATAATTAGTTTTTTAATTTGAA
CAAATAAAAAAATTTGTGTTATTATTTGAGCTTGGGGCTTTGGGATGGTC
TTCAACGGCCATGTTAAATTCGGTAGACACCTTTTGAGTGCGAGCTCAAA
GGCCGTGGTTGGATTGCCCCTTGAGTCTCCATGGTAATTTTCATTGACCC
ATGCTCTTGGGCCAAACAACAGGTGGAAAACCCCAATCTTCTACTTAAA
AATTACAAAATAAAAAATTTAGCCTGGTCCAATTGGCGGGTGTGACACC
TTGTTAGTCTTCAGGCTACT

>Sequence 847

AGGTACGCGGGCACCCACACACATCTTACTAGACCAAAAAAGAAAACCTTG
TCAAGCAAATAATCTCCCATTTCTTGGGTCATTTGGAGAGATAACACAGG
CCAGGTTATATGTCCTGAAAGATGAGAATGTGTGAAGTCCCCAGAGAGTC
TGATACTAGGGCCTTCTTTCAAGGGAGTTAGTGGATTTGGCCGGTTGCAA
CCAGCCCTTGGCCCCCTTTGCCATGCTCCTGAACTTCACCTTGCACCAA
TCATGGGGTTGCTTGGCTGAATGCCCCAGGGCTTTTCATGGACTGGAGGC
ATGTGCACTCCTTTAGCAACCCTCTTCACTCTGTTTAACCCAAACGGTAG
GATTTTGACGGGGTCCGGAAGGGCATTTTTAAATTTTGGAGAAAGGGATG
GGAAATGGTCTGAAGGGGCAAGGTAAAACCTTTTAACAAAGCAGGGAAGGT
CTGGCACCCCTGGCCTTGCACATTGAGAAATCCCCCTTATTGGGCAATTG
GAAAGGTAGGGGGGAGG

>Sequence 848

CCGGGCAGGTACACACATATAATTCAGCTGTGATTTTTTAAAAATGTGAAC
TTCATACTGGCAGTCACGGATCCTCATCATTTCTCAGCTTGATTTATTCT
CTCTCTCCAGGCCTGGCCGTCTCCAAGTCATCCTCTACAAAGCACTCATG
ATACCTTTTGTAAACCACAAATCAGACGTCATAACTCAGAATTTTCGGTC
TGCTTGGGGCACAAGACCATTTTGTATCCTCTGTGAGCTGAACAATGTC
TCTGCACCCTTACACTCAACTGGAACACTCTGCAACTACAGAAGGCCAAA
GAGGCTTCCAAGTTCTCTCTTCTGGGCCTCTTCTCACTCACTCTCTTTTC
TAAGGT

>Sequence 849

CCGGGCAGGTACAAAAATTAAGATTTTACAAAATAACAGATGCAAGATCT
GGCAAATGATTAATTTGGGGAAACCATGTCATTTACTACATCCAAGTAAG
TCTAGTATTTCTTGAATTTGGAAGACAGAACAAAGTTCTGCGGCCCTCG
TGAACATTTCTCAACAGGGTTACGGGAAACTCTGTTATTTGAATGTGTA
GGGGACAGGGCGTGGCAAAGGTGCCAGTGGAATTTAATACAGTCAAGCAG
GAGGCTTCTTTTGA AAAAATACCCACGAGGCTGCCAGCGGAGTTCACCAAG
GGGCTAAAGGCAGCAATCAAATGAAAAAAAAAAAAAATTA AAAAAGTACCT

>Sequence 850

AGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAAGGATAT
GAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGACACATGA
AAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAAACCACA
ATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCTGGGCTTTCCGGGCAACGTGCTA
GAGCTTCTGGGAAGCAGTCGTGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCTTCGGAT
TCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGTCTGCCGGCCTCTGGCGTTTTGCTG
AGGGGTAACTCGGAATGGCTAGAAACAAGAACACTGAGATGGCCCAGTC
GTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGTGGTGGCAAAGAAAGGCGCGCCGACA
GAGTGCCCAGTCAGCTTGGTCAGAGTTCTTTACAGGTTAGG

Table 3

161/1077

>Sequence 851

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGGCACTTTTACTCTGATGTCGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTTGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAAATTTGGTGGACCAAGCCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACCTTTTAGAGCAGCACCCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCAGCCCTGCCTGAGAGCTCAAATGTCTACAGGTAT
TGTTTGGCCTTTGAACAGCAACATTGTCTCTTGCAGCAATGTGAGCCACC
TACTTGGGGCTTTCAGGCATGGCTGAGACAAGTGGAGGGATGGCCTTTGC
TATTATCTCTATGTGCTCTTTCAACTTCCTATAACAACAGCACCCCTCTGC
TGGAAGAACAGAGGCACTTGAGAAAGGAGAGAGAACTNTCTATTTGAAAT
ACAGTTATCATGTATAAAATAATTTTAAAAAATTAGGTTCAAGGGGCATA
TGTGCAGGTTTGTTAGGATTAACTGGGTCATAGGAGTCATTGAACCTT

>Sequence 852

CCGGGCAGGTACAGTTGTAGTTTATCTGCATAGATAATATCAACCAAGTT
AGACCCAATAAAGAGTAATATATAGAATGACTATTTAAAATACTATAGGG
AAAAGTTGGATTTTTTTTTTTTTTAAAGCTAGATTACCCAAAGTTAAATTT
GGCCAAAGTGGATATCAATTCCTAGACTTGGGTTTTAACTTAAATGGATT
TATTTATGGCCTCTAAGACAATCATTTTATTCTCACTGCATTCATGAAAT
AATTCATAACACATTTCTCCCAGAGTTGCTAATGCAATGCTCTTTCCCT
CAGTGGAGTCATCTGATTGTTTTAGCGCAGGCACTATCATCTCACCATCA
GAATATATAAGAAATGTTTGACCTTCAATTAAAGTTGCAGAATAT

>Sequence 853

CCGGGCAGGTACGCGGAATTACATCACATCTATATGAAAAATCAATCTGT
TTTTTTAGTTGCTGAAGCACTTGGAGACTCCAAAGTAAATCAAATCTTTA
CATCAATTTTCCAGGAAAAGAAAATGATAAAAATCTTTGTCCTTGAGGTT
CCACTTGACAGGGTCAAAAGCAATTCTTTCATTGCATTATACCATAACAC
AAATGAGAAAATGCAAAGATTTTCAAGAAATGCTCTATTTACATATTAGCT
TCTTAGTTTGCCTCTGCAGCTGAGCAAGTGTTATTAGGCACAAGAAATTT
TATTGAATTCTTAAACTGGTCTCGAGAATTTTCGTGATGGATGGTTTACTC
AATTTAAAACAGATCATCTGGTGAAATTGCTTTCAGGTTAAAAGGAA

>Sequence 854

AGGTACGCGGGGTAAGTTTCTGATGGTATATCAGTTAGAAATAATATTTA
GCTATTTGTAATAAAAAGCTGAAAACAGTAGCTTGAATCAATGGAAGACT
TTATCTTTCTCCTGATACAGCTGACAATAATGTTGTTGCCTTTATGATAT
CAAAGCCCCAGTTCCTTTATCTTCTACTAAACCTGCCTTGGCAAATGCTT
GCTGCTTCATAGTCACATGATGGCTGACTTACTGTAACCTTCATGTAGAA
AGAAAGGAAGAGGTAAAGAGATAAAGGTACCTGCCCCGGGCGGTCGAGGTA
CAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAGCAAGG
AAGACAGCATGTCTATAGCATTGGGAGGTGGAAGGATAATATACAGTTGG
TGAGGTTAGAGGGGACCAAATTT

>Sequence 855

AGGTACATGGTGTGTTTCTTGTGCCCCAGGAGAGAGCCTCCCAATCAACTCT
CCTGTTGATCATTTTCCCTTCTTCAGCACTAATCATGAAGCTGTCTCCAA
AATGAGACCAAAAACAAACAAAATCAGACTCAACCTAAAAGCCTTTT
TTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGAGACAGAGCCTCGCTGTTGTCGCCCA
GGCTGGAGTGCAAAGGTGTGATGATTTGCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTC
CCAGGTTCCAGCAATTCTCTTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGAGATTAC
GGGCCCCCTGCCACCACACGTGACTAATTTTTCTATTTTATAGTAGAGATGG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTTAGGTGAT
CCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTGCT

>Sequence 856

GGGGGGGGGGTGGTCGAGGCCGTTAGTCATACGGGCTAAAGTTAGCGGCA
ACGCCCTGGCGGCCCGCCCGGTCAGGTATCAAGATTTTTTTATTGCGAATTT

Table 3

162/1077

AAGTCCATCAATACCTGGGGAAACACAAAAACCTGGTGCTGCTGGAAGGC
TGCTGCACTGAAAAGCTGCCACTCTATATGGTGTGGAGGATGTGGCCCA
GGGGACCTGCTCGGCTTTCTCTGGACCTGTCGGCGGGATGTGATGACTAT
GGATGGTCTTCTCTATGATCTCACAGAAAAACAAGTATATCACATCGGAA
AGCAGGTCCTTTTGGCGCTGGAATTCCTGCAGGAGAAGCATTTGTTCCAT
GGGGATGTGGCAGCCAGGAATATTCTGATGCAAAGTGATCTCACTGCTAA
GCTCTGTGGATTAGGCCTGGCTTATGAAGTTTACACCC

>Sequence 857

CCGGGCAGGTACGGTTGCTATTTATAGCCACTATCATAACATACTGCTGC
CTCTAACTCCTGGCCTCAAGCGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTCGGTAGC
TGGGACTATAAGCACATGCCATCACACCTGAATTAAGGACACTTTTTGTT
GTTAGTATTAATGCATTGGTTCAGCTGAGCAAATATTTAACAAAATTCTA
CTAAGCACCAGGCTTTCTTTTCTAATATACAGGTATTAATAGTCATTAGC
CTGAGGCACATATAATACACAGACTATTTGAATGAATCAGACTGATGATA
CAAAGTATAATTGATGAGAGACATGTAGTCCAACCAGAAGATTGAGGACA
ATCATCCTGATGTAGATTTTCATTGACTTTAGTCTTGGA

>Sequence 858

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAA AAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGG

>Sequence 859

CCGGGCAGGTACCACATTTGTGAATTTATGCCACAGACTTATTTACGTAG
TGCATAAAAATTATAAATAGAGATAATGATTGCAGCATGGTTTAGAGTAG
TAAAGGACTGGAAACAATCTCCATGGCACTGATAAGGCAAGATGTAGGGA
GGAGAAATGGGGAGTGACTGCTCAGATACAGTGCCTCCTTTTGGGGGTGA
TGAAAATGTTTTGGAACCTTGATAGAGGTGCTAGTTGCACAGCTTTGTGAG
TTTTCTACATGTCACTTAATTGCACACTGAAAAATGTTAAATGTGGGCTG
GGGACAATGGCTCATGCCTGTAAGCCCAGCATTTTTTGGAAAGCCAAGGTGG
GAGGATCTCTTGAGGCTAGCAGTTCAAGACCAGCCTGAGCAACATAGTGA
GACTGCATCTCTACAAAAATTTAAACT

>Sequence 860

AGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCAACAGCT
GCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATTGCCATT
TGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAGATGATA
AAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCTTCAACT
TGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTGTTTGGC
AGCCAGACACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGATCTTTGC
AATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGATGACAG
AAAATTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCCTTGGCA
ACAGG

>Sequence 861

AGGTACAACTATTTTCACATCCAAGAAAATTTGAGGAGTTCTAGGGCAAA
TGTAAGAGATAACATTCCTTGCATACCTGAAGAGAAGAAATATGGACAG
ACTGAGAAAATGATTTTTTAAATGACAAAATAGGCTGGGCAGAGTAGCTC
ACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATTGCTTAA
GCTGAGAAGTTTGTGACTAGCCTGGGCAGCATAGCGAGATCCCATCTCTA
CAAAAAAAAACCACAAAAAATTAGCTGGGCATGGTAGTGCATGCCTGTAGT
CCCAGCTACTCTGGAGGCTAAGGTGAGAGGATCGCCTGAGCCTGGAAGGT
CAAGGCTGCAGTGAACCTGTGATCG

>Sequence 862

Table 3

163/1077

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCATTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAAGACTAATGGATATTTTTT
TCTTCATAAGGCTTGGAAAAATATTATCAATTCACCATTA

>Sequence 863

CCGGGCAGGTACACCCAAAGAAAATTAGGAAAACCTTAAAAATAAGCCAGA
TAATATTCAGTGATAGGACACCTTTTGTTTTAACATTACCGTGTTAAACA
TCTATCCCTCTATTGTGGGTATATGTCCTTGCTCTCACACTACTCTGTGT
TTCTCGAGGTAAGACAGCTAGTATTTTATTCTGAATAGTGCCTACACTG
AGAATTTATAGAAAGGACAGCAAAATTATTTGAAACATGAAAAATGTTTT
AAAATGAAAATAGTAGTCCACCATAACAAGTTCTATCACAGTTAATATAA
ATTGAGCACCCCAATCTAAAAATTCAAATCCAGAATGTTCCAAAATCTG
CAGTTTTTGGAGCAGTGACATAACGCCATGAGCAGAAGATTCCACACTTG
ATCTCATATGACAAGTCAC

>Sequence 864

AGGTACAGTATGCCTTAAATGTATAGGACCACTGAGTTCAGGAAGAAAAG
CATAGGTATTCTGTAGGTGAATTACACTAACAAAATCACAACCTGCAGAAT
GTGATCTGATACTTTTGTGTTGGACAGTAAAGCTAATACATTTTATATACAC
AGTCATACCTTTTTTTTTTGTAAATGTGTTTCGTTAACGTAAGCACACAGTC
ATCACAGACTGAGACAGGACTTTGTTAGACCAGATCTTGTGAGCTAAATA
TTTAAGAGCTTAACATATATAAATGATTTTAAATTGGTATTGGGCGAAGGA
AACCTAAAAATGCTTAAATTGACAGATCTTACAATTTGCTTACTGAAAAT
TCAGAAAGCTTTTATGAAAACCTTTGTATTTT

>Sequence 865

AGGTACAGTATGCCTTAAATGTATAGGACCACTGAGTTCAGGAAGAAAAG
CATAGGTATTCTGTAGGTGAATTACACTAACAAAATCACAACCTGCAGAAT
GTGATCTGATACTTTTGTGTTGGACAGTAAAGCTAATACATTTTATATACAC
AGTCATACCTTTTTTTTTTGTAAATGTGTTTCGTTAACGTAAGCACACAGTC
ATCACAGACTGAGACAGGACTTTGTTAGACCAGATCTTGTGAGCTAAATA
TTTAAGAGCTTAACATATATAAATGATTTTAAATTGGTATTGGGCGAAGGA
AACCTAAAAATGCTTAAATTGACAGATCTTTACAATTTGCTTACTGAAAA
TTCAGAAAGCTTTTATGAAAACCTTTGTATTTTAAATATTTTTTGTCTC

>Sequence 866

AGGTACAAGCAGTGTTCTGAGTAGTGAGACAAGACCTCTCTACTAAGGTC
ATCCTTTCAATAGAGCCCCTGCAGGGAATGAGGGGGTGAGCCACACGTGT
ATCTGGGGTAGGCTTGGGGGTGTGGTGATTGTGCAACAACAGTCCAGGCAA
AATGAACAGCAAGGGGACAAGACTGGTGGACCCTCACTGGGCCATTGGTG
GAACAGCAAGGAAGCTAGTGTGGCTGGGATGGACTGATGAGGAGTGTGGT
AGAAATGAAGTCAAAGAGGCAGGATTTAATCCCTGATTTCCCAAGAGAGA
AGCAAAGACACAGGTGTTAATTTCAATCAGTCCTGGAACCCAGACTCAAA
CCCAGGTCTCCTGGTTCTTCATGCACAGACTTGTTCCCTGATGTCTCAGTC

>Sequence 867

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAAAATAAATACCCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCACAATCACAGTAAATTCTTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTTTGGGAGCTGGACAATAAACAACCTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCAATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGTAAATCAGAAGCA

>Sequence 868

CCGGGCAGGTACGACCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA

Table 3

164/1077

GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTAAATA
CAATAATTCTGTTATTGATAAAATT

>Sequence 869

CCGGCCAGGTACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCC
TGGATTCTGCAGTTGTGGGGTCTGCCTGGTGCTGAGTTTTACTGTGGTGG
ACTCAGTGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTTC
CTGCCAAGTGGAGAGTATGTCTTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGAA
AACAGGTGATTTGGATAATGTTAAACTGTCCTTCCTATCCTCTTCAACGT
ATCTTTTATTATTATTGGGGCTACAACCATACTGTGATCTTTCATCTG
GTTTTCTTAAATGTAGTAAAGATATTGTGTGCCTTGGACCATGTCTGGTG
GGCTTATGCCTGGAATCTTATTTTTGGGAGGGCATGGTCTGAG

>Sequence 870

CCGGGCAGGTACGCGGGTATACGCGCACATATACGCGCACACACGCGAC
ATACCCCTCAAGAAGCAATTAAACCGTTGATATGTAATCTTCCAATTAAA
GTAGCTTGATGCCCATCTTAAACTGTAAATTGAGGAAAATAACATTTGTG
GCTGTAATAGATGATTTATGTAGGGCTCTAGGGCAGTCGGAGTCTACATT
TTAGCCAGCCTTGTAACCTTGTGTATGGAATTCATAGTTGAACCTATAGA
GAGCTGAACCCCTCTAAGGTCTTTGAGCAGCTAAGTGGCAGCTCATCTTG
TAATTTTAAGGTTAAACAAGGATGTGTGATGTGTGCACATGCATCTCTCT
CCTTTAGAGACGTTATTTCCAGTTGATGGGCTTTACTGAAAATCAGCGAG
GCCGGTAACCGGCTTACCCTTGTGCACACGTGGTGGGT

>Sequence 871

AGGTACTTTAAAATAATAGACCTTACAAAGTTTTCTAGACAGACTTCCTG
TGAAGAACAAGGAGCAGGGGGAAAGGGGAAGGGGTAGAATTTACCAATCT
GAATATTTTCAGCAAGGGAGAATGCATGAGTTTTACTATAAAACCACACTG
AACATTGCAACAATACTAAATTCCATACATATATAATAATCACTGAGCTA
TAAGGTTGCTGATGTATTTGTTCTTGAAAGTGAATTAGAGTTACTTTATG
CAGAATCAGCTAGTTTTTATGTTTCATAATTGTCTTTCCCTTTTTTGAAC
TTTTTTTTTAAGTCTAAAAGTAGGGGGAAACCAAGCCCGCTTGGTGGTGA
ATTTGGGAAAAAAATCTTGAAATCCGGCTTGCAAATGCTTATTGCCC

>Sequence 872

CCGGGCAGGTACTATGTGCCCACTCTTTCATAGTCAACTAAAAAAAAGCA
GCTTCAATTCTAGCTAGTTTTCTTTTCTTTTCAAATAGAAAAAAGAAAG
GCCAGAAGTCAGCAGTTTCTCTTCCCCTGAGTCCCTGTCCTCATATAAAG
ATATTTTCCCAAGCCCCTTCTGAAAACCTTCTGCTGAAATATCTATCAGAC
AAAAACATATTGCATAAGTCAGACTTAATAGCAAAGGAAGCTGAAACACA
ACTTTTTTATCTAAGCACTTTACTACTACAGCAAAAATTCAGAATTCTAG
TAGGTAAAAAAAAGGAATGGGTAGGATAGGATCTTTATTAGCAACCAAAA
AAGCCTAGATCATTAAAGGGAGAGAAAGAGCTTAGGAATCTAAAAGCAAG
ATTTTTTCTAATGTCCAAACACCAGGGGCAGGATAAATCACCTTACCTTT
ACCAGAACCATCCCCATATTTT

>Sequence 873

CCGGCAGGTACAGGAATTTGTTTAAACCTGAGAATAATACATCAGATGT
TCTTAGATATGTTTTTATATCATTTATTGTAGTTTTAGAAAGCTGTAAATC
TTCCATTACTGGTTTCTGCGTTATTAGAAAGCTATAGGGAATTTGGGTGG
AGAGGACATCTACCCTCCGCCACCAAGTGTAAGAAAGCTGTGAGGGAATT
TGAATTTATGTAATTTCAAAGGAGACATTCATTTTCAGAGAATAACTCAT
TAGGCTCGAAATTTAATAGTTTCAGCTACTGAAGAGGCTGAGGTAGAAGG
ATTGATTGAGCCCAAAGGGTGACAGTCAGGTATGATGAGGCCACTGCTCT
CCAGCCTGGGTAAGAGAGCAAGACTCTGTCTCAAACAAACAAACAAACAA
ACAAAAAAGAAAGTCTATATATCTTTTAACTGTTATTTATTTATCTATNT

Table 3

165/1077

ATAAGCCTGCAGTGGTTTCTGGTGTGCATAAGAAAATGAACATTAGCCTA
TGGAAGGCGGAAATCAATAGTCTTGATTTTGGAGACCACCAAGCTGATCT
CCTGAACTGCAAAGATAGCATCATTTCAAATGCCAATGTAAAGGAATCTG
GGATGTTTTTGAGAAGTTTCAGTATGTTGGTTTTAATTTACTATTTTCTC
CATCATACTCCTTCAAATGAATAATCCAAATGTAACCTAACAGATTTTT
AGTCTTTGAAAACATCTGNTTTATGTTGGCTAATAAAAAGGAACAGGTTA
TTGGAAACCAAATACTGGGTCCTAAATCCTATTTCTAGCACTAATTTTCT
TTGGCCTTAAAGGATGCGGGTATACTGTTTTGCTTATTGAGAATAGTTGG
CAGTTCCATAACCTTTTGAA

>Sequence 874

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTTCATCCAACCTCTGAACCATGTGATGA

>Sequence 875

AGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACTGAGTGC
CTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTGCAGAAG
AGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAAATTGCCGGTAAATATGTAA
AAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAACTGAT
ACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCCAGATTC
CCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGTTTAGCC
AGAAATCAACANCCCTGGGTATTGGGAGCTTGAGGGGTGGAATNNTTCCA
AATTCCTGCAAATGTTTATTGGCTTTACAGCCCT

>Sequence 876

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTTTAGACCATAATTTAGAT
CTTTCCATCCTCCAATAAGATTTACCTTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAAATCTGAAGTCTTTTAAGAACCCAAGATG
GTTTTGGATGTTTAATTTAATGTTTCAGGGATTTTGGAGGTGAGGGGCTA
GAAACACTGACTCCTGCCCTGACTCCCGCCCTGACTCCCGCATTATT
TTCATAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAGGGTATTATGTGGAGA
ATAGAAACAAGAGTAAAGGACTGAGAGTATATTAGAGAAAATCATATAA
TTTTGGCAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGCTAG
AGAA

>Sequence 877

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGAGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGCCTCTGACTTTATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATTGTCTAGGGGATTAAAAATCATAGA

>Sequence 878

GCCGAGGTCCCCTACTATTTTAACATCCAAAAAATTTGAGGAGTTCTAGGG
CAAATGTAAAGAGATAACATTCCTTGCATACCTGAAGAGAAGAAATATGG
ACAGACTGAGAAAATGATTTTTAAATGACAAAATAGGCTGGGCAGAGTA
GCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATTGC
TTAAGCTGAGAAGTTTGTGACTAGCCTGGGCAGCATAGCGAGATCCCATC
TCTACAAAAAAAACCAAAAAATTAGCTGGGCATGGTAGTGATGCCTGT
AGTCCCAGCTACTCTGGAGGCTAAGGTGAGAGGATCGCTTGAGCCTGGAA
GGTCAAGGCTGCAGTGAACCTGTGATCGTGCAACTGCACTCCAGGCT

>Sequence 879

Table 3

166/1077

AGGTACAACCCAGAATATGTCCACAGGGGGTTATGTGGGGCACAGTATA
TATAACAGGGGGATATGTGTGGTCCAGGAGGTGAGAGAAGCAGGGAGAGA
AGCAATTGTTGCATTCTTTGCTTCTGCTGGGCGCTCTGTGATGCTATAT
ATAAAATAAGGTAAGTGTGCAGTTGAGTGGGTAGGGAGAAAAGTGAGGCA
TCTTAAGGCCTGGTGGAGGGTGACTGATTTTCATCCTGTCTTTGTTATGTA
TCTGAGAAGCAGGTTTATAACCAGTAACTGTCAGTGTTCAATATTTAACA
AACTCCAGTTACACAGGTAAGAGGTCAGCAGTAGCTTATAGGTCTCACTT
ATATTATCCACGTGCCCAACTGCAGCCA

>Sequence 880

CCGGGCAGGTACTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCGAGATGGAGTCTCG
CTCTGTCGCCCAGCTGGAGTGCACCTGGTGCAATCTTGGCTCACTGCAATC
TCTGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTTTCCTGCCTTAGCCTCTCGAGTAGCT
GGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCAGCTTATTTTTGTATTTTTAGT
AGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCT
CATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAG
CCACCACGCCTGGCCCTCTGGTTATTCTCTTTAAAGAGGAGAGAAAACCTT
TGAGAGGCCAAAATTATTTAAATAAATCTTTACCTTAGCCCCAGGGAAAA
AAAGGAATTTGCCTAAAATAGGGGAG

>Sequence 881

CCGGGCAGGTACTTTATAGTTTAGGCTGGACATTGGAAAAAAAAAAAAAGCC
AGAACAACATGTAATAGATAAATATGATTGGCTGCACACTTCCAGACTGAT
GAATGATGAATGTGATGGACTATTGTATGGAGCACATTTTTTCAGCTAAGG
AGGGGGAAAATACGTCATCATTTTTTTGGCCCAGCAGTTGTTTTGATTCAC
TAAATCATCAATGGCCAGGAATTACCTCAGCTAATACCTTTATTTAGCTT
CTTTGAAGAAGGTCATAAGGTCCCGGTGGGCAAATTTATTTCCCTGGGC
AGATTTTTTAATTTGGGACCCCCCTTAATGTTGAAGAAGCCATGCGGGCG
TAACCCCAATCTTGGGGGTTTTGTTGGGAGATTAAACACCCGGTATACTT
AGTTGGTATCCATGCTTATGGGGCATTATAACTTCACTTTGATTAAACCT
TTCTATTTACTATTCTAAAATTCTGTCATATACCTCTTTTTCTATCC

>Sequence 882

CCGGGCAGGTACACTCTAAAAGCCAAAAACAGCATGAGCTGAGGCAATAC
AGAGCATAAGCTGGTATCACCAATGCATCCTGGAAATAAAACCTGTGCTA
CCTACTATCTTGGGAATTTCACTGAGAGTATAGCACATTCTAAATGAAAA
AAAGAAACGAAAAGGAATGGTTATAAATTGTTTAAATGTGTAAACAAACA
CAATAGATGTAAGTTACAAAAATGTTTCAGAGTAACAGAATGCACTGATAA
CATTTAAATTAAATATAAAGAAAAGCAGATCTACTTCCAACAAATACATG
GATACATCTTTGTTTCATACAGCAGATGCAGAAATGTAGCTTCTATTTTA
AAAAGTCTGAATGTCCATAAACTGTTCCCAAGATTTGTCTTTAACTTATA
TATTAAGGAAAATTTCTTCTCTTGCATATTCAGAAAAGGTAAAGGTTAT
TATATNTAGAGAGAGGGGGGAGAGAGAAAAAGAGTGAGAAATGGCAGAAAT
GCAAGAGAGAGCCAAAATTTAGAAAACAAAAGACTGAGTTATACCATAT
TCCAAACTGCTTTGGAGAAGCATCACTGAGCAGTGCCTCACCCAACAG
GCATTTCGNCAGCCATNCAAATTATATGCATTCATAAGACACACCGACGTA
CTTTGACCATATGCACCAATTCTACTAAAACACAGTTGCATATATGAGCT
ATGAAGAACATTAGGACGAGTGAGAAACCATGTCTTGTTGGTCAATGAGG
AAGCACAAGTTATATATTTTCTAATAAGGAAGCCCGGAGGTATACTGGAA
AATGGGGTTGCTGGCCAAGTGCCGTGGATATAAGGGAACGCATACCTCTG
CGGCCCGGGCGGA

>Sequence 883

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGGATTAT

Table 3

167/1077

ATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACA
GGCACTATA

>Sequence 884

AGGTACAAAGGAGCATATCATTAAAAATAAATAAATAAATATCACAGGG
AGAGAAAGCATACGCGCTCACCTGAGTCTTTTCTTTGTTTTTCAGGTTCT
CATTCCACATTTCAGTATTAGCCAGTATACCCAGACCTCCGTCTTCTATGT
CTACAATCCTTATTTCTACATCTAACTGTAGAATTCTTGACCTGTTTTGT
CAAGCTGCCTACTGATAGTCTCTATCAGGATAATAACCTGTCTCAATCCC
ACACTGGAGACAAAATAAATTATCTTCTCTACTCCAAACCAATTCTTTTT
TGTGGTCCCAATCTCAATTTATCTTCTCAATCACCCAAAAAAGAAGCCAT
GAGATTGCCTTGACCACAGCTCCTCCCTTACCAGTATATGTAGCCTGTTA
CTAAAGCCTGTTAATTCTACTGCAT

>Sequence 885

CCGGGCCCGGTGCTCAGCTAAGAAGAGGATTGCTTCGGGCATATGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTGCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTTTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGTATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCTATGCTTACG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGGCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACCTTTTTTT
AAAAGGCGGTAAAGTAAAATTAATAATCACGAGTTTGTTTACATTTGTCCC
ATAGGTTCTAGTGCAAAAATGCAGGGTGATGAAAGCAAACATTTGAACT
CATTGAAGTGAGAGG

>Sequence 886

CCGGGCAGGTACCATGGACAATACCATCAGAGTTTCCAAAAGGCTGGTTC
TCACTCTTCTCCTGCCACATGCTTTCCCTCACACCCCTGGTGTGGAATAA
ATGTTAAGGAAAGCTAAGACACAGTTGGGAGGAGGGGACACAGGCCTTTC
CACTCAAGCGCAAATACTTGCAAAAATGCCTGGGTGCCAACAAAGGAATTT
GGCAGAGAACCTGTATCAGCGGCAGCGGCGCATCAAAAAAGAATGTCTAC
CTTACAAGGTGAAAGAAATGGGGGGTCCAAAGATGGTTTTGGGTGGGAAA
TCTGGCACATTAGACACGGAATAGCCTGTGGCTGAGATTCATATTATACA
ACATCCTAATAAAAAAATTCAAATCAACCAAATTTAAGAG

>Sequence 887

GCNCGGGGATTTCGACTCTATACGCATATCGGGCGAATAGTAGCTGCAACA
GTGCTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGG
AGTGACAAGGTTTCACCATGTTGTCCAGGCTAGTCTCAAACCTCCTGACCT
CAAGTGATCCTCCTACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCATG
AGCCACCACGCCTAGCCCTAGTTCAACCATTTTAATTCCTGTATAGTATT
CCATTGTTTGAATATATTGCAAGTTTATTCATTCTCATTTAGTCTGTTTC
TAAATTTTGTACAAACAATTATGTAATTAATATTCTTATACACACCTCC
TATTCATAAGAGTTTCTTTAATGATATGCTCCTATCAAGCTGTGGGGAAT
ACACAGCTTTATGAGATGGTAGCACATTGTTCTCCAAAGTAGTTAAAACA
ATTTAC

>Sequence 888

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA
GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTAGATGTGTGTCCTGAACTTAATGG
CAGGGGAGTGAGAATAATTTTGAAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGG
CTGATGATTAGAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCACTCAA
AATTCATACTAATTTTAATGTTATGGTATTCTAACTACTAGATGGGTAA
GGGGGAAGTTATAGGATTCTGAACAATACCATTAAGAATTAGGATAGGAT
TTTCTACTGTGGTGTACAGAAGAATCAGAGCTAGCAAATTCATAAAAAG
AAAATTTGATTCCCCAAG

>Sequence 889

CCGGGCAGGTACTGGGAACCTCTGGCAGGATCCTTGATGTCCTCTTAATCT
CTTTTAATTTTCATAATACTGTGATGCAGGTATCATTATCCCCCTCTCC
ACTACCTTGTTTTATCCCAGAGGGAAGTAAAGCTCAGAGAGGCTAAGACA

Table 3

168/1077

CTTTCTCCAGGTGACAGACTCTGGAAGGGGCAAGGTTAGGATTTGATTGT
 CTGTCAGATTCCATTATGCTGTGTGCCTCAAATGCCTGGTGATCCTATAC
 GCTACCATGGGCACTATGTGGGGCAGTGCCACTAAGCTCTGCTGTGACCT
 CTAGGGTACCTCTAAAGTTTTATCAGCCACTTGTCAAATGCTTTAGGTGA
 GGCTGATCTATCTATCCTAGTTCTCGTGTATAAAAACCGCCCCCGGGTTG
 CATG

>Sequence 890

AGGTAAGTGTCTTCAATTTTGGGAAATGCTATTATTTGATAATTTCTCT
 TTTTGTATTTCTTTGTTTCTCTAGATTCTTAGTTTTCAATTTTGTCTTT
 CAAACCTTGTATTTAATTTTATTTCTGCTTTCATATGTATATATAATTT
 GTCATCTGAAATGTTCTTTTTTTCATAACCTTACTTATATTTTCATGGATGC
 AGTAGCTTACCTCTTTGTGATAATAGTTTTAATTGACAAATAAAAATTGT
 GTATATTGGCTGGGCTTGGTGGCTCACGCCTGTAATCGGAGCAACTTTGG
 GCGAGCCAAGGCGAGGTGGATTGTCCTTGATCTCAGGAAGTTCAATGAAC
 AGCCTTGGGCAACACAGTGAAAACCCCATTTACTTTACTTAAAATA

>Sequence 891

AGGTACCCAGACCTGCAAGAGTTGTCTCAAACAATAACAACAGTATACAA
 ATGTTAACCCAATCTTAATTCAGAACAGCTTAAATGTAATAAGGTAACCT
 TGGAAACTATGGCGAGCTCTCAGGTAGAAGCTAGAAGCTCTGTTTCACGTG
 ACAGAAGCAGACAGATTGTTAAGAATCTGTTATGAGTGGAGTCCCATGCC
 AGGGCTTACCCTGGCCACCACTTACTAGCGGAAGCCTTGAGCAAATTCTG
 CAGCCGTTGTGAGCGTCACAGAGTGGTGATTGTAAAGATTATATAACATT
 ATCTATGGTCAGTGTCTCCGCATCTAGCACCCCTAAAGAAAATCCAAATGC
 CAACTGTTTTTGTGACAGGGACAAGCACTGGGTGC

>Sequence 892

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTTCATGTGTAGCTTCTTATCACAT
 AGGGAGTCCAAACATCACTTTCTCTGTGAGGGCTTTCTCTCAAAGCACT
 GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACCTGCAACTCATACACAGGCAT
 ACACATACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAAAATGACCATTTTCC
 TTATTTATTGTTTATCATCTACCTCTCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
 AAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCCTGTCTTATTCACT
 GCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATATC
 TGTTTAACAAATAAACTCTCTCTCCT

>Sequence 893

AGGTAAGTGTGAGGCACTCTTTCCCCACTCTCCCACAACCCTCAGCTTAAC
 ACAACTGTGGTGATTGCTTTGTCCGTTTTCCCATGAGGACCCTGAGATTT
 CAACAAGGTTCAAGTAACACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGGGTTGC
 CAGGGAAGTGGCCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCATCTTGTCCTTAATC
 TCTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCTGATTTCTTCAGTGTTT
 TATGCCATACAGTCTCCCTTGAGTAGATGTTCTGTATAGGGGATATCACA
 GCTTCCTGAGAGAACTGTGGTTAAGTCCAGCAGGATGCCTGGGCCTTAGT
 GGCAGTGGAGTAGTGGGGAGGTCTTGATCCCCCATGCAGTTCCTTT

>Sequence 894

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
 AGAAAATATAATTCCTCCAGTTTTATTTATTTATTTTGTCTTAGGA
 TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
 AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
 CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTTGCAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
 TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCAGCACTTTGGGAGG
 CCAAGACGGGCAGATCACCTGAGGTGATCTGGTCAACATGGTGAAACCCT
 GTCTCCAATAAAAATACAAAATTAGCCGGGGATGATGGCAGATGCCTGT

>Sequence 895

CCGGGCAGGTACCCAGTGTCTCATTTTCAGGCCCTCCTCATCTTTATTGGA
 CCATTGCAGCAGTCTCCTAACTGGGCTTAATGCTCTAGTCTCTCCTTCCT
 TCAGTGTGCCCTCTACACTGCAGCCAGTTTCAGGAACACTAATTGAGTCA
 TCCCCCTGTTTAAAATCATTCAGTGACCAGGTGCTGTGGCTCACACCTGT

Table 3

169/1077

AACCCCAGAACTTTGGGAGGCCGAGGAGGGCAAATCGCATGAGTCCAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGTCAACATGGCAAACCCCATCTCTACAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGCATGCATCTGTAGTCCCAGCCACTCAGGAGGCTGA
AATGGGAGGATCACTTGAGCTGAAGAGGG

>Sequence 896

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATTT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTTATGTAGAAAAATCTTCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTTGCCATCTCCTTTCTCCTCTTTCCTTTGTTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAAATTGTGTTTTTAAATTTGGGGAA
TTTTTGCCATGTCCTAAAAGTAGATCTTCTGAAGATATTCCTTACTTTTC
GGTGTATAAAACATATTTCTTGTTAAAATGGTTGGTAAAAGAGGCTTTTC
TATTTTATAATACCACCAGTTAGGACTTGTAATTTAAATTTGTTATTCTT
CCCCTCTCTT

>Sequence 897

AGGTACAAATATCTATGAGAAGTCAGATTCAGTGGAAAGTCTGTGATTAT
GGTTTTGTTTTTTAAATGAAATTGAACATTTAAACTGCAAAACGTGGGGA
ATGAAAAAGCCATCTGTCAGGCACTATATCCACAAAAGAATCACCCANCT
TACCAAATAATCCCTGAATGTCANCCACTCTTCTTTCTATTTCATCATCCT
GGTGTGTAAATGGAATACTCACAATAAAGCTGCCATTAGCAGAGTATCC
CTGTGATCTATCCTTACCAACCATGTTGATCTAAAGTTGGAGGTCAGTGT
GATTAGAAAACCTCAAGACACCACCCCTGCCCCACCAGGGTTGAAAGGGA
CTGAAAAGTAGATTTTTAACTGATGCAAAGCTTGNGCTCAGGCTCTGGAA
GTCCCCATGGTAGTGGGGCTCTGCCCTAGTCCCCCAACTCTTTCTTTTGA
GCTTCACAGGATTTTAATGTCATTTGCCCTCTCTTTATGACTTTGGTGAG
CAAAAGACTTTATACAATTTACACTGTTTCATCCCAGAGGGCAGTCAGTT
CAGGAACAAAAAGAAGATTAGAGATAATTCCAATACTCAATGGGTGGGAA
GGCCAGAACATACAACCACATGAATGAGGAAAGGTCACCCCATGAAACCA
AACTTGAATGGTCCGCAATGCCACTGTCCCACATTCTTAAGAACCCCGGG
AAGGTAAAATGGCTCCTTCTACCTTTTTTTTTTGCTGTGACCTAACTGTCCG
GCCGGCCGTTAGAACTAGTGGAACCCCGGGCCGGAGGATATCAATTAAGC
TTTTTGAACCGGGACCCTCAGGGGGGGCCGGGACCCAATTTGGGTCTCTT
AGGGGGGTAAATGGCGCCTTGGGAATCA

>Sequence 898

CCGGGCAGGTACCAGCTTTTGCACCTTTCCTCACTGTAAAGATGTTGTATG
GGTACTTAACCAGTTGGGGTTTAATTTCCCTTGGCTGTATAGTGGACTTA
GTGTCACATGCCTACCTCAGGATTTCTGTGACAATTAAATATGATATTTT
AAGGCTTCTAACTTACTGGATCTAAATAAATTATTCCTGGAAAAAAAAG
TTTGCTGTGTAATAAAGCACCTAAACAGTAATGAAAAAGCAGGTATAGAA
CTTTAGGTGTTTTGTCAACCCTCCCTCCCCCAGTGGTGTGTGTAGGAAAAC
TTTGCTTCTTTTTGTAAATCTGATGTCTAATCTCTTCTGACTTTACGTTC
AATCAGTTGATTATTTTCATTCAGCAGATGTGATCGGTTTGCAGGGTTTT
CAGTCAAGTAGGATTGAGAAAACATG

>Sequence 899

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAAGTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCANNGCTC
TGCAAAGTGNNGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTNCCTTGGGCANAATG
TTTTCTATGTAGAATTTTAGACACTTTTCCCTGTGANCTTTCTCAAGGGTC
TTTTGGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAAT
CTCTTCTTGCCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGAC
TTGGCTTTGACTGANGTGGTGTAGCCTGTGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAA
TGCTTTCTGGTGGCATCACATGCTTCAGGAGTTGGATGAATTTTCTTGAA
TCTTTAGGAACTATGCCGCCTCAAGATCGCTCGTATTTGTTGCATCGCAA
AGATATATGTAGTCTGGGTTACGCTATGCCGTCTCGAAAAGTGCCAGAGA
TGCCAGACGACATTTCCAAGTACTTGTTATAAATAGACCTATTGTCTTAC

Table 3

170/1077

GAGTTATTTTTGTGCACACATTTCTTTAAGTCGTTTATCTATAACGCAAT
CTTTTATCGATCTAACGATTTAACAAATCCTATTTTTATACGGGTACCAC
TCACTTGAACCTATCACTGCATCTGAACAATGTAGGANATATCTGCGAAT
GCGGTGATTCTGTAACACATACAAAGTCTTAATAAGCTACTAATTAATCG
TAGTGCATGATACTACACTCTGATACTTAAATATTTAATAAACCTCACAT
ACACTACTCACATATACTGTAACACAAATGTTAATACGCTTTGTGTATA
GAATCGTAGGATCAGCGTATGCATATCT

>Sequence 900

CCGGGCAGGTACCCTTTATGATCTAGATAAACCATTGTGTTCTTCTATAG
TTTTTCCAACCTATATTTGAATAGGTGAAGTTAATATGTTTAATCATAAAA
TGCTCTCAGATGCTTGCAAAAACAATTACTCCATCAGATAAGAACACATC
AAAAATTTGGAAAATTTAAAAAAGTCATTCCAGCTATATGCAAATAACT
TTTAGTATATGCATCTGAAAAGCTACCAAACGTAACAATGAAACTCTAAA
CTTGTAGTAGAAAGGTAAATGCACTGTGATCAGCTTTCACATCACTTCAG
AGTATATTCTAAAACCTTCTTAGATTCTACATTATTTATAGAGTGAACCT
AAATTCAAACATTTCTCAAGAACAAAACGACTCCCATCCAATTATTTAAT
TAGGGAAGAAAAGAT

>Sequence 901

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCATTCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCAGTACTGAGTAGCTGGGTGATCTGGGAAAAACA
ATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTTC
CAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAAT
TCACTATGCACAACCTTTTCCCTAAGTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAAA
ACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCACTAACCTCATCTATATCCACATCT
TTCCAGACCTCTTTCCTGTCAGGTTTCCAGAGGATTTTTCCTCTGCTTGCTC
TTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCGTA
CTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTTTGGTAAGACCACTCTGCCGCCCT
TTTCAAGATGTTCACTTTTGCACCATTACAGTAAATAGCCAGACATTGG
TCAATTAAAGGCACAACCACAAAACAGAATTCTAGGTGATCATTCAAAC
GGAGATCTACATATGCAATCTTAGAAGTATGTCCAGGATATTATGGTAAA
AACCAAGTTGCAGAAAAAAGGCTGGCATTTTTCATAAAAAAATCATTGGA
GAGTGATATTTTATTGTCCTAGGAAAAAAGTACTCCCTGTTAATAGAAAT
GAGAAATATCTAACTGCGCCTGGTTCTGATAAACTTTTCTTACAAAGT
ATCCTAAACCAATGGCGGCCTGCCATTATAAATAAAAAAGAACTTAGG

>Sequence 902

AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCCTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTTCAATTC
ATTNAACTGGCCCCGGGGGCGGCCGGCCGGGCAGGGTCATGGGACTACAGG
CACGCC

>Sequence 903

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAGTCTTCTCTGT
CGCCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACTGCTACCTCTGC
CTTCCGGGTTTCAAGTGATTCTTCTGCCCTTGGCCCTTCTTAAATAGCTT
GGGAATTACAGGGCTTGCGCCCAACCATTCCTCAGCTTCATTTTTTGTA
TTTGTAATTTAATTTTATTTTAAATTTTTTTTGAGGACAGAAGTTCTTAA
CTTCTGGACGCCCCACGCCTGGGAATTTCCAAGTGGTAAACCGAATTCT
CAAGCTTCACCTGGTAAACCTTCCGGCCTTTCTTGGGTTTTACCCAAT
TTTTTCTGCTGGCCCTTCAACCCTTTTTGGAAATTTGCTTGGGGATTTTAC
CAGGGCCTTAAATAACTTACCCACAACCCCGGGGTTAGGTTTTTTTGGA
TTTCTTTTATTTA

Table 3

171/1077

>Sequence 904

AGGTACATTTATTACAAAGGAGTGAATATTGATATATTATTAAC TAATTT
TATAGTTTACTTTGTGTTATGTATTCTATGGACTTTAACATGTGTAATGA
CATGTATCCCCTATTACCAGTATCATACAGGATAGTTTCACTTCCCTAAA
AATCTTTGATGTTCTACCCACTCCTTCCTCGTTCCCTCTCCTCACTCCTC
CCTCCCTCCATCTTAAGCCCATGGCAACCCCTGATCTTTTTTACTGTCTCC
ATCGTTTTGCCTTTTCCAGAATGCCATGTAGTTGGAGTCATATAGTATGT
AGCCTTTTCAATTGACTTCTTTCACCTACCAGTGTGCATTTAAGGTTTCT
CCATGTCTTTTTGTAATTTGAGAAG

>Sequence 905

AGGTACTGCTTCAAAAGGCATGTATAACTAAGTCATATCAAAACTAAAAT
GACAAATGGGTTATTTTCAACAGAACACTTTGAAAGGAAAAAGAAAACAA
ACAAGAACTTTAGGATATTCTTTTTGAAGGCAACTGCATGATGCTAGATT
GTGTCCACGGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATTTTTTAAAT
ACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATTTTTGAAT
TGTCATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAAATGACAGA
AGTAATCGCTTCCACATCACTTTTGTCTTTCTATTTACATATACAAACAC
ATTTTCTCTTGTCACAATAGTATCTGAAACATTAAGAGGTGCTCATAAA
TATTTGA

>Sequence 906

CCGGGCAGGTACTTTTCTCTTCTTGGCCAAATTCTCCTCTTATGGGTATG
GAGATGACATGCTCTAAATGCTTTGGGAGCAAGCACTCATTAGAGAAGAC
TTTTGATGTATCCTTATCTTGTTAGTAGTTTAAGCTTGTCAGATCCTTAA
AGAATGACAGGCTTAGGACCATATCCCCTAGACTTAAGAGGATTCTCATT
GACCATTTGTTTCAGTGTCCATCACTGAATCACTTACCAAATACAGTCGAC
ACTCTGTATCCACAGGTTCCACACCCATAGATTCAACCAAATGCTGATTG
GACATATTCAGGAAAAAATGCATTAACACTGCAACAATAAAAAATAATA
CA

>Sequence 907

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTG

>Sequence 908

CCGGGCAGGTACACAAATCAAAGGAATACCATATTTAGCACCATAGGTGA
CTAATTAGGCAAATGAGCAAGTTTTAAGAGTCTGGCCCAATTTTTAAAGT
GTGTGTGTGTGTATCACAATCTCTCTAATGCTATATGTAGTCTAGGCAAT
CTGGCAACAGATTCTTAATCTTCTAATGTTAGGAAAATGCAAGTATGATCCTGT
TATTGCTACTGCTTCAACCCAGAGGTAATGAGGAAAAGTCCAAGTTCCT
TAACATAGACTTCATAGGCCTGCATGATTTAGGACTGGTTATCACCA
CCTCAGAGAACTCCTGACCTTTAATCAAAATGTGCCTTGTGGTAACTA
CTTTTAATTTAAGCCATGATTGCGATTTATAATTCCCTATCTTGTGATTA
AT

>Sequence 909

AGGTACGCGGGGACAGAGAGAAGGTTAAGAGCAACAAGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCCTGAGGAAGTAAAACAGAGTTTTACTCTTGTT
GCCAGGCTGGAGCGCAATGGTGCGATCTCGGCTCACCGCAATCTCTGCC
TCCTGAGTTCAAGCGAGGAGCAAGTGAGTAGCTGGGACAACAGCCCTACC
TGATGGACTGGACTTCTGCCTGGATTGGAGTTTGATCATGCCTCCATATG
GGTGTTTACCAGGCGTATGCATTGAACCTGAGTTTGTCTCTTCAATACAA
GGAAAATCTCTGCCGCTTAGTGATTTTCCAAGAAACATGAGCTTCTGCCT
TTCAATGAGGAAGATACTCAAAGTCATGTTTCG

Table 3

172/1077

>Sequence 910

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTTTTAGTAAGGACAGG
GTTTCACCATGTTGGCCAGGCTCGTCTTGAACCTCCTGACCTCATGATCCA
CCCGCCTCGGCCTCCCGAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACGCATG
CCAGGCCTGGCCAAGTTTCTGAAGGGCTGGCGGGCATCTCTGCTTCTTCC
CGACTTTACTGAAAATGTTTCCAACAATTCATCACTGAGCATGAAACTGG
CTAACTTTGGGAAAGCGACAGATTTCTTACTTTGAAGGGTGCCACTAAG
AGTCTCCTGTCCTAAGGATTTTTAATCAAGAATTATTTTTATAAAATATA
TTTTTAACACATAAGGAGACAGATGATTGAATGTTTTTTATTTGAGCA

>Sequence 911

CCGGGCAGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCGCCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATTGGATGGGATGATT
AGGTCTTTTTTACCCGTACAATAATTGCCTGATTGTTTGGGCCTCCTTTA
TTTTTTACATGAGTGCTAAATAGATAAAAAGCG

>Sequence 912

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGGTCATTTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGAACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGC
AAGTTGAGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGG
AGACATTTGACAATGATGGGGTGTTACTGGCATCTAG

>Sequence 913

AGGTTCTACTTATAGCTTATCTGTTTCCTAATGCATATAGAAGGCAAATA
AATGGACAAGCAGCATTTGAGCATGAGCGAAATACTCTGAGACTCACTAG
CCATGCTTCATTTGGCAGCTTTGTAAGCATACAAATGTTTCATGGCTATGA
TTTTTCATATTCCACACCTTCTAAGAAAATTTGTTTTATAGTGCTTTGAAA
AATAAAAATATTCTTAAAACAAACCAACGAACCAACCTACAATTATCCA
GTGCCCTTTACCCATAGTTTGACAATCACTGTATCCAGGAAATCTATTTT
AATGGTTCTCAGTTGTGCAAAAGTGAAAGGTCATAATAGCAAGTTTAATT
TCAACAAGAGAAAAATATCATTTTATGATAACTAGGACTGCCCCACTGGG
AATAGGGATGTAGAACCAAGTTGAAACAGCATTTCCTCATCTTTATAGTA

>Sequence 914

AGGTACCCCTTCACTAGACTAGAGAAGTGTACCCATCTATTTCAGTGTAT
TCAATCACATATCATTATCAACACTCGAGGCCATTCTAGTAGTCAGTGCA
TGAAAGTCCTCACCATCATTGTNTTCATGCTTCTAAGTATCTTCAATCTA
TACAATTAAAAACATCCGTCTCTAGTTGCTATTCTCATATGTACATAGCC
ATTCGGTTTGGCAAAAGTTTTGGGGTGGAACCACAAAATTTTTGTGTATA
TTATTAATAATTAGTCTCCTTGGTTCACCTCTACCTGTCCTCCTTTATATA
TTAACACACATGTTTTATCGAGGNTACCTAGTTGGTATCATTTTTTATCA
ACCAGTATTTTATGTATAGCCCATATCATTCCACTAAGAAAATTATATTT
ATATTTTACGATTATTAATATCGAGGCGGCTCTATTTTAAACAGCAATAA
ATATTATACTCACAACCTATCCTTATTNTATTTCGGTTGTGTTTCAATCCA
ACAAAGAGGTTAAGAGATGGTGTGTTCTCTTTATAAAATAANACTACCCC
AAGAGTCTCACTCTGTNTTTTTCTCTTCTGTAAAGTAAAGATGGGTTTCT
TCTATTTATAACGACCGTAGTACTCTTTTTCCTTTATTGGTGGTGGTAAC
AATCCCTCTATTATACACCAATAATGTTGGCTCCTTTATGGTTTTAAGAG
ACCCATAAACTCTTTGGCAAGAGATTCCCTTTCTTCTTTTATTAACGTG
AATAAGAGGAAACCTCTTGGGTTTTTAAAAAACCAACACCTCATCTATAT

Table 3

173/1077

GGACATACTATATATAAGACGTACGGTTATGGTTTAATACATACTACAAA
CTCCTTG

>Sequence 915

AGGTACTGTTTTTACAGTCATTTTGGATTCCCTGCTGTCTTATACACCAAA
TAAGTAGTTAAAGTGACACAGTTCATAGAATAAAATGAATGAAAACACAG
ACATGGAAATGGAAGGAAAGTGCAGAGCTGCTTTCTAAATCAACCAAATT
AATTAAATCCTGACCACAAATACTGAAATGCAGAGATGCAAAGTCCTTTT
TGAGTAGCCTGGATCAATTGTTTCCTAAGAGCAGATGGGCACTACTTTAG
CTGTGTTGTCTACAAAGAAATCCAGTTGGCGAGAAAATATTTTCATCCACA
GAACTATGATTCACAGGGTTAGTTCCTAGAGGTATCTGCCCCAAGGCCAC
CTGGGATGATTACCAGAGTCACTTTAAACCAAGATTCTAAGCCTAA

>Sequence 916

CCGGGCAGGTACTATATGGCTAACTTATTTGGGGAGCAAAGCTGACTTAC
CATAAGTCTATCTCAAATAGAAATGAAACACTCAATTTGTGAAATATGCT
GAGTTTTAATGCGTGTGGGGGCAGGGTGAATTAACATTTGTGATGCAAGG
AGAAGAGCAATCTATACTTACCCTGTCTATTTGACATTGGGGACTACTG
CTACACTCTAAGTCATTTTACCTTATAACGCAGAGTTGTAACACGCTACT
CTGAGCAGCTCATGACATCTGTTTGAAATTTAAGTTGGTGCCCTAATATG
GGTTTATTATAAAGATTTTGATGCTGCTTTTCAGAGATGGGTAACCTACT
TTACCCCCCTAAGCTAATGTTTCCCAAATACACCCAAACCCACAGAAAGG
AAAACATTTTCTTATTAACTCACAGCCAACATTATAAAACATTTTATATC
TTGAAGCTGTGATACAGTCCAGTTTTTACCG

>Sequence 917

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACATAGAATATGAGCACAGCACACACATGA
GAGACGCAAGTGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAA
CACAGTCTTAAGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCA
GGCCAATGGCGGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGG
ATATCATCACAGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATG
GGAAAGGATATTGGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAA
GGGGTGCCATCAGTGCAGCCCCCGCACCCACAGCAGCCACACCAATTTTG
GTGACACGAGGCAACGTAAGTACCTCGGCCGCTCTA

>Sequence 918

CCGGGCAGGTACCACTGCACTCCAGCCAGGGCGACAATGAGACTCCGTCT
CAAAAAAAAAAGATTATTAATTTAAAAATATTTTAAGTGATCAGCTGTTAC
TCTACCCCAATCTCATTGGAGAATAAGATTCTACTGCGGTTCTAAGTCAT
TGTGTGCTGAGTAAAGTGGTTAACTAGTGATTTGAAAGAATACAGGAGAG
AGGGTAGGAGAGTGAGTAACAGGTGGAGCCCCTGTTTTCTTTATAGCAA
AAAGTTAACATCTCTTTGTTTAGTTTAGAGAGCACTTAATTTTAGGATGG
GCTTTCACTGGTGGGTAAATGTGCTCATTACCCACCCTCCCTGAATTTT
GGAGGCCTAAGGGCTCTAAGTGTCTTTACCTTTTTTTCCTATTGTT

>Sequence 919

CCGGGCAGGTACTGGGACCTTCTTGGTCTCACTTACTGCTGCGTCCCATG
CACCTAGGCAAGTCTGGCACATTATAAACCATCAATAAACATTTGTTTAA
TGAACAAATGAAGGAAGAAACAGGAGGCACGGGGCACAGAAAGATGATAC
AACTGCCCCCTCTATTTAATCCAGTCCACTACCCTTACTCTGAATGCTTCA
CATCACATTGCTCGTCTTAATTGTTTTCAAACAAACAAGTCCAGACGCCT
GCTCACAGGGGTCCCTAGTGGGCTCCTGCTGTCCAGCCTTGCTCCACGTG
AAGATGCCCTCTTCACAGAGCAGTGGATCCCCCTCTCCTGGTTCCAGCTC
TAGGAGTCTCACCACAATCCCACCAGCAAAACCTCTATCTCCTGCCTCAA

>Sequence 920

AGGTACGCGGGGAAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCC
CTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCGCCTC
TGTGAATTTACAACACCCCAACACCCATGATTGCAGTTCCTTATGAAAAGG
AAAATTGGAGCCAGGTATTTTAATTTGGTTTTGGACATTTGCATTAAGG
TAGGGTCCACTATTCCAGGTCTAACTGCTAAGAAAATTTTATTTCTCA
AAAACTTTAGTTTGGGCCTTTCTTTTTTCTTCTTGCTCAGAAGAGACCCA

Table 3

174/1077

TATCTTTAAGTGGCCAACCTGGGGGGGAAAATTCTTGGGCATCGCCAGTATG
GAATTTCAAACCTGTCGCTTCAACTGTATAAAATTTACCATTTGGGCCTAC
CATTTGGGATTTTTGTAAATAATGAAGAAAAGGGATCCCCCTGTTATTTTT
TGGAAGCCTTGTGGCTTATTGGAAAAAAATTCTTTTTAACCTCCTGATA
TTGTGGGTCCAATTCCCCAAAAGAAAAAATCCCCTGGGTGAA

>Sequence 921

AGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCAACAGCT
GCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATTAGCCAT
TTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAGATGAT
AAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCTTCAAC
TTGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTGTTTGG
CAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGATCTTTG
CAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGATGACA
GAAAATTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCCTTGGC
AACAGCCCTTGCAACCC

>Sequence 922

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGACACGGGGTTCAC
CGTGTTAGTCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTGCGATCTGCCCCGCT
CGGCCTCCCAAAGTGTTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGTGCCCAGCCC
CACCTCAATTTTATAATATAATTTTCTACACAGAGAACACAGAAAATAGT
TGTCTTTTGTTTACAATAGAGAATCAACGTTTTTTTTTTTACTACTTATAG
TTTAGAACTAAAGTTTCAGCTTCACAACTATTGGTGATGCTATGTAAATG
TCTCAAATTACTGAATTTGTGAAAACCTCTCATGTTTCTTTCACATGTGA
GTTACAAGAAGATTATTTTTTAAAAACTTGCAAAAAGTCAATCTTGGTTTC
TCGT

>Sequence 923

AGGTACGCGGGGAAACAGCTAAGATTTCTCCATAAAGAAAAGGAAAATTA
ACTCTAGTTGCAGAGTGTAAGAAAAGTATTTCCAAAGATAGAAAATGTCAA
GCAAATATGTTTCTATTGTAGGTTCTGGGAAATATCTTGCTGTAGCATCC
CATGACAGCTTTATAGATATATACAATGTAATGAGTAGTAAACGAGTAGG
AATATGCAAAGGAGCTACCAATTACATAACCCATATTGATTGGGATATTA
GAGGTAAAGAACTTAAATAACTTAATACTTGATAAAAAGTTTCATTTGATTT
AGTATAGCTATATTAGAGAAACGGAAAAGGGATTCAACAGATGATTTTAA
AAGAATTGGGAAAAACAACCCCTTATTCTCAAATTATTTTTTACTATTTT
ACATCTGAAGATAAATC

>Sequence 924

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAAACATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTTCAGTAT
TTGGGTATGGAACCTTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTCA
GACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATAA
GATTTTACAAAGATTAAATATCATATATAACAGCACTTAACACAAGTAA
GAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAGT
TTGAAGACACAATTGCATAAACTGTT

>Sequence 925

CCGGGCGGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
CCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAAATGATGACAGTTTATGCAATTGGGTCTTCAAACCTTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTG
TGTTAAGCGCTGCAATATATGATATTTTAAATCTTTGAAAAATCTTATAAG
GTAAGG

>Sequence 926

AGGTACTTTATATTTTTGCATATAAACTTGCAAGTATTTGTTCAAAAATTA

Table 3

175/1077

ATAGTTTTTGACATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTCACAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAATTGTCAATTTTTTCAATTN
TCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAGTAAAAAATTG
AAAATAAACTTGTGCTTATATTTTGTGCAACACACTAGTCAATTTAAC
CTGTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAA
AATTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAA
GAAGTTTTTTAATGATATGCCAGCTTCCTAATTTGGAGACAAAAGCCTTA
ATTG

>Sequence 927

AGGTACATTCCAGCTTTGACCTACTTCCCAAGCTGTATTTGAATTGGCTT
TTATAGAGAGTTAACTGTTGGCAATATTTTTGCAATGTGAGCTTTGCTGC
TTAATCCTGATACTATTTATTCTTTAATGATGAATTCATAAAAAAATT
GAGTGCCAGACAGTGTTGAGAACAATAGAAATGTGGCAGTGAACAAAGTC
CCTGCCTTCATGAGCTTACCTTCCAGTAAATATGAATAAAAAATCTTTCCC
TTACTTTACTTAGAAATTNTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAC
GGAGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTAGAGTGCACAATCTTGGCTTGCTGC
AACCTCCACCTCCCAGGTTTCATGCAGT

>Sequence 928

AGGTACTGGTTCATGTGTAACCTCATACATCCCACAAGCATCTACTGTGTG
CAGAATGTCTCGTATGTGAAAGACACTGTGGGCATATAACTGTGGCTTAG
ATGGGCTTCTAACCCCTGAGAAGATAATATATCAGCAGAAAAAAGGAAC
ATGTATATGAACTGCCATCACACAACCTATCCAGAATTCCACAAGAAAAG
TATGGTCAAAGAGCTAGGAGGTGTTGAAGGAAAGATTACCTGCAGGAGAG
GCAATGCGAGATGATAGAAGATTCTGAGCTATAGAGCGAGGCGGACCCAG
ATGGGAATTTTCAGGTTTTCTCGGGATGTGGGACCCTAACCAAGCTTCTTA
TAC

>Sequence 929

AGGTACATCAACCCTAACTTATTATAAAAGATCGTTAAACCTTTGAAAGG
TCAATGTATATACTGCTATCTATCACAGGCGGGCACCATTTCATTATGTCC
TGTCAGTGGCTCTCCACTGGCCAACCCTTCAAGGTGTCAAGGCCGAGGAC
GCTTCAAAGGCCATTGTTGGGTAAATGAAGGGGGCCCCAAAACCTTCACT
TCCCCCAAATATAGGTTTTTTTATTTTTTACCAATGCTCCAATTACTT
TATTTTGGCCCTTTGGCCCTTTATTTTTTCTTAACTTTTTTGGGGTTTT
TACTTCTTTTACCCTTGGCGTTTTTACCCTTCTAAAATTTTTTGAGGAAA
AGGTTTCTTCTTCCAATTTTTTCCCCCTCCAATTGTATAATCTCAACCC
AAGAACTCAATTTTTCTTTTTCCAAATTTAATAACACCAAAAAGTTTTT
ATAAGTGGGGGCACCAATTGGCCCCCTATTTAATGGGGGGTGGGGGGCTT
TTTAATTTTTCTTTTTTTAAGACCCTTTACCTTTACAAATTTGCCACCT
TTCTATGGCATTTTTTTTGGTTAGGAAGAATTTTCTCCAATTTTT

>Sequence 930

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACACAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGGTTTA
ATTAGAAATTAATCCCAGTCTGTTTTTAAATATAATTTTCTATGACCCC
AAGGGCTTTACCAAAAAATGTTATTTAAAGAGGGAAAGTGCCCCCAGAAT
ATTAAAAGAATGCTTTTGAAAAATGGTTTGGCTTGATATGCCATCCTTTT
AAAAAATTCATTCATTTAAAACCAATCCTTTTCCAAAACCTAGTTCAAGA
TGACATTTGGGCTTTTCAAGTTACATTTTTTAAATCCAAAAAATTTTTGATAA
AGGAAAGGTTAGGCCTAGGAAAATGCAAACCAAAATATAGTGAATTGGAAC
AATTGGGCCTTTTTTTGCAAACAAGCAAAAAGAAAAAAGTCCAGGTGGA

>Sequence 931

AGGTACACTTCCATCCCACCAGCTTTGTTGCTGTTGAACCGCCCCCAAAT
TGTTGCGCACCATCCACAAGCTGAGCTGCTGCTACATCCTATTTCTTGGG
GCCAAGCTGCAGTGGAGATGCTCCACCCACCCCTCCAAGTTGCTTTTGGC
CCTGCCCCGTGAAGGCTTGAGCTGAAATGGCACTCAGCCTCCTAAAGAAT
TGGCTCCTTGGCTGCTCAGGGCAGTCATGCACCCCCATTCTGAATGGAA

Table 3

176/1077

GCAGCACCTTGCCTCCAGGAAATCAGTGTCATGGCCAAACCCAATCAGTT
GCACATCTCAGGGATGAGATGACATGGTATTTTACATCTTAACTAAACAG
AGCACTGACTGAGCTGGGTCACCTCACCTACAGGTTGAATAATTGTAGT

>Sequence 932

AGGTACTCTGGCTTCTTCTGAAATCAGATTCCAGCTCCTAGTCACCATAA
AGTATGCCTGACCCTTACTTTATCATTGGAACTAGGTATTCCAGAGCAA
GAAATTCATGTATTCATTATTTATTATGCACTGTATCTGATTCCTAAATT
ACTCCTTTTTTTTGCAAAAAAGGAAAAAAATTATTTTTCCATCACATGTG
CACTCTCATAAACTGAGGTTATATTTTTAAACACTGTATGTATTCAAGA
AAAATATATCATTTATAAACCTCATGTTTTATATATTTTCATGAAATTCAG
GGTCCTGTGCTTGAACCTCTGACCAGGTGGGAAATACTGCTCTTATAAAAA
CTATGGGAATTTAAATTAACCAGTGAAGTGTTTCAGTTCTA

>Sequence 933

CCGGGCAGGTACATGCCTTAACTGGGAGTTCAAGCTAATTCTTGATTTCT
TTCTCAAAAGACGATTTAAATATAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTCCG
ATACTGTAACCTAACCTGTTTGAGTATATAGAAATGAGTATGTTTTA
TGAGTTAACAATGAATCATAGAAGGCAATTTATGAAGAACTAGAATGATT
CTGTCTAGCTGCCTTCAGGGATCAGAAATTCAAATTAACCTTCTGGCAGA
CATTTAAAGAATGCTAGCATACAAAACCTGAATTTAAAAAAACGCACACAG
TTAACACTCCTCAGTGGAGTTTCAAGAGGAAATCATGAATTAACAAAAACA
CACGGCATGATACACTGTTGACTGATACCAACTGGGTGTGGTCGATCCCA
GGTGCACCCAAACCTGCGGGAATGGCAGAAATACAGCTGTGC

>Sequence 934

CCGGGCAGGTACAGTGGCATGACCATAACTTGCTGCAGCCTTGAACCTCA
GGATTTCGAGTGATCCTCCACCTGAGCCTCCAAGTCGCTGGGATTACAGA
CCTGTGTCACCATGCTCAGCTATTTACATCTTTTGATGTGATGTGACAC
AAAGTATACAACATCACCTATGGGTGTCCATGCCAAAAACGGGAAATGTT
TAACAGTGAGTTATTATATGTAACATCCAGCTTACAGGAATGATAGGAAG
AGAGGAACTAGTGAAATGATGCCACAAGGAAGCACACAGATAAATCCAGA
AAGTTAGAAATTCTGTAGGACAAATGGCCTGGTCTCTTCAACAACTGTTG
CTGATAATATGACAAAAAAGAGAGTAAGAAGAGCATGAGGCATGG

>Sequence 935

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTC
CCGGGTTCAAGTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTAC
AGGCGCGTGCCACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTATAGTAGAGATGG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGT
CCACCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCG
CGCTCAGCCTACAAGCAATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAA
ATTCTCTGTTTAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTT
TTTTTAAATACAATAATT

>Sequence 936

GCCGAGGTCCCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAG
AGGCAGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTCCCT
TGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTG
AGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTC
ATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGG
GCCTTATTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACCCATTCTTTG

>Sequence 937

AGGTACATCTGAACTTTAGAAATTTACATTTGAGTAAACCTCAAACCTCCA
AAATGTATCCCTCCTCCCCAAAAAGGGACATTTTACTGAAATAAAATCTG
TTGCTGGTTGCTTCTGGTATGTTATGTCAAAGTTGTTAACCGGATACAGC
AAAGGCAGCTGCATTGTATTTTCAGAAATTAGTTTGAGGTAGATTTTATTGT
TATAAAGCAAGACGCAATTGAAGCCCACTCTGGGAAAATAGCAGTAACA
CAAAACATAGTAATTTAGGCAGAATTACTTAGCCACAGATGTCCAGAGAG

Table 3

177/1077

GTATAGGAAAAGGTCCATATGCACTTTTTGTANGCAAACAAGTCAAGGTT
AAATAAAAGCCCTATTTTGAGTCTTAAGCTGGATGTCAAGAAATTGCCTC
ACAGGTGAAACAGGTCCAACACAGAAGAGGCTCTGTTGTTACTTGAGTC
ACTAAACCATTGATGGAAGCCAGTGCAGCCTTCTCCTCTTTATGTCAA
GTTTCCATCTGTGAGAAATATGGCCTATTATGCCTGGTGACATAACAGGA
TCACTGTTGAGTCAGGTGTGAGTTTAGGCTTATGCACAAAATATTGGGAA
ACACTCTTCACCTGACCGAATTCGAATACCAATGGAAAATGCTGCCCTG
GCTGCCGGATATTCTAAGCCAACCTGTCCTGTCAATCTGACGTCATAACC
GACTAACATCCCCGGTTATGTTCAACTTAGTAGAATAAGAGTTGCGACTG
ACAGACATCTATGGAGTACTGCGGTTGATAGAAAATCTTGAAATGAGTAA
ATACTACATTGACATGTCCTATCTTCTATGTCAAAGGGGTAAACATAAG
AATGTATGT

>Sequence 938

AGGTACAGTGGCGCCATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCCAGGTTTC
AAGCGATTCTCGTGCCTTAGCCTCTCAAGTAGCTGGGATTACAGGCGCCT
GCCACCACGCCCAGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGACGGGGTTTCACC
ATGTTGGCCAGGCTGATCTTGAACCTCTGACCTCAAGTGATCCACCCGCC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACTGCACCCGGCC
TTCAGTGAAAATCTTTTACATGTCCAATAATGTGTTAAATGTGGGATACA
ATTGTGAGCAAAATGGATGGTTCCTGCCCTCTTAATACTCATTCTGATGG
ACATTTATCACAAGATAGGGAATTATAAATCGCAATCATGGCTTAAATGA
AAAG

>Sequence 939

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTGCAGTTTTATTTATTTATTTTGTCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCAGATCACCTGAGGTGATCTGGTCAACATGGTGAAACCCT
GTCTCCAATAAAAATACA

>Sequence 940

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GCAAACCTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATTCCTACACCTTCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACCTTTCTCTGTTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTTA
AGTGCTGTTA

>Sequence 941

CCGGGCAGGTACCTTTGAGACCAGATGCTGCTTATCCAACAGCCCTTATC
TCCTTTCTTGCTAGTAGACATGACTGAACTTTCTAGTCTACACGACTCAA
AGGATAATTCATTAATCTAAGCCACTCCTGATGGATGATCTTACTTGCTT
TGCCAATGACAGGAGTGAGATGACCCATTTCTAGCAAAGCCATGAGGCCG
TATCTGCTGGAGCTTCCAGGGGAAGACTTCCTTGCTTTAGAAGGACACAG
AAAAATCTGTCTCTCTTTTGCCAGACACGGTTCTGTCAGCATTTCTTCC
CAGAATTACAGTAGCCATATTGGGACCATGAGGCGAACTGGCGTGAGGAT
AAACATGGAGGATGGCAGAGCAAAAAAATTTCAAGAACTGAGTCTTTGG
TGTTAT

>Sequence 942

CCGGGCAGGTACTTCCCCACCGCATCTGGAGTCTGTAATTACATGTATAT
TTGGCTGCTTGAAGTAGTCATACTCACTGATGCACTGTTATGTTTTT
TAGTCATTTGATTCTCTTTGTTTTGGGTAGTTTCTACTGATCTTCATTTC
ACTAGTTCTTTATTCTTTCCCATGTTAAAATCTGTTACTCCTTATCCAGA
AATTATTACCTTTTTTATCCCTTAAAAAATTACAGTTTATTTTTCTCTTT

Table 3

178/1077

ATTTGGAGAACGGGAGTTCTCAATTCCTGTTACCCCCAGTGCTTGGAAGT
TGGCAGATGTGCAATGGATACTTTAGGCATTTCGGCTTGCAAACACTTCCG
GTTTTCTCCCATGGTTCCAAGGCCGATTTATTCCTTGCTCTTCAAGCCTC
TTTCACAAGATAAGTCTGGTGGGAATTAACCAGGGCCATGGCATTCAACCA
ATGGTCCTGGGCTAAGGTATTTTAGTAATTTTTTTAGGTTAGAAGAACCA
AGAAGCTTTC AACCCATTGTTTTTGGCCCAGGGCTTGGGATCG

>Sequence 943

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTGTTTTTTTATTTTTCTTTAGTGTGAGTG
TATATTTTCATGCTACCTAAGTTATTAATTTTTTTGTAATATTAGTTATTT
TTCAAATACCTAAGAATTGCAAAACATTTCCCAGGCACAAAAGAAACATA
CAAACAAAACCTCAGCAGCCTTTTCAACTATGAACAAGAAAGAAAGAAAGA
AAGAAAGAAAGAAAGAAAGGGGACATGCATTCTTTCCTATTTACCCAGCT
CAGATTTCAAATTCAGCATGGGTATTTAGCATCTGTAGAGGATATGTATA
ATCAGGAGTAAAATGGTTCATCTCTCAGGCTTTGCTGATCATTTTTCCAG
GGAAAGGGGGATAACTGCGAAATTCAAATGTTG

>Sequence 944

CCGGGCAGGTACAAAGCGCAAATAGGCAATTTGGTTCAATATCTCCCAAC
TTAAACCCACTGCTTTTTCAACAGAAATGTTTTTACATCAAGTGTTGCC
TCTGTTCTCACTCTCCCTCCTTCTTGATCTTTAATCTAACCTGTCTTC
TTGACTTCTTTCTAGCCCCTGCCCCATTGCCATTGGTTTATAGGTCAAAT
TGCTTGAGTTA AATGCATAGAAGATGCAACTATTTAGACCTCACTTTAA
ACAATGTGGTAAGTGTTAAGACAGAATAAAAGATAAACCAAAAATATTGTA
GAAGATGATTCTAATGGCATATCCAGGAGCTAACCTGCTCTGCATTGATG
AGTTTAGCTATCATAATTCCAAAGGAACACTATGATTGAGAACAAAC

>Sequence 945

CCGGGTAGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACATCAATGAGTATATGCT
CATTAAAGATAGATTGATGCAATAAATCCTTATTGTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTGCC
CCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTTCTTCCAGAACTACTTTTCTC
TGTTTTTCTTGTAAATGATGACAAGTTAATGCAAGTGTGTCTTTCAAAC
TATAACCACCCAAAACAATAGCTAATACCAGTCAAAAATTTACTGGAATT
CTTTACTTGTGTTAAAGAGCTTGTTATTTTTTGATATTTTAAATCTTTGG
TAAAAAACTTTTTAAGGTAAGGTTGCTTC

>Sequence 946

TTTCGTTCACTACTTAGCAATGAGCTCCCCGCGGTGGCGGGCCGCCCTTCG
GGTCCCATAGCCTAATCTGTGCCTGGCATCGCCTGTAGCAGGCATTAACA
GGACTTGCATACACCGTTAAAGATGACCTGAAACAGAACGAAGTGCATAC
TATATAACGCAATACCCCTAAAACGTTATCTCAAGGAAGCATGCCCATCG
CAAGGGACACACACTAAATGGCTCGCTATTTGACATACCTACACTAGACA
AATTGACATACTCACAAAGCATAAGCCTCCCCACCTGGGCTGAAGAAACG
CGGGGCTGAGGGTCAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTCAT
AACCAAATCATTTTCATATTTCTAACCTTCAAAACAAAGCTGTTGGAAT
ATTCTGATCTCTTACGGTT

>Sequence 947

CCGGGCAGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGA
AGAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCC
CTTGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTT
TGAGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGT
TGTCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGC
TCATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTTCGGATGCCTTCCCCAGTG
GGGCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATT
CCCTCTGCCATAACACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATT

>Sequence 948

AGGTACCAATTTAACATTTAATCATCAAGGAGAACTGGATGACAAAGGCA
ATGCCAGGCATGAGTCGAGTGTGTCCCTTAACCTTCCAAATGGTATTTAC

Table 3

179/1077

TTAGAGAAAAGGAATTTGTTTACTTTCAACAGATACTACATCTCAATTGT
CTTGACCTTCCTCAACACATTAATTGTAAAGTGATTAATGAAGTTTGAAT
GGAGGCTCTGCTTACACCAAAGACAACATAACACCTCTGCAATGTTTAA
ATTAACAGCTAACACTTCAAATTAGTTTGTGTTGCCACAGTAATTACCT
GATTCAATGACTGCATGGAGGAAGCATTTTTATGAGATATTTTATAGTGCT
TGGTCCTTGAGTGTTCCATTTTGTGTTGTGACCAGCACAGGCCTTCTGGGA
ACAGTCTCAGCCCTTAAA

>Sequence 949

CCGGGCAGGACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCCT
GGATTCTGCAGTTGTGGGGTCTGCCTGGTGCTGAGTTTACTGTGGTGGA
CTCAGTGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTTCC
TGCCAAGTGGAGAGTATGTCTTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGAAA
AGAGGTGATTTGGATAATGTAAACTGTCCTTCCTATCCTCTTCAACGTA
TCTTTTATTATTATTGTGCTACAACCAGACACTGTGATCTTTCATCTGGT
TTTCTTAGATGTTGTAAAGATATTGTGTGCATGGACCAGGTATGGTGGCT
CATGCCTGTAATCCCATTTTTGGGAGGCCAC

>Sequence 950

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGCTAATAAAACAGTAGAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGAAGAGCCTTGGGCAGA
GGTGAGACATCTGCAGGAGGGAAAGGAAACTGAGAGAAGGGAAAGGTGTG
CAAAATTGTTGGCAGGAGGGAGTTTGTAGTTA

>Sequence 951

AGGTACAGTTTGGGGTTACTGCCTTGATTTCTGCTAAGGCACCAGCCATT
TGGCCCACGTGCATTGAAAATGGCAAATAATATATTATTATGAAAATAAG
TCTGAAATTGCAGACCACCTGAAATGGTCTCAGGGACTCCTAAGGGGCCC
AGGGACCACACTTTTGAGAATGACTACCCCTTAAAGAATTATGGTGCTTT
CCCAATTATTTTCACCCAGGTTATTCTCACCTCTATCAAGGTTAGTTTCA
AGGGGTGCAGGAATAAATTTAATTCTTTTAAAAGGTTTCTTGTTTAATTA
CAATCTTAAGAGTTGAACTTGTGAAGGAAAATTTAAGAATTTTCTTCAC
CTTTCATTAAGGTTATAATTTAGCAATTTTATCAACTTCATTTAGGAAA
TTTTTAGAAAAATTAAGAAATTTTCTTCACCTCAATTAAGGTTATTATT
AATTAGGCTAACTTATACCTTATTATTATTTTCCCCTTTTTTTTGTGCT
TCCAAAGGTAAGGGTTGCCTTTTTTTT

>Sequence 952

CCGGGCAGGTACAAATCTAAAACACAAACATCACCTTTACAAAACAAAAT
TGTTGATTAATAATTATCTTTTTTCATAACTATCTCATAACTTTATGACTA
CAGGCCACCATTAAACAACCTTACATAAACTAACATGTGCTT
TTAATGCTGACCTTAGTTTAAAAAGCCTGCCAGTATGGAATGACATTCAA
ATAAAATAAAACCAAATTTAAAAAGAACAGAAATGCAAACCTCAACAATAT
TCCCATCTTTTGAATCCTGACAATGTAGAAGTCAAATTCATAATCATCCT
AAAAACCAAGGGAGTCATACGACCACTGTATGTCTCTTCAGTCTAGGAAT
AATGCA

>Sequence 953

CCGGGCAGGTACTTTAAAAGTTATAATGCTGATGAACAAAAAGGTATGTA
AAAACCTCAGGATTTAATTAATTAGATATATTTTCCACCATTAGAACATTT
CTGCTCAGAGGTCTTATTACAAAGCTACATTTCTGATAGTCTACTACGGT
GCAGCTTCTGCCAAAGCCACTCAATACTAACCTCTTACATAGCAACTCTA
CTAACATGACCTAAAGGGTTTTTCATCCTTTCCATAGCCCAAAAAAGAAA
AAGAACCCCCCGGGTTTTTTTTTTTCAAGGGTTCTTAACCCCCCTTAAA
AAAGGGGCCCTTTTTTTTTTTTCCCCCTCCCCCGGGCCCCCTTGTGGTAAA
AAAAATTGGGGGGGGGAAAAAAAATAATTTCTTTCCCCCTTTTTTTT
TCCCCCCCCCTATTGGGGGGGATTTCCCCCCCCCCCCATGGGGGGGGTTTT

Table 3

180/1077

TTTTTTTAGGGGGGGGCGGGCGGGAAAG

>Sequence 954

CCGGGCAGGTGCACGCCACCAGGCCTGGCTAATTTTTTTTTTTTTTTTTT
TATTTTACTAGAGACAGGGTTTCACCATGTCAGCCAGGCTGGTCTCGAA
CTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCACCTTGGCCTTCCACAGTGCAGGGAT
TATAGGCATGAGCCACCACACCCGGACTTTAATTTTAATTCAATCCATT
TCCTACTGTCAGGACCTTTACTCCTTTTATATACCTACCCTCCAGGCTTG
GCCTAAGGTTGGCTATTCACACGTGTTATAAAGTTAGAAAGCACATTTGA
TGATAGAAGTAGCCCTGTCTGCAAGTTTTTATCGTATATGAGATTTTGTG
TCTGCGGGCTCCCCATCAATTCTGTTGGACATTCTTCCAATAGATTCCTT

>Sequence 955

CCGGGCAGGTACCCAGGCCTCTGTCCAGAATGGAGCTTGACATCTATGC
TAAACCTTTCTTAAGGCTCCAATTAAGTGCCTAAGAGCACTAGCAAATC
TTTGCAGCAGTTCAACATCTATTTAGAAATGCCCTTTGGTCTCCCTGTTT
CAGATACACATCATAGCAGGTGACTTTCACTTTCCCAGGACTCAAAATGG
AGACTGGGGAATCCTTGTGAGAATAAACATTAATGGAGGGGCCGGGTGCGG
TGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATC
ATGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAAACCCCATC
TCTACTAATAATACCTAAAAAAAACAAGCTATTTTCGTACCTTG

>Sequence 956

CCGGGCAGGTACAGTTAAATAGTGCATCTTAAATAGTGGGGTGATATTAA
ATGGTTATATTCTGGAGGCTCATGCCCACACTGCCTTTGAAGTTCAGGCT
GCCCAGCCACATTCAGGCATTGATTCAGGAACTCCCTTGGCCTTTCAGT
AAGAGAGAGCTCCCTTATGCCAGAACTGCTTTGAAATAGAATGTGGCAGA
GCTGTAAAGTGGGTCCAATTCTACAAGTCAGCACACTCTGTGGATTTTCC
ATTGTGAATAGTTCTCAGATCTATATCTTCAGACCCTCCACCAATAGTAT
ATTCAGCCCTTAGGTATCTCTCATCTATAGCATTGGAAAAAAGCCTCCT
AACAGGCCTCCCCAATTCCATACTTGCTACGTAAAATATTTCTTACTTG
CACAGTCAGAATATTT

>Sequence 957

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTGAATTGTTTCTGACTACCATT
ATGCAAGTAGGTGAGGAGATACATATACAGGAGTTTCTGAGTGTTCTTTC
CTAAACTTGTGCACATTATGTTTGTATTTGAAATAGAGGCAGTGTTTAA
AATGAACGTGGCTGTGCTATACTTCTTGATTTAAGTGTTACAACAAAGAT
TAGATTAAAGGAACAACAAACAGCATGTTACAAGAAGCATTCCAATTTTC
CAGTAAGAACTGAGTCATGCAAGATGAGACCATAACAGGTTTCCACAATTA
ATTCTAATGCCAAACTTTTAAAAGGAATATAGGGACTTCCAGACCTTTG
AAGAAAACATTGAAGCCACAATATTTTGTA

>Sequence 958

AGGTACGTTTCATGTGATAAACTATAAGATTGTATAATGTCGTCTTTCTTG
TGGGTAACCTTAATAAGCTTTTTATGATATGTGGATTGTTCTCAATTGGC
TTATTACAGCCTGCAGCCATGGAATGTTCTGATGCTGACATCACAGTGA
CAGGCACACTTGTAGTTGAGGTGTTTGTGGGATATGGATTTTTTTTTTT
TTAAGTAACAAAGGTGCACCAGCATTCACTGTCTGACAGAACGATGTCT
TCATTACAAGCAACCATCACTAAATCAACTTTAAATTTATTTGACAAAAC
AAAATAAAATGGCTTATTTCAAACCTTCTCTCTTATCAAAGTCCAAAAC
AAAGTAGTAACCTTAGGAATTTAACG

>Sequence 959

CCGGGCAGGTACTTTTATCTGACAGAGGCTTCATTTTTCTCAAATATTCC
TTTGAATCAAAGACATCCATCATATTAAGAGAGTAAATCATTTTCAGGG
AGGATTGCTAGAGGATACAGAGGGCAGGGATTTAGCCTTCCAGGTGACCT
CTGCTGGGGTCCCAAGGGGTGGGACAGGGTTTTTAGTCACTAATTTAAAA
GTATAAAAAGGTTTCCAATGCTTTATAAGTTAACAACCCATATCCTGAG
AATTCAAAGAATACTGAATGGCAACATTATAAATAGTAACATTTGCTATT
AAAAAAGGCAGTAAGACTCTAGCTACCTGAAACCAAAATAAGCAGTTAAG
GCCGGGCACCGTGGCTCACTCCTGTAATCCCAGCACT

Table 3

181/1077

>Sequence 960

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCACTATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTGG
CCAGCCATGCCTTTCAGTCCTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGT
CCATGAGCAGATGACCTTACATATTATTGAGTCCACATTTTAAACGGTCT
TATACTGATTATTTGTGAGCTCTACTCCATTCTTGTTCTCATTAGATTTT
ACCTTCCTTTTCTAGTCTTCCCTTCTTTTGTGTTTCACTACATTATCCTCT
CATCACTTGTCATATCATCTCTTTTTATTTTCTATATTTTACATACCTA
TCTACTCTATTTTTTTC

>Sequence 961

AGGTACGTTTGACGGTGTCTACAAGGCACCACCTTATACCTTTCTGAATT
CTTAAAAGGTTGTGCAGTTTCACCCTGGGTTTGATTTTTGCTCTGAAACC
ATTTCTTGGCTCAAGAATTGTTTGATGTGTGGAGAGATTGGGAATGAGAA
ACAGGTTTATATTTAACAGTTTATTCTTTAGCTCATCTCTCTCTGCTCAC
ATTTTATAGGCAGTGAGCAGAACCCATGTGTCACTTTAAGTGGCTGCCTG
GAAATCTCTTTAGATAGATCATTGACTTCATTAGGTGCATTTCCGCTTCC
CACTTTACTGCATATGTTAGTGTGCTAAACTCTCTGTCACTGCCCAACA
GGGTCCGCCTTGCCTCTATCTCCAC

>Sequence 962

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGTGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGGAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATG

>Sequence 963

CCGGGCAGGTACCAAGTATTTTATCTCAGTAGAAAGTCTTGACTGGGTAT
AATTATTAAGTTGAAAATGACCTTTTCTCTGGCTCGGGTCTCAAGGTAGA
CTTAGTCTTCATTCTGGGAGGGCCTTGTGCTGGTCTTCCTTGGCCTTGAA
ATTGGGTTGTGCTTCTTCCTAGTGGGGCCTGGTAAGCACTCCAAGTTGTC
TTGTTCCCCTGTTCAACAATAAAACAAGTTTGGTCAATTTTGGAATTTT
CCTATTTAGGGGTGGCTTTATTATACCCTGTATGAAACACTTTATCCTAT
TATGAAATTATTGGTTCTTTTTACACTATCTCATTACGAAAATGATCCCA
ACTTCTTTTCGTATCAGCTATTACAAACTGGGACTTTGTATTACAAATTT
TATGTCCTTTATAAGAGGTTTAAATCTGGATTATTCTTTAATGTAGTAGT
AGCGACCATATATTGTTTATAAATATCACTTTGTGCTTTTGTGGTATTTA
TAATATTTT

>Sequence 964

TGAGGTACCACAATGTCTCTGGCTAATTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTGG
TAGAGACACGGTCTTGCTATGTCACCCAGACTGGTCTCAAACCTTCTGGCC
TCAAGCAATCCTCCCACGTTGGCCTCCCAAAGTGCTGAAATTTCAAGCCT
GGACCCACTATGCCTGGCCAAAAGCTTGTTTTTAATACAGCTCCATTTT
AAGTGGAATGATTATTTGTCCTATAAAAGGGAGATAATCCTGTTTTATC
TGATGAAAATGCAGAGAATCTAAAATAATATTTGGAAATACGTTGTATAA
TCAAGATAAGATGGTAGAAAGGATGCTTACTTTGAAAGCATGGAAAGAGA
GTGTCTAAGAACATGGCAACATCTTCCACTCAAGTCACATGGTAAGAAGG
AACCTTTG

>Sequence 965

AGGTACACACATGAGAACTGAAATGGCCCAAACCCAGAAAGAAAGCCCAA
CTAGATCCTCAGAAGACGCTTCTAGGGACAATAACCGATGAGGAAAAGAT
GGCCTCCTTGTGCCACCGTCTGTTATGATTTCTCTCCATTGGGACCAAAA
GGCCGTTCTTTCTAAGCAGACAGCAAGGTGAATGATGGGCCAAAATGAGA
CCACACCTTCATTGTCATTCTTTGAACAATTGTCTTTGGGGATCCATT

Table 3

182/1077

GTGATGACATCTGGNCTTTATTGGAGGAAAGAAAATTTCTTTGATCAACT
CCGGTTTTTTATTTATTCTCCATGTTCTGGACGAATACATCCTGTGGTTCT
TTGACCCAGTGGAACCTTTTCTGGCCACCCCGTTAAACCAGCTTAAATTT
TCATGGTATGTGG

>Sequence 966

CCGGGCAGGTACATCTGTAAAGATCAGGCCTCAGGCCAACCAATGAATTA
CTCTAGAGAAATGTAGCTGAAGAAAGCACTGTAGATCTGCCGGGATAGCC
TGCTTTGTGGGGAATGAATGACTTTTGGACAGATCGTGTAATAATAATGT
AAATAGTATGTTTGAACGGGCAGAATTCATGGGATAGTGTCCAATCATGA
CTTTGTTTTTGTCTTTTCATTGTTCCCGTGAAATTTATTCTCTAGGAACCT
TTAAATCTGACTCCAGCACGGTTTGTGACTCTTCTTAGGAGAATAGAAAA
TCTTAACAATTGTCATATTTGAGAAAACATCATCTCAGTTTAGAAATAGG
AATGTGTGGCCAGGCGTGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAACACTTTGGG
AGGCCTAGG

>Sequence 967

GTTTTGAGCGTATACACTCANNCTATAGGGGCCGGAAATTGGGAAGCCTT
CCACACGCGCCGGGTTGTGCGCGGTCTCGGTCCCCGTGCGCAGGGTTCAC
CCCTATTCACCGTTGCCCCAGAAACAACGTTATATTCTTGAGAAGAATGA
GGAGGAGGTAAAACAAGGAACCAGAGGTTTCCTGGCTCTCAAAGGCAAA
CCCCACCCAATTCCCAAGTTAAGGGCCGGAGAAAGAACCAAGGAACCTTA
ATTAAAAATTACCATTTAATATTGGCAAAAGAATAAATTTTTCTGGAA
TGGGGTGGGCCAAAAGGTCGCCTCCCCAAAAGAACCAATTTTTGGACCAG
GTTTAAAATATTAAAAAGGCCAAACCTTGAAGTTTAAGAAAGGGGGTAG
AAGGGGGAAAAAAAAGGCCAAACTTGGGGGGGAATAGGGTAAACATTTTTT
AATGGGCCTGAAGAAGGATTCCAGGGAATAGGGCCTTTCTTTTGGGCCCC
GAAAAAAGCAACCAACCTTGGGAAAGCCCTTGGAAAGCCCCCTTGTA
GCGGAAAAGCAAAAGGGGCCTTGGAAAGTTTGGGGTTGGCCCGGGGCCAT
AGGGGGGCCCTGGGGGGGTGAAGCTTTTGGGCCAATGGGGAAAAGGGAAG
AGCCTTTGTAATCCCAGGGTCCAATAAGGCCCCCCCCCCGCGCTTTTTTGT
GAAATTGGGGGTGGGGGGGGGAAAAAGGACCCTTGGGGATTTCGGTATAAAG
GGGGAATTAGTGGGGCACACGTAAGTTTTATCCCTAACGCTGGCCAATG
GGG

>Sequence 968

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCGCTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAAAGATGGGGTTTTACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTAAATAC
AATAATTCTGTTATTGATAAAATTTAAGGCAT

>Sequence 969

CCGGGCAGGACGCGGGGGAGTTACCCAGAACTAGCAACAGTAGTAAGCCT
CATTACTCAGTTGTGAGGGGGGAAGGTAGACTCTTCCAGACCTTTGATAA
AGGGGCTGCTCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGC
TTTAAAGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTA
ATCTCTTATGTCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGT
CAGCAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTCTGTCA
CCCAGGCTGAAGTGAAATGGTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCT
CCTGGGTTCAGTGATTCTCCAGCCTCAGCCTCCAGATAGATACCAGTA
AAGATGTCATCTGG

>Sequence 970

CCGGGCAGGTACACCCACCCCATGTCATTTTAAAGGGCAATGTGACTTG
CACCAGGAAGCAAAAGACTGGGAGCACTGCTTTCCATCGCTCTGTGGCAT
GATTTCTAGTGGTGCCCTTCTCACCCCCAGACACCCCATGATGCAGGAG
GTCCCTTCCCCTGGCTGCTCCTGGACCAGGCCACAGCTCAGGCTGAAACC

Table 3

183/1077

AGGCTGTCTCTGAAAATAGAGGACGTAGGCAGAGAGGTGGCTGGATTCTT
TCCGCGCCAAGCAGGCACAGTGCCGCCCCCTCCTTGAAGAACTCTGCCTA
TTTTCTTTTCTCCTCGACCCAGTGGGCGAAAGAAGTTGAGGTCTTCAGG
CAAATTCTTCATTGCTTGTTGAAGACCG

>Sequence 971

AGGTACGGAGTCTCACTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCCATC
TTGGCTCGCAGCAACCTCTGCCTCCCTGGTTTAGGCAATTCTCCTGCCTC
AGCCTCAAGTAGCTGGGATTACAGGTGTGTGCCACCATGCCCCGGCTAATT
TTTTTTAGGGAATTTTTTTGAGTAAAAGACGGGGGTTTCACCAATGTTGG
TCAAGGTCTTGGTCTTGATTCTTCCTGACCCTCCGTGAATCTGGCCCCAC
CTTCAATCCTTCCCAAAAGTTGCCTGGTGAATTTACATGGGCATTGAGTC
ACAACCTCCCGTCCCTGACCTCAAAGTTTACCTTTTTTTAATTAGCTTTTA
AAAAAAAACCTGCCGTTGCCCAAATAATCAGATTATCCGTGGAAATTCAA
TTATTAATAAATTTACCTTGAACCTCACCTCTGTTCCACCAAGGCAATTTT
TAACAAAAAGTAGGCCTTTTCATACATTTTTTTAGGAAAAGGAT

>Sequence 972

CCGGGCAGGTACCAAACACAATTCCTGCTCTCAGGGAAACATGGATAAGA
CTTAAACAAGTGAAATGTTAAATAGCCCTGTGAGACAGGAGGGAATGCAT
ATCAAGCAAGACAGTGTGGTCATTGGGTTTTGAGGGGGAAAATGAGGGAA
AGGCCTTTGTGTGTGAGGTAGGGTAAAGTGGATGAATTAGAATCACATAT
TAGAAAGGTCTTTTATGGTGGGAGTGGTTGTTCTATTGGTTTCAATTGTT
TATATTATTAGAATTTTTTTTATTTTAAAATTTTTTACTATTATTAGCT
ATTAAGAGTGTTTACTTATTTGATACCTTTTTTTGAATGTTTATTACATTT
TTAAATAGTTTGTACATTTATATAACCTTTTTTTGGTATTTTAAACTTTT
TTGTAAGGGTAATAGTTTTTTTTTAGATTTATTATTACTTTTTTTTATATT

>Sequence 973

ATATAATATGTATACGAAATATTTAATATTACTTTATTACATTAATATAA
TATATTATATATATATAATAAATTTCTATTACTTATATAATTATTAAT
TATATTAGTTATGTATTAATAATTATGCGAATTGAGCTCCACCGTGTGGCG
GTCGATGAACGCGGGGGAAAATTCTGATAATTATACTGCCCTTCCCCTTT
ATAGGTTTTCTGTAGGAGTTAAAATACACTTTTTTCAATTGCTTGACATAA
TGCTCAACACTGGTAGGGGAGCTAAAAATGTCAGCTATTGTCCTATGTGC
CAAAAAAAAAAACACACAGACAGAAACACACACCACACAAAGACACCAC
ATTGGAGGGAAAAGGAAGTTAAAGATTAGAAAAGCAGCAACATAGTGTAT
TCGGTAGGCAAATGGTGACCACTTAGTGAATTTTCATAATTCTTTTTTTA
ATTTACTTCTTTAATACTGCTTACATTTTATCAGTGTTTATATAATTGAG
CCATGTTATTTACTTTCTGTAAATCAGAAAGAAGGGTGGTATTAACCT
GACCTTTAATTTTAAATAAAAAACAAATATTACTTGGCCAGGCCACGGTTG
TCTTAATGGCCTGTTGATCCCTGCAACTTTGGAAAGGTCTGG

>Sequence 974

CCGGGCCGGTACCTATAGAAATGCCTTCCTCAGGAACCCCGCCATTGTTA
AACAAGAGTGAGCGCCTAGTGGGCAGAAATGTAGTGATTGTGGAACAACC
TTTTCCAAGAAATCAAGCCTTTGTAGTTAATCAGGAATTTGACAGAGAAT
AAGCCTCACAAATGAAGTGAATGTGGCCCCATCAGTAATAAATTATATCT
TGTATCTTACAGATATTGTATCAGAATAAATCTTCTGATACCAGAAAGGT
GGGAAAATCTTTAGTAGGAATCCTCCAGCCATTATATTCCAGAGAGCTCA
TTAGGGCTGAAACACTGTGGAGGCAGTGGTTGTGGAGGACATTTCTGTG
AGAAGTCAAACCTGTTAAACACCATTGAAATCATGTTGGGTAGAAATGCA
GCTGTTATGAGGAAGTCTTTACCTGGAGATGATATCTCAATTGGTATCAA
AAGAATTCTTACAGGAATATTTATGAAAGATTGTGATGGTGCTATTAGCG
CTAAATTGTGCCTCGTGTGCCAAAGAAACATAGACAACCTGTAGAGGCAAT
GGATATGGAAAAACATTTTCGTAAAATATGGGAAAATTTATGGAAAAAAG
AACTCTTGAAAGTAAGAAATGATGGCAACTCACCAAATTAACATCATGTAT
CATAACTTTATGGCTTGAAAGTCTTGGAAGGACGTGTTTAATGAAATCTT
GACCCCCAAGAATAGTTTTTTTGGAAATGAAAACCTATGAATATACCAAATA
TGGAGTAAAATGGGGTTAGTTCTTAAGAATGGTGCACCAAACCTACACAAA

Table 3

184/1077

TTTAAGGGCTTAAACCACACT

>Sequence 975

CCGGGCAGGTACTGGACTTGCCTAATTTCTAGGCATGGAGTTGGGGCTTG
TAACAATGGTGGGAGATGGGCAGTGCTTTGGGAATGTAGCTGACCACTGC
ATGGGTGCTAACTAGCCCAGGGATCTTAAAGAATTTGTGTAGGCCATGAA
GGATCCACTCCAGCCACTGAATAGTCATAGAATTGAATCTAGGACATCAC
CGTATGCTACTACCATGCAGTTTTATCCCTTCTAAGAATCCAAATGCCCT
AGTTTAATTTCTAAATTTTTGTTTTGTTTATTTTCACTAAAGCAACATGT
TAGTGGACTGCGGAGGGAAGTGAATTTTCATGGCTGGTCCTCATTTTGATA
TCTTTTAATAGGATCATGAAGCAGTTGTGGTTGGAAGAAAACCTTTGTA

>Sequence 976

CCGGGCAGGTATCTTCTATCTAAATCTCATTTTTATTAATAGTTTCATTT
TATTAATTTCTTGACTCATGTTTCATGCATTAAGTGGATTCCCTCCTCAA
AGGACGTGTGCACTTGATCCACATCATCGTAATGCCTGTGCCATCTTAAC
TACATTTTTCTAGCTTGAAGGTCAGGATTAGGGGGAGGAACACCTTCCGA
GTTGTATTAACCGGGTTGGTGAGGTGGTTCGTCATGATATCCATCCTGTG
TTTCAAAATCAAGAAAAAATGAAAATCTCTTTCCACAAGCAGTAGCAGAA
GATATTGTCAGGGCAGGGCTGTCGCAAGAGTGTCCACCTGCTGTGAGCTC
ATCACAGATAACCGTCACCTCTGCTCCATCTCCAGCCTACTGTTCACTCT
GGAGAGCTGAGCAAAGTTAGGAGTGGATGCTGGTCACTGATGCAAGCAAA
TTCTTCCAAAAAGAGATTTGGAAAGGCAGCAAGCAGATTCTTCCAAAAAG
AGATTTGGAAAGGCAGTAAAGAAAAGCAAAGTTGGAAGGAGCTCTAGATA
TTGAATGGGCTCTGGCTACCAAGGGCTCCTTGTTTCATGTCTTTAGGCCAT
CTTCTGACATTGGGAAGTGGCTTTACTGTTTTTCCTATTTTAATAGTGA
GGACATTAAAACTCAATTAAGTTCCTAAGAATATTGCTAGGAATTGTATG
TGATGGGTCACAAATGGGAAGAAAATGCCTTTTACCTGTGGGGGGAGGCT
GGANAATGTAATGGATTTATAGGCCACTG

>Sequence 977

CCGGGCAGGTACCCAGCACAACTCACACAGTTATCAACCCGGGCAGTTG
GACTCTCGAATCCATGCTTGCGACTGTGATGCTACACTGCCCTTTTACCC
AGCACTTAACTTCACACACAGAGGCACCTCATAAATATGTATTAAATAAA
AGATTGATCACACATTCCTTTTTACAATCCTGAAAAAGTCATCTCCGTGT
TTGGATGAGGGGAAATACAAAATCACTCCTCTGGGAATGAGGCAGCAGAA
TGAAAGAGGTTGTTCTGAAAAAACAGAGTTTTCTGGAAAGAAGTGTCTT
TTTCAGACAGCAGTGCTTGACTCTGAAGAAAAATGCCCCATACATGGTTC
ACACAAGTCCTAATGTTTTTAATTTTTCTGAATGCAGAAAGGCGTATGGA
ATG

>Sequence 978

CCGGGCAGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCA
TTTTCTGTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGGTTACAGAACAAA
TAGGATTGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTAT
GACATTAGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGA
GGGGAGCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGT
TCTGTTTAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATT
GGCAGTGGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCA

>Sequence 979

CCGGCAGGTACAACACCAATGTAGCCTCAAAAAAGAACACAGCAGAGCAC
CGCAGGGGATCCCTTTCTGAACACAGTCTTCTCCCACTTCCCTCAGTCAC
CACTCAGTGTTTATGGTAATGACTTCCTCGATTTTCTTTCCTGTTGATCA
TTTAAGACAAAATACGTCCCTAAGCAGTATCACTTGGTTTTGTCTGTTTT
GAATTTTATTTAAATGGATCATGCTTCCTGAATTTTTTTTTTTGTTGTTG
TTGTTTCGAGACAGAGTCCTGCTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCG
TGATTTTCAGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCCGGGTTCAAGCACTTCTTCT
GCCTCAGCCTCCCTAGTAGCTGGGATTACAGATGCCCAACACCATGCCTG
ACTAATTTTTGTATTTNTAGTAGAGACAGGTTTTTCACCATGTTGGCCAGG
CTGGTTTTGAACTCTTGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTTGGCCTCCA

Table 3

185/1077

AAGTGTTAGGATTACAAGTGTGAGCCACCGAGCCTGGCCAAGATAGTTTA
AAAAAAAAAATTATATCTACATTAAAGCCCACAGTCACCCTTTGCTGAAGT
CAGTATTAGTAGTTGGAAGCCGTGTGTTATTCTTGACCCCATGAAGTGGC
ACTTATAAGGTAGCTTGCTTTTCCAATAATATGGCCTAACTTTTAAAACC
TACTATGAACACCACAAGCATAAGTTTTCCAAAAGTCAAGAAGGAAAGGA
ACCAATATTCTGAATACGTAGATCTTAACCGAAAAAATAGATGTTTAATA
GCCTTTATTAACCTTTTCCAGAACAACAACTTTGCTA

>Sequence 980

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTAAATTGTTGT
CCCAGCCCATTCTACTTGCAGCTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTCTGCTGCTGCTCCACTGCCACCTGTTTTCTTTT
CTTTTGGTTGCTGGTTCCCACCAGCCATTCAGATTCCAGCCGGACACACG
GGATTGTCCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATCCTCTTCCCCTGGCCCACA
TCCAGTGGGAGGACCCCCGTCCTCCCTCGTTACCTCCTGATGACATAAA
TTCTTGACCGTGGGCTCTTTGTATCTCACCGAAACTTCTGCGCCCGCATA
TTCCCCAACTGGTCTCCTTAACCTCACTTGTG

>Sequence 981

AGGTACAGACTTTCATTCAACAAATATTTATGCATCAGCTACATGCCAGG
ATCTGTAATAGATTCTGGGTGTGCAGTAGTGATTACTGCAGAATGCAGAC
ATGGTCCCTGCATTCTTGAGAGGGGAGACAGCAACCAAATAAACAATTACA
AAAAAGTATGTAACATAATTAACAAGTGGGAGAAGGGAGTGGGATTACACA
GCATAAGTGGAAGGAAGGGCCCACTTAGAGTGGTCAAAGGCTTCTTGAAG
GTAACATGTAAGCTGAGACCTGAAGAAGGATGCAAAAGGGCCAGCATGTA
AGGAACAGAGAATAAACATCCCAGAAATAGAAAATAACACACAAAAACCT
AAAGTCATTAAAGAACATGATCATCTTTCAAGAACTAACCTTGAGATC

>Sequence 982

AGGTACACTTAGATTGATTTTTTTTCTACCAGAAGAAATTTCTATGTAAAA
TGCTTAAAAACCTGTCATCAATTTGATTTCTGTAGCATTGGATATAGAGT
GTGAGCTTTTAAGGTTTTTAATGTGTTGCCAAATGTTATTTCCCAAAGG
CTTCATCGGTTTTCATACCCTGCTGGTGAGCTCTGTCCTGTTTTACTAGCT
TTCAGCATGTGTGTGTGTGTGTTTGAAGTGGGGTCTTGCTCTGTCACC
CAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCTGCTCACCGCAACCTCCGCCTAC
CCCAGTTGGAGCAATTGTCCTGCCTTAGCCTCTGAGTAGCTGGCATTACA
GCTGCCTGCCACCACACCCAATAAGTTTTGAATTTTAAATGGAGATGGG
GTTTCCCGGC

>Sequence 983

AGGTACTTCAGGGCTCTGGATTTCTTTTCTGTAATGCTGAAGTCTCAAAG
CTTCACAGGAAAAATTTGGAAAAGTATGACAGTTCTCTGTCTGGCATCTG
CTTCAATGTCATTTCTACTAGGGATACCCCTGAGCATTCTAATGCTTATA
AATTACCTTACAATATAGCCAACAAAGCTTTAGCTATTGCCAAACTCATG
TCTCAATCGCCTGAATATGAGTCTAGTAGTCACAATTACAGAAGCTTTCT
AGCAATCTGCAAGCTCTGGAGAAAGTAAATTTCCAACCCAAAGAAAAAGG
ATGCCATCTTCCAGAAAATACTGCAAAATTACACTCTTATTCAATGATCAT
TGTTTTTTTTCTCTAAAGGTTAAATTGTCTTTCCCTAAAACCTGGATG

>Sequence 984

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAACAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTATAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCATGACATAGGAAGGGGAAAGAGCTCTTGGGTC
AAAGGTGATGACAATCTGCAGTGAGGGAAGGGAAGTGAATAGAAGGGAAA
GGTGTTGCAAAATGTTGGCAATGAAGGAGTTTTGAGTTAA

>Sequence 985

CCGGGCAGGTACAGTAAAACCTGTTGTAATGTTGGTTACTGAAAATGGTC

Table 3

186/1077

TTTAGAGCTAGTGTTGGTTTAAATGGAGTTTTGTAATTATTTGAGCTGCA
ACTAGAGTGACAATTCTCCATTTTTAGAACTGTGCCTCTTGTCTGGCAG
CACTTTTAGTTATTTCTTTCTATTGCTTTTTGTTCCACACTCAATAAGC
TTTGGTTGGTGTGTGCTTATCAGACCTTCATGTTTACTTGCCAAATGAA
TATGGGGTTTTGTTACTAAAGTTAGTATTTTAAATCTATTTATTTTATTT
TTCTTTCTTTAGAAAACCTCAGAATGGACTCGTTTTCTAGTCCTGAA

>Sequence 986

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
GACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGGAAAATTTTTATTTCTGGCTGG
TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTCACATGG
GAACACTGACACAAGTGGAATGGGAAGGTTCCATAGGGATGATAAGTGC
AAAAACATTAAATGAACAATCCTAGCAGTATGCAGTTGAGTTCAAGGGGA
GGAGTCCTTGTGAGTAACCACGAAAGGGCCTGTGTTGTGATGAGATTG
TAATGAAGAATCTAAAATGCCCTGCAAGAATAGGTTGAGCTTGTCTTGCA
AACTTAACCCACAAAAGGCCAAAAAATCCATGGGGCCGAATAAACTTCCCC
CCAAGGGTTAGGGGATTCTTGGGCCCTTGAAGGCATTTCCCCAACTTGGG
GAAGAATGGGGAAGGGTTGAATTGGGGCCTTCTTGTAAT

>Sequence 987

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAGG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGCGGAAAGGATTCTTTG
TGATAGTGATACCTCTGAGGTAAGAGAAGGGTGGTATGAGATTTAGAATT
TTTTCACTGGTTGTGTGTTTATTTGCGATATTGTTTAGGTTTTGATTTGT
ATGATTAAATAGTATTCTAGTTGTAGAAGTAGTGGATAAATCTTTTATAA
GTTTAGTTGAGTAAAATATTGTGATAGCTGTCATCGTTAAGTGTTGTTAT
GGGAGGTTGGTTGTAATTGGTAATTATTTTATTAAGAGTGAGTGGTTTG
ATTTTTTTGTAAAGTATATGAATGATAGGTATTGATTGTATCAGTTTTTG
TAATATATCGATGGATATTTGTGCAATATTCTATTTAGTGATGGGAATAT
TTTTTTCATATTCTTCTTATAGAGTGTTATTGTAGTTGTGGTAGCTTGTG
ATTTAATACTATGTAATATTATATAATCTTATTTCCGGTGAGTGGTATATC
TATTTTTATTAGACGCGTTAGACAGCTGATTCATGTAATAATTTGTGTAC
TTACATATCTTGTGTCTGCGAATTATTCTAGTAAGTATGTTTAATTATA
CTATTCTTAGTTTTTAGTTAGTGATTATTTAAATGTGGTGTAGGACTG
TTATAATTGTGAGATTGAGCTAGTTGTTAGTGATATAGTCGAACGTATAT
TGTAGTATATAGATGTTTAGCTGTTGTTGGTGTACTTATATATTAGTCTT
TCGAGATTTTGTCTA

>Sequence 988

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATTT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTTATGTAGAAAAATCTTCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTTGCCATCTCCTTTCTCCTCTTTCCTTTGTTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAAATTGTGTTTTTAAATTGGTGAAT
GTTGCCATGCCTAAAGTGATCTCTGAGATATCCTCCTTTTGGGTATAAAC
ATTTCTGTAAATGTTGTAAAGAGCTTTCTATAATAGACACAGTAGACTG
TATTTAATTTTTTTCTCCCTTCTTGGTAGATCTCTTTTGGTTAAAAGAA

>Sequence 989

CCGGGCAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACTTTTTTTTTTTTTTTT
TTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCAAATTGACCAGGTTGGTCTC
GAACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCACCTTGGCCCCGCAAAGCGCTGA
GATTACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACTTCTCAACATT
CTGAGTTAGTCACTTTCCTTTGGTTTAAAGCCAGCTCGGGTTACTTGCAA
CCCTAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACCACCTAGAATA
AAATTCATTTTCTCCTTTNTTTTTTTTTTTTTTAATGGAAGGTGGGGAA
T

>Sequence 990

AGGTACACCCACCATCTTGGTATCAGGTCCACCTGGATATGCCGAATTT

Table 3

187/1077

CATCTATCTTTATTCATCTTGAGCAGAGCCCCTACTATATGTAAGAAATC
AAAAATCTTAGCCAGGCACAGTGGCTCATACTGATAATCCCAGCATTTTG
GGAGGCCGAGGCAGGCAGATCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACCAGCCT
TGCCAACATGTCGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCTG
GTCATAGTGGTGCACGCTTGTAATCCCAGCTTACTCGGGTGGCTGAGGCA
CGAGAATTGCTTGAACTGGAAGGCAGAGGTTGCAGTGGGTTGAGATCAT
GCCACTGCACCTTCAGGCTGGGTGACAGAACAAGGCTCTGTCTTCATAAAA
ATAAACAAACTTAAATAAGTACCTGCCCGGGC

>Sequence 991

AGGTACCCCTGAACCTAAAAGTTAAATTTTTAAAGTGGGTTTAGTATGAC
ACATACACATACACACATTTATGGTTTCAAATTAATGTTTCTGGTCTCT
ACTTAGTGTTNCTTTTCAATTTTAAAGTTCCCCCTAAAACTCACAAATT
TTAAAAAAGGCCAAAAAAGCCCAAAAAAAGAAGCAAAGGATGTTTTT
TTTAAAAAATTAATATCCTTCAAAGGTTATTCTCCAAAAACAAAATTTA
CCCCTGGCTTTAACCATTTTCAAACAAACTTGAATAAAACCATTAAGTT
TTGAAAAAAGATAATTTTTTTCTTAATTTTTTAAGACCTTGGGTGGCAAAT
TTTGGGTTGGAGTCCTTCCAAGTACACCTTGTTTAAAATTCCTTCCAAG
ACCAACCTTTTTTGGGGGGGGGCTTGAAAGTGCCCGGGGGGCAAGGTA
ATCCAACTCCTGGTAAGGGCTTCAAGAGGGAAGTTTTTTCCGNAAGTAA
CCCCCAAACCCCTTTGGGGCCCCCAAAAACAAT

>Sequence 992

AGGTACGCGGGCTGTTTGTTCACTGTCATCCACTGAGTGCTTGCCTCATG
TTCTGCTGAGCACATTCCCTGTGTGATTTCTTCTTATTCTCAAACTGCA
TTTGAATACCTTGTTGTTTTAAAGAGGAGGGAACGGAAGCATTGCCATT
TGCTCAAGATCTCACGGCTAGTGGGTAAAGAGAGCCCACTCCAGCACCACC
ACTGCGTGTTTGCAATTTTACAGACATTTGGAGGTGGGATGGAGAATGGA
TCTGAGGAGACAAGACTGGAGGTGGAAGGAACAGCATATTTAAGTTCTTT
TTCTGTGNGAAAACCTCAGAAATTTGAGTCTGTGGGGAAGCACCTCGAGGA
CAGAACATGTTGGGATGGGTGGAG

>Sequence 993

CCGGTCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTTGGTAGAGATG
GGGTTTCACTATGTTGGTCAGGCTCGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGA
TCCACCCGCCTTGGCCTCCCAAAGTGTTGGAATTACAGGCATGAGCCACT
GTGCCCAGCATAACAGAGGGTTTTGAGTGCCTTTCAGAAGGACAGGAAACC
CTGGCCACTTAGGGGAAAATGGGGGAGGGAGAAGGCTAGAGGCTCAACAC
ATGACATTTGGTTCTTTCAAATTTAGGGATTTTTTCCAAAACCTTTACCTCC
AAGAAGACAGATGGCCTTTCTCTAACATCGAGAGGGAAGACAATACCCTT
CCCAGGTAATTCTGCAAAATAATTTTTT

>Sequence 994

AGGTACGCGGGGCAGACAGATTACCTCATTTTCAGCTCAATAAAACATCAC
CAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAA
TCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCC
TCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGA
AAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATA
TCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTT
TTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCA
GAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATA

>Sequence 995

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGGATNGGGATTGGATNGATGGNNTGGGGT
TGATTGGTTTTTTTTTTTTTTCATTTTGAGTTATGGCAAGGAAAAGAATG

Table 3

188/1077

>Sequence 996

AGGTACAAGGGGACTGGGAAATGTGGGGAGGCTTCCCACAGGAGGTGAAG
CTGGAGCAGAGGCCTGAAGGGTGAAAAGTTGGTATTTACAGGCAGGCAAA
GGCAGGCAGTGGAAAGGAGAGTTGATATTCTAGGACAGGAATTCTTTCAG
CCTACCTTCCAGAAAGATTTTCATAACCACTTGGCTCTCACTGGTCAGCA
TCCCTTAATCATAGCTAGTTACCCAAATTGTAGCACATAACTTAGAAGTT
TGAGATCTCTATCGTGCTGTATTATTCATGCTTATTTTTCTAATGTTTGG
CTTTATTCTCTAAGAAGATGAAGTCAGTGGTGCAAAGTGAGAGCAATTCC
TACCTGTGTAATATTGGGTAAAGAAGTTCACCTATTTAAGGCTTACCTTT
TTTATTGAAAAGGATTGCTGGGAAAAAT

>Sequence 997

CCGGGCAGGTACACTGACAGAGATCGACCACTAAAATCTTCTGAGGCGCA
TTTATCTTTCTCTTTGAGAGAGAAACCCCATTTTCCTTAAGAAAAGGCAA
AGCTGTTCCAGCACATGTTTTAAATGATTCATATTATCTGACAATGGAAA
GGGTAATTCTCTCCCAGGATTTAGGGTATAATTCTCAGCCATCTGAGAAT
TCTGTTTATCCCACCTTGTCTCCTTGCTCAGAGAATTACAATTAGATGGA
AACATCTAATGTCAAGGCATCTGATAGCTCCAGCATAGGATACTGTGACT
GCTCCAGATAGATTTTCTCCATGAAAACCAAAGTTGATGGTTAATTACCA
TGTCCCCTTCTCATTATGGCACTATCA

>Sequence 998

CCGGGCAGGACAGCAGCCGGATCTCAGCTCACTGCAACCTCCACCCCCTG
GGCTCAACCGATCCTGCCACTTCAGCCTCCAGAGGAGCTGGGACCACAGA
CACGCACTACCAAGTCAGGCTAAGTTTTTGGTTTTTTTTTGGTAGAGAGGG
GGTTTCATCATGTTGCCAGGCCGGTCTTGAACCTCCTGAGCTCAAGCGATC
CTCAGGCTCCCAACGTGCTGGGATTATAGGCATGAGCCACTGCACCCAGC
CAAATTGCTTCATTTTTTTATTACTCCATACTTCCTACATAAGATACTTCC
TACACCTGGCCAAATTGCTTCATTTTTTAAAAATATATTTTATTTAATGT
GAGTCTCACTTCTGTTGCCC

>Sequence 999

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACCAGTAAAAGTTAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAACTCTGCGGGAAGTGTTAGCCGCT

>Sequence 1000

AGGTACAGAGACTACCATTAATATTGCAGTGTGTGTCTTTTGTATTAAGT
TGGTTTCTGAAAATATCTCTGACAGATGCTGCTAGGCCAAAGTGCCTCCC
ACAGCTGCAGCTCTAGAGAAATCCGCGGTGGATGTTCTCCTCTAACAGTT
TTCTGGTCCCTGTGACAGTGCCCACTGCTTCACTACTGCTCTCAGGTGGT
GTGCTTGGTGGCAGTGCCGTGGGCATGGGAGGTTGCGGAGGGGGCTGGGC
TATGCAAACCTGCTGAGCCAGAACCATCCCTGTGGTTGGAGCCTGGGACCC
CAGCACCCAGCACAAAGCATCCAGCCCAGGAGCTGGAGCTGGGCAATTGG
AGAAAAGAAACGGCTGAAAGGGGAATGGTTTGCCCTGGCCG

>Sequence 1001

AGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTGTCTTGGTAGCAGAAAGAACTTCTCA
AAGTAAGGGCTTCACACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCAGCCATG
GCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGCCACAC
TGAAAATACTGTGGGGACAACCAAAAGGGATTTGCAAGTTACCACTATCT
CTCACCAGCTGTAAGACCCTGGGCACATTGTTGATCCTAAGCCTCAGTTT
CCTAATCTGTAAAAGGGTGATATTAATTGTTCTTGCTCACAGAACTGTTA
TGAGAATTAACAGAAATAGCATATTCAGACTATAGCAGAGTGTCTGGCAT
GAAACAGAGACTCAATAAATACAGGAACAATTTGGTTATTGGAAACAGTG
AGGCTTGGCATGGTGGCTCACACCTGTAATCCT

Table 3

189/1077

>Sequence 1002

AGGTACTCCAGCCTGGATGACAAAGTGACACCCTGTCCGGTAAAATAAAT
TACCACGGGCAGATAAAGTGCTCAGCGAGCCCACACTAATTTGCCACAGA
AGGGTGGAAAGCAAATTCAAGGCTGAAATCTAGCTCTTCATTTCTGAAAT
CATTCATGCCCCTCTCTCCTGGCATGAAATGCTGATAACCTGGTTTCAA
TTTTAAGCTTAAATTTACAGCAAACAGTGCAGGTATCTCAGTTCAATGCC
TTGGAACCTCCTCTAAAGATGATTCTACTAACACTCATTTTCAGAAGTGAG
TGCAAATAAATTTTTACATAAACAACCAAGTAATCCCACAGCGCCTGCAT
ACCTATTATAACTCAAAAACCTACCCTGCACACCTGAACATGATGTTTAAA
TACCAAGCCCCTGGTATGTCTGGA

>Sequence 1003

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAAGAAATT
GATGTCCTGGGAACTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTTTTCAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAATAATAAAAATATCACATTATTGCTCTACC
CACTAAAGGCAGCCCTGAAATTTTACAAAACAGTCTTTCCTGGGGGTC
GTTCTCGATGTGTGAGTATTATAACTTGCCCTTTTCATAATTACTAGTAA
GCTTCTTGAGACTAGAAAGAAGGAGGGCCTGGGTACACCAATCTTGGAAT
TTGTGCTGTTATGGTTAAAATTTTTGTTTTGTAGCTTGGGGGGCATGTCG
TTTGTGGACCTTGCTTTGATCGCAAAAATAACCAACCATTTGTGTCTTG
AGTTCCCGAGGTTGTTCTCCATTTTTGATTATTTGGGTGCCCTGGGGAA
CTTGGCCCTTTGCCTTTCCTGATTTTCCCTTGGGTTCATGTG

>Sequence 1004

CCGGGCAGGTACAAAAGCAGGGACCAAGATAAAGCATCTTGACTCAGTG
AGCTTACAATCTTTGAAAGCTAGGGAGGGGAGAAGCACTTAGATCTTATG
CTGCCCCCAGCAACCACTATAGCAGGATGTCATTACAGCAGAAAGCACTT
TCAGATTCATCACCACAGGTGTGTGGCAGTGGTGCTTTTTTTTTTTTTTT
TCTAAATCCAATGATCAAGGAAACATTTACTTGTAATCTTTCCGCCTCT
TTCCACATCACTAAACTGCATGACTGCACTTTTACCCAAATAAAACCTG
TCTTCCCTAAACCACAGGTTTAGACCTAGGATTTATGATTAGGGAATCTG
ATAACAAAACACTGATTTTTTTGAACAATTCACCAGCCTTTCAAGG

>Sequence 1005

AGGTACACCAGTTTGAACCTTAGTATTATCACTAATGCAAATATGAGCCT
AGGCTCAATTTTTCCAGTTATGAAATGGGGCTGGCATTATCCGTGATGT
GCATGTTAAGAGAGGGGAAAGCTCACATTTTTGAGGTCCTCTTGTGGGTT
CTATTTTGGGTAGGAACCTCACGCTTTGTTTATTCAGCAATCATTCCTCCA
GAAATAACCTTAATAGCAACAAGAAAAAGAATAGGTGTTTTTTGAGCTC
TATCTGCCAGTTTCTCTATATATGAACATTATATATTGCAACATAACACT
CACAATGCCTTTAAACATCATCCCCGTTATACAGATTAGAAAACAGAATT
TTCAAGAAGGTAGGGGACTTGCCCAGGGATACATATCCTAGCAAGTGGCA
GCGC

>Sequence 1006

CCGGGCAGGTACAGAAAGCTACTATTTATGTAAAAAGCTAAAATATAAAA
AAGGTATACTCACACACATAGAGTTTGGTCACAGTGGCTATCCCTGGAGA
GTGAAAATGGTAGGAGGGAGACAAACATTTCACTACATTATTTGTTAAAA
CCTTTTATAAATTGTTGTCATATTTTTGCATATTATTTATTTTGTTTAAA
AATATAACATTATTTACAACCTTTATGACTACACTACTACACTTCTACAAT
CATCACACCACTTCCAACACTTCCTAAAAGATTTATACCAATTTTTATGT
TCTTCTAGGGCTTTGTTTCACTTTTTCTGAAGGTCCTTTACCAAAAGTCT
TTAAATTTTTTTACAAAATAATTTTCCCACCCCTTGTTCTTATACATTG
GCCACTTGAGTTACCTTTTGTAAAACACCCTTCTAATAGTGGATATTA
TCAAGAAACCTTCCAATATAATTCTTTAAACACTTTTAATTTTCTACT
CTAATACCACTT

>Sequence 1007

CCGGGCAGGTACTCTGGCTATCTGGGATAAACAGAAACAAGATGCTGGGC
ACCAGCTGTCTCCAGCAGGCAGGAAGGAGGGGGCTGTGCGAGGATGGGGA
TGTGAGAACTACCACCAACAATGGGGTCAAGGCTACCTGCCCCAACCTC

Table 3

190/1077

CAGTCTCCATCCCACATGAAAAATTTAGGGGGAGGCCCTCAATGGGATG
TGCAGAAGTAAGGCTTGACAATGCAAGGGCAGCGGCCCTGGGGTTCCATG
CAGTCCTCTACATGATGGTGCCATTGAAGGCAACACTCTGATGCATGAAC
TGCTCCCGTGGTTGAAAGAGGAACAGGCTCAGAAACCAGTACTGCCTGGG
TCCCACATTCTGGCACCACAACCTCACTAGCCCTGGGCAAAGCATCTTCTT
TCCTGCACCTTAGTCTCTCTTTTATAAACAGGGAATCACAGGAGTTCCT
ACCCTATAAGG

>Sequence 1008

AGGTACAGTTCAGTAGTGTTAAGTATATTCATATTGTTGTCCAACAGATT
TCTATAACTTTTTTCATCACGCAGCACTGAATCGCTATACCCACTAAACAC
AAGTTCTCCCTCCTACCTCCTCTGGGCCCTTGGGAACCACCTTTCTACTT
TCTATGATTTTGACTACTTTAGACACTTCATATGAGTGGAATCATAACAGT
ATTTGTCCTTTTGTGACTTTTATTGTATACTTTTATTTCACTTAGCATAA
TGTCCTTGAGGTGCAACCACGTTGTAGTATGTGACAAGTTTTCTTCTTT
ATTAAGGCTGTATAATATTCCATTGTTAATTTCACTTCTTTTAAACGGCAA
CATATTTCACTGTATGAAAGGCCTAGTAACTTTTTATTTC

>Sequence 1009

AGGTACAAATTCAATCACATTTATTGGGTAAATATTGCACTGGCTCCAAG
AGACAGCAATGTAATAAGTCCCAAGCCTACTCCTCCTAACACTCTAATGG
AGGTGGGAGACACCCCGCAATCATCCCTAACTCATACTTAATAAAGATC
AGCAGTGCACATGGTGCCAGAGATTGGCGCCACTGCTGTAATTATCTCCA
GGGAACCTTGAGTTTCTTTATGAGGGGAGTAATCAGAAGGGTTGTTGAATG
AGTCTCCTGATTTTGAGAAGTCACTTATTTGAGCTTTAGTTTCCACATTT
GTCAAATTAATTGCTAGAGTCAGTAGATGATCCCCAAGCTCTCTTCCAG
TTCTGAGAGTCATAGAACATGCACATTAACAGAGATGGCTGCAGACAATG
ANCTTGTACCTGCCCG

>Sequence 1010

CCGGGCAGGTACAATAAATGTTTGATAAATACTGGTTGACTTAGTGACAG
AATGAATGAGGACAGTTAGGATCTAAAATAGGATAGAGAGCACCATGGAG
AGGCAGGAAGGGCCTGAAAGGAACCCTTTCAGCTTTATAGTTTTCATT
AGTCTTTAAGTTGAAGGCAAAGTAGAGGGTATACATATATGGTTTTGTCC
TCTGCAGTTATAAGCTTTATTAATAGAAATATTGCCCTTGAGCTCTCTG
GCCCAGGACAAAACCTACTGTATGTAATTGAAAAACATTTTAAAATCTAAG
TGACAGAGGAATTTTACTCTGTGAGGATGGTTAATGGAGAAATCACTACA
ATCTAACTAGGAATTTTCCCATCCTTCA

>Sequence 1011

AGGTACGCGGGAAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCC
TTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTG
TGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGNTCCTTAAGAAGGAAAA
TTTGAGCAAGTATTTTAATTGGTTTGGAAACATTTGCATTAAACAGAGGTG
CCATATTTCCAGGCTAACCTCTAGAAAATTTTTATGTCTCCAAACTTTAG
TTTGGCCCTCTTTTTTCTTCTGTCAAGAGGGACCCATCTTNCTTAGTGG
GCAACCTGGGGGAAAATTCTTTGTGCAACCTCATGAAGGAATTTCATACC
TTGCGCCTTCACCTGGCATAAATATACCAATGGGGCCTTACCATTGGA
TTTTTGGTAAGAGGGAGGAAAAGGGAAGCCCCTAGTTATTTGCTGGAGAC
TGTTGCCTGTTGCAGAAAAA

>Sequence 1012

AGGTACAATGGCTTCATTATTGCCAACTTGGAATAAGAAGTAGCAGAGGC
TCAAAATAGTAATGTGAATGCTCAATGTTACATAATAATTCAATGGCGAG
GCCAAGATTGGGATTCCAATTCTCACATTTCTAGCCACTGCTCTTCTTTT
ACACAATAAAGATGGGGAAAAAACATTTAAGCAAGTTTGACAGGAGAGTG
CCCTCTCCACCAACAAAAATTATTGAGGCTCAAAAGTTTCAGGGATTGCA
GAGACCATTCAAATGGGAAAGGGCAAGTCTCTTCAACATGGTGGTGGA
AACTGGATATCCACATGCAAAAGAATGAAGTTGGACCCTTACCTTATACC
ATATACAAAAATTAATTCAAAATAGATTAAAGATCTAAACAGAAGATCTA

>Sequence 1013

Table 3

191/1077

AGGTA CTTG CCCCCAGGCC CAGATAATTTATTTAAAAACTTTTTTTGTAG
AGACAGGGTCTCACTATGTTGCC CAGGCTGGTCTCAA ACTCCTGGCCTCA
AACAA TCCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTACAGGCATCAGC
TGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAATGTTTTCCCATGGCTACTTTTTCT
GGCGTTCTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGATCCTTTCCCT
AGGCTCCAGTGTGTTAGAATTAAGAAAGAGGAAAGAAACACAATGGCTT
GATGGTCGAGGACAGGTTTATTTTAAAGAAAACAAACCCACAGTGGCTT
CTGGCTGAGTTAGATCAGAGGCATGCTCTCTTACAGACTAAGAGTTTTTA
AGGAT

>Sequence 1014

AGGTACCAGTTAAGATCTAGCTTCTCGGTTACATTTCTCCTCCATTTAC
AGTGACATTTAGCATACTTTGTTTGTGGCCAGTATGAAAGCCACCAAT
CTTGAAGCACATAGGCAACCTGAGCTGCAGTGTAGGAGAATAAGGAAA
TGGAGACATCCCGTGAGCACCAGCTCTGAAGTAATTCTTATAGGCCTGAA
AACCAACTTTTCCTTCAGAACGGTTCTCCTCTGATAGTGTA ACTGGGACA
TTCTCTGTATCTTGGCTCTCCAGAGCACCATCTTCAAGGAGGGTCTAGA
AGATTGTTGAGACCAAACCGAAGACTCTGAGAAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 1015

CCGGGCAGGTA CTTGAATCCCTCAAACGAGATGATTCCTTCCATGTGTTTC
TTTTTG CCTGCTCATTCCCAAATTTAGTGACAAGAACACCCAACTTTTCA
AGCCAAATAGATATGGATTTGAATCCCAGATTGACCACTTATCAGCTAAG
TGATTCTAGAGTTACTGAACAAGGCTTCATTTTCTCATCAGAAATACAGT
AACCAC TTTGAAAGGCTAGTGTGAAGATTAACAATAATATGCACAACGCA
TGCTTGCTATCAGCATTATTATTCATTATGTGCCTGACACATTCTTTTTT
GATGTTGCTGCTGTTTGTAAATATCACTATTAAATAGCATAAGAAGGATAC
TCTGTTTCTCACTGGCAAATTGGAAGCCGGCAACAAAC

>Sequence 1016

AGGTA CTTTG CATA CAGAAACATTTTTCATCACTTACTAAGTGAGAATAG
GACCCTGGCCTAGGGGGGAAAAACAACCACAGACAAACCATACTTCCCTGA
GAAGCAGGAGCATAGTGCTGGCTAGTGAATTGCTTTCACAAACCGACCTC
ATAACTCTGTGCCTTAGAAAAATTAGAAATGGGAACATTTGGAGATCACT
TGGGAAA ACTTGAAATTATGAATGTTAATCTGTGATTGCTAAGGGAACGT
GGTATTTCTGCCTATTTTGGCTGTAGTTTGTCTCTTTCTCTTCTAATTC
ATTTT TAAAACTCTGCTAGATTAAATTTTGCTAAAATAACCGTTTTGCA
CCTCCTCATTTCTGTTTAAAAACATGTAGGTGAACTCACCATT

>Sequence 1017

CCGGGCAGGTACCTTCCATGATGTTGAGGAGAGACTCNNTCCTATCCTCA
CCACACCAGAGAGTAGGTATGCAGGTTGCCACCAGTGTTCTCCTCCCTAC
CCACTCCCTCACTTTTCTTTTCATTGGTT CAGTAGAAGGAGGGGCTGTGC
AGTAAGTCTGCCGCTTGAGCACAGGGACAGCCGTCCTG CAGTGCTGGTC
TCCTGTTCTTGGAGGCACCTCAGTCTCCTTGACCTCTTAGACACCCTCCT
ACCCCCAAGGTGGGGAAGGAGCAAGCAGAGGCAAAATCCCAGCCCTCCTT
GTTAAGACTACAGTGACTTTCTCCTCTCCCTTCTCCGTGTCCGTAATGC
ATAGCTGGAAGGAAGTGTCTGGGTGGGTGATGCCAGTAGCTGGGCTGGTG
CCATGCCCGGTGC

>Sequence 1018

CCGGGCAGGTA CTTAAAAATACAAAAAATTGGCCAGGCATGGTGGCACATG
CCTGTAATCTCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACC
CAGGAAGCGGAGGTGGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCATTGCACTCCAGAC
TGGGCCACCAGGAGTGAACTCCATGAAAAAAAACCAAAAAACAAAAA
AAATGTGTATCTTATTACAGTTGAGTCCTTTTGTGAGACGAACATTCAGT
GTTTGCTAGATTATTCTAATTAGCTACCTTTGTATGGTTAGGTTAGCATG
GAGCTGAAGATAAATGTCCCGTTTGAAAAAATGACAGCCCTTCAGAAAAC
TCTGGCAGTTTACAGAAGAAATACAAATGGCCAATAGGTATATAAAAGTT
CCTAACAAAGTGAATA

>Sequence 1019

Table 3

192/1077

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCC
TTGGCAACA

>Sequence 1020

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCACCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTCACCATGTTGCCCAGGCTTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATC
TGCCACCTTGGACTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCAT
GNCCTGGCCCTTAAATCCAACCTTAGAAGTCAACAATCTCTTTATTCAT
TGGAAGCTTTCTGGAAGAAAACCTCCATTCAACGGTGGTGGCTCTCTTT
TCCTGGATGGTGTGTTTTGTGCCCCAAAATGGGCTTTGTTTCGTCCATCAA
GATGGACCTTTT

>Sequence 1021

AGGTACGATACTACATCATGTGTGGCTTGAGTAACAGCTGGCATAGTTGG
ACTTTTCCTTCTTTGTGCCACCAACTCCATCTTTGGATAATATTCTTTAA
TCTTATTGTTCTTTATTTACCTTTTTTTGTTTTGTTTTTTTCT
TGAAGAGTGCAGGCTTCTGAATCTCTGTCCTCAAACCACCTGAAATTTTC
TAAACTTTTTCTAATTAGAGCATTTTAGAATTCTTTTTTTTTTAAGTAAA
GATGTTGCTGGGTGTGGTGGCTCAACCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGT
CTGAGGCAAACAGATCACCAGGTCAAGAGATCCAGACCATCCTGGCCAAC
ATGGTGAAACTTCCTCTTTACTAAAAATACCAAA

>Sequence 1022

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAGAGATGGGGTCTC
ACTTTGTTGCCCAGGCTGGTCTTGAACACTGGGATCAAGCAATCTTGCT
ACCTCGGCCTCCCAAAATGCTAGGATTACAGGGGATGAACTACTGTGCCT
GGCTAATCAACTATTTTTTTGTCAATCAACTCTTTGAGTTATTGAAGATAA
CCTGATATGAAGATTATCCAAAACCATCTACATGTTCTGATGCCTGCTCC
AAGCATCCAGTGCAATCCCCTCCCTTCTGGAGACTGAATTCCCTTTTTAA
ACAGAAGCAAAGCATGCACAGCCATCCCCCTGTTTCTAACCCCCACAGA
GCTTATTCCCTCCAGGTGAAAGATGGGAAGCTGGATCTCAATGTGAAAAAC
TTTGAACCATTTCTGAGAATTTAA

>Sequence 1023

GCACGTGATTTCGAACCGTTCGAAAACGGCAATGTTGCTGCAACACGCTGG
CGGCCGCCCCGGGCAGGTTCAGTCAAGTCAAGTCTTTTTTGGTTTCCCTATGTCA
GAGGCTGCCTCCAGATGTCCCATATCTCTGCAAGGACAACCAACCTTGGG
CGACAGAGTGCTCAGAAGCCCAGCCAAGTGAGGGAGGAGCTCATCCTTCA
TCTCACTCAAGCCACTGCTGGTGTGTTACATGGCACATCTGCTGACACCCG
TGGGAAGAACACAGAATGGAGTTCCTGGGGAGGGTTAAAGGGGCCTGGCC
ATCCACAGCAGCAGTTCTGGCTGTGGCTCTACTACAGGTGGCTGGAGCTA
AATTGGCCCTTCTGAGCTTCAGTCTCACTGTTGGGAAAATGGGGAGACTG
TGCTGAATCACCTCGTCACTCTTTTTCCCCACAACTTTTTGCACAAAAA
AGTGAGGCTGGTTTAACTAGC

>Sequence 1024

AGGTACTGTGTTGTAAGAGATGCAGGTTAGCAGAAACCCTCCACATGAGA
TCTGCTTTAAGACTGACCCAAGCCTGAAACGCTCTCTCCCTAAGTGATCC
ATGTCCCTGCGGTAATAACCATAACCACTAAGCTAACACACTCACTGTAAA
AGTGTGCTTCTCCATGAAGCACCAAGACTTGATGACCATTGTCAGTTCT
CATTAACTCCACTAAGACCCTAAAGGCTAAATGACAACCAAGCCTCTGTC
ACTCTGCCTGAGTGGATTTACCACAAATATCAAATCTGTTCAATCTATTA

Table 3

193/1077

TAAGAGCTAAAAAGGAGAAGCACATGAAATCACATTTTCATTCTTAGCTCT
TTTATTTTCCCATTTTTCATTTAGACATTGAATACCATT

>Sequence 1025

GCCCCAGTCTTCNCCNCTTCTACGCAATTTCTGAATATCGGGCGAATTGT
AGCTCCACCGCGCCGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTTCCCAGAGGACACAGTT
GAAATGAGGCTCTTTTAGGAAAACTAGGCTGTTTAATATCCATATTGAG
TAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACA
GAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTGTTTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATC
TTTATAATTTTAATATTCCATTAGAATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTC
CATCTCAATCACATCAATAAATTGATCCCAACCTTTATAAAAATAAGCTT
GGATAGAAAGGAAAATCCGAAGACTAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAA
GGAGACATCTTTTAAGAGGAGGACAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGA

>Sequence 1026

AGGTACTTCATGTCCATCATTTCTATTTTCACATTTGGATCTTGCTGGGT
GAAAAGGATCTGTCAATCTTTTGAATTCTTTAACAGTGGTTTCGATTTC
ACTTGGCCTACTGAAATCAAAGCCAAGTGTCTGCAGAGACAGCGGGCTCT
TTCATGACTGTGAAGGGATGATAAAGGGAAACCTGTCATTTTACCTCTTA
TAAATGGAAAAAACAGATGAATCTGGCCTTCTCTTGTTTATCCATTCTTT
CTTTTCATTCTCAGTCCTTTTGCTTCACTTCACAACCCAGGAATTCCT
TTCCCTAAAGGGGAAAGTGTGATCATGGGAGACAGTGTTCCTTGGGGGT
CAGGATGGGATCTCTGGAGACAACTGTTTGGGTTCAGTCCAGCACGCC
TATTAC

>Sequence 1027

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAAGAAATT
GATGTCCTGGGAACTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTTTGAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAATAATAAAAATATCACATTATTGCCTACCC
ACTAAAGGCAGCCTGAAATTTTACAAAACAGTCTTCCTGGGGTCGTCTCG
ATGGTGAGATATAACTGCCTTTCATAATACTAGAAGTACTGAGACAGAAG
AAGAGGCTGGGACCCATCTGGATTGGCTGTAGGTAAATTTGTTTGTGCTG
GGGGCTGCGTTGGGACTGCTTGACGCAAAAACACAACATTGGTCTGAGTC
CGAGGTGTCCCATTTGATATTGGGGCCTGGGACTGGCCTA

>Sequence 1028

AGGTACCAAGTGGAGAGATGGGCAGCTATAGAGCTATTTTAAGCAAAACA
AAGTTTCCCTCCAAAATGTCCGCATCCTAATCTGGAACCTGAGAGCGCGT
TATGTTATAGGGCATAGAGGAATTGAGGTTGCAGATGGAATTAAAGTTGC
TAATTAAGCTAACCTTAAGATCAGAAGAGGAACCCTTGGATTTTCTGAGG
TGGAGCCCAGGCTAATCACAAGGGGTCTTTGTAACAATTAATAGACAAGA
CGACCAGAGCTGTCATCTAGAGTTCAAAGAAAGGGAGGGTGCTGAATGTG
CAGGAAAAAGGGAGAAATTTGGTACATAAAATGGGAAAAGATGTTGCACAA
AGCTTTAAATCACTTCCACCTGGCTGAGCAACATGCCTTGTCCACACGAA
AAAGAGACCTTTTAAGAAGGCTTGGCAAAAAGGGCCAAGGGAAAAAACA
ATTACCTCCCCCCTTGGGAGCCCCTCTAAGAAAAGGGGAAAGTTAGGTCT
CTTGCTCGA

>Sequence 1029

CCGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATGA
CTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTCATCTCTGAAAAGCTACTCATCCAC
AGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGAGGAGATCTGCTTCTCTCCC
CAACTCTGAACAGATGGGATCAGAATAGGGCCCTTCTACATCCCTAGCCA
AGATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCCAGGACATAGACAATGGGGTCTGA
TGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCTGNGCAAGGGGCTNTTCCTGAGG
CTGGCAATGCCATTTCTTCAGACTCAGAAAAGGGATTTAGGGAGAGGGAA
ATGGTGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTACCCTGGAAAATATG
ACACAGCTTGTGGGAGCCCAGCCCAGCAGCTCTGCCATCTGACCCTTCTT
CTGCCTCTGCCAGGACTACCTGTCCTGAAGACAGGCAAAAAATGCCCCAG
GGACACTGTTCTCCTGGGTGCTGAAAAAGAAAGACAGGGTCTGGTAAAAG
GGGTTAAGAATGAAGGGAGAAAGGACAGGTTTCTGGGATGGGCCACGTAC

Table 3

194/1077

TAATCGGGAATTTCTCTTTTTGGGAAGCCAGGCTTTGGGGATAGGCCGGA
CCCGGTACCTTTTAAACCCCGCCCCCTTGAAAGGATTAACCTTAGGTTT
GGGAAGAAGTTTTATGCCCATACATTTTAGAACCCACCTTAAAAAGTGAG
GGGTCTGACCTCAAAGGGCTTTTAGGTGCGTTGCCCCACCTCGGCCTTG
AAAAGATAATTTAAACCCCCCAGGTGGGTCTGTGACAAAATTTTCATTTT
TTT

>Sequence 1030

AGGTACATGTCACCCAGTAATTCCCTGCACAGTTAAGATTGCAGCAGAAG
AAGCCAGGGCTGAGACTGGGCCCTCTGAGTATCTGCTGTGGGACACAGGC
TAGCATGCCCATCACACCGACCCAGACAAATGCATGTATCTTTTGTGAGA
CATAGTGAGTTTGAGGGATTCTGTGGCATATCCAGGTGATGTTTACTTAC
TAGGCCACTGGAAATACAAGAATAAAGCCTATAGTAGATCTTTGAGTGAA
CGATGTAAATTTTGAAATCATCAATATATGAGAGATAGGTAAAACAGTAT
AAGCAGAGGAGACCACTAGGGAATAAATGATAGAATCAGAAGAATAGAAA
GACATTGCTTAAGGCAAAACAACCTTTTAGTGGATAGAGAGAGAAAAAGAA
AGCTCAAGAAAGA

>Sequence 1031

AGGTACCTCTGGAAGTGTGGGTGAAGAAGGCAGCTAAAATAAGGAAAGCT
AGTTAAACCTATTTAAAAGCCAGTCAGATATAATAGTAAAATTGTATAAT
TAGTATACTCAGAGATAAAAGATCACGTATCCATGAAGCAAGAACAGACT
ACTTTAAAATAGAAATTCAGGGTGGGCGCAGTAGCTCATGCCTGTACTCC
CAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGGAACAAACACTTCAGCTCAGAAG
TTCAAGACCAGCCTGGTCAAGGTGGCAAGACCCCGTCTCTACAAAAAAA
GAAACAAAGAAAGAAAAATAGTAGGGCATGGTGGTGCTTACCTGTGGTCC
CAGCTACTTAGGAGGCTAAGGTGGGAGGATCACTTGAGGACAAGAAGTTG
AGGCTGCAGTGAGC

>Sequence 1032

CCGGGCAGGTACTAAGATTCTATGGTAACTGCTTGTATTTAAGTTTTTCT
CCCACCTGAAAGAGTATAAAGAAATGTTGGCTCTAGGTTTATCTTTTTGC
TGATTATATCATACACTCATTCAATTTAAAACATTTTAAACAGTATACATT
GGAGCACCTTATTTTCTGCCAGACACCTTTTAAATTCTTCAGGTTCTTCA
GTGAACAAAAAGACCAAAATTCCTGCTCTGGTGATGTTTGTGGAGGCAGA
GAAAAAACACTACAGGCCAGGTGGGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCA
CTTTGGGAGGCTGAGGTGAGTAGATCACAAGGTCAGGAAATCAAGAGTAT
CGTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTGCTAGGAATACAAAAATTAGC
TGGGCATGGGG

>Sequence 1033

AGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTATGAGGCT
GGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAACCTGCAGAGGAAAGAAGGCTGCCCTACC
CCTGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTTCTCCTG
CCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGAACCGGG
AGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAGCATTTTCGGCGGGGCCTC
GTGCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAAAACAGCC
AGTAGTTCCATTCCCCTAACATCTTATAGTGACCAATAATACTCTACCA
TAACTGTCGAAAATCCTAAAAACTCTTTCAACCCTGAGATTCTACTTCTA
AGAGTTCTGGGCCAGGTTCCGGTGGCTCACATCTGTAATCCCAGCACTTTG
GGAGGCTGAGATGGGTGGATCACCTGAGGTCCGGAGTTTCGAGCTCAGACT
GACCAACATGGTGAAACCCCGTTTTCACTAAAAATACAAAAAATTAGCTG
GGCATGGTGGCGGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGACAG
GAGAATCGCTTGAATCAGTTGCAGTGAGCTGAGATCATGCCACTGCACTG
TAACN

>Sequence 1034

AGGTACTGATGCTATTTTCGTGCATATGTCTAGTGTATATGTTTTAAGGC
AAACTTTCTTTGTGTGTTGGGTGTGTATGTGACACGAATGGGGACAGCAT
CTGTATTTCTGAGCATGGATTGATGTGTGGTGTCTGTATGTATCTTGGAA
TGGAGGAGGGAGATTGAAGAAGTCTGGTTGTGAGCAGCAGAAATAATTTC

Table 3

195/1077

CAAAGTTGAGTGACATGACTCTAAGATGCCAGTTTCTCGGCCTGGGGTC
AGCCTGGGTGATAGCTCAGTCTGTCAGAATGAAAGGAAACACGGTGCTTC
CTTGCTCCACCTTTTCACAGGCCAGACCACACCTTTTTCATCCTGAACAC
AAGGATTTCAAGGGCTTTTGTTACCTCTTCTACATTTCTGCCTCTGCT
TTCCGAGGC

>Sequence 1035

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTGTTGCCGTGTCAC
CCAGGCTGGAGTGCAGTAGTGTGATCTTGGTTCAGTCAACCTCTGCCTC
CCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAAGCAGAGCTTGACAGTGAAGCCGAGAT
TGTGCCACTGCAGTCCGCAGTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGT
CTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGATGAAGGGTTTGTAAAGATGTTTAC
TTTAAAGAGTGTTTCTTTAAAGGTAGTTAACATATTAGTAACAAGGAA
ATTTTAGTAAGACTTAACCCAAAGAAGTAATAAAAAATTTTATTGGAAA
CATTTCCAGTCTATCTTAATTAGCTTTTACCTTTAAAGCCCTGCCCTA
CATAGTTCCTGATAGAATGAATAGACTGCA

>Sequence 1036

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTCAGTCAGATATGCCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAACTTCTAATGATTTTTTCTGCTG
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTTTCTTAAAAAATCCCA
TAAAAATATTCATTATCAATACATCATATTGATGATATCACTCAAGAAGG
AGATGTCTCACTCTAAGCATTATTATAAAAAATTCACAGGCCAGTCCACTT
TTCTANGAAAAATATNGCCNNAGTGATCCTTCTAGCCTTTTTGCATTTC
TGGGATTANTTTAAACCAGGCTTGCTGAGCAGGCCCTTGACAACCTGCC
TCTGTGGAACCAAATGCTCCCAGGCCTGTTTTATTTTTGGG

>Sequence 1037

CCGGGCAGGACACATACATGTCCTTACTTTACAGGGAGACTTTCAGCATA
TTTGTTAGCCAATGTAGCACCTCATTGATACTTCAAAGTAAAGTAATT
ATGCTAGCACTTTCATATCTATGAAATGTTTTGTGCTTAAAGTAAAGTA
CTGAATGTTTATAAACAACAAAAAGTTTCAGTAAGGGGTGAAGATCCT
ATTGAGATGTCTTAAGCAATTAAGAATATGTCTTTGCAGAACACTTCAAT
TTTTTTTTTTTTGTAAAACCGCGACCCGACTTAAAGTCAATTCTCTCAT
AATGCATTATCAATAGATTGTTACTTGTACTCGGCTCTCCCTTTAATAA
ATATGGGATGGGATGGGGCTTTTCTCAACATCACTATATCCCTCATCTC
CTTGTAACATTAACAAACC

>Sequence 1038

CCGGGCAGGTAAGTTCAGGAGACACTGATTTGTATATTGAAAAATAA
AGTATTATTGTCTACAATGGTAGTTGTGAAAGTTGGCAGCTGATTGGAAT
CACTGAGGGCATTTTTTCAAATAGTGGTGCCTGGGTCCGAGCCCCCTTCC
CCTCCCAATTTTGATTCTTATTGGCATTTCACACCTCCCCACGGTGG
ATTTTTTTGGTCTAAGTCCTGGGTGGGATATTCCCCCTCTTTCAACGG
ATTTTTTTGTATTATAACCTTTTACCCTTTTCTTTAATGGGACCCCTTTAT
TTGGACCACACCATAGGGTTTTTTTAAAAATCCTTTTATTACCCGGGGTT
TTTTTCTCCACATAAAAAAACCCTTTTCTGCGTGTTTAGAAAAAA
ACATCACCTTTTAACATTTGTATTACCTTTTCCCTCTTGAGGGC

>Sequence 1039

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCTTGGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGAC
TTAGGCTCCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGGTGCT
TAGTTAGGTATTCCCTGCTTGGATACCACTGCCAAGCTTCTTACACAATT
CCCTTCTGCCATTAACACTCATGTCTTTTGTAT

>Sequence 1040

CCGGGCAGGTACATCATTAGAATCCTACCTCAAACATGCAATGGTGGGAA
AAGATTTACAATTTAAAATTTAAATAGTAGTTAAGCTAAATTTATTTGG

Table 3

196/1077

AATAATTTAGGTTTCCCTGGATAATTTTCCACGTTTCATCTCAACATTAT
ATAAATTCATTCACAGTCACTCAGGATGAGTAAGTAATGCCTCCAAAACA
GCCTGGTCGTGGGTTCTTCTGAGTCCATCTGGCTTCTGGCTAGAAGACTG
GAATGACTCATAAAAATGAAGCAACCTGAGGTCACCTACTCCAGGTCTTT
TAAACAGAATTGCCAACTGCTTACCAGGTGGTTCCAATTTCCGAGAATAC
TTAAATTAAGGGAGAACTCATTCTAGATACACCATTTTATTTTCATATT
GTCTCTG

>Sequence 1041

CACGATGCACGTACTACTACGTCATATAGGACCAACAGCGCCGTGGCCGC
CGAGGTACTCTATGGTCTGTTAGTGTTTCTCTGTGTTTTCTATTGTGCT
GATGTGAGCTTGCCTGCTTTTGTAAATTAAGGATAAATTTATTTATGCA
TTTATGTATTTATGTATGTATGTAATAAAAAATAAGGGTTGATTAAAAA
TAGTTATTAAGTGGAGACACTTAAGAATAATACACACTTCTCTAAATAAA
ACGGAAAAGCCTACTTGCTGCTTGCTTGTGTCAGGTAGAATTGACCCGAT
CCCCTGCAGAAATCCCTGCCCTCTCCTCTCTGTCCCAGGAATGCCACGCT
GCCCTTCACGCTGGCATGCTGCCTGTCGGTTCTGTGCTATTCCTTAGTGA
CCTGTAGATTCAATTATCTGTGTCGCCACAACCTTGTCCTTTTAGATTGCT
ATATGCGTTAAGTCCAATCATTAAATCCAGTGATTTTCAAAATAGCAAA
AGTAGGTGTATAAGTTTCCAACATGTGTATAATTTGAAGCTGAGGAATGA
CTAAGAATGAAAGAACTCAGTTTGTTCCTCAGTGGGCTGCATGTGCC
TATGGAGTTTCACTTTGAGCANACTCTCTCGAGGCAAACCTGCTGGCCTC
ACCACCTCAGACCCCGCCTTGATGTTTCATGGGAGAGAACTGGTGGTGGGT
CCAGTTTTGAGCTTTTTTGAAGGACANGGAGAAGCCTTGAATATGACTTN
CTTTAAAAACAAAAGGAANTGGTAGGCAAGGCGGGTTTTTTTTTTGATTTT
CTAGAATAAAATTTATATTTTTTTAGATATAAACTGCTTTTCCTTGAGGG
CACCAGTGACTAATTGACTGCTTTGGAAGTGTGCTTAAACATGCACACAG
CTTGGTTGCTATTAAGCTGCAGAAAT

>Sequence 1042

CCGGGCAGGTACTACGTCAGGTGCTAAGGTAAAGATAGTATTTTCCTTCA
CTGACTCCTCACTCCGAGAATCCATTTACAGCTTCATTGGTTTGGGTTA
TTCCAATTTTTTGATGTGAGTAAATAAATGACTTCTATTTGCCCAAATA
AAGCTTATATAGGCCTTATAACCATGCAAATGTGTCCATTAAGTTGGACT
CGGAATGAGTGAATGAGTATTACTGCCAGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT
GTGTGTGTGTGAGCCTCTGTCTGTTTGGATGGCTGGTACTTCGGCCGCCT
TCCTTCTTGCGGTGCCCTCCTGGCTGTCTGACTTGCTTGTCTACCTGTCT
TGATACCCTGTTCTCTTAGTGTGGCCCTGAGCTCGATTTCTGGGCCCTT
TATCTGGGG

>Sequence 1043

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGATGGGTTGGAGGGAATGGATGGATAGATTGGATGGATAAGACAGTG
TACCTATGTGATTCAAGTTTGGCAATAG

>Sequence 1044

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA
TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACA
GAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCAT
AGAAGCCAAGATGAAATAAACTTTAAGGAGAAGGAAGTACTCAATTGTTT
TGAATGCTTTGAAGAAAGATTGGAATTGGGTAAAAAGGCCCTTATATTTG
AATAACCAAAGGGCAATTGGTGGTTCTTGATTGAGGGGGTTTTAAATAA
AAGGGGGGGGAATAATTTACCCCCCGGGAATTCAACCTGAGGGTAGGG
AAGGGCCTTCCAAAAATTAAAAAACCGGGGCCCTTTTTTAAACAGCT

Table 3

197/1077

>Sequence 1045

GACCAGGTTTCGTCCATCTCTATTATCGGGCGAATTGTAGCTCTCACCGCG
GCGGCGGCCGAGGTAATAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGAGATG
GGGTCTTGCTGTTTTGCCAGGCTGATCTTGAACCTCTGGCCTGAAGCAA
TCCTCCTGTATAGGCCTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCATGAGCTACT
GCACCCTGCCTCTTGTTTTAAGATAGATTCTCATGCTAACAGAATAAG
CTATTAGCCACATTTCTACAAAGGGGATTTTAAGTCAGGTTTATTCTCTA
AAAATGAGAGGCATTAAACAAAGATAGTTCTTTAACAACAACAACTAA
TAATTTAAATTTTTTGTCTGTTTACTTTATGAAAAGGGGAGAATGTCAAC
ATTTAATTTTTATGGCTAATAGTCTATGGAATTAATAATAAGAGAT

>Sequence 1046

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGCTCCTGGGGTGGAGTCCAAATCACTCATT
GTTTGTGAAAGCTGAGCTCACAGCAAAACAAGCCACCATGAAGCTGTCCG
TGTGTCTCCTGCTGGTCACGCTGGCCCTCTGCTGCTACCCAGCCAATGCC
CAGTTCTGCCAGCTCTTGTCTGAGCTGTTAGACTTCTTCTTCATTAG
TGAACCTCTGTTCAAGTTAAGTCTTGCCAAATTTGATGCCCCTCCGGAAG
CTGTTGCAGCCAAGTTAGGAGTGAAGAGATGCACGGATCAGATGTCCCTT
CAGAAACGAAGCCTCATTGCGGAAGTCTGGTGAAAATATTGAAGAAATG
TAGTGTGTGACATGTAAAACTTT

>Sequence 1047

CCGGGCAGGTACCTCCTTTCTGTGGGTTTTCCCTTGACTAGAATACCCTT
GCCCTAGCTTCTTGTCCCACCTTGCTGGATATGTGGACTACTCATTCTT
CACTTCCAGGATGCTCCTACCCAATAAACTGACAGCAGTTGTGCCTGTTA
AACCCTCTCACAGCACATGAACCTTTCTTTCAAAGCATTATACGAGTTT
GTAATTGTCAATTTTGGCCTCCATCATTAGATATAAGCTTCACGAAGAAAG
AAACCATTTCATTCCACACTGTCAGTGCCTACACGGTGCCTACAT
CCCACCACCGTAACCCTGGTGCCTACATCCCACCACTGTAATCCTGGTGC
CTACCCAGTGCCTACATTCCACCACTGTAACCCCACTGCCTAGCAGGGCA
CTTGGCATACTTACCCTGG

>Sequence 1048

AGGTACACAGGCCCGGGCACAGTGGTTCACACCTGTAATCCCAACACTTTG
GGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGG
CCAACATGGTGAAACTCTGTCTCTACTAAAAAATACAGAAAATTAGCCAG
TCATGGTGGCACGTTCTCTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGA
AGAATTACTTCAACATGGGATGTGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGC
CACTGCACTCCAGCCTGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTTAAAAAAAAAA
AAAAGTTGTATGTGACAGCTAACCATAATAAAAAAAAAAAGAAAGAAAAA
AAGAGAGAGAAAGTAGGGACAACACTAAATCATTAGTAATTTGAGCACAT
TTCCTCCAAGGCATATGCTATTTTTCAACT

>Sequence 1049

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGATAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTT
ATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAA

>Sequence 1050

GGTCGGCGACACGACNCACGAAGGGGGAAACGAGCTCCACGCGGNGGCGG
CCGAGGGGGGTGCGACGCAGCAGTAGTCCNACACCCGAAGNCCANGANN
GGCCACACGAGATTGAAAAGAAAAACAGCAAGGCCAAAAGANCGAAAG
ACGANNGAGAGGGGGCCAAACACCNACAAAGAAGGTTGAAAAAAAAAAGC
GTTTGCAGGAGCGGCACCCCTCTAAAAAANAANGAAGNNGGGGAGGG
AAGAAAGAACCCANACANAAGAAAAAGGANAAAGGAGCAGGGAAAAACCC
NACACCNNGNAAGGCACCNGAGGNGGAGCGAGGAGAGACCCNANCGNAG

Table 3

198/1077

GCAGCCCCACAACAANAACACAGGGGACGCAGCGCACC

>Sequence 1051

ACGTACACCTAAACTCCACCGCAGAGCAAGCAAACCCAATCTGGCACACA
GCTTTTGGGGGTTTCCTCTCCTACTATGGCCCCTAGCCCTGTGCCCAGGA
CATAGTGAAGGGTCAGTAAATGTTTGGCTACATTGATCTGAAAAATCCTC
ACTAACACTCCTCCAGCACATGCACAGGTCTGTTGAACAAACATATCCCA
TAGAACCCAACGGATCTGCGCCTAAAGTCCCATAGAGCCCTTGGGCCCCG
TCACCTTATTTTGGGAATCATTCTTTTCCAAAAAATTACCACTCATCTT
TTCAATAGGGAACTTCACTCCTGGAGAAAATGGTGGGCTGGGTAAAGTT
CATCAATTGCCATATTATTTTCTGCTTCCTGGCCTATTGGTTTAGAAAC
GTATTGGGTTATTAATGGCCATCTTATCTTG

>Sequence 1052

CCGGGCAGGTACAGGCCAGGTGAGCCACCGCGCCCGGCCTACACAGTTTG
CATTTTAAAAGATTACTTTGTATACCCCTAGAGAGGTTCCCCCCCATGGA
ATTCTATATTGTCTAACTGTTTTCTGATGACATAAAATTTCTTCCTGAGT
TCTTTGGAAATTCAATTTGAAAGTGAATGGAAAGAAATTGTCAATGTGCC
ATTCAAGATATCCTCTTCAACCATTTTGGTATTAGGGATGTGTTTCTGTA
CCACTTTTAAACCATTTTTTTATGTTTGAATTCTGATTCATGAGAGAATG
ATTGGCATGATGGAATTTAGTTAAACAAGAAAAACCCTGGTATATAACTG
TTAGGTTGGGACCTTAGTGTTTTAAGAGGCAAGGGACAGGTAGAAGACCA
TGAACCACCTTGAGTTTTTGGAAATTCCTGGCCTTACAACCTGGTCTAAAT
TCTTCTGTTGCCTTCAGTTTTCCCTTTTTCTTGTAAGGC

>Sequence 1053

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGGTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGATGGATTGATAGATTCCT
AATATCGTTCAGCTTTCGCAGGAGAGATGGAGCCACCTACGCATTTTACA
AAGTGCTAATC

>Sequence 1054

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTTTTGTA
AGATGGAGGTCTTGGTCTTGCCATTTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCT
GGCCTCAAGTGATCCTCTCGCCTTCGTCTTCCAAAGTGTTGGATGGGATT
ACAGGCGTGAGCCATCATGCCTGGCCTACGCATTAATATTTAAACTGTTT
TTAGTTCTGTTGGTCACTTCCATAAAGATTAATATGGTTGTATCTATAGC
TCATGAGATAACCAGCTTTAAGAGCTCTTAGTTCCCCTTTCCTTCCAACTT
TTATTTAATTTAATTCTTTTAGTGGTTACCTTCGTAACATTAGATATTAT
GTTTTCGGCCAACAACAGAATATCATATCAACAGTTTTCTGGCAGTCCA
GCTTCCATGCCTATTTTTTCCCCGCGTACCTTGG

>Sequence 1055

AGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAAGGATAT
GAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGACACATGA
AAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAAAACCA
AATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCTGGGCTTTCCGGGGCAACGTGCT
AGAGCTTCTGGGAAGCAGNTCGTGGCCCCCTTGNAGATTNNACGGCT
TCGGATTCTACCTGCAGGANNTGCTCCACTGTTGTCTNNGCCGGCCTN
CTGGCGNNTTTTGCTTGAGGGGNTNNAACCTCGGAATGGGCTTTAGAAAA
CAAGAACCCTGNNAGATNNGGCCAGTTCGTGGCCN

>Sequence 1056

GTCGGACCCCATTTCTGACTTCGGGCGAATAGTAGCTGGCAACGACCGCG
GTGGCGGGCCGGGCAGGTACGCGGGAGAATAACAAAAGCACTCGTGTTACT
TTTAAACAAGGTAAACTTAAACAGTTTTTCTCCGTTTCTTTTTTAT
GGAAATAAGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAAATCAATGGCAGTGGTAA

Table 3

199/1077

CTGAAGCACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGA
TACAAATACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTTCTATCACTGG
GTAGTTTGAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAATGGGTTTAAACTTGGA
CATCAAAGCCAGTTACAAGGAACTTAATTTTACTGTGTTGGCAGCCTAA
GCGCCAGAATTTTGTATTAAAGTGTCTGAAAGTGGCACAGGTT

>Sequence 1057

CCGCCCCGGGCAGGTACTTGCCCCCAGGCCAGATAATTTATTTAAAACT
TTTTTTGTAGAGACAGGGTCTCACTATGGTGCCCAGGCTGGTCTCAA
CCTGGCCTCAAACAATCCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTAC
AGGCATCAGCTGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAACGTTTTCCCCATGGC
TTCTTTTTCTGGCGTTCTTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGA
TCCTTTCCCTAGGCTCCAGTGTGTAAGAATTAAAGAAAGAGGAAAGAAAC
ACAATGGCTTGATGGTCGAGGACAGGTTTATTTTAAAGAAAACAAACCCA
AGAGTGGCTTCTGGCTGAAGTAGATCAGAGGCCTG

>Sequence 1058

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCTCTATTAC
TGCATTGTAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
CAGCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
TAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCTG
TTTTCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATAA
CGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGT
GTTAAG

>Sequence 1059

AGGTACGCGGGGACAGTCACAGTTAACATCCTCATTCTCAATCCTACCCA
TGATGCAGACAGATTGCCTCATTTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTC
CCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTA
AGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGA
ATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGA
GCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGC
TAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGT
CAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAAT
TCAACTGCGC

>Sequence 1060

CCGGGCAGGTACTCTCAGGCTGGCCACAGTGACTCATGCCTGTAATTACT
GCACTTTGGGAGGCCAAAGGAGGAGGATCACTTGAGCCCAGGAGTTCGAG
ACCAGCCTGGGCAACATATAGAGACCATGTCTCTACAAAAACACAAAAA
GTAGCCAGATGTGATGGAGGCTGAGATGGGAGGATCATTTGAGCCTGGAA
GTCAAGGCTGCAATAAATTATGATCATGTCACTGCACTCCAGCCTGGATG
ACAGAGCAAAGCTCTATCCCAAAAACTCTCAAGACAACCACAAACATCT
CACACCATCTATATATGATGAAGTAATACATATAAACCAGTTGTTTAAAA
CAATTTCAAATTTTGGGTAATCTCTGATTGCCTGGATTATTTC

>Sequence 1061

CCGGGCAGGTACTGGTTTGGAGAACTTAGTTCTCTAGTATCATCTTCATC
ATCCTCAGTTACAAATGCTGACAGAGCATCTACAACCTGTGACATACCAT
CCAAACACCAATCCCAAAAAATGTGCTATCCCAAGGATATAAGACACGGTC
CTTGCAAACCTAGGTAAAGAGACAGGACTTAAACAATGATGTAGGCCGGAC
ACTGTGGCTCACACCTATAATCCTACCACTTTTGGAGACTGAGGCAGGAG
GATCACTTGAGGCCAGGAATTTGAGACCAGCCTGGGCAACACAGTGAGAC
GCCAGCTGTATTAATCCATTCTTACAGTGCTATAAAGAATCGCTCAAGAC
TGGGTAATTTATCAAGGAAAGAGGTTTAATTGACTCACAGTTCCACATGG
CTGGGGAGGCCTC

>Sequence 1062

CCGGGCAGGTACTGGAGGGTAGACTGCTATAACAACCTTTTGGTTTGGAT
GGGAATAAACAGAAAAAGTCTCATCTCCAGTTCAATTTCTGGGGAGGGTCA
GGAGGTGGGGGGTGCTTGGCTCTACTCCCTTCATATGATTTTCCCTTCTT

Table 3

200/1077

TATCTCCAGGATCTTCCCCATTTACGGAGAGACATGGATGAGAATGAAG
GCTGCTGAGTGGGACGGGCTTATGGGGCCAGTTTTGAAGAGGCCTCATAC
CTTTTGGCCACATTCCATTGGCCAGAACTTTGTCATATGACTGCCCCTAA
CTTCAAGGAAGACTGGGAAATGTAGTCAAGTTGCCTGTCCGGGTAGAAAA
GGGACCCTTTTCTGTGGAATAACTTGCCTGTTTG

>Sequence 1063

AGGTAATTTTTTTTTTTGCTCCAGCTGTCAGGACCTGTTTATTGTTGAA
ACTGGTCAGACTATCAGTCTATGGGTTAATTTTCTCCAGCATTATTTAGT
AGCTCCAGAAGGAGAATGGATAAAGTAGGCATTGAAATAGGCTTAAACTT
TGGTTCTGCTGGTGGATTCAAGAAAAGGGAAAAAATTGGAAGAGTTGAGAG
AATGGGCAAGAAGGAGGTCCAAACGCTGGAGCATAAACAGAGAAAAAAGA
CAGAAGAAAGAGGGGGTGTGGATAAAACAAAGGGAGCAAAAAATTGTAG
ATCCTGATGAGGTTGAGGAATAGTGGTTGTAAAACTAGAAGGATAAGAG
TTTGTGATCCAAAAGCAGGTTGTAAATATTTTCAGAAAAGGGACACTTTCT
GAAGAAAACATGGTCTGGGTTGGAGGTTGGGAAGTTT

>Sequence 1064

AGGTACCCCAAATGAAATGGCTTTAAAAAGATAAAGGACAGAAATCATGT
GATTTGCTGGAACAACTTCCAGGGCAGCACAGTCTAAATATGGCCAGGCA
GAGTGCGCCAGGTCCCCAGCCATGAACACCAAGGGCTTCCAGGCACGCTG
GCTCCCTTGGCTCCCAGGGTGTTTTATGGTGAGAAGGCCAAAACCCGAAAA
GAAACAAGAAGAAAAACGACACCCGACCTGACTTTACCTTCCCGGGCATC
TTTTGGTCCCTATTGTTATACGTGGGCCCCAACACCATTGTGCTGCTCTG
CTTCTATCCTCCCATTCCTACTGGAGAATACTGAGGCAATTATTGGGCCCCA
AAAATGGTATGAGGAAAATCCTTTGGGGCCTAATACCGCCTCCTTGCCCCA
CAACAATTTCTATTAGTCTTTTTCCGGCCTTCCCATAGGGAGACCCCCC
CAAATGTATTGAAGGGGTTTAATCCTTTAGGGCCACCTTTGGGCCACCAG
GGCCACCAGACGAGCCCA

>Sequence 1065

AGGTACCTTTAGGTATTTGAAGAACTGATGATATGTAGCTGTGACTCTGT
TTCTGAAGGTTGAGAACCTCCTTTTTCTGAGGACAATTCGTGCCCCCTTT
CAAATTGTAATTGTAATCACCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTCAGCCA
CCGTGCCTGGCCGTTATTTTGTCTTTCATTGATGATATTGGTTAATCTGT
ATTTATCAAGTTTGTTAATTTTTTTTTTTTTTTGAGATAGGGTCTTGCTGT
CACCCAGGCTTAAGTGCAGTGATGTGGTCATAGCTCACTGTAACACTCCA
ACTTCTGGGTCTCAGGCAATTCCTCACACACTAACACTCCTGAGTTAGC
TGGGTACTACAGGGCGCACACCAATGTGTGCCTGGGCTATTAAAAG

>Sequence 1066

CCGGGCAGGTACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCTCAATTAGGAAAA
ACTAGGCTGTTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACA
AACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAAGATTT
GTTTTTTCTGGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATT
AGAATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAAT
TGATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAAATCCGAAG
ACTAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAGAGGAGG
ACAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCCTACACA

>Sequence 1067

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGGAAAAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACTTCANGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCT

>Sequence 1068

CCGGGCAGGTACTCTGCTACTGAACGATGAACTTTAGGGCCTAGGTTACA

Table 3

201/1077

CCTATCCACTTTATCTCCTCAGACCTAATTCTATGCCTTATGATATACAA
GGGCTCAAATAACTAGAGTGT CATATATGAAGAGCAAATATAAAGCACTC
AAAAAAGCCAAGCGCTACCTCTTTAGAACTTGGAACACTGCTGTGATCTT
TCTCCATTATCAGCCATCTGAGAACATTTGGAATAGAGGGGTTTTTCCAT
GTTGGCCACGGATTACAAATCTCCCATCTTTTCTTTCTTGGATTTAGT
TACATCTTCTTCTAGTCTATAATCCAGTTTGAAGCTTTTCCTAGAAAACC
TAGAAGAATCACTTGCTCCGGAATTCGTGCTGAAATTTGACGGTTTCTT
AATGCTTCTTTAAGATATTGGCTGGCT

>Sequence 1069

AGGTACTGTGAGGCACTCTTTCCCACTCTCCACAAACCCTCAGCTTAAC
ACA ACTGTGGTGATTGCTTTGTCCGTTTTCCCATGAGGACCCTGAGATTT
CAACAAGGTT CAGTAACTCACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGTGTTGC
CAGGAACTGGCCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCATCTTGTCCCTTAATCT
CTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCTGTGTTTCTTCAGTGTTTT
ATGCCATACAGTCTCCCTTGAGTAGATGTTCTGTATAGGGGATATCACAG
CTTCCTGGTGAGAACTGGGTAAAGTCCAGCAGGATGCCCCGGGCTTAGTGG
CACTGGAGTTGTGGGTGGCCTTGAGCCCCAAGCAGTCCCCTGAGAGCCCT
TTCCGATGGATGTTTGAGTCACTGAGTGTGTTCTTCTTTCTTGGTCA
GGCTGTCTGGCCGCTGCACTTACAATTGCACCCCATCCCCCTACCCACT
CTGATCCCAGAGGAGAGTGCTTCTGCTTGAACCTCTAAGGCACAAGTGGG
CCCCAAAGTCCTTAAATATGGAAGGATGTGGNGAAACAATGGTGAAGATT
GCAGCCATAGGGTTACAGGCAACACTGGTTTTTGTGTAGGTACCCTCATC
TAAAGATTCTTTATATTCTTTCCAGATTTATTTTCTAAAACTAACTGGG
TTGGAAATTTACCAGCTTGAATTTTTTCTTTAGGGGATTTGGACATTCCG
ATACCTACATACTTGAGCTGGTGGAACCACCAGAGGGTTTGAACCTTAA
GTGGTAATTT

>Sequence 1070

CCGGGCAGGTACAGTAGCTCTAGCATTTTCATCACAAAGTGTCAGGGGAGA
GAATAGCTTTCACTTTTTTTGT CATCCCTCTCACTTTCTGGCCTGTCTTTA
CGGATGCTGTCTTACAGCTGCTTATCCAAAGATAAGTGGGTTGTGGTGAT
ACTGATTACAGCTGCTTATCAGAAGATAATGGGTTGTAGTGATACTGATT
AGCCTACGGCATAAATTAAGTAAAAGGGGGAGGAAAAACAGTTTTGT CAT
GACTCAGGAGGAAGATGAGGCACACTGTCACTTTTGAGCTCTGTGTTTTG
GCAGGTCTGCCATGACCCACGTGGGAAATAAAGGGCTCCCTTCCGCTTGT
GTTTCAGGACTACTCACCAGGGGATTCTCCACCAGGGACACCGCCAGCGT
CCCCACCGTCCT

>Sequence 1071

AGGTACTTTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGCAGAGATGGGGTTTCGCC
ATGTTGACCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTAAGGTGATCCACCTGCC
TCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTTTGAGCCACCACGCCCAGCT
GTGTTATGTTTTAACACATGTGCTATGTCGCTAAGTGGTTGGAAATATGA
AAATGAGTTGATGTGTTCTTATAATAAGACATCTGCTTTAGTATACATTA
TTAGCATGCTCTTCCACTTTGGAATTTTTATTTTATATTTTCACTTAGGC
AAAAATACTTTCAACCATTAAAGTGGGTATAAAAGCAACAGTTGCTTTTA
GAAATTTACTCTTTTCACTTGCTGGGCTGGTTTGGTCACTTGTTAGACTA
TAAAAGTGATAAATTA

>Sequence 1072

CCGGCCAGGTACATTTTATTCATCCGTCGTTTGGGTCAGGGTCTGCGGGC
AGACACAGGTAGCTACTGCCCTGTTGTGAGAAGCAATACCTCAATTGGTG
CCCCATGTGAGGAGAGCTGTGTGAGGACAGTCAGGGGTCTGCAGAAACAG
ACCTTCCGCAGTCGGAGCCCCCTTTGTAAGGCAAGCTTTGAAGGAAGTGTA
AGGACCGCTTTCATGAGGAAAGCTGCAAAGGAAGCCTGAGGAATGCGACG
GGCCCCCGGGAAACAAAGGTGAAGAAAAACCGCGTGGTCAAGTCAGTGAG
TAACTAGTAAGTCATTGGTGCCCACTCAAGGTTACCAAGTTCTGGGGAAA
GTTGGTTCAAGCTCAGATTTTCAATTATGGGACAACAGTTATTAGCACAGCA
GAAACATTATATAAAAGGTT

Table 3

202/1077

>Sequence 1073

CCGGGCATGTACTCTTCTCTCCTCCCCCAAAGCCCTGTATGAGTGTGTC
TCTGGCTGCGCATATTTAAGTATTAAGTAAAGCATGAGCTCAGCA
GGGGCTTTCTAATGGCTAATCCACAGTAACCCATTTAAAAAATCTTTTTT
TTCCCAACAAGAAAAAGAACTAGTAGGGAAAGGACATTTTGGTGGTTGTTT
GAAAGAAGTGTCACTCGGGTATTTGGGGGAGGAAGAGTGGTGTCTCACCA
TTGAGTTTTTTGTTTGGTGGATGCCTCTTTTCCAGGTCCAGTTGCTGAAT
CCAGGACATGGAGTGGAGACAGGGAGTGGGTACGGAGGTGCCATTAAAGT
TCTAAGCAAGTTCAGCAGTGTTTAAAGAATTTAAACCCACTCTG

>Sequence 1074

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATT
TTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCGATCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGG
GATCACAGGCGTGAGCCATCACAACTGGGGCCCTCTAATTTAATTCCTC
TTTAAAAGAGTAGAGTAAAAACTATTGATAGGGCCAAAAATTATTTTAAG
TTAAAATCTTTTTACCTTTAATCGACAAGGGCAAATAAAATGGTAATTTT
TGCCTTAAATATTAGGTTGATTGAAAGTCATTACCACAAATTGGAACAAG
TAATATCATATCACCATTTTTTAGGTAAAAAAGGCCAATAAAATTTTGA
GAACTTTATAAAGCCTATTATGGGTAGGCTTTATTTTTTTGGGGTGGGGG
GAAAGAAAATTGAGTAAGAAGAAATATTTAACAATCTCTTTAACTGGGCA
ATGAACACCATTTTTTTGATG

>Sequence 1075

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACGGAGTTTTGCTCATGT
TGCAGTGAGCTGAGATCATGCCGCTGCACCCCAGCCTGGGTGACAGAGCA
AGACTGTATCTCAAGCAAACAACGAACAACAACAAAAAACCTCTAA
GTAATAAGTCTGTAACCTTACACCAAAGGGGATTTTTCTTCAGTAATTCT
ATAGGATTTTTGGGTTCTTTACATTAAGTTGAATACAAACATAACATGAG
TTACAAAAGATTAAAACACAGAAGTAATATTAAGGAGCAATAAATGTCAT
ATGAAATCCCTAAGTGGAAAATAATAGATATTCTATTTTACCATTATTTT
AAATTAGAAATTATTTACATTAATTTATTTTAAAACAATTATTACCACTA
CCAGTATGACTCGACTGCCTATGATCAGAAAGGACAGAAAAAAGATGTCT
GAAACAACCTGCTGATTTAGACTTCCATTCTTTTTGAGTTATATTCTGCT
AATGATATGTGTTTAACATTATATGAGTAAGAACTAAGGAATTTAATCTA
AGAAATGGAAGTTACAGGTGCATTAAAAGAAATTAGTAGGTGTTTTTTCA
GCCTAAAAAAAAGGCCTTATGAGATAAGTTATTCGGATTTTATTTGGT
TTGG

>Sequence 1076

CCGGGCAGGTACACACAGTGGCAGGGCAGCCGGAAGGAGGATGTGGTTT
TCCTTTTCTTTTGGGAAGAAAAGGGCTCAGTCAGCCTAATTGTCCCTTGA
AGTGCTTCCAACCTTTTCTTTTACGAGCTTTAATTGGTATGTTTGCATGCA
GCATCTGGGAGTTTCTTTAATATCTACATTTATGTTGGACTGTCTAATTA
TAGTCCTCTGAAAGTTTTCATTTTGGTTGGCTCCATTAGCGCATCTTATG
AATTATGTGAACCTTTTTTCTGAATTTTGTATCTATGTAGTATAAACTTTA
TTGTTTCATCGATAAGCTTGTGAAGTATGTTTACTTATTCTATCAC
CTGTTTTTGGTTTTTTCTCTATTTTATGTAATTATTGTTATACTCATCTA
TAATGTCTCCTTTTCTGAATGCCTATCTTCTTTA

>Sequence 1077

AGGTACCTCAGGAGGTCTGCAAGTGTGTGGTTAGGTAAAAACTGAGCTGT
GCAAACCTCACTGTATCCAAGCTCTTCTCATGAGAGAGCGGAACAACCTGG
CAAGCTTAAAGGCAAGTGTTCGTTCTTTAATTAATAAGGGCTTTGAC
CAAATTTTACCATTTAAACTTAGCCCCAGAAACCAACCAGTCCCGGGTAA
GTGTTTCGTTGCAAAATCTTGCAAGTTAACAAAAAGACCATTCTGATAAGAC
TACACGTTTGGTCTCCAGTCCTAGCAAGCGTCCCATTCTCTCCACATTCT
TATCAATTGTAGCTTGACATGTTATCTCCTTGGCACATTCCATAGGGAAG
CCAGCCTCTTTCTCCATCTCGTAATCGTTCCCCCTCA

>Sequence 1078

Table 3

203/1077

AGGTACACTTGAGGAAGCTTGGGCTCAGAGGCTTTATGTTAATTCCAACA
GTTTTTGCAACAGGAGGAGGAGAATATCTGTCCAGGAGCCCTAATCAAGA
CTCAGCAGGAAGCTGGTGGCTTCCTTTCCTTCTTTTGCTTCCTTCC
TGTTCTTCCTGTGCTTCCTTTCAGTCCTTCCTTCTACATATGGGGCCCAT
CGCATTCCCCTGACTCAGATGCTGAGGGGCCAGACTGAAGGGACAGTGG
CCATTGCATCAAGTCAGAGAACGGATCTGACCCATCTAGTAGAAGCTTAT
TGTTTTGGCAGAAGCACAAAGCTCTTAGAGGTGCAGCTGCAGGGTGTGACC
TATTGGGGACATTGAGCTCAGTGACCATGGGCCCTGAGAGTC

>Sequence 1079

CCGGGCAGGTACACAAATCAAAGGAATACCATATTTAGCACCATAGGTGA
CTAATTAGGCAAATGAGCAAGTTTTAAGAGTCTGGCCCAATTTTAAAGT
GTGTGTGTGTATCACAATCTCTCTAATGCTATATGTAGTCTAGGCAATCT
GGCAACAGATTCCCTAACTATTGTTAGGAAAATGCAAGTATGATCCTGTTA
TTGCTACTGCTTTCACCCAGAGGTAATGAGGAAAAGTCCAAGTTCCTTA
ACATAGACTTCATAGGCCTGCATGATTTAGGACTGGTTATCACCACCACC
TCAGAGAAACTCCTGACCTTTAATCAAAATGTGCCTTGTGGTAACTACT
TTTCATTTAAGCCATGATTGCGATTTATAATTCCCTATCTTGTGATAAAT
GTCCAT

>Sequence 1080

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGA
ATCCCTTA ^GTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCC
CTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGG
AAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCAT
ATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTT
TCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGNNGAAATCTTGGCAN
CCCAGAAGAAAATTCAACTGCGCCTCACTTTGCAAAAATACCAATGGGGC
CTACATTGGAT

>Sequence 1081

GGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGGAATCGACCCCAGCTC
TTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTCC
TCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCATCATCCC
TACCCTGTCTTTCCTTCTCCACCTTCTACTTAGGCTGGATTCAGTCCTAA
TTATTTACCAAGCAACAGTGATGATGAAGCTAATAATCATCATACATGTT
TGTGTGTAGCCTAGTTCAACCTTTAATTACTGCTCTCTCCCCAGCACCTA
GAATAGTGCCCAGCCCATTATTGGGCTGATAAATATTTGTTGAATAAATG
AATACATGAATATATTCGTATGCCTTTTGCAGACCCCTCTTCTCCCCCAG
TAGGCCTTACTCAGAACAAGAGGAGCGGTAGCTAAATTAGGGGAAGGAAT
GCCAAGGGCTGAAAATCCTCTGGGTTGGCAATTGTAATCCTGTGGACATT
GGTAATACCCGAGGATGCAAAATTTCCCCAAAACAAGCGNAACATTTTCC
ATGAATTGCTGCTATAAAGCTTAATTCCTGTCCCCACCCCAACATTTTAT
AAAGAGCCAGTGACTTTTACAGCCCTTGGTTATTGCCCAATAGCGATCTG
GAAACAGGCCGCTCTTCGTAAATGACTGGACACACAGGTGGGGATCTGG
TCTGAAAGGTGGAGGGTGCCCGGCTTGGGAATAGGGACATTATAAATTCT
TGGACAATTGTAAGGCATATTTCTGAAGTGTAATAATGTTTGCATTGGAAT
AAAAAAACCCATACGGCCCCCTGGAAGAAATTTTCTTCCAAGTCCTTACT
GAAAAATGTCCCCCAAACCTGGA

>Sequence 1082

AGGTACAGTTTTGTAAAGTAAGATGATTGAAAGATCTACTGAGTGCCGTGG
AGTCACAGAGAGGAACAACCTACCCTCAGGCTATGGAGTTCAGTGAAGGCT
GCCTAAAGAGAGGATGAGTTGTCAGCTGAGACTTACAGAATGAAAGAAAT
GTCCTAGTTGTTTAGCTTGACTGTAAACAAATGGGGCTTATTACAGGATT
CTGTATGCATTTTTAAGTCTGACGTATTTTTCCTCAAAGATGAGGATGG
TAAGGATGATATGGGGGGAAGGGCACTAAGCAGAAGGTTCTTATTCTTC
TACTGCCCTGTTTCTCCCCTGCTGTCTTATTTATAACCTCTTGTTTAAAT
GACAAGAATTTCTATAGAACAAATTAT

>Sequence 1083

Table 3

204/1077

TGGAATTGACCCTAACAATTCATATAGGGAAATGGGCCCTCCCCGCGGGG
GGGCCCCGCGGTCCAGGTCCGGTTGTAAGTGCCTGTTAGTAGGTAATTCAG
CCGACCTTTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAGAGTTGCCCT
ATACTGGCTTTTCAGTCACAGCTTGATGTAACCACTGCTTGTTTGCATGCA
TCCCCATCAATTTTCAATTGGCTTCTTTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGA
AGCAAAAGAATCAGGAGCATTTTTATATGATCAAAGATTTATATAAGGCC
AGCTAGAATCAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAAGGGATGGTAAAAAGGC
TCACAGAACTTGTGGCTGCCATAGAAGTGAGTGTTCTTTAAATTAAAGAG
GGTTCAGCTAGCAGCGGCAACTCTGACTTTGCATTTCATATTGAAGCAAGC
TCTCCAGCCATTCTGGGCAGGCAGAGCCTTAAAATTAGAGGTGAC

>Sequence 1084

AGGTACTATTGATGTTTTTTTTCAGTATTTTCAGTCAACCTTTCTTTCTTTC
CTTCTCTCCTTCTCTCTCTCTCTCTCCAGCCTGGGCAACACAGCAAGA
CTCTGTCTCAAAAAGAAAAGAATTTCCATCCCCTAAAATGTTTCCTTGTC
CCCTTTGCAGATGATCTGTGCCACACGCTATAGTTTGATACCACCTGTA
GTGAACACAGCAATATGTGTTTCGCAAAATGAAAAGGGTGCAACATGTAAA
CAAAATGGAGAAAAGGCCAAAAAGTCAGTCAGGGAATGGAGGACTTGAGG
TAGGAAAACCTTGTGTGCAGGCCAGCAAAGGACGATGGCAATGAAGGCAGA
GTTGAATAGCGCCAGAGGAATGTGGGAGGCTGCTGCATACACAGAAAGC
AGTGATCCTCAATGGGAAGGAG

>Sequence 1085

AGGTACAAATTTGATCATTTTATTATATCTGAAACAGACTAAAGGCAGGT
TGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTTGGGTGATAGATGGTGAGTGGTC
TGTAGTGCTGGTTATTCCATATAGACTTTTGTCAAAGCTCATGGAAGTGT
TTGTTTAAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACTTCACTAGTGAAA
TCTTTAAAAACTATGCTGGTGGCTTCTGTCTCTGAATAAACCTTG
ATTCTTCTTTTCAAGGTAAACAAGAACTTCTGGTGTGCCTTCCACCTTT
TCCATACCTCCCCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCACTTCAAATTGCCA
TCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGCTCTTGCCTCTGG
GTCTAAAGTCTGCAGCGCCCTCA

>Sequence 1086

TGGGAAATATCCGCGCCGTCTACCGACTACTCTGTACGGGCGAATTCTAC
CTCGCGGGGGCGGCCGAGGTACTGCCTGTCCTTCTATTACAGCACATGT
GGCAGCAAACCCCATATTACAGTGATACATCCCTGCATCCCTTATAAGAA
TATATATAAGCTTTGCTTCCTCATTGAAGCAACAAGACATGGTTTCTCAC
TCGTCCTTATGTTCTCATAGCTCATATTATGCTACTGTGTTTTAGTAG
GAATGGTTGCATATGGTCAAATGTATGTCTGTGTGTTCTTATGTATGCAT
ATATATTTGGATGGCTGGCGGATGGCTGGCTGGGTGAGTGCCTGCTTAG
TGATGCTTCTCCAAAGCAGTTTGGAATATGGTATAACTCAGTCTTTTGTT
TTCTGAAATTTTGGCTCTCTCTTGCATTTCTGCCAATTCTAACTCTTTT
CTCTCTCCCCCTTCTCTTTTAAATATAATAAACCTTTAACCTT

>Sequence 1087

AGGTACTGTGAGGCACTCTTTCCCCACTCTCCCACAACCCTCAGCTTAAC
ACAACCTGTGGTGATTGCTTTGTCCGTTTTCCCATGAGGACCCTGAGATTT
CAACAAGGTTCACTAACTCACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGTGTTGC
CAGGAACCTGGCCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCCTCTTGTCTTAATCT
CTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCGTGTTTCTTCAAGTGT
ATGCCATACAGTCTCCCTTGAGTAGATGCTCTGTATAGGGGATATCACAG
CTTCCTGGTGAGAACTGGGTAAAGTCCAGCAGGATGCCTGGGCTTAGTGG
CACTGGAGTTGTGGGGTGGCCTTGAGCCCCAGG

>Sequence 1088

GGGGGGGGGTGGTAGGACGCGTTTAGGACTATCGGGCGAATATTAGCTGC
AACGCCGTGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTATCTGTTCAATTCAATTTTCTGA
ATATTTTAAAAATTTTAAACATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGAT
GCTAATAGCATACAAAGTGACAGTCAGTGTGGAGAACAGAGAGAAAGATG
AATTTCCAATGAAGAGATTCAGCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGC

Table 3

205/1077

AGAAACTTAACAGATTTGGGCCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAA
GGCACAAACCTGGGGAAATGCACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTG
GCGGGTAGAGTAAGGCTGGAAGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTC
CCAGGGCTCTGAACCAGGGCAACCAACAGAAAAGGAAGGACAGA

>Sequence 1089

AGGTACACATTAATCCAATACAGACACCAAAAACTCATCTGGTCTGAGT
CTACTTCCATCTCCGGAAGCACAGGTGGCTGACCTTAAATGGGACCAGCT
GTCACTAGGATGTTTTTGTGTCGAACCCAGCAACAGAATTAGAGAGATGC
CAGAGTTAACTTGCACTGAGGATACTTTCCAGCCAGGTGTCTGGCTGGAA
AGTCACAGAGCTACGCATCTAGCAAGAATCAAAGCCTGGCCTGTGAGAAC
CACGCACAGTGTGGACTCAGGTCAGGGACACTGCATGATGGACAAGGGCT
TTCTGAATTCCTGAATTCACCAGGAATTATGTCCTTAGTCCACCTTTCCC
ACACACAGCAAGGGAGGGAGTTGGTGAGCTGAAAGCACAGCTACTCACCA
GCCCCGCCAGGCTGATTGCAATAAGTGTCT

>Sequence 1090

AGGTACACCCAAGATACTCAATAAATGCTTCTCAGGTGGATGAAGATAAA
GCCTCTATCTTTTCCACCTCTGCATACTCAGCATATAGTAGGAGCTCAAT
AAAAAGCTGGTGGGAAAAAATAAAGGAAGACATGTAATAAGAATG
ACACGTATTGGCCAGGCGTGATGGCGCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTT
GGAGGCCGAGACGGGCAGATCACTTGAGGTCAGGAGTTCCAGACCAGTCT
GGCCAACATCGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGACAG
GCGTGGTGGTGGGTGCCTGTAATCTCAGCTACTCGGGAGGCGGAGGCAGG
AGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCGCCC
CACT

>Sequence 1091

GTGCTTGTGCAATTCGTAATTCGGGCGAATNGTAGCTCCAACGCGCTGG
CGGCCGAGGTACGCGGTCTGTTTGTTCACTGTCATCCACTGAGTGTTTTG
CCTCATGTTCTGCTGAGCACATTCCCTGTGTGATTTCTTCTTATTCTCAA
AACTGCATTTGGAATACCTTGTTGTTTTAAAGAGGAGGGAACGGAAGCAT
TGCCATTTGCTCAAGATCTCACGGCTAGTGGGTAAGAGAGCCCACTCCAG
CACCACCACTGCGTGTTTGCATTTTCACAGACATTTGGAGGTGGGATGGA
GAATGGATCTGAAGAGACAAGACTGGAGGTGGAAGGAACAACATATTAA
ATTCTTTTCTGGGGAAAACTCAGAAATTGAGTCTGTGGGAAGCACCTTGA
GGACAGAACATGTTGGATGGTGGAGCACCTTTCTATACGACTTACAGGA
CAACAGATGGGGAATTCATGGCTGTTGGAA

>Sequence 1092

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATTAAA
ACCCACAATTCCTGGAGGTCTTGGCCAAAGAACCACCTTGGGCCTTTCCG
GGCAATGGTGCTAGAAGCTTTCTGGGGAAGCAAGTCGTTGGCCCCTTTTG
GAAGAATTCCACGGGCTTTTCGGAATCCCCTTACTTGGCAAGGATGGCTT
CCAATGTTGGTCTGGCTTGGGCNCTTCTTGCNGCGTTTTTGGCTTGAAG
GGGGGTAAACCCCTCCGGAAATGGGGCTTAGAAAACCCAAGAAACCACTT
GGAAGAATGGCCNCCAAAGTCCGTTGCCCCCACAAGGCCAATTTTCCCGC
AACAC

>Sequence 1093

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCGTTAGCTGTGTCTCGATGCAAAAGAGAAT
TTAAATTTAAATTCTTTTTATTTAAATAAAGATCATTCTATTCTTACATT
TTCTTTTATTAGTCAATCTGTTCAAATGACTGACTTTTTATTTTATTAGT
CAATTTTTTAAAAAATCTTCCATTTCAAATATTTGTCTCCTAAAGCTTA
TAGAAAAAGGCAGGCCAGGCATANGTAGCTCATGCCCTATAANTCCCAGC
ACTTTTGGGAGCCCCAAGGGTTAGGAGGATTTACTTTAAGCCCCAAAGAA
ATTCGAAGACCCAAGCCTTAGGCCAACAATAAGTGAGGAACAGTTATCCT
CTTACCCGGAAAAAATAAATAAATATTAAGGTTACCCTTGGGG
CCGCTTCT

Table 3

206/1077

>Sequence 1094

CCGGGCAGGTACACCAATTTTGTTTATTCATTCATTCGNTCGGTGGGATG
CCTGGGTTACTCCTAGGCCATTTTAAAGTAGGTCTTCATTATTCCTTAG
AAATATCTTATTTTTCTTTAAGGCCTTTATCACAGATTATAATTCTAATA
TCAAGTTGTTTCATATCTCTTTTGTTCAATATTTTGTTTAGTCTCTATCT
CTCATCACACTCTCAACAACCCCATAGCTCCCTGAGGGGAAGGGCATGT
CTGCTTTGCTCCTCACTGTGTTTACTGCCAGCACCTGGCAACGTAGTGGG
TATTTAATAAGTAATTGTTGAATCACTGAATGAAAGAAAATCACTAGGCC
ACCTGAAGGCCCTTGTCTTTAGAGTCCACTGTGGACCATGTA

>Sequence 1095

AGGTACGTTTCATCTACCTACTTTGCACTTGGATGGAAGTCCTAGATTGGG
TCTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTTCCTGATACTGT
CACAAGATTTTTTCCCTTAATTCTTTTAAAATCAGGGCCACATTTCAAC
TCCCTGCCCGCTGCCATTTGATGATATTTTGTTTCTCTTTAGGTATCGT
CCTATTTTCTTTTTCTTTACCACTGACAGCGGCTTATTTTCATATGAATAA
TATATTAAATACATATGCATTTAAAATATTGTTTTGATTTGTTTGCGAAT
TGTTTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAAATGAGTAATTTTTCATATCCT
GTTCTTGCAGGAAGAATTTTAAATCGTTTCTCCAAAGACATTGGA

>Sequence 1096

CCGGGCAGGTACAGGGGACAAACAGAAGAGGAGACATATGTATACTCTCA
ATGTGTTTATATGCCTTTGTGAGACATCGAGTCATCACTGTGAAGTAGCT
AGAATAACAGATATGAATGCATAAATATGGGAAGGGAGGTAGCAAAGGGG
AAAGTTTTTGAGAAGGGTGGGTGGTGAAGAAAGGCTGAAGTGTTGCC
TTGTAAAATGGAGACATATTCTCGGGAAGCTAATATTCTAATAAAGCAGA
AAAAAAGAGCAGCAATCTAAAGGTCCCATCCTTGCCTTGTTAGGAAAGCT
ATCCCATATCAGCTAAGAACACACCAGGCAACCAGTTTCCACTCAATGC
AATCTGAAAATCAGCATTAT

>Sequence 1097

AGGTACTAAAAATTCTATTTAAAAAAGATACTGTGATATTAGTATCTTAA
ACAGCCATTATGTATCAAATATCTGCTATTCACAGACCCCTGACAAATTA
TTATTTGTTTAGTCACTGTAACAATGAAATAACACCGAAGCCTGTCCTGT
TTTCAGTATGCTACTTTGCTTCTATATGCACATAAAGTGTATTGAATATT
TGTCCAGACAAATGCTATAACCTGTAACAAATTAATATAAACCAGAGAAT
TGTATTTATTTGTATGAACTAGGGCTGTTTCTTTGAGTTTACTGGGGGAA
AGAACCTGAGTTTCAATCAGATACAGATTTATAATTTATGTAAGAGACAC
TTGATCTTGGACTAGCATCCCTTCTCAGCCTGAGTTTCTTCATCTGTG

>Sequence 1098

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTGTAGTAAAGATTGGGGGTTTTAC
CCTGTTGGCCAGGCTGATCTAAAACTCCTGACCTAATGTGGTCCACCCAC
CTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGC
CTACAAGCAATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTG
TTTAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGAAAAAGTATTAATTTTTTTTAAA
TACAATTAATTCTGTTAATTGATAAA

>Sequence 1099

CCGGGCAGGTACTTTCATCCTCCAATGGCCTCCCATTACATATGGAATAA
AACCCCAAACACTTACCATTGCCTAAAAAGCCCTACATAATTTGAACCAT
AGCTGCCTCTACGAGATCATTTTCTCTCACTCTTGCTTTCTTATACCAGT
GCCTCACAACTTCCCTGCCTCCTTGCTGCCCTTTATTATTGTGGTAAGAA
CACTTGAGATCTACCCTCTTCACAAAATTGTAAATGCACAATACAGTATT
GTAACTATAGGCATGATGTTGCACAGAAGATCTCTACAACCTTATTCATC
TTGCATAACTGAACTTTATTCTTAAATAGGCTAAGCAAATGCCCCGTGT
CATGGCCTTTGCCCTTTATTCTGTTGGAATACTCTGGCCTTATATACAAA
TGGCTCACTGCTTACTCATTTAGATTTCTGTGCGAGAAATT

>Sequence 1100

Table 3

207/1077

AGGTACAGTAGTGCACTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCGGGGCTC
AAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGGCACACA
GCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGGTTTCAC
CATGTTGCCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCTGCCAC
CTTGACTCCCAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCATGCCTGGC
CTTAAATCAACTTTAGAGTCAACCATCTCTTATCACTGGGAGCTTTCTGG
AGAAAACCTCCATCAACGTGGTGGCTCTCTTTCCTGATGTTGTTTGTGCC
CAAATTAGCTTGTT

>Sequence 1101

AGGTACAGACCATGAAGGGTCTGAACAGCTCATGAGCTGAGTCTGACAAA
TTCTGCCAAGTAACAAGCTAAGTTACAGGCAAGCTACCCACCCTCTTCAA
GGACCAGTTTCCTAGTTTCTATAATGGGGTAACACCTACCTTATAAATTG
TGAAGAATTAAATCATATAATCATGTCTGCCTCGAACTGGGTGGCTCGTC
AATGCTCTGCTCTGTTCCCTCCTCTTCCCTCTCCTACATCAAGCAAGAAC
GTCCGCACAGACTTGACCTGGGCACCTCATTATTACAATGCATCCCTTTG
ACATGATTCTTTATGAAAAAGGGGACCAGCAATTCAAGCCTTTTTTCAGCA
TTCTCCTTGACAGAAGACTACCACTGCAGAACCT

>Sequence 1102

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTCTCGAGTCCGGGGCCGCAAGTCCCAGACGCT
GCCCATGGAGGCGTCCAGCGAGCCGCGCTGGATGCTAAGTCCGATGTCA
CCAACCAGCTTGTAGATTTTCAGTGGAAGTGGGTATGGGCTGTGAAGCT
TCAAACACCTTGCAGATCTCTTAAGTATCCTTACGTTGCAGTGATGCTAA
AAGTGGCAGATCATTCAAGGCCAAGTAAAGACCAAGTGCTTTGAAATGACG
ATTCCACAGTTTCAGAATTTCTACGGACAGTTCAAGGAAATTGCTGCAGT
TATTGAAACGGTGTGAAGACGGATTCTTTGGTTGATAAATTGCTATCATT
CTAAAGGCATGGACTTCACTTTCGGCAACAA

>Sequence 1103

AGGTACGTAAATCGTGCCAAAAGGAATTGGATGTTGCATGCCTTCAATCT
GTTTTTGAATTATTTGTAGATACAGGCAACATCTGTTCCACTGGACAGAG
ATATACTACAAGTGCTAATAACTTGGAAGACCTGACTTTAAAAGTTTGT
GCTTGGGAGTTAAATATTTTAAACATATACATTTTGAAGTTCTCTTCTA
CATAAACTTAAAAATTTTAAATTGCAAAATAATAAAGAAAATATTTTACA
AAGTAAACCAAAGTCTGAAACTTAAGGAATTTTTTTGAATCTATTTAATT
ATGTGTTAAGTGTGCCTACTGGCAAAATATATTATTGCAGCTCCACTCTG
TTAAACATAGATGGGGAGGGGAGAAGAAGAACTAAGAGACCTATCTGTAA
CTATGTAAAAAGAAATTCATTTGGGGCAAAAGCTGTGTAGTCTTGTGAGG
AGATGAATATAAGTAAACTAAAATCCGNNNTNAAAAAATTTAAATATTT
ATAAAAGGTCCTGCCCCGGGCGGCCGCCCCGGGCAGGGACGCGGGGACATCA
ATGCAGAGTCCCTCTGGGAATTTACAACACCCAACACCCCATGAGTTCAT
TCCTTAAGAAGGAAGATGGAACAAGTGTTTTAATTGGTTGGACAATTGAA
TAAAAAGGTCCATTTTCAGGCTTACTCTAGAAATTTAATTTCTAACTTA
GTTGGCCTTCTTTCTTTTGGGAGAAAACCTTTTTTTGGGGCACTGGGGAA
AATTTGGCCCCCTAGAAATTTAA

>Sequence 1104

CCGGGCAGGTACTAGAGCCAGTAGGTATCTCAGCAATCAGAAGACTGTAG
ATCCTCAATATGTGTTAAAATGAGAATAATGTAGCTCCCAAGAAACATA
AGATCTAAAATGTAGGCTCATTGGCCATATTAAATTTAGAATATTCAGTG
GCACTTTGAAAATGCCAAAATCCTTCTCTGGCCCTAGATATCAAATTATT
TGTTACATGGGTTATATTCTTCTCTGGTTGAATTCATGACTGAAAAGAT
TAGATGGCAAATGCCAGCGTATAGCAAACATCATCTGTTGCCAAATCATA
ACTGATTCATTTGTAACATATGGGCTTCAAAGAGGAAGGCAGGTGAAGGCT
CTCATTCAATTTGAAGGCAAGCTCTTTGTGCCTTTTTTTCTTTTAAAATCT
GAATTGCTTACCTGTTCTGTTCTTACCTGTTTCATCT

>Sequence 1105

CCGGGCAGGTACAGCACACCTGCAGTAAGGAGGCAGAAGTGGGCACAGGA
GTGTGCTGCCTGATGAATGCTCACTTGCACATAAGCTCATGCAACCAGTG

Table 3

208/1077

CCCAGATGGAAACGGGGAGCATGCTGTCTCCCACCCACGACATACTTATG
GATAACAGTCGTGTTGCTGGCCACTCAGTTCTCAACTCCTTACTGTGCCA
GCATTGGCCTGTCCACGGCATCCATGCATTCCCAACCCTGTTGGCGCCCT
CTTGGANGAATCTGTTTTGATGCATAATTTTCATGATGTTTTTCTCAGCCC
TCTAGCCCTACAGACCTTCCAGGGCTGGGATCATTCCGGGATAGCCTTCT
AACCTCTCTACCTTACTTCCTTGAACCTCAAGCATTGTTGTTTCAGGG
GCACTCACAGTAGACTAGACATGATAGGACACGCATGTCTGACTAGAGAC
ATGACCAGATGATAGACTTGATTAGTGGCACTGGAGACTTCCCATTCTGTA
CTAGGAGACGTAACAACCTCATGATGACCTGAGACCATAACCCTCTTGGACA
TCATGGTATCACTTAAGGATCAGCTACTAAGAACTATGATGTGATTCTC
TCCGTGGCCAGCAATGGAACCTTCTGAATATTCAAAGCTTGATCGGATACA
TGGTCGAACACTTCTAAGGGGTGGGGCACCGGGTCCCAAACACTGTTAG
TTTCCCGTACTAAGAGAAGGGAATAAATAGCGCGCTCTTGTGGCACAATA
CGATGGGATAATGATATGTATTGTCTGGAGAAGATATTATGTTGTAGATG
TGTACAACGAAATGACATGACAACATGATGATAATGTGTGAAGTCTTAAT
TGATTATATGACGATATGGTGATGCGATGAAGTAAATGTGAACGTAGAAA
TGATGATGAGATTGGTACGTAGATGTCGATGATGGACATGATGTACATGA
CGATTTAATAATGTGGCTATCATGAGTATATATATATTAA

>Sequence 1106

AGGTACCAAGAAAATTAGCCAGCCATGGTGGGACACGCCTGTATTCCCAG
CTACCCGGGAGGCTGAGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCCGGGAGGCGGG
GCTTGCAGTGAGCCAAGATCCCACCCTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGT
GAGACTCTGTGTCGAAAAAAAAAAGGCAACTAGTCACAAATAATTTGTT
TTCTTCTATTAAAAATTTTAAGACCATTATTGAAATTGAGAGTATTATTC
TCCTAATCCCTTTAATTGATCAGTTAAGAGTTCCTAGAACAACCTTGATAT
TCCGATTAAAATCTTTGGGTAAAGTCCTACCTTTTGAAATAGGGATAATG
TTTTGAAATA

>Sequence 1107

CCGGGCAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAA
AAGAAAATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGGGGGGCATCTGGTTT
ACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCA
GCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAGTCTCCTTGGGCAAATG
TTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTT
GGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCT
TCTTGCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGG
CTTTGACTGAGGTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAAG

>Sequence 1108

CCGGGCAGGTACTTTATGATATTCTACCAATAGGACAGATCCCATTATA
GTATTAATAATGTGAAAAAAGTATATATTACTAGCTAATAAAATTTCTAAT
TATTTTCATCCCTGAACGGTCTGAGAAAAGAAGGAAAAATTCCTAATATTT
TTATTTGCTCATTTGCAACTTTACTGGAGTTTAATCTTTAGAAAAAGAAA
TTTTAATTTAATATCAGAATACAATGTTTAATATATTCAAGTTAAGTTTT
TGACAACTTGACAGTTTATTTTAAATTCATGTGTTTCAGAGAAGTTTTTG
TTACCTAGGCTTGGGCTTTTAAACATAATATCAAATTTTTATATATGGATT
TTATATTTTTTTTACTTTAGGAAAATGGGTATAGATTGCACATCTAGCAC
AAAT

>Sequence 1109

CCGGGCAGGTACTCCAGCCTGACAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACCCTGT
CTAAAAACAGAAAAGTAAAGAAAAAAATAAAATAATTAATTAAGATGGC
TGAGTGCTGGCTGGTGTGTTGTCTCCTCAGCAAGACAGAAGCTCCCTGAGGG
CCAGCGCCACCCCTGATTTATTCCTCCTAGTGTCTTGGGTCCCCAGCTG
CCTGGCACAGAGCTTTGGTCCTTGGTGCTCGGTAGAAGTGTCTGGCTGAT
GTATAGGAGGGAGCCTGAGTTACAATCCCCCCTCCCCTGCCACTCAGTCT
TCGTGTGACATTGGAATGTGTCAACTTCTTTCTTTCTTGGGGCTCTGGGG
CCCATTTGAAAACCGGGGGGTCTTGGGGCCTATGAATGGTGGACCCTTTT
GAATTTCAGAACTTCTCTGCCTGGTCATGGGTGCACTCATGGAGTTCAAG

Table 3

209/1077

TG TAGAAA

>Sequence 1110

AGGTACCTTTTTACATTCCCATCAACAATGCACAGAGACTCCAATTTCTG
CACATCATTACCAACACTAAACTTTCTGTTTTCTGATAGTAGCCGTCCT
AATGTTTGTGGTTTATAATTTGATTAAGATAGCATATCTGAATATTTTCT
TATTTTTTCCATCTTTGAAAATTAAAATAGACTGAATTTTTGTACATTG
TCTTTAATAACTAAGTTGCTTGCCTTTTTACTAAGCAGATTTTTTTTGA
GGGATTTATGTGATAGTCTCTGTCTTTTTATCTTGCTGGAAGTTTGATCC
ACTCAACTGACAGCTTTATTTTTCTTTCCTCAAAAGCTN

>Sequence 1111

CCGGGCAGGTACAAAAATTAGCTGGGCATAGTGGCACTTGCCTGTAGTCC
CAGCTACTCAGGAGGCCAAAATGGGAGGATCACATGAGCCCAGGGAGGTC
GAGGCTGCAGTGAGCTGAGATTGCACCACTGCACTCCAGTCTGGGTGACA
GAGTGAGACCCTGTCTCAATAAAGAAATAAAGAAATAGAAGACAAAATCG
TGGTGTAATTATTTTGTCCCTCCCTATGCAATTTACCTCTTCTCATATAC
TGTATATTATTTCTCATAGGAGTCTAAATCAGAGGTCATATCTCTGCTCT
TTCAAAATTCAAAACATCTTGAAAACAGCCAGATTTCTTCTCAAAAAGT
TACATGATTTGGCCAGATGTGGTGACTCATA

>Sequence 1112

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGTCTGCTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCCCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTGTCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTCAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAGCCTCTGCCTTCTCACCATGCCAGGGATGCTT

>Sequence 1113

GAATCGAGCTAATTGCANTACTGCGAATNGGTGCTCCGCCAAGGTGCGGG
CCGCCCCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGTTGCTTACATCTGATGNGAG
GAAATCCGGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTT
AGCCACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAG
CCATTGTGGTTTCACATACACAGATGTATATTATTTGTTAGCCAGGTAA
TGACAGTCATTGTCAAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTCAT
GCCTTGCTTTGTCAATAGGGAAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCT
CTCATGACTGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGA
GGGAGGGAGGCTTGGACAGCACATCCTCCCCGATTAGATC

>Sequence 1114

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAG
AGATGGGGTTTCATCATGTCAGCCAGGTTGGTCTTGAACCTCTGACCTCA
GGTGATCCATCCGCCTTGGCCTCCCACAGTGCTGGCATTACGGGTGTGAG
CCACCGTGCCTGGACTGATAAGCACAAATTTAGACAGTGGTCATCCCTG
TGGGAGGGGGACAGAGGATAAGGATGGACACCCAAAGGAGTGAAAGGTGT
GGTGAGTTATAGACTAGGTAGTGAGGGTCCACACATATCCACTGGATCTT
GAGTTAAACTTTAAATACTTTATGCATATCCTTTAGGATCAACTTAAAAA
ACAAAACAATACAAAAGATTATTTCTCCATTTTT

>Sequence 1115

CCGGGCAGGTACCAGCTAGCTGGAAAAGCACCTACAATGATCTAGTGGAT
TTGGCATGGATATGGCCTACAGATCTGTAGTGGGGACGGAGAAAGGGACG
TGGTGTCAGTGTGAGCTGTGTGGAAGCTGGGGCTCTTCACTTGCTCAAGA
AGTCTACCCTACTGTATGTTCTCTTATGTGATGTGAGCTGTACTTTTTT
TAAAGATGACTATTCTTACTTCATTGCTAAGAATTGGACACAATATTTTC
ATTTCTTCACTCATCATGATGACATGCATTATACTAATAAGTTGTAATTT
TTGATTTATTAGCAGCTTTAAGATTTATTTATCATTTATAATGCTAAGTA
GGCCATCATTAGGTGAATTGTTTTATGTGTGGCCACGGTTTTTTTTTAAGC

T

Table 3

210/1077

>Sequence 1116

AGGTACTTATTTTTTTTCTGGA
GTAACCAGTGTGACATAAGATCTGTTTGTGTTCCCCCATTTTACAAAAGA
AAATTTAAGTCTGCAACTTCCCCTAGGCATCTGCAGCAGAGAGTGGATTT
GTCAACATGCAAAGCTGCTGATCTGCCCTGCTGCTGCTCCCTGCCCTA
AGTGTGAGGAGGATGAACTGCCCTCTTTTCACCTGCACCTCCCTGGATGG
AACAGAGCATCTCCATAATACTTTATGCAGAAGTATCACTTTTATTTAAC
ACCAGAAACCCCAGGCACCAACTTTAAATTTTAAATAAAGGAAAATGTGG
ACCACTTGCAATGTTACAAAGCAAAAAGAAACACAAGAGGCCAATATTTC
AA

>Sequence 1117

CCGGGCAGGTACAGCATTATTAGCTGGGGCTTTCCTGAAAACCCCAGGG
TCTCTTTCTATTGTCCCATATGGTTGGAGTCACAAGAGTGGGAGAGATG
GCCAAGCTCTCTGCAGAGGATCCTGGCAGCAGCCTGAACCCTCTTGCTAC
TTCCATCAAAGGAAAAAAAAAAATCAAATATTTACCCCCACGAGCTTATAA
TATTACAGAGAACTCCACCATCCTGCCCTGCAAATATCCTGGGATTTGA
CTAATACTAGAGCTGCTTTTCTAGTCCTTGAGTGACTAGGAAGGAAGAAC
CAAAAGCTTGACTCCCCTGCAGCAGTGAGTTCTCTGGCTTTGGTTTGCAC
AGGAAACCATAGGGTTCAC

>Sequence 1118

AGGTACCTGAGAATAATCCATGACATTTTTTTCCTCCCTAGTCCCCATAGC
CAGTCCATCAACACATCCTATTGGTTATTACTTAAATAAATTAGATATAT
TAAATATCTATAAAAATGTATCTTGAATTTTTCTACTACATTTTGGACTG
CCCCCATCCTACTTCAAACCCATGGTCACCTTCTCCCATGGTCTATGAAG
GCAGCCGTTAACCCATCTCTTTATTTGCATTGTTACCTGCTTTTCATTAA
CTCTTTGCCACATCCCTATCCTTTTTATAATCCTCCAGTGGCTTCCCTTG
AACTTAAAATAAAGTCTGAAGTGTATCATTCTGGCCTGGGTAGGGCTTGA
AGGATTCTGATTTACCTCCTTTTCTGCCATGCCCACTCCCTTCTCCTA
CACTTCAACTATGACACATTTTCAGTTTTCTAATTT

>Sequence 1119

CCGGGCAGGTACTTCTCTGCAGCCTTAAACTCCTGGGCTCAAGCAATCCT
CCCACCTTAGCCCTCCAAATAGCTGGGACTACGGACATGCACCATTAAAT
TAAAAAAAATATATATATATATACACACACACACACACACATAGTGGA
GGGGGTCTCACTCTGTTGCCAGGCTGGTCTCAAATCCTTGGCCTTAAGC
TATCCTCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCA
CTGTGCCTGGCCTGATAAGGTGATATTTGAGCAGAGACATTTAAAAAGTG
AGAGAAGCAGCCATGTGGTTATCTACAGTCCAATATTCCAGCACAAAGGGA
CAGAGGGGGAACATACTTGGTGTGTGTGAGTAACATGG

>Sequence 1120

CCCCATGTATGAGCTACATCNGCTATACGGCGAATTGGTGCTCCACCGAG
GTGGCGGCGCCCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTTAGCCACCGCGT
CATGCCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTT
TAAAGCTGGATCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGAT
AGGGAAAGTGAGTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCT
AAACAGTGACTGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAAT
GTCTTCTCACTAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTCTGAAGGCTCAAACCC
CATGGATGGATGGAGGGAAGGATGGGTGTGGGAGAGTAACCATAAAAAGT
GTCTTTTCTCCATGGGAACCTTATTTTCAAACCTTTCGTTGGGCATTTTCT
CTTTGA

>Sequence 1121

CCGGGCAGGTACCGGGCCTTGTGCCAAACACCTTAGATGGGTATCTCTG
AACTTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTACATTTTAC
AAGTATGGAACTGGGGATTACTGAGGTTATTTGCCCAAGGTAACACAGA
TGGTAGATTCTGGAGCCAGAGTTGGAACTGGGTAGTTTGCTCCAGACCC
AATGATCTAGCATCCTAGATGTGGTCCATTAGGGCTCTCTCTTTTCATCC
GTTTGTAAGAGAAGTTTTCACTTTCTTCTCAAACCATTGAGAAACAAC

Table 3

211/1077

TTGGAACTGGGAAGTGCAAAGGGAAGAATTCTAAAGAAAGCCGTTTTAA
AAGGGAGAAAGAACAAGAAAGCAGGACACCC

>Sequence 1122

CCGGGCAGGTACACAATTAGTAAAATTCAACCTAAAAAAACTGTCGATT
TTATTGTATATAAACTATACCTCAATAAAAATAGATAGGGTAAAAAAAT
ATGACACTAGAATTTTCATTCCCATCCCTTTGGCCATGTTTCAGGCAGAGGT
TGGGCAGTGTATCAATACACAACCATAACGCTAAGAGATGATCTCCTCAG
GTGCATTGAGGGTGGGAAAGGGCAAATGTGAGAACTAATGGTAACCAGCC
CATGTGCCCTAGAACAAAAATGGCTCCTGATCCATGTTTGATACGTGTCC
CATAGGTGGCTGGCCCTCTGCTGCGATGCACAAGCGGCACTATCGGCTTC
GTGACTCAACGCAAATGAGAGAGAACACTAAGTCAATGAACCCAGGGAAA
G

>Sequence 1123

CCGGGCAGGTACTGCTGTTAGTGGCTGCTAGTAGGTTATTCAGCCGACCT
CTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAGAGTTGCCCTATACTGG
CTTTCAGTCACAGCTTGTAACCACTGCTTGTTTGCATGCATCCCCATCAT
TTTCATATGGGCTCTTTTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGAAGCAAAAGA
ATCAGGAGCATTTTTATATGATAAAAGATTTATATAAGGCCAGCTAGAAT
CAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAGGGGATGGTAAAAAGGCTCACAGAAC
TTGTGGCTGCCAGAAAAATCAGTGTTCTTTAAATTAAAGAGGGTTCAGCT
AGCAACGCGAACTCTGACTTTGCATTTCATATT

>Sequence 1124

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGTCTGCTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCCCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCTCTGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAACTTCTGA
GCTGGTGTGAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAACCTCTTCTTCTTACCATGCCCAGGATGCTTA
TT

>Sequence 1125

AGGTACACTTCTAAATAAACCCCTGGGTCAAAGAAATTAAAAAGAAAATG
AGAAAATATTTTAAACTGAATTATAATGAAAACATAGCATGTCAGTATTT
GTGGGATATACATAAAGCAGTATCTAGAACTTACGGCTTTGTAGCTTAA
ATGTTTATATTCCATAAGAAGAAACATTACACAAAATCCCTATCAAAACA
TTGGCAAAAATTAAATCCACTAACATATGTAAAAGGATAATATATTATGG
TCAAGTGGCATTATCCCTGGAATGCAAGGCTGGTTTATATTTGAAAAAA
TCAGTTCATATAATTCTTCATATTAACAGAATGAAGGTGAAAAACCGTAT
GATTATCTCAGGGACCACAGGAAAAAGCATTTGACAAGATCCAATGTGAT
AAAAAAAATCTCAGCAAACTAGGACTAGAGGGGATCTTCC

>Sequence 1126

AGGTACTTNNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCACCCACC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCC
GGGTCAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAAGGTATT
CAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCATGGACT
TACTACTTTAAAAAACCACTTATTAGAAACCTAACACCTTGGAAGCTCTG
CATATTCTGAATGAAGAATATACTAAACCACTCAGAGGGGAAATAGTTATT
AACCATTTTACCACAGACGACTAAACAACCTACCATGGCCCTTCCCTTGTT
TCAGCTGGTCTGGGTCTTAAAAAGACTTTGGAAAACCCAATCTACCCTCC
TCTAGCAGCAAATCAATTCCCACAGTCAGCCAGGAGGTTCTAACCCTGC
CCTACCTCTTTCACCAAGGAACAAGCCCTAGATTTTTTGCTGTTTCTAAAA
ATATGCAGCTTTTAAATATATCCATCATTTTGGTGCTCTCTACTGCAGAG
CTTAATAAAGCAAAGCCACTTGAATTCAGGAGATGCCCAGCTTAAGTACC
TGCCCGGGCGGCCGAGGTACTCCGTGAGAAAAAATCCAGTGCCGGAACCTT

Table 3

212/1077

GCATTAAAAAACGAAGGGAGATTGTGTGGTTCCCCCAAGGAGAACCAGAG
AATTGTTGGCGGAGGGCACTGTGAATCAAAGGGAGAAAAAAAAGGTTGT
GTTT

>Sequence 1127

CCGGGCAGGTACCATAATTTAGTTATTGCTCAGTGGTTGAACATTTAGGT
TGCCTCTAGATTTTTCTATTTATTAGAAACATTCAGGGTTTCTAGATTTT
TCAGTTTTATAAGGAACATTCCAGTGAACACTTTCGTGGAAGACTTTTGC
AGGAATTTCAACACCTAATTTTGTACAACCCTAACTTTCTCCATTTGTT
TTGATGAGTAGTAAATTTTTATTTGAAAAAGTCTTAAGGCAAAATAAAT
GTAATGCACTTATATTTCAAAAATATAATTGCCATATACTACCTATAAAA
TAGGAGTATTTCAAGGAAATCAAACAAAAACAATGATTTTTCTCAAGCATA
AAGAACTATGCCTGGTATGACCTGCTCCTTTTGAATTATTAAG

>Sequence 1128

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCAATAATTACTTTTATTGT
ATACTGCACAATATAAACAGCATGTTGCAAAGAAATATATATATTTGTGT
GCTTTGTGTATGATATAAATCCATTTCTGCAAATAAAATACAAACCGAT
TTATCTTACAAATATGAACTCAATGAAAAAACAATCCCAAAATAATAC
TATTTATGTAAAATATAGAAGCTAAACAATAAATTAATAATACATACATA
AATAGCAAAAGAGTAAAGCATAGTAAAAAATAATAAGCACCCAAGTAAAG
AAAAGAAATAACGTAAAATTTGGGATGGAGTGATTTCTATGACGGGGAAT
AGAAAAGAGATGTGGCCACGCATGAGAATATTCAGGCTCATTGGTAATGT
TCTGTGTCTTAGGCTTAGA

>Sequence 1129

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCAACTACTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAAGAATGGTGGGGATT
ATATACCTTCCCTGGGATTCAACTGAAGTTAAGGAAGGGATTACCGAT

>Sequence 1130

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGAGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAAGCTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAAGTGGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTT
TATGTAGATTTTAGACACTTTCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTTGGTGA
CACGTGCAGCTTGAAGCTTTTGAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTG
CCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGGCTTTG
ACTGGGGCGGTGTAGCCTGGGGTTGCAGGGGCTGTTGCCAA

>Sequence 1131

CCGGGCAGGTACTTTTTTGTCTGTTAGTGTTTCTCTGTGTTTTCTTATTG
TGCTGATGTGAGCTTGCAGTCTTTTGTAAATTAAGGATAAATTTTATTTA
TGCATTTATGTATTTATGTATGTATTTAAAAAAATTAAAGGTTGTA
TATAAAAATAGTTATTAAGTGGAGACACTTAAGAATAATACACACTCCTC
TAAATAAAACGGAAAAGCCTACTTGCTGCTTGCTTGTTGCAGGTAGAATT
GACCCGATCCCCTGCAGAAATCCCTGCCCCCTCCTCTCTGTCCCAGGAAT
GCCACGCTGCCCTTCACGCTGGCATGCTGCCTGTCGGATCTGTGCTATTC
CTTAGTGACCTGTAGATTCATTATCTGTGTGCGCCACAACCTTGTCCT

>Sequence 1132

AGGTACATGCATCCATGGCTCACCTGGGGTCTTACCTGTTACACAGTAAT
GACTCAAGCAGCCAAGGTCATGGGGGGCTGTAGAGGGGGGCTGCACTAGC
TGCTCAAGTTGATGTTACAGAACCTGCTCCCGTCTGAGATCCGGACTCCA
CAGCCCTGCATGAGGGCCGCTCCTCCATCTCAGCATCCTCAACCTGGTAG
AAACCGGTCAGGTGGTCTCCTAACCAAGGCTAAGGCAGGCTCAGTCCCTG
AGAAACCTGTGGGGTATTCTTTGAGTCCTGGCACCCTAACCAAGGGGTC

Table 3

213/1077

TCAAGAGGATACCTGTAGCAAGCTTGTCCCCAGCGCCTATGGACTGAAG
GCAGAGATTAGAGGGACGGTGCGCTGGGCAGC

>Sequence 1133

AGGTACATTCACTCTGTGTTTTATTAAGTTAAACATTAACAACGTCACCA
TAAAAAGCATTTGCTAGCATAAATGCTGATCTACCATAGGAAAAAATATT
CACTTTTCTTTGTTATTGGCCAAACCACTTTAACTATATGTTAAAAAAG
GCCTTTCAAAGTTAACTTTGTGAAAAAACATTTGCAGGTTTCCCATTGCA
GAAGGACATAGCAATCCAATAAGGACTGAGATATATACTAAAATGGTCAT
TTCTTGGGGGCTACTGAGCTACAGATCCCAGAGGAGCTCAGGCTTAAAGT
CATGAAATGGCTTCCGTGGAACCAGGCCTCAATTTTATCCTGATTAAATT
TACTATATCTGAGAACACAGGTGGACTGAGTGGGAGGCCACCCAGAAATG

>Sequence 1134

AGGTACACCACCAGGCTCTGAGTTGGTTAACAATTCGCTGAGAAGACAGC
TCTAGAATTGCTTCTGCCTACGAAGGGTGAGGATGGGTATATATAAGAGA
TTTCCAACCTGACAAATCCATTTGGGAAGGCTGAATTTGCAGTTTGAGGA
GGGAGTTTGTTCAAAGAGCATCTGCATGAACATTCTGCTGGAGCAGCCTG
TGGGCCGAAATCCACAAGGCTGGCACTTTGAGGTTCAACTTGATTCTACA
GGCTCTGCGGTCTCATCCCAAAGTCACAGCCCACACAACCTGGCATTTCCT
CTGGTGGTTTGGATTAGACAACAGTCCCCAAGCTCTACTTTGGAGGCAAG
ATTTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGGGGGTGGGGGCC

>Sequence 1135

CCGGGCAGGTACTCCCTTTCCCTGACTCAGTCTTTTATTGATGAAGGCAG
GGATGGGATGGGGAGAGCTCACCTGGCAAAGACTCCACACAGGTGTGCAG
CACACCCTGATGGGGCCAGAAAATGTCACTGTGAGCCCTAGGGGTGAAAG
ACACAGTGATGGGCTGCTGGGCAACTACCAAGTGTAGAGATCCTGAGTGC
CCAGAGAGTTACCAACCACTTCCCTTCCCTGTGCAGATCAGTGGAGGCAG
ATACATACACAAAATGGGAAGGGGAAAGAAAACGGCTTTCAGAACTCCCC
ACCATAGAGACTATAAGATTATTCCAGAATGGCCCCAATTTTTTCACTGC
CCTCTGGGCCAAACAGTGTCCATACACTACGTCATTCTTAT

>Sequence 1136

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAGGAAAGTGAGTCCCAG
AAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGATG
TATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAAG
GCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGGA
AGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGATGGATNGACAGNNTACTN
ATTCATACAGATATGCAAGAGAGATGGAGCCACCTTCCCATCAGACAGGG
GGCTTATTGCTAGCATTGCATTATGACAGCTGTTTATAGTGCCTGGATCT
CATTTTGTAAGGCTTCCTTACCTCCGGTGAATTCAGGGAGTGTTATTAAT
CCAGCATTTCTTTGAAACCCCTTCATTCAAACACTTGTGACCCTTTGTAT
TAAAAATAAGGGCAATTGACCGATTACAATGTTCTTCTATGACGTTCAA
ACAGATGGACACATTCCTTCTCCTGGAGAATATGCAATTCTGGGGTCCTA
TGGCTTCTTTTCATTCCAAAGACCCCCACCTGCTGGAACTCTGTACT
GGTTACCTTGCGCGCCTCCACCCTTGGTGGGAGACTTGTACCATGTTGA
GATCCCTCTGTGATCGCCACTAATGCGCTTTTCTTTAACTGCAGACAACC
CTTTAATGGTTTAATTTAATTTACCCAACCCAATAAATTCTCGCCCCGGC
CTGGCGAGAAAACAAA

>Sequence 1137

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAAGCTACTAAGCCAACCTGATAATATAGA
CGCAAACCAATTGTTAAAGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAA
CAATCAGTGATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCT
CAGGGCCTGGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATT
CAATTAGACAAGGCTTTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTA
CAAGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTAT
TGTAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCA

Table 3

214/1077

TAAAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAA
TATTGTGAAGGCTTGTGATGGGAATGGAGGAACTN

>Sequence 1138

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTG
TTTGTCTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAGAGGAGGAC
AAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCCTACACAAGGCAACTGGCT
TCAGTGCTACCCTACAATTT

>Sequence 1139

GCCCCTGCTTCGATTCCATTCTGAATAACGGGCGAATTGTTGCTCCACCGC
GGCGGCGGCCGAGGTACTGTGTTAATCACTTTACATAAATTATCTCATT
TTTCCTCAAGACAACCCAAAGAGGAAGTATAATTTTGCCTGTTACTGGT
GAGGACCTCATGCTCATAGAGGTAGGCAGCGTGTTTCGTTAATACACAAC
TTTTTTAATGAAGGGAGGGATGTCAGCCACGTGAGCTGTCTGCAGAGCC
TATGCTCTGATATTGCTCCAGCTACCCTTTTAACATTTAGTGTTCTGAC
TTACTATTATAATGGAAGCCCTACCCTATCTTCTGTGTATTTGAGAGGAT
TTGTTTTTTTATTCATATCTACCAATGTCTGTGAATGACTCTGACCTCAA
TCCTGTGTGTGTCTGGACCTCTACTAGAATGCATTTGGCATATGGGTTGC
TTACCCAACACAAGGATT

>Sequence 1140

CCGGGCAGGTACAAGAACTACAAGTCCTAAAACCTTCTGTCCAAAAGAGAG
TCAAGAAGCAGCTGGACAAACTTAGGGTTAAGGATGACTTTGTTTTGCC
TATCCCTTGGCTCTATCCTTTTGCTTAGCAAGGGCTAGCAGTCAAATCTT
CCTATTGCCCTTTCTGAGTAGGGAAACACCCACATGCAATAAACAATGTA
AATACTTCAGGCATGGACATTTTAAAGTTTTCTTCAAAAACGCCTTAGCA
AATCAATCATTATAATCAGGCCTTTGAAAAACCTCATTTTTGAGTTTTT
CCTCAAATACTATATTTCACTCAAAAATATTAAGGCGGCCAGGCGTGGTG
GCTCATGGCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCAGAGATG

>Sequence 1141

CCGGGCAGGTACACCTTTTTGAGGCAGCAGCCCAGAGCTATGAGGTATGC
TGGTTGTGGAAACGCTGTGAAGCTAATGAGGGTTGAAGCCGTCATTAGGA
TCTAATGAACACTCCGTTTGATTGAGCTGAGCCCAGCTGACCACCGGAAG
CCCAGTCAGTATCCTGTGTTCACGCCCCGATATTGCTTATGTAGGAGAACC
AAATGAATCTACTTCTGAGGTTTGAATTTTGAAGGATTCTCTGAGAGAGG
TAAAGGAATCTACTAGAAAAGGACATGGGAATTTTAGTGCCAGGCTGACC
TGAATTTGAATTTCCGTTCCATCTCTTCCTGGTTCCTACTTATACTGTGC
ATAAGTAACTTCCTACTAAGTTACGTCCCC

>Sequence 1142

AGGTACTTCTCTACTACTTTTACATTTTAGAAAATAGCAACTCTTATAAG
GGTGAGTCTCTGTGCCATTTCTAAATTCTAAATTTGAGTTTGCTGCAGTG
AAGAATAACTACTAATTAGAAACCAAATATAGTGTTCTATCAGTTACTAA
TTTTCATAGGGACGCTTAATTTACATTCTAGCAATGGCCAAACCTACTG
AATACACGAGTTTAGAAGTGAAAACCTTAAATAAGTCTAGGATTAGACTG
TATTCCTAGGAAGAAGTCACATTAATACTAAGTCTGACTCCAAGTCTAAA
GATATTATAAACCTCAGAACACTTATTTTGCAAAATATATTCCAAAACCTC
TAAGTTGTCCCCAAGCCTGATTCCATTAAATAAGTGCCCCTTCTTCTGAC
TATAC

>Sequence 1143

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCATTCAATGCCTTACCCTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCACTGAGTAGCTGGGTGATTCTGGGAAAAACA
AATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTT

Table 3

215/1077

CCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAA
TTC ACTATGCACA ACTCTTTCCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAA
AACTCANAATCCTGTTATAGCTTCCCCTAACCTCATCTATATCCACATC
TTTCCAGACCTCTNTCCTGTCAGGTTT CAGAGGATTTTTCCTCTGCTTGCT
CTTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCGT
ACTNNNNNNNNNNNNNTNNNNNNNNNNNNNGGGGAAGACCCTCTGCCGCC
TTTTCAAATGTTCACTTTTGCACCATTTACAGGAAATAGCAGGACCTTTG
TCATTAAAGGGACAACCACAAAACAGATTCTTGGTGATCATTAAAACGGG
AGACTACTTATGCAATCTTAAAGGTAGGCCAGGATTATTTTGAAAAAACC
AGTTTGAAAAAAAGGCTGCAATTTTATTA AAAAATATTTGAGAGGGAATA
TTTTTTGCCATAGAAAAAAGTTTCCCCCTTAAAAAGAATTGGAAATAATC
TCCTGCACCCCTTGATAAAATTTCTTTTCAAAAGTCCTAAGCCAAGGC
TGCTGGCCTTTTGTTTAAACGAAAAATTTGCCGTTTATGG

>Sequence 1144

CCGGGCAGGTACCACTCACACTTCAAGGAGAGATGGAAGAACTAAGTCA
AGCCGACAGGAGCCATGTCTTTCAAGCAAGAAATACAGCTGCCAGAGAAC
ACAAATGCGGACTTTATATAAGCGTAAAGCCAGCAGGGTGTCTGAGGACA
TCAAATTTCAATTGCTTTTGTCTGTTTACTACAAGATGTAAAAACAGTCAT
TTGCCACCGGGGAGATGTTTCATGAATTGAATGTTATAATTTTATAATCA
GATACTATGACTTTAGGGGACTAAATGAACCTTTTCAGGAAGATTATTTT
TTTCATCCTGTGTTCTAGAACAGGTTCTAGTTGTCTTTCAATAAGTGAA
TGTTAATTGCTTAAGTAGCTCCTGTTAGTCCTTTCTGGCCTC

>Sequence 1145

AGGTACGCGGGTGCTTCTACTTATTAAGCCATCCATCTACCCATCCTGCT
CACGTATGTGTCAGACTTTTAGTGCCCACTGCGTGTGTGGCTCTGCACTG
TGTTCTTGGGGTCTAACATAATGTAGGCAATCTGAAGGTTACTGTCCAAG
GGGGGAAAGCAAAAGGAAATCACGGTATAAGTTTGTCTTTCTTTAATAGC
AGAAGGGGCTACATCCTACTGTGGGAATGCAGAAAAGGGAGTGATAAGCT
GCCTTCATAGACTGTGCTTTTCAATTTTGTCAAAAGTAAATGTAATCAATA
TGAATTTGTGGAAAGTG TAGCATATATTGCCATGTGTTATGACTTTGAGC
TTATTTTAAATAAAGATGGATGCCTGTTTCTGCCTAACATGTTAGTCAG
TGTTATCAAA

>Sequence 1146

CCGGGCAGGTACTGCTGTTAGTGGCTGCTAGTAGGTTATTCAGCCGACCT
CTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAAGAGTTGCCCTATACTGG
CTTTCAGTCACAGCTTGATGTAACCACTGCTTGTTTGCATGCATCCCCAT
CATTTTCATATGGGCTCTTTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGAAGCAAAA
GAATCAGGAGCATTTTTATATGATAAAAGATTTATATAAGGCCAGCTAGA
ATCAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAAGGGATGGTAAAAAGGCTCACAGA
ACTTGTGGCTGCCAGAGAAGTCAGTGGTCTTTAAATTAAAGAGGGTTTCA
GCTAGCAGCGGCAACTCTGACTTTGCATT

>Sequence 1147

CCGGGCAGGTACAAAGAAAGACAGACCCAAACTCCTATCACAGACCCAAA
TTCCTATCACTCTCTGATTAAAGGAATCCTTTGAGTAAATAGGATTTGAA
AACCAAGGCTATGTCTACTCTTGGAATATGTCATGATTTTGTGAATTTAA
ATCATATTGACTCTTGGTCCTTGTCTTCTCAAACAAGCAATCCAGACTTT
TTGTGCATCACTGGGATATATCAGTGAATGTTAGTTTTAAGACATTGCAA
ATTAAAACCTGGTTTTAGAAATTAGTAACTAATTTTATGGGCATTAGATTA
ACCTGACTATCTAAAGCATCAGTTGCTCAAAATATTTTATCCTTAAATAA
AATGCTATATAAAGATCCACAT

>Sequence 1148

AGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAATCCAGA
GATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCCACTCAA
TCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCATTGTGGT
TTCACATACACAGATGTATATTATTTTGTAGCCAGGTAATGACAGTCAT
TGTC AAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTTCATGCCTTGCTTT

Table 3

216/1077

GTCAATAGGGAAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCTCTCAGATGAC
TGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGAGGGGGGA
AGGCTTGGGACAGCACATCCTTCCCGATTAGATCC

>Sequence 1149

AGGTACGCGGGGGTAGCTGGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCT
AATTTTTTATATTTTTTAGTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGA
TGGTCTCGATCTTCTGACATTGTGATCCACCCGCTCGGCCTCCCAAAGT
GCTAGGATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTCAGGTGCT
GGTTCCATGGCTCTTCCTGAGCCGAAAATAAGGAAACTCCATAGACCTTG
TCCACTGGAACCTCGTTCCCATCTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGGA
TCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGCCCCCAAGGTTATATCCAT
CTAGAACTTCAGCACGTAATT

>Sequence 1150

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTTGTTTTCAGGCCTATATGGCTG
ATGCTCAGTAAGCAGTGAGATGAGCTGCAAGATGAGTCAGGAGCCAGCTG
ATATCAGACCTTTGCAGGACACAGAAAGATCTGGATTTTATCCTAAATAC
AAGGAGCGTCCATTAAAGAATTTTAAACAAAAAGAAAAGAAGGGAGCAGA
CGCACACAGCGAGAGTGGAACGTGCACAAGGCCCTCAGAGAGAGACAGAC
ATAGACAAGGAGATGTTCCGGTCCCTGCGCTGCTGGGTCCCATGAGGC
CTGTGTTTCCTTTAGTTTTTCTTTATGTCTCCATTAAACTTCTTTCTCTA
CTTAAGATTCTGTTCTTTATAACCAAAATATCT

>Sequence 1151

ATGTACTAATATTCAGTGTCTTGAACCTTTCATATAATAAAATTACTCGAA
TTGGTAAGAACAATGAAATCTTAATATTTAAAGATATATTTCTCATAATT
TATTGTGTTTTATTTATTCCTTTGTAGGAGTAGGCCCCATCACAAATCTG
CATATTTTATTTATGTTATACTTTTAAAATTTAGATTAAAAAATAAAAT
TACTTTTAATGTCTATAAAAGGAATATGCTCTCCCACCACTGGCAACTCT
GTAGATCTTAGCAGTTAGTATACTCACTTCTCTGTTTCTTTTCCTACAAC
CAATAGTAATTTGAGCTCTATGGGAATATAACAACCTTGATATTGTGCCAT
GATATTTNTATGGATCATCTGCTTCCCAAATGCCTCAGCAATTGCTGTAA
CTATTTGCTGGTAAACCTTTTTTCATCACCCTCTCATTAACCTACATACAT
CACTTGGACTTATCTTTCTTCTTTAAAATAAGTTGCTTAAACCCCATGA
AGATTTATTAGGCTTCATTTCCCTAACCTTTTAACCCCTTCAGAACTTTAT
CTACATGGAACCTATATTGGCCTCCTTTCCTATATTETAATAATTGGGTAG
GGTGGCCATGAAAATTTTTTTTCTAACCTAGGGACACGCCCTTTATTTTT
GGTTAACCCATTTTTTTTGGGCCCCCACTCTTACCCTAAATTTAAATAATT
AATTAACCCGGGAAGGGGCTTGCTTTTGCCCAAGCTTGGTCTAAACTC
TGCTCAACACATTGCCACCCAATTTCCCAAACCCCTGCCCGCGGCCACC
GGGAAAGACTTTTTCTCTATTTTTGTTTATCCGAAAAAACTTCCGTCTAG

>Sequence 1152

AGGTACAGCTGAACTAAGTTGGGCTAACAAGGCAGATGATGGGCTCCAAA
CTGTGCTGCATCTGTCTTTATGGTGGCCCTCTTTATTACACCAAGATCCC
CAGACACAACCTGCTGGCCCAGAACACTGCCTGCTGCCAACTAGAGCATA
ACCTGCTCATTCTCTCCACCACCAAGTGCTTTATGGGCCAGGACACAGCC
TCCTGGGCAGTGGTCCTTGACCTTGGAATCTGACCTTGACACTGACATCA
CTGGAACATTAGGAAAAACCCATGAGCCTTGGACTCCCTAGAGACCAGCT
AAATCAGAATTGCTGCAGTGGTGCTGGGGCATTTCCTCAATGACAAAGTCT
CTTTCTACTCAAGAAATAAACTCAATTCTGACTGAGTCAGGGTTTCATGA
ATCAAGCTTCATGAATACTTATCCCAAATTATTTCACTTATATGTTGTAA
GATGTTCCCATTTTTGTGAGTTTTATATTATTAACCTAAGTTAATGGGAAA
TGAAGTGTATCTGTTAAAACCTAATCAATATTAACCTGTTATAAATATTC
CGCAATCTAAACTGCTTTTACATCATTGAAAAGTTATAAAAATTAGCAAA
TCTGATAGCACCAATTCAATAAAGCAATTTAAAATTACCTAGTAGCACAT
TCTGTGAAACTTTGACAATATGATGTTACTTGGCTATGATATAATCATGT
ACCTGCCCCG

>Sequence 1153

Table 3

217/1077

AGGTACTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTCAGTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGTATTGATAAAAAGGTTCTGGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC
TAAAAATAGAAAAATTAGTCACGCGTGGTGGCAGGGGCCTGTAATCTCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTGGAACCTGGGAGGCAGAGG
TTGCAGTGAGC

>Sequence 1154

AGGTACTGATTTATGAGATTTAGTAGGTGGAAGGAAAGCAGAGACTAACT
TCTGCTATTTTCATCTACCATGCAGAGGGTTATGGGGATATCTTGTTGCTT
TGCTTTCAGCACTGGCACAAGTCCAGGGGCCATTTGCTAGCAGTGTGGGT
GTTAAGAGGCAGGATGTAAGGTATCACCTGTGCTGGTGAGGAACACAGTG
AGGAGTGTATGATTTGGGAGCTGAGAGCAGTAGCAGTGGGGTCAGCAGCT
TCCTGATTGGGTGGTCCCAGGATCAAAGTGGTTAGTGATCCGCTGGCTTC
CTTGCTGGGGTTTGCTTTCTAACTGTGGCAAAGCACTGTGGTTATGGAAC
TGGCCGTGACCCAAGGTGGCAGGGAGCTTCCTGATCCCAGAAGAAGCAGC
AGGTTTCA

>Sequence 1155

AGGTACACACTTGCATGAGGGATGGGGCTGGTTTACAGGAATGGAACCAG
CTTGGAAGAAGACAGAAGGTGAGAAGTGAATACTTGTTGGTATCATGTA
AGAACAGAGTGAAGAAAAAGGACAGGCCGGCCCTTGTTATTTTTAAATT
TCAGGAAAATGGATTGGCCAAATAATGGGGATCAAAAATAAAGGGTGTTT
TTATTATGAGCCAAGTGAAAATTAAATTTAAGATAGGTATGTTGATATGG
TTTGATTGTGTCTCCAAAGTTCATGTGTAGGAACTGAAGCGCCAGTGC
AACAGTATTGAGAGGTAGAACTTTAAGAGGTGATCAGTGCTGGGTGCAG
TGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCCGGCAGATC
ACCTGAGGTCGGGAGTTTGAGATCCAGCTGATCAACATTGAAAAAACCT
GTCTTTACTAAAAATTCCAAATTAGCTGGGGGGTGTGGCACAATCCTGGA
AATCCAGCTTACTAAGGAGGCTGAGGGCGGAAAAATACCTTGACCCACA
AGGTGGCGGTTGCAATGACCCCTAAATTGCGCATTGGACTTCAACCTTGG
CCAACAGAAGGAAAATTTTTTTTTTCTAAAAATGCATTAACTTAGGTC
CTTGCCGGCAGGCCGTTTTAAACTTTGGATTCCCCGTGCTGCAGGATATT
GATTAACTTATCGATCCCTTCCCCTCGGGGGGTGGCCGGTCCCCATTTT
TGTCCTTAAGGAGGGTAATGTCCCCTTGGCAAATAAGGGCAAATGGTTT
CTGGGTAAATTTTTCCCTAAAATTCCCAAAAACAACCGGGAACAAAGGG

>Sequence 1156

AGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTAGCAGAGACAG
GGTTTCACCATGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTAGGTGAT
CCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGCCACTGC
GCCC GGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGATTTCACT
GACTAACAACTAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTATATGATACATTTGCA
TTTTAGAAAAGTATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAAATGGAA
GGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTATTAAAGTAATCTGGACC
ATGAAACTGAAAAAAAGTATAGGGACTCCAAAAGTCATAAAGAAGTGAAA
GCAAGATTT

>Sequence 1157

CCGGGCAGGTACATGTGGCAATTGTTTGCCATTCCCTTTCCATCATTA
AGGGCCACAAGGAAAAGTATGTAACGGAGTGTGAAATCCAAGCTTTTTTA
CAAGGAATCCTGTGCAAGAGCTCAGGAGCTACTTGTTTTCCATATGTAGT
TAATCCTGTCTGTGCAAAGAGGTTGTCAATCTGATCCCAGTTCTCTGCCA
ACTCGTTTTTGTGATTTTGAGCAAACCCCTTTCTAAAGCACAAGGGATCT
ATCTACTGTGGGCCTGAGCTCTGGGACTCTTCTTCTCAGCAGGCTGTTCA
CTTTGGCTCAAGAGTGCCTCCATCCATGTAGGGTGACTTTGCTAATTTGC
ACAAAGTCGCCCTATGGGCTAGCAGCGGGCCTATCCCTTCCCGTTTCTGA

Table 3

218/1077

GCTTCAGT

>Sequence 1158

CCGGGCAGGTACTCTGGTAAGCTTGTTGTTGTCCAAGNNTGAAGCTCCCT
TCANNATGAAGCGTGTTGGCCAGAGAGCCATTGTCAACAGCAGAGAGCTG
TTGAACTCAATCCCCTTACCAAATATTCAGCCTTTAGCTAGCTGATCAC
TTTCTGATTTGTGGCATCAGATGTAATTCTAAGGGAAGG

>Sequence 1159

CGCCCATGGTTCGACGCAATGCTGATATCGGGCGAAAGTAGCTGCAAAGCG
CTGGCGGCCGAGGTACTCAGTTTACTGAGCATGTTTTATTCTACTTTATA
ATAACATAAGTCAGTCTACATTTTATAAGGACGTTTACATATTAGGTAGT
ATACCTTGTGTGCTTGACGCAAATGTGGCCAATTTAGGGTGATTTAGTGG
AAAATGGAATCATCTGGTATAGTAAACAGCTTTTGTCTTCTGTTACAGAC
ATAATGTTAGGAAAATTGAAATAAATACAAGGGGTAGTTATGGTGAACCC
TGTTAAACTACTGTTTTAAAAACAGTGAATTTTCAGAAAAATCTCATCTGT
TCTGAGTGATTTTCAATTCCTTTGAGAAGTTAAACTGGCTCTTTTAAACA
AATGCATCCAGGCGTGCCTGGTTATTGCTTTATTTAAAGCTGGAAGCAAG
GCTCCTTTCGGTTCTT

>Sequence 1160

AGGTACCATGTCTATATGACTATATGGGCAACAGAAATTATCAACAGCAA
CAGGAAATCAAAAGAACAGGAAAGGAAGATGATAAATTTAACTGGGGACA
TGCTAAATCTAAGTTCATGATGAAACATCCAAGGGGGACTAATAGCCAGA
AACACAGGATACAAGCTGGGAAAATACGAATTTGATTTAGAGGGGAGAGG
CACTAGAGCTAATCATTAGATTCATGAGTATAGATGAATTCAAAATGTGA
ATGCTCAAACAGAAAAGCCAAGGATACCAGTGAAGGAATATTTACATTTA
GGTTACAAGGAAGGAAGAGGAAGGCCAGGCATGGTGGCTCATACCCTCAA
TCCCACCACTTTGGGAGGC

>Sequence 1161

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CCCTA

>Sequence 1162

AGGTACACGATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCTGCAGCTCAG
GGGAGAGCTGGGTAAAGAACCGCCAAGGCAGTAATCATCTGCATTTAGAT
GGCGAGTGAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCCAGCAAGAATAAATCA
AACCATGAGAAACACATACATTTAAGAATAAGGAGATGTGGTCAGGCGCG
GTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGTGGAT
CACTTGAGGTCAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACCTAGTGAAATCCC
GTCTCTGCTAAAAATACAGAACTTAGCTGGGTGTGGTGGTGCCTGCTAT
AGTCCCAGCTGCTTGGGAGGCTGAAGCACAAGAATCGCTTGAACCCGGGA
GGTGGAAGCTGCCATGAGCCGAGATCACACCACCGTACTCTATTCTGGGC
AACATT

>Sequence 1163

CCGGGCAGGTACTACTGCAACCACTAGCAGCTACCATTTATGAAGCACTT
ATGTGCCAGCTACTGTGAAAGGGACTCTCTTTAAATTACTTTGCTTACTT
CTCAGAAAAATCCTGCAAAGTATTATTTAAGGAACTTACCAGTGTAGC
CATTCAGTATTTGGGATGAATAATAAGAACTTTTTAGAACCATTTATAA
AGCACTCTAGGTCATTCTTTGAGAAATGCTACAACTAGGGAACCAAGGAG
ATTAGAGATGGGCTCACGTCTTGATTTTCAGAAGGAAAATGTAGTGGATT
GTGAATGCTGTATCATTAAGCTTGACATGGATTCTATGCAAAATTCAAAA
GGATTTTTTTTTTTTAAACAACCTACTTCTTTCCATAGTCTTACCAGCA

Table 3

219/1077

CTCACTGGTTGCCTGCCATGGATTCTTTAAGAACAGT

>Sequence 1164

CCGGGCAGGTACCTCATTCCCTCTTTGTTTCGGGCCTCTCTGCTTTT
CGTTAATTTTCTCCTGGCCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTATA
GGAAATTATCCGTGCAATGAACTTAATTTAGAAAACTCTGCTGCATAAA
GAGGTGGCAGAATTATTCTTCTCATAGTCCAGTCTATGTTGACTTTCATG
CTACAGCATTTCACAGTCATTGACATAGAAATAGATGCTTAATTTAAAA
TGTTTTTGCAAAGTCATTGGACGATTGATAAATAAGCCGAGGTTAGAC
TCCAAATAAAGTGCTTAAAAAAGTAAAATTCTGGCATTTCATCTTCCTTAT
CCCTTAATGGGGGAAAAACTCTCATG

>Sequence 1165

AGGTACATCAGCAGTATGTAATTATATTGTGAGAACAAGGAATATTGGGC
AAAAAGCAAGTGGTTAAACATGCAAACAAGCAAGGGCCTGATCAGAATT
TTCATTTATTCAGTCCTTAAGAACTGCAGAATGCTGAAGTCTCAAGGGGC
CCGGTTACAAGGCTATTGGAAGTTTCGTCACCCCTTTAAAATGCCCTTAA
ATAGCTTTTTTTGTTTTGTTTTTTAAAAAATTGTTGGCCCGGCGCGGTGGC
TTACGCCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCGGATCACCT
GAAGTCAGGAGTCTAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTC
TACTAAAAATACAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGCACGCGCCTGTAATCC
TAGCTACTCGGGAGGCTGGGGCAGAAGAATCACTTGAAC

>Sequence 1166

TTTAGGTACACAGTGTTTAGCACACAAGTGTTTAGTAAACATTTTCCTTTT
GATAAATGCATGAGCAGACGTTTCAGTCTGAAGTGGAGTCAGGAGTAGTCA
TGTTTCTGCTTGCTGCCGTGCACAGGGAGCTTGGCCTGCATGCATGAGGC
ATTTAATTCTCAAAACACTTAATGATGGGAGGAGGTCCATGCTCTATGGG
GAGGTCAGACCCTAAGCGAATCTCCATGCCACACTTTTCTGCTTAAATC
CGCCACCTTTTGGGCAGAAAATCAGTGAAGTCTAGTCAACAAGGATGACC
CAGTTCCTTCTACACAACCTATTCGTGATTTTTCCCTTGAAGAAAAATGG
GCTTTACCTACTGGGACCTCACTGGCCTTGCACTGGAGGGTATGGGGTTT
CTTTATTTTCCTATAACGCCTTCAGAAACCAATTCCACGAAATGGAAAAA
GAAAAACCTTTCTTTAGGGTTGTAGGCGGTTTTG

>Sequence 1167

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGGGACAGG
GTTTAGCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCCGACCTCAGGCGATC
CGCTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCATCGT
GCCCAACCAATACATTTGATTTTGATCTATCAGCAAAGAGGCTCCAAGGT
TTAGTATGTTTCCATTTTGTATTCAGGGTTTCATTTGTGTGCTAGGTCGA
ACATCTTTCTGTATTCAAGCCGAAGTTAGAGATCCAAATTGCTAAAGGAC
TTCAGCAGGCCAGAGCTCAGTGAAAGGAAGGTCCACAGAAGGGCCACTAA
TTAGTAATGAATGGCTAAAAGACAAGGGACTTTTTTTTTTTTTTTCTTTC
TGAGATGGAGCTTCGCTCTTGG

>Sequence 1168

AGGTACTGGGATTACAGTCCTGAGCCACCACACCGGGCCCTTCATTGTGT
TTTCTAAAAACAATTTCTGATCACCTGGGGATTATTACAACAGATCTAAC
TTTAGGAAAGTAAGTATTAATTTGAATAAGATTATATAATAGGGGGATT
TAAATTAAATGCCTAACAGAGTTTCATCCAAAATTTTAGAATGTGAATTC
AAGGAACTCTTGACCCTTCTGAAGTAAATTGATAGCATTTCCACAGTGTT
CACACTAGGATGTAGCTAGCCAACCTCACAGCTGCCTGTCTCTTTTAGCT
TCCAATGAAAATGCTTTGGAAAACATACACATAGAAAAAGAAATTCTCAC
AGTAATACTTAAACCTAAGAGGCTAAGCAATCAGGCTTT

>Sequence 1169

CCGGGCAGGTACTGTATCTTTAAATTAAGGAGTTTTAGTTATAATGAAAT
TGATTTGTAGTCTGTTTTGCCGTAAACTTGTTTTCTTTAAATTGTTCTT
ACAGTGATATCTTACTATTTTAACTGTCTGGGGTTTCTGATATGGGGAT
TTCAGCCCCCTGGTTAATCAGTCTTGTCCTACAAGTCCCTGATGCAGTAT
GTTTATTTGTGATGTTTAAAGAACATTTCTTGGCTGGGCGCTGCGGCTTG

Table 3

220/1077

CGCCTGTAATCTCAGTACTTTGGGAGGCTGATGTGGGTTGGATCTCCTTG
AGGTTGGGAGTTTGAGACCAGCCTGACAAAACATATTGAAACCCCGTCTT
TACTAAAAATACAAAATTTTTCTTTTGGCGTGGTGGTGGTGTCTGTAT
TCTATTTATTTTTTTGGCTTGTGCATGGATAATTTATTTAACCTTTAGT
CGTAGGTTTTAATAATTTTATCACTCTCCTTTTTTTTTCTTCTTT

>Sequence 1170

CCGGGCAGGTACATCTGTCTCCTTACTCTCTATACCTCCTGAACACAAAA
ATTTTAGTTTATTCTCATTTATATCTCCAAATCTTAAATTGTCTGATCAG
AAGTAAACTAAAATAAAAAATTAGGTTGTTTTCTTTTAAGACTTTTCCTG
AACTAGGTTGATCAAAAAATACAAATGTTTTTCCATGATTATTCTCAGT
AAGAGTCAGTAATTCAGGCCAGGTGCAGTGGCTCAAGCCTGTAATCTCAG
CATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGTGGATCACGAGGTCAGGAGTTCAAGATT
CAATAATTGGCAAGGTATAAGCTCCACTAGAGGAGAAAAAAAAGTATTAT
GCTAAAGATGGACTATTTGGGTTCCATTTTCACTCTA

>Sequence 1171

CGCCTTATTCGAGCACTTCTGCATACGGCAATNGATCTCCAGCGAGGTGC
CGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTCGAGACAGT
GTTTCACCGGGTTAGCCAGGATGGGCTCGGTCTCCTGACCTCTTGATCCG
CCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATC
CGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGGTCATTCATTTG
CTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACC
ACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAAGTCAACAGCCTAGTTTGAGAGATA
AACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGG
CAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGATACCTAAC
TAAGG

>Sequence 1172

AGGTACATGGCACAGAGTTTATTTAATTCATCAAAGTCAACATATAACTT
TAAAGTAATATTGATATTTTAATATGCTCTGAATTCAGAGGTAAAGTTGC
AAAGAGGGAAGGCAAGCATTAAATGTGTTTTCAAGTGAGGGTATCTCTTA
GTAACGTGCAGTAGACCGCAAATAGTTGCTACCTTTTTTTAAAAAAGGG
AACTTTTATAACTCAGTATTTGAAAAGTGGTCATCAGTTTTTCATATTAA
TTATGGAAGTTGAGGAGCAGCTTTAGCCACAGTTAGAACTTAAGTTTCTG
GGGAAATTGGAGAGTTTTGTTTTTATTAAGTGGACAGAAACCATATCCCA
TCCTTATACTCTGATCTGAGTATAGAGAAAC

>Sequence 1173

AGGTACCACTACCCCTTTCAGAGTCATATTGCACAGTGGATGGATCAT
GGCATTCCAGAGAACAGAGTGCTTACTGGGACCAGTTACAGAATCGTATG
GAATGGACCCTTGTTTAGGGACCCACAGGCTTTCAGTGACCGTCCAGAT
GACCAGGCTTCAATGGGTGTCCCGCCCCAGCTGGAGGCGATCAGCCCGAT
GGGATACTGCAGAGTGTCAAAAGGTGACGTCCAAAGAGCCAGCACACTG
CTGACATGTACCTGCCCGGGCGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TGGTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGTT
TAAATTTAGTTTATTTTATTTTATTTTATATATTAATTTGATTATATT
TTAAGTTTTATTTTAATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATG

>Sequence 1174

CCGGGCAGGTACTTGACCTCCACAGCAAGAGCTTGCACACATTAGACTAT
CTGAAACAAATGCTTTTTTGGAACTAGTTTCTTCTACAACCTCAATGCC
TGTAAGGAATTATGATGTGAACATAATATTTGTCACTAAATTAGTTTCCTT
GTCTTCTGAGTTGAAAGAGGTTACCTAGGATGGCAAAGTTTTGGTAGTTC
TAGACTGAACATTCTTGATTGTCACCTTCCTTTAGATTGATTTCCTGTGA
CATAATACCTCACCCCTGCCAGTCCGTTTCAGCCTGCCTGCCTCCCTGACT
CTCTCCCTCCCTGCCTCCCTCCCTCTCTGTGCAGCTACTGCTTCTGGTTG
TAGTCTTTTGTCTCTCCACGTTTTGAATTACCTTTGTCAGCCACCTGCAC
TTTTCGTATAGTTGG

>Sequence 1175

CCGGGCAGGTACCGTATTATTTTAGCTTTTATTAGGTTACAGATTATTCT

Table 3

221/1077

CAAATATCTCATTACCTCTTCAAAATCCTATGTAGTTGGCATTGCTGTTA
TCCCCAATAGACAAATGAGAAGTGACAGTCTTAAAGGTGAACTCATGTTC
AAACAACAGAAGAATAATGGGCCTATAAGCCATGTCTCCTGACACACAGC
TGAGTGATCTTTTCATGTCACTATGTTGCTAGTGTGCAGCCTAAGTCCCA
CTAGCTGGATATGAAAACAGAAATAGAATCTGTGCGCTCTGATTCTTCAA
TCCATTGCTTTTTTTTTTTTTTTGAGACGGAATCTTGCTCTGTTTCCCTGG
CTGGAGTGGAGTGCAATGGTGCAATTTTAACACACTTTAACCTTTTCCCT
TCAAGCTTAAATGATTTTTCA

>Sequence 1176

CCGGCCAGGACCCGGGGAAAGTCCTAAGTAAAATACTGGCAAACCTAAATC
CAGCAGCACATCAAAAAGCTTATCCACCACAATCAAGTCGGCTTCATCCC
TGGGATGCAAAGCTCATTCAACATACCAAAATCAATAAATGTAATCCATC
ACATGAACAGAACCAATGACAAAAACCACATGATTATCTCAATAGATGCA
GAAAAGGCCTTCGATAAAATTCAGCACCCCTTCATGCTAAAAACTCTCAA
TAAACTAGGTTTTGATGGAACATATCTCAAAGTAATAAGAGCTATTTATG
ACAAACCCACAGCCAATATCATACTCAGTGGGCAAAAACCTGGGAGCATTC
CCTTTGAAAACCGGCACAAGACA

>Sequence 1177

TAATCCTATCAAACCTAATATGATTATTCCAATTAACAAAAGACTTAATTT
TATTCATATTAAATATTCACCTTAACTAATTTACCTAATCTAATCTTATT
TATAATCTATCAATTTTATTAATATAATAAAGATTATATTGCGACCTC
TNTACACTTATTATACGGCGAATCGAAGCTTAACTGCACCGCGGTGGCGG
CCGAGGTACACATGCTGTGAACATAGCTCAGTGCAGCCTCAAACCTCCTGG
CCTCAAGCAATCCTCCCGCCTTAGCCTCCCCAAATGCTGGGATTACAGGC
ATAAGCCACCGTGCCTGGCCTAAGAAAAGCTTTTTATTGTAAGTCAACTA
ACCAAGGAGACAGGTATTCCACGCTTAAATATGTACTCCCTGTCGTTGGG
CATTACGCGGCAGATCCTTTTATTTAGAAAAGGTTTTAAGGGGGGCCAGA
GTAGTGCGCGGCTTCACAATCTNNATAATGCCTAACCCTTTTGGTAGGC
TCAGAGAGCAGTGCCAAGAATCAACTTCAGTGTTCAAGGAGGTTTCGAAG
AAGCAGGCAATGGGCCAAACAATGGGTGAAAAATCCCCATTCTTCTTTCT
AAAAAATTACAAAAAAATTAAGCCTGGTCTTTGCCTGGACATTTTTTCAA
AAAATTTTTGTTAAAGGGATTTTT

>Sequence 1178

GTGAGCCTAATACCACTCACTAACTGACTATATGGCAGACATCCACCGCT
GTGCCGGCCGCCCCGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTC
TGGCCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTT
AAAGCTGGATCTTAGAGGTTATCTAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATA
AGAAAGNTGAGTCCCAGAAAAGCACCTGGTTTGGACANAGTTGCAGAAAG
GGCTAAACAGTGACTNNGGTGGATGTATGATNNTCTGTCTCTTAACCCTC
CTAATCCAANNATGTCTTCTCACTTAGATGAAGGCNNTGTGCCTTCTACA
NTTTGAAGGGCTCAGNAACCCCATGGATGGATGGAAGGGAAAGGATGGGT
GGAAGGGAATGGATGGATAGATGGGATGGGTNGATAGTATGACTTCATTC
ATTTTCGGATTTGCAATGAAAGGATAGAGCCAAATTGAACATCAAAACAGG
GGAGCTAAATAGCTAGGAATTGCTGGTAATGAGAAGCTGCACAATACAGG
CCCTGAGAGTTGTTATTGTATGGCCCGTCCTTTACCTTCCCCCGAAACCA
CAGGAGGTTATACAACCGCCACCCATGCATATTGGAACCCCCGGCAATGC
CAATCACTAGTTGACCTTCGGGTTATCAACCTGTAAGGGACAAATTAACC
CTATCCTTAAAATTACGTTAATAGGCAACCAAAAAGCCAGGGGAATCACCT
TCCATACTCCCTGAATTCTCAATTCAAAAAATAGGGTTCCATTGGCATT
GTTTACATTCAAAGAGACCCCCCACCTTTCTAAAAACCGTCACTGTGGGG
ACCCTAGGATGGGCTCTCCCCCCTTGTAGAAAACCTTCAAACAAGAGACA
CCCCCCTCGGGGGGGGCACCCAGGGGCATATGAAAACAGCGGAGCCCCA
AAGGAGGGGATATAGTTTGTGCGCGCCCCCACT

>Sequence 1179

CTACGTAATCGCTTACGTTATTTCTCTCATACCACTCTATCTACTTATTA
CTATCATTTTACGTGATCATCTANCATTACTTTTTCTTTCATTATTA

Table 3

222/1077

TATCAACGTTATCTACTCTATTTTTTTGCTCTTTCCTCTTCTTTCATAAG
GTGTGGCCGCGTCTCACTCACTATACTGGCGGAGTGGGAGCTCCACCGCG
GGGGCTGGCGGCCGAGGTACTTTGTTCTTTTACTACTCAATGAGACTGAG
AGCCTGCTGGATTCACTAAGACCAGGTGAACCCGGAGGGCTCTCGGTCTC
ATTGACTCAATTGGGTTTGAATCTCAATTCTGCAACCTACGTGGCTTTGG
GCAGGTTTCCTTATTTTTTAAAATTTACAATTATATTTACCTTTTAAACTT
ATTGAAGGATTGGAAAGCTGTAAACACCTAGCATGCTGTCGTGGCATAAGG
TGGGGGTAAAGTAAAAAGTAGCTACTATTAACATTTTTGAAAAAGTGCTT
CTTCATTTTCCCTGCTCCCTTTCATACTCTTCATCCTACTTTCCTGGTAG
TTCATTTCTTCTTAGTTGGGCTGTTGACTTTCTCTTTTCTTTCCAAGAAT
TTGGCTTATGCCAC

>Sequence 1180

AGGTACTTCTGTAAGCTAATCATAAAACGGAATAAAATTTCTCTTGGA
ATGCATTCAGAGTTCCACCCTTGAATGCATGGGGGGGCATGTCTTTTTTA
CAATAGCCATTTGCCACAGGAGTGGGAAATTCCACTTTTCCTGATGGATA
TCTATGGGAGCTGCTCCTCCAAAGTCCTGGAAGTAAGAATGTGACAAAAT
AGGGGAAATAAAGGAGAGAAAAGAGGATTGTAAGCCATCAGCAGTGCAAA
GTTTTCCACCCCTCCTTCTCCTAACTTTCTGCTTCACCCAAGTAGCAAC
TGTAAGTTCTTCCAATAACTACCATCACCTGGGTGAGCTAAAAAGTGGA
AGAGAAGACAATGCC

>Sequence 1181

AGGTACTTAACACTATATTGAGATTGTTATTTTAACTGGAATTCTAAGAT
TTGTGAACTGTAAATGAAAAACATACTCATTAAATTTTATTTTTTCTTGA
TACTCAAAATCATATTTATAAAAAAAGGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
GGAAATGGAAGTCCTGCTTTTGTACCCCCAGGCTTGAGATTGCATGTGGT
CCCGATTCTTCGTGCTCACTTGCAAAGCTACCGCTCTCTCCGGTGTTTAC
CGCCCATTTCTTACCTTCCCTCAAGCCTTCTTGAGTATGCTTAGGGAAC
TAACAAGGCGGCTTTTGCTCAACCTACGGCCACGGCATAAAATTATTTT
TTGGTATTTTTTTTAAAGTTAAGAAAGAATGGGGGGGTTTTTCAACCCAAT
GGTTTTAGCCCCAAGGAATTGTGTCCTTTCAAATTTTTCCCTGGACCCC
CTCGTTGAATCCTTGCCCCCACCCATAAGGGC

>Sequence 1182

AGGTACATTTCTCAAGGGTAAGGACTATGTCTTATGTCTTTGAACACCCT
TAAAGGAACCTAGGCTAGTAGTTGACATTGAATAGTTTCTAAGTAACTC
TTGCCGACTGGAATTGTATTTACGGCAAAGCTACTTGCAAATTACTTGCA
TTGAGACCAAATGTAAACACTAGAGGAGCCAGACATGGTTTTCTTTGGAC
ACATCTTGGACGTGCCTGATGTCCTCCCCACCTGCCTTGGGCATCCCTTT
ATGATAAAACTTTAATTCAGTCAAACCTGGTATCACTGCATGTTTTTAAGA
GACTTGCCCACTTTCTGACCAAATTATCCATCTACCCAAGGTTCTTAGTC
AGGGTCGGTGTCACTCTATCAAGGGGCTATATGGAAATAGGGAGGGTTTG
GTC

>Sequence 1183

GGAAAATCTGGGACCATATAGTACTACTGGGCGAATGTGAGCTCCACCGC
CGTGGCGGGCCGCGGGCAGGTACTAAAGCATATCATCAGATTGGGGGT
CCACTTGTTGTTTTCAATTTAATAAAACACTTATTGAGCTGCTACAGGAAC
TGTTTTTAATGCTTTTCCAAAAAAAGTGACCTTCTCAACATGATAGAAAA
CATTTCCGAAAAACTGATAGCTAAAACCTATACGCAGTGGAGAAAGATTGA
AGGCTTTCCCCATAAGATTAGGAAAAGACAAACACACTAAAATCACACAC
AGCTAGTGTATAGTTGTGTTTCTTACATTAACAATGAACAATCCAAAAAA
GAAATTAAGGAGCAATTTCACTTACAATAACATTTGTATTATTCCGTTTT
CACACTGCTATGAATAAATACCTGAAACTGGGTGTTTATAAAGGAAAGA
ATTTTGATTGACTCC

>Sequence 1184

CCGGGCAGGTACACTCTAAAAGCCAAAAACAGCATGATCTGAGGCAATAC
AGAGCATAAGCTGGTATCACCAATGCATCCTGGAAATAAAACCTGTGCTA
CCTACTATCTTGGGAATTTCACTGAGAGTATAGAACATTCTAAATGAAAA

Table 3

223/1077

AAAGAAACGAAAAGGAATGGTTATAAATTGTTTAAATGTGTAAACAAACA
CAATAGATGTAAGTTACAAAAATGTTTCAGAGTAACAGAATGCACTGATAA
CATTTAAATTAAATATAAAGAAAAGCAAATCTACTTCCAACAAATACATG
GATACATCTTTGTTTCATACAGCAGATGCAGAAATGTAGCTTCTATTTTA
AAAAGTCTGAATGTCCATAAACTGTTCCCAAGATTTGT

>Sequence 1185

CCGGGCAGGTACCTCAGACTCCCAAGTCTCCATATTCTGTAAAGTGCTCC
TATGGGTGTTGATTTATTCAGCTGAAAAACTGAAAATCCATTTTAGGATT
GAGTTGATCTTCACTGAGGAAAAATATCAATTTTCAGAGCTTTGTCTAGG
ACCCTGCAAAGAACTTAAGAATTCTTAACAGAGGTTACGAATGGTCCCA
AGGAGTCCACAAGTACCATGAAATTGTATGTATACAAGTGAGAGGGAGAG
AGGATGAGAGCCTCTGAGAATGTAAATTTTTTGGCATGAAGATCCATAAC
TTTCCTCAGATCCTTATGGGGTTCTGTCTTTCCCAAACCACAAAGAATCT
GAGCTGAGAGATAACGCAAGCCTCTTGTTTGTGTGCAGCCAGCTTTCAC
AGCCATGCTGGCTTAGCCAGAGAGGCAAT

>Sequence 1186

AGGTACCACTGCACTCCAGTCGGGTGACAGAGCGAGACCCTGACTAAACA
AAAAATAACAAAAAAGGAGGCAGGGGTTTAGAAAATACCATGATTGTTAA
CAGGACCATCAGATTTTCATTTTTTCTAAAATATTAGATATTGTCAGTGTG
GTTTTTATATAGGTGCTGATTCTGTTCTGCTCGTCTTCAAGTAACAAATG
CCTGCAGTGGAGATATCTTATTTTGATGATTAACAGGAAGCTTTTAAGCT
TTGAAGAAAGCAAACAACATTTTCCATGGACCTTTAAGAGCTGGGCTAAT
ATTTTTGCCACACAGAACTCTAATTCATTTTCAGAGTCAAGGGCAACAAT
AGAATACTTTTTCAAGGACCTTGCATTTGTTAATACAGGTTTTTCATAATA
GAAAGCAATTTAAATATTCAGAACTAACGT

>Sequence 1187

CCGGGCAGGTACTTTGAGAAGGAAATACTGGGTGTAATCATGGATAAAA
TATGCAGGGGAGGGGAGGAGATTATAGATATTAATATAGAGTTTAGGGTG
GCATTAGGCAAGGATGACATCTGAATATCTAACTTCCATTTTACATTGCC
ATGTAAGTCTTTTTGCCCAGTGGGTTTGGGGGACATTGAGGCAGAACTCC
TGGAATAAGAAAGGAAGTGAAAGGTCAGTGGTCTCTCCAATAATCTTGAT
GGGAAGGACTAGACAACACCATTAGCAAAATGTGCCTCTTAAAAACTCAA
GACACAAGCATTATCTTCATCTCACTGAAATAACAGCTACATCCTTTATT
AACATGAGAAAAT

>Sequence 1188

CCGGGCAGGTACCTCATTCAATCCCTCTTTGTTTCGGGCCTCTCTGCTTTT
CGTTAATTTTCTCCTGGCCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTATA
GGAAATTATCCGTGCAATGAACTTAATTTACAAAACCTCTGCTGCTTAAAA
AGGGGGGGGAGAAATTAGATCTTCTCATAGTCCCAGTCTATGATCGACTTT
TCATGGCTACATCAATTTCCAACAGGTCATTTGACAATAGTAAATTAGAG
TGCGTTAATCTTAATAATGGTTGTTTCGCAAGAAGTACCATTGGTACCGA
TATGTATAGAAATAGAAGACACGAAGGGTCTACTATCATCCCAATAATTT
AATGTTGCGTTTAAAAACAAGGTTAAGAATTTCCCTTGCGCCATATCCATT
CTTTTCTCTTTATACCCCTATGAATTGGAGGAAAACAAAACCTTTCTTTAT
AGTAAAACCACTCAAACCCATTATTAGTGGTACCC

>Sequence 1189

CCGGGCAGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTAAAGAATTTTAATTTTCCTAGT
TCCTTATCTTTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACGTGAGC
TTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTATGGGTTTTATCCAT
TTGTATACTGTTTTTTTTTTTAAAGCTATCTTCAAAATAGCCATAGGAGG
TAGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAACCTGAGTTTTAAAGT
GTTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAACTAAAGG
TTGTTAGCATAACAATTCAACCAAGATGCAATTTGAAACAATATGTCCT
TTGGCTGTCATGTTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCT

>Sequence 1190

CCGGGCAGGTACTACATCTTAAACTAGACTGTTATCAAATAAGCTAATAA

Table 3

224/1077

TACTTTACAAATAAGGACGGTATTTCAAACCTTCAGGAACCATCGTTTTTA
AATGATTCATGTAGTATTTAATCACTTGGCGGTCTTCATAATTTAACCCT
GTCATAAAGGGAACCTTTTACAAAGATTAAAATAGAATGGTTACAGGGGAC
ACACAATTGCAATCTAAGTGCGGGATGTAGGCTATTCAACAGTATCCAGA
CTTTATCTACAACATATATATATATATCCACACATAAATATGCGTAGGGA
AAAAGACTTGTGGGGGTTTGGGGGTGGAGCTAACTATNTGCTGTGTAAG
AGACATAAACTAGAAAGAAGGGCCTGAATAGGACAGATACAAATGGAATC
AATTAGCTGGGTGTGGTGGCGTTTGCCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGG
CTGAGGTANGAGGGTCTTGGTAGCCANGAGTTGGAGGCTACAGTAAGCC
GTGATTGCACCACTGTGCTCCAGCCAATGTGACAAAACCAGACCCTTGTT
TAAACCANAANGAGAANNAAAAAAAAAAAGGAACCAGAACAAAGACAGGA
CCCCTTNTTCCCTTTGGTTTGGCACCTACTCTCTAAGGAAAATGAACTG
TGACCTATTTTCCTTTATCTGGCCCTTATCATTTAAGGGACCTGGGAGGT
AAACCTCTTGGTATTATTGCCCGGAAATTGCCCAATACCAGGCTGGGCCC
TGTTAAAAAGGCCTGGTTTCTGGTTCCTTAATTTTAAGGTCCCTTGGCG
GTTTATAATCTTGGATCCCCGGCTGGAGAATTCAATTCAGCTTTTTTTTC
CGCGACC

>Sequence 1191

AGGTACCAAGCCTAGAGAGCACTAAATAAATGTCAATTATTATTTTATC
CATTCTGGCATTTAGAAATAAAAGTTACAAAATTCACTATTAAAAATACC
ATTGATACATACCATATTCCAGCCACACTGGCCTCTTTTCTGTGACAAA
TGCCCTTTGCTTCTTTTGCCCTCAACACCTGATCCTCCCTATGCTTGGAA
TTTTCCCCCAACTCCTGCACGGCCAACCTCATTATGGTCCTTAAATCTCAA
GTCCAATACCTCTCAATTCAAATATTCCCCCTTTAGAGAGCCTTCATTGA
GACTGCTATCCCCAAAAGTCTAACTTTCTTATAATCTTGCTTTAATTATG
TCATAGCTTTTACAAACATCTGTAATTGTCTTATATACTGGTATGGAG
AGCTG

>Sequence 1192

AGGTACATCAGCAGTATGTAATTATATTGTGAGAACAAGGAATATTGGGC
AAAAAGCAAGTGGTTAAAACATGCAAACAAGCAAGGGCCTGATCAGAATT
TTCATTTATTCAGTCCTTAAGAAGTGCAGAATGCTGAAGTCTCAAGGGGC
CCGGTTACAAGGCTATTGGAAGTTTCGTCACCCTCTAAAATGCCCTTAAA
TAGCTTTTTTTGTTTTGTTTTTAAAAAATTGTTGGCCCGGCGCGGTGGCT
TACGCCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCGGATCACCTG
AAGTCAGGAGTTCTAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTTT
ACTAAAAAG

>Sequence 1193

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTGGTTTTGTTTTGTTT
GTTTGTTTGTTTGATGCCGTTATCAAGTAGAGCAGACCTGGGAAGACTGG
TGCATCCTTATTTCTGTCATCTTAGAAAATAACATATATAAGAAAATATT
TATATCTAGGGCAGAAGAAAATTAGAGATATATTTTTTTCCTTTCAGCCT
CTTCTCTCCTCCATTTTTTACTACTGAAAAATTATCCAAAGGCATGAAAAT
ATTCATAGAAATGTCTTCTGAGTTGTGAGGGAATTCTTGCCCATTTGAA
CAAATGGAATAGACATTTGAAAGCAAATCAGAATGCCCCCTTACTGCTTGG
CCAATGTGCAAGGATTTGGAGCTGCTTATCTGTGCTGCCATGTCCTTAT

>Sequence 1194

AGGTACTTCAAATGGGTCACTGAATATCTTCAAATTGTATGTAAATTTTG
GAGGGGAAGTGGTATATGCAGATTTTTTTTTTCTGGAAAGAAGACCAATC
ACTTTTGCCAAATTCTCAAACAGGCCCATATTTCTCTCACACACATGCGT
GCGCATGCGCACACGCGCGCGCACACACACACACGTTAAGATGCGAAG
AATCACTGTCATAAAATGTCATATTTCTAATTTCTGTAAATGGGGAGAAT
TCCTCAAGCTTATATAAAAGTGATGTAAATAATTCAGTTACAATTATAAA
AGAAATGGTATCACAGCAAATCCCTTTGGCACCCCACTGAAAATTTCTCT
CTGATGTTTAAACACCATTTCTATGCTTACTCTTACAGCTGTATTAATA
ATCAGATAAGGGGTTTATTTCTTGTCTATTTT

>Sequence 1195

Table 3

225/1077

CCGGGCAGGTACTGTAAGGCCTCTAACTTTGTTGTTCTTAAAGACTGTTT
TGGCTACCTCTTTTGGTTTTCTATAGAGATTTTAGAATCTGTAAAACCAT
TTTCTATAAAAATGTCCTGCAGGTCTTTTGATCAAGATTGTGTTGAATCT
ATAGATCAGGATGAGAAAAATCGAGATGTCAACACTATCAAGTTTTCCAA
TTCATGAACGTCTCTCCATTTAGTTAGGTTTTAAATTTCTCTCAAAGATG
TTTTGTAATTTTCATTATACAAGTCTTACACTTCTTTGGCTACATTTATT
CAGTTTTTATGTTTTTTATGTCAGTTTAAATGGAATTGCTTTTTTAAATCT
CATTTTCCAATTGTTTATTGTTGATAAATGGAAACACAATAGATTTTTGG
TTATTGACCTTTATAAGTTTACTTACTGATTCTAGTAGT

>Sequence 1196

CCGGGCAGGTACAAAGCAAGAGGAGCTATCAGAGTCATGGAGTAGGTCAG
GGCACTTCAAGTTCATAGAATCTTTACACGAAAGGATTATTTTAGAGCTC
ATCTACCCACTCATATTGCAGCAGAAAGAATTGAAGCTCTGGGGGATAAA
TGACTTATTCAAGGTCACAGTGAGCCAAAGCTGAGATTTCCAGATCCTAA
CCAGCGTTAAATTTCTAAGCTGCATTTTAGCATTCCACTTTTCCTCATTT
TGCCTATTAAATCCTCCAAGGCCTAGTTCAGGTTCTTTCTGGTCCAGAAA
GTGCCCCCAGTCTTCTCCAATTCTACAGAGATGCCTTCCTTCCCTGATGC
TACAGAATGTATCATCTCCATCACTCATTGGCACCAATAAATAAAATGCC
CTTTGACATCCAAGAGTCATGAAACTTTGAGCTGGAAGGGTCATTGGATG
TCATTTAACTCATATTTTCAAGTTTCAAACCTTACATAAGTCAGCTCACCAAG
GTAGCTGAAGTTCCTTTGGAGAAAAGCTCTTGTCTAACAATCTTGATGAT
TGGTATCCCTCTCTATTTCAGCACCATAACCTGCATAAACTTCATATTTGG
TTCAGAAATCCAGTTTAGCCACCTACAAGAATGTAGGTGTCTGGCAGACC
GGGATTCCAGGTCAGGTCTGCCATGGATTCCGGCATGACTTTGGATACGC
GTTGGACCTTCTAAAAATCTTCTCATCTGGCAAAGGGAGTACAGTGAGCC
CACTCATTATGTGTGAAATTAATAAACCAGGCCGGAAGAAGTTTAGCTTA
CCTTAAGGAG

>Sequence 1197

TGGGCGGATTCGCCGCCTCTACTACTACTAGTCTAAGGGGAGCTGCACCT
CCGCGGCGGCCCGCCGGGCAGGTACCTTGAATTAGAGCCTGAAATGGGGGA
AAAGCAGCCATAAAAGACATTCTCAGACAATTGGAGACTTTCCTGAGTTG
TGATAATGGAGTTATGAATATGTAGGAGAATGTCTACATAGATTTTATGA
AGATGCATGTGGCAACATATCTGCAGCTTATTCAAAAAAGGTCCAAGAA
AAAAAGGAAGGGAAAGAAAATAGGATTACAGGTGTGAGCCACCATGCCAA
GCCTCACTGTTTCTAATAACCAAATTGTTCCCTGTATTTATTGAGTCTCTG
TTTCATGCCAGACACTCTGCTATAGTCTGAATATGCTATTTCTGTTAATT
CTCATAACAGTTCTGTGAGCAAGAACAATTAATATCACCTTTTACAGAT
T

>Sequence 1198

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTGGCTAAGTTTTGTGTTTTTAGCAG
AGACAGGGTTTCGCCATGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTA
GGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAACCTAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCAATTTTAGAAAACCTGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAA
ATGGAAGGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTCATTTAAGTAATC
TGGACCATGAAACTGAAAAAAGTATAGGGACTCCAAAAGTCATAAAGAA
GTGAAAG

>Sequence 1199

AGGTACGTACACCAATGGTCTCAGTGTGGTCCTTAAACCAGCTGCAGCA
GCATCACTTTTCCCAGGTGCCCATCCCAGACCTGCTGATTTGGAAACTGA
CTATGGAGCCCAGGAAGCTGTTTTAGCAAGCCCCCTAGGCGATTCTGACG
CAGTTGATGTTTGAGAAACACTGCACTATCTCAGACTCTTTTAAATCAGA
GATCTGGAGTCAAATTCAAACCTCTACTACATCTCAGCTATGTGACCTTTG
GCAATTGATACACCTTCTTTCTTTTCTTTTGCTTTTTTTTTTTTTTGAGA
CAGAGTCTTGCACTGTTGCCCAGGCTGGAGCACAATGGCACGATCTTGGC

Table 3

226/1077

TCACTGCAACCTCCACCTGTCAGGCGATCTTGGCTCACGGCAACCTCCAC
CTCTCAGGTTCAAGCAATT

>Sequence 1200

AGGTATCTTTTACATACTCCATGTGTTCCACCTCGTGTCCTAACAAGAA
TTGACTGTGAATATCTTATGCACACAGTTTTTCAGCTCCTGCTTTGCTTCA
GAAGAATCAGCAGTCTGTTGTGCAAAACAGTTGAAGGAACTACCAGGATT
TGTAGACCCATTTAGTGGTTGTTGTTGATGACAGAGGCTGACCTGTGGAG
GAAATGGTCGGTGAAGCACTGGGCTAGGAGATTGTGGCTGCTGAAACTGC
ATTTCTTGACTTTTTCTGCCTCACTCTGGCTTAGTCTTAAGTATGTTGT
TAATAAGTTTCTTACAAAGGTTATCTGGCCTTCAAATGCTTGTCTTCTTA
ACACTAGCTTATATTTGGATTAAAGGTGTTAATTGGTTTTTTTTTGTTAAG
CTGTTATTCTTGT

>Sequence 1201

GCCGGGCAGGTACTATATGGACACCAACATGTAGCAGAAAATGATTGCAG
CAGTGACCAATCTCATTCCAGGGGAGAAAGTTGCACAGTGTCCAATAGGTG
CATACATCACCTTAGTAAGTAGTTGTGAATTAACAATGGAAATACAAAAT
GAAAAAAAATAATTTAGTCTATATAATGACGCATATATAATTTTTTCAAG
GCAGCTAAATAAAGGTTGGATAGGAACAATAAATATTTTAAATTACGCTT
GGGGGGACCCTAAATTAATTTAATAAAATTTGAGAATGGATATAGAATAA
TTATCCTTTATGGCCCCTAAGACCCACCCATTGTAAAAAAAATCACCTT
GAGGGTCGCCTCAATGGGGAAAACATTGGAACCTAAATGAAAGCCCCTTC
CTGGAAGTACAAGTGGATTTTTCTCCTCAACTTGGTATAGTAATGAAAAGA
AAACCCCTGGCATCCACGCTTTCCTTTTTTGCCGAAATAGGTTTGAAA
CCGGGCAGTAT

>Sequence 1202

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCCAAGAACCAACAAGGGCAGCACATTGTGG
GTCTGATGATTTGGTGCAAGATGGATAACTGGACAGGATATGCCAGAATT
ATACTTTGGATAGTGACTAAATTCATGATCAGGGCAGGTATGGCTCTCAG
ACTTGTGGACTCAGATATCTAAATTTTCACTCAGAAATGTTAATGTTTAC
AGACAATTTACATCCTCTGACCAGTGTTTTCTCTTCTCCTAGAGTTGAATTG
CCTGAGAAGCCCAGTTATACTGAGGTTACTTGGTAAGCCTAACTAGAGCA
TATATTCTTTAGATGTTTAGGACATCAAGGCATCGAGCTAAAACAGCCTG
ATGTAAATGTCAACACAATAGGGATTCCACTGCCCTCAAATTAGGATAAA
TAAGTGTCCTTGGCTAGGACCTCCTCCCCAACTGTCATAAC

>Sequence 1203

CCGGGCAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGGAGAGAC
AGGGTTTACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTTTGAT
CCGCCCACCTCGGCCTCCCAAAGGGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCC
ATCCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCAT
TTGCTTACTCAGCTGTGCCGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAA
ACCAACAAGACATTCTCTGTCTCATCAGGGAAGTCAACAGCCTAGTATGAGAG
ATAAACAAATGAACATGAAATTATAANTTCAGTACCAAAGAATGAGTGTT
AATGGCAGAGGGCAATGTTGTAAGAGC

>Sequence 1204

CCGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAAC
GAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATC
TTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAGTGAGT
CCCAGAAAAGCACTGGTTTGGGCAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGT
GGATGTATGATTCTGTCTCTTAAGTCTTAATCCAAATGTCTTCTCACTAG
ATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGG
AGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGCTGGCTTNAAGGATGGATAGACAGTC
GACTAATTCATTTAGCCAGGCAAGAAAGATAGAGCGCCCAAACGCTCAGA
CAGGGGGCTTGTGGGTTGAAAGCCTTTAAGGGCGCTGAATAACAACCTCG
TGGTTATACAGGGCCCAAAGTTAACTTCTGGGAAACCACAGCTGAATGTA
GTACCACCATTTATTCCGAGACCCCTGGTCAAGAACACGTAAAGAACCCT
GGTGCCAAAGGTCGGGGCTATGCCCCGAACCCTAACTAAGGTCCAATTGC

Table 3

227/1077

TTGAAAATATTTGAATACTTTCCCCCCCCGGGAGGGCTATTTCAAATGGC
CTTCTAAGGGAATAAGGTTGTTGTACAAATGTGCCGGCCTTTTTGATGGA
AAACCCGGCGGGTTATTTTCGCACTCCGCCCTAAAAGAAGGATTTTGGT
GGCCATTATTTAACAATGCGTCCCACCCGCCT

>Sequence 1205

CCGGGCAGGTACTGTCACGATTCAACAACCTCTTAAAAAATACAATATAT
GCTTAACAAGGCTTCTGTTGACCTCTTTCTGGAAGCCTGATTTCTTTCCT
CCACTTATGTTAACAGATTAAAAATTTAAAAAACAATAATTTTTTTA
AGTAAACACAAATTAGGGAATTTTGGCCCCCAAAATGGTAAAATCTTCC
AAAAAATCTGAAGTGGCGGCATTACAGCCCAAAGTGAATGCCAATTCC
TGGCTCTACTTTACTACTTGCCCCCTTCCAACCTTGAGAACCAAGCAATCT
TCACAACAGGGCTTCAGGGGCATTAAGACTATTGTGTAAGGGGTGGTTCC
TAAGAAATTGTTTGAGAAGCCCTGGGACTTCCTAACCTTCCTTAAAAGGA
AAAAGGAATGTTGAAAAACTTGACATATGGGATTATTCCACCACTTCTT
CATCAATGCACCCTTACTTGCCACAAAGCCAAAGCTTTGCTTCAAAGTA

>Sequence 1206

AGGTACTTGTGTTGTCTTCAGGATTAGGGAATGCTGCTTTGATCATGTTG
AAAGGAAGATAGAAAAAAGATTGAAAAGCTGGGTCTCTAAGGTAGGAGGT
CTGGGATCTGTTTATTCTACTTAGTTCAAGTTGGAATTGATGCTGTTAA
CATGTGAAATGACCCTAACTACTCTTCAGGGTTAAGGCAGGTCTGAGGC
AGATGGATCATTACGCAAATGGACTATAATGTGTAATCTGTGCATGTCT
GTAACAATAAAATACAGTTCTATCAAGATTTTGGTTGAGAAAAGTTAATG
ATAAAAGGGCTGGGCTGGAAGACTGGGTGAGGAAGGAGAGTGATACTTA
AGGTTTACTCACATCTTATCTAGGCAACTTTTCTGGTCTTGATTTGGGCT
TTAAG

>Sequence 1207

AGGACACTATTTTTTTGCTTTGGAAGAAATGAATCCTAGTTTTGGTTCAG
AACTGTCAACAGCATTGTGCCTCTTCTATGACTACTAAATTTCAAGCAA
AGAGAGCTGAGTTGGGGGTAAAAGCAGGGCTATTCCCCGCCTTCAGACAA
TGCTGTCCCTTATCAGGGCAGACTGCTGTCTGGTTTCCTGTCTCCAGCTC
GGGCATGACTGCTTAAGATGAGAAACATGGTCTAAGAAAGGAACAGAGTG
GTCTTGAAAATGAGAATGCTAGCGACCACCATAACCCTCTTCCAACCTCAC
TCCAAGAGGAATTCTGACTAGAATATCACATACTAGCAAACCTAGATATC
AATTGTTTTAAGATTCTAGGGATTTGCTTTTTTAAAAAGCTAGAACCAA

>Sequence 1208

CCGGGCAGGTACTTTGCACATATCATAGTGGACTTGTCTTAGGAGAATCA
GAACTCTAGCCGAACCTCATGTAATCCTTAAAGCTCGTACTGTGATTATTG
ATTAAAAGAGAACAGCTGAGACCTTTGACACTTCAGAGGCCAGTGGTCTG
TGCAGTCAGTCTGGCTTCTTAACAGGGAAAGGCATGTAAGGAAAAGGAA
ATGAGACAGCCTGGGACACAAGTTCAAGTATGAACAATACTATCACATGT
TCCATAGTGCCTATCAAACAAGTGTATGTCGTCATATTAGTCGCCTCCTT
AGCCTCTGGCCCTCCCATAATACTCAAAGCCATCTGGCTATCTGCTCTTA
TTTGCAAGTAATCAGGAAAAGTAA

>Sequence 1209

CCGGGCAGGTACATATATTTTAAGTGAAAGTGACAGGAAAGTGGAATGAG
CACTTATTTTTCTTTATCATTTAAATTATTACTTTAACATTTTAATACTT
TGAAATTAATTTTGTATATAGTAGAATGTAAGGTCTACTGAAGTGTATC
ATTTTCTAAATGACAGCATTTTCAATACCATTTTAAACAAATGCTTTCT
TTTAAGGACACTCTAAAGATAATGTGCACTACACTAGTTTTTCGTAGAACT
ATTCATGTGTAGGCACTCACCTTGAGAAGTAGGATTTTTTTTTTTACTTAA
CGCTTTTGTCTCTTAAAGTATTATTATATATAGTTAACTGTAAAAACATT
GAGATATATTAATAAATATTATAGGACAGGTAATACATATTCATGGTAGCA
AGTGAAATAATACAAAGGTTTATGAATAAAAAGTTACTACTCTCCTAGGT
AGCCAATGTTACCAGTCTTGCAATATCCTTCTGCTGCTTTTTTCTCTGCTCA
TACAAACATGAACTTACTCATGCATACACATAAGTGTTTCAAAGTTTTAT
TCTTGATACATCACGAACACAAAGTGGTATAATTACATATATCAATGTAA

Table 3

228/1077

TATATAAACATGTTATGAATATAAATGTTAAATGAACCCTATTTAAACAT
CACTAAGCCTAAGACCCAGACCTTACCCATGAGCCTGGATATTCTTATGC
GTGGCCCCATCTCTTTTCTATTCCCGTCATAAAAATACTCCATCCCAAAT
TTACTTATTTCTTTTTTTACTTGGGTGCCTAATAATTTTACTATCCTTAC
TTCTTGCCTTTATGATGAATAATAAATAATGGTAAGCTCTATATTTACAT
AAATGGT

>Sequence 1210

AGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTATGAGGCT
GGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAAGTGCAGAGGAAAGAAGGCTGCCCTACC
CCTGGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTTCTCCTG
CCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGAACCGGG
AGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAACATTTTCGGCGGGGCCTC
GTGCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAAAACAGCC
AGTAGTTCCATTCCCCTAACATCTTATAGTGACCAATAATACTCTACCA
TAACTGTCN

>Sequence 1211

CCGGGCAGGTACAAAAATTCTGTTATGAATGACCTGNGTCATTCTCCCTG
CCTGACTGACATCCTGGAGTGTGTCATTGAAAACCTTCACTTTGCTGGCA
TCTTCCCAAATTTCTCAGACACCCTCTCTTTGAACCTGGAGCCTCCTGGG
GAAGTATTAAGAGCCAACCAGCTATGAAAACAATGTGCTCTTCCCTGTGC
TAAGTGCCTCTTCTTAGGCAGTAAAATGCTTCAGTGGTATGAACATATGG
CATCAACATGGCCTCTGAAAACCATGCTGGGTGTTTAACAAGCATGGAGG
GATGTGGACAGGCTGTGATGAGCTCTGGAGGCTTACAGAACAGGACCTCC
CCTCCCCCAGGAGCAGAGGTTCTCAGGGATCTTGACTCCACATAGACCA
AGGCTATGTGGGAAAGAGAGCTAGTGCCTTGAAGCTATTGCATTTTTTTT
CCTTTAATAAAACACCCTGCAGACCCTGACATATGCCACAGACAGAAACA
GAGCAGCCATGTGACCCAGTGCCAGCTCTTACCTCTGACTCCAGACAGGC
ATTCTGCTGAAGTCCAACCTCTATTANGTAAGAGGATGTGGGCAGCTTCC
CAGTGGACCCACTGCATTCTGTGTGCATTCCCCTCCTTCCTGAGGCAGGG
CCCATCACCTTGAGAGGTATTGGGCCAAATAAACAGCCTGAACATTGGGC
ACAAACCGGTGTTAGGGTGGTCACAACCCGGTTAATAATTCCAGAACCAA
AGGTAAAAGACACTGGGCTATTTTTTAAAAAGGACCGCCCGGAATTTTA
AA

>Sequence 1212

CCGGGCAGGTACCATTTGGAACCTATTTTTATTTAAGTTTTAGCTCAAGG
TTCTCCAGAATCTGGGAGTTGAGAAAATGCCAATGGAAATAGGAAATATG
AAATATCCAGGATCAATGGTAGACTTTTCTTCTTACTGTAACAGTGCTCT
GGGGCACATTTCTTACCTTGCTATTTTTTTGGAGACCAAGAAAATATTGCA
TCTATGTCCATCCCTACATAGACCTCACAAAGCATAGGTCAAATTCTAAT
AGGCAGCCATGATTCTCCAATTTTTTTGTTCACAAATAAGTCGACTGACTT
CCTAATTGGAGTCATTGGGGGTAAAGGAGCAACGGACAATGTCAGAGAGGA
CCACCTCACAGGTGGACTTGTGAGGGGCTGGGAAAAGAAAAGACATGTTC
AT

>Sequence 1213

CCGGGCAGGTACTTATTTCTTTTTCTTTTTTTTTTAACTGGTGGATTTCT
TTAAATGATATATGTATACAATGGAGTAGTGATATAGGCTACAATATGGA
TGCATCTCAAACATTATGCTTAGTGAAAGAAGTCTGATGCAATATCCCA
CATATGGTATGTTTCCACTTACAGTCCAGAAAAGGCATATACTAAATTAG
CAGTTGCATGGGTCTGATGTGAAAACATGGATTGCCTGCAGATGGGCACA
AGGGATCTTTTGGGGGTGACAAAATGTTCCAAAATAAGTTGTAATTTT
TGCACAACCTTTTATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGAAATGGG
AGTTTCACTTTTGTGTTGCCCAAGGCTTGGAATTTTAAATTTTCCAATTTT
GTATTTATT

>Sequence 1214

CCGGGCAGGTACATTTCTGCATTTTCTGAATTTCCACAAGTTGGGTCAAGT
CTAAAGGCTCATTCTTCACACTCCCACAACTATTTATTACTCTATGCCC

Table 3

229/1077

TTTCCAAGCAAATCGAGATAGGCAGTTATCAAAGCAGATGCATTATTTGG
GTCCACCTGAAAACAACCTGGTTCTGCCCCCCCCCTTTCTCCCAATCTGCAA
GCTTCTGTTTCATCCCTGTGAATAAAAATGCAGAATGACAAAAAGTCTGGG
TGACTTACATTATTCTCCTTATCTCAACATAAATGTGAAATCTGGGGGTG
TCAGCTAGTCAATCTCCAGGTCCTCGTAAAAGATAATGTGCCTGGTGGTT
TTGTTTTGCTTTTCACAAACATGGAAAAGGG

>Sequence 1215

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATTTCCAGCTCATT
TTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTCTATTTATTCTCTTTAAAG
AGAGAGAAAACCTATGAGAAGCCAAAATTATTTTAATTAAAATCTTAACCT
TAACACAAGGGGAAAAAAATGGAAATTTGCCTAATTATAGGTGGATGAAAG
CATTACACCAATGGAAACAGAAAACAATCCCCATGTTTTAATAAAAAGGC
AAAAAATTTGGAGGCTTTATAAAGCTTATATTGGTAACCTTAATTTTTGG
GGTGGGGGAAGAAAATTGAGAAAAGGAATTTTAAC

>Sequence 1216

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
TCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGGATTCTTACTTG
TGTTAAGTGCTGGTATATATGATATTTTAAT

>Sequence 1217

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGGGAC
AGGGTTTAGCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCCGACCTCAGGCG
ATCCGCTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCAT
CGTGCCCAGCCAATACATTTGATTTTGATCTATCAGCAAAGAGGCTCCAA
GGTTTAGTATGTTTCCATTTTGTATTCAAGGGTTTCATTTGTGTGCTAGGT
CGAACATCTTTCTGTATTCAAGCCGAAGTTAGAGATCCAAATTGCTAAAG
GACTTCAGCAGGCCAGAGCTCAGTGAAAGGAAGGTCCACAGAAGGGCCAC
TAATTAGTAATGAATGGCTAAAAGA

>Sequence 1218

AGGTACTTCTCCAGTTGAGCCTCTCATTTCTTTCTTAAATGGCTATTGAA
TTCTGCCTGTTCTCCTGCATGGGCTTTGACTTTGTCCAGCTTTGCTACAG
ATTAACATCACAAGGGTTTCTGAGTTGGTTCTCAGCCATCATCGTATCCT
GACTTGGCACACTGTCCTTCTTTTACAAGGCCTTTACACCTCCATTCTCT
TTAGAACAACACCTTCATTGTCCACATTCATTTGTTTACGGATCCTGTTG
GGAACAGCTGCTCCTTCATCTTTGCTCTAAGAGAAATTTCTTCAAACCTC
TCTTATTTTACTATATTATCCTGAAATTCCTTACATCTTTATCTTATTAT
CTATTTACCTTTATCTCCTTGCCATGGTAACCAACACAAAGTAGCACCA

>Sequence 1219

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAGGCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGTGCTATTTGG
CCGTTTCAGTTGTGATGTTTTTTAAGTAGAGTGTTGTGATCAGAAGGGCC
CTTTAGAAAGATTGTGGCTAGAATATGGAGAACAAGAGGAGACCACCAG
AGTGGATGTGGGAGGCCAATATGTAGGTTATTCTAGTAGCCTTTGCAGTG
GACTTACACAAAGGGCAGTTTTTATGCGGAACTTGGTTTCATGAAGTTCCC
TATTGAGGATTAAAATTTGACAGGGACTTTGTGCAA

>Sequence 1220

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTATGTTTGAGG
GGGAATGCTGGAAATTGTAATGGGTATGGAGACATATCATATAAGTAATG
CTAGGGTGAGTGGTAGGAAGTTTTTTAATAGGAGGGGGTATTAAATTTGT

Table 3

230/1077

TCATAAACGGAAAACAGGGGGTATCACCTTTTCCAAATTCATAAGAAACA
GGGTAGGTTTAAAAAATAGGGTTCTTGGTGAACAAAAATATTTTGTGTAA
AATTAAGGGGAAAGAGCATAAAATATTGTTCTAAGAAAAATGTAATGTG
AAAAGGTGTTTATTATAAAAAAAGGATAAATGAAAATTAGGGCTTATTAA
AAAAATAAGGGTAAAAAAAGGAAAATTCCTATAAAAAAATAAAATTATTA
AAAACATTTAAAAATTATA

>Sequence 1221

AGGTACTTGAGGGCATCATTAAAATCAGCCAGTGTTTCAGTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAAATGGGCAAAAATGCCCTTGGCCTTTACA
TGCTCATTAAAAACATACAAAAGAGCAGTAATTCAGGCAGTTATACTTC
TCTCAAAGATTTTGTCTCTAAATCACAGATGGCAGCGGGAGGCCACGGCTG
TGTGCTGGCTCACACCCCACTCACTCCAACCGAAGCCAGAAGTGCTCGTT
GGGTCATAATTAGCAAACCAACCCGCAAACTCGACTCTTTAAATCAGAGGC
CAGTGACTGCCAGGCTGGGGCATAGACGGGAGAAAACAAGCAGAAATGGT
CAAGGTGCTCTCTGGAGCCTGCCTTTCGATAGCTGTGACCCCCACGTTAG
GCATCAAGAC

>Sequence 1222

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGAATAGATGGTTCTTTTCATTGATAGTCT
TTTCCATTTTAATCATTTTTAACTTATTTCTTTTATTGAGTTTTTAACTT
TTTCAAGTTTGTGGGG

>Sequence 1223

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGGA

>Sequence 1224

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTTAGTAGA
GACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTTT
GATCCGCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCA
CCCATCCGGCCTAACGAGA ACTTATTTTACCTCAACTAGATGGCGTTCAT
TCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTC
CAAAACCAACAAGACATTTTCTGTGCATCAGGGA ACTCACAGCCTATTATG
AGAGATAAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGT
GTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGAT
TCCTAACTAAGCCCCACTGGGGAAGGCCT

>Sequence 1225

CCGGGCAGGTACATAAGGGGGCCCAATACAAGCAAGCATAAATAATCTTGA
AAATAAGAGAAATCTGAGAATGCATAATTTTTTTAGTTGATGATAACAAT
AGTTTTAGAACTTAAACCATAATTTTCAGATGCTTGAAAAAATTCTGATC
ATCTTCAACCATGGTATTTACATGAACCACAAAAACATACAATAACATAC
ACTCTCCAAATAACAAATTGCACTCCTACTTACTCCTATTTCTCTACTCA
GTGCCCATTTCTCAAAAAA ACTTTTCCCAATTAGCACCAATGAAGGACAA
CACTCAGACTACCCTATTCTTTAAACAGACATGAATTTGTCCAATATACA
TATATGTATTTCTGGACTATTAGGTCCTAAAATACTTTAGTAAAGAAAG
CAATGACGGGGC

>Sequence 1226

AGGTACATCCAAAATCATTTTCACCATATAACCTGTAAAGACTGCATCATC

Table 3

231/1077

CCAGCTACTTTCCTGCTGACTTCCACTTGGGTTTACTCAATGGGTGACAC
TCACAGGACATAAGAGATTAGAAAGAGGGATAAGGTTTTTTATATATCTG
CTGCCTCCTTACTTAAAGCCATGGTTTTAGCAGAGGCCCAAGGTCGTGGC
TTTTTTTGAGCAGCCCCCTTATCAAAGGTGTGGAAAGAGACTACCTTCCC
CCTCACAACCTGAATAATGAGGCTTACTACTCCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1227

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAAACTTGGTGATGCTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAATT
TAGATGTTTAGGGATTAAAAATCATAGAGGGTGGCGCTAGGAAATATAGA
A

>Sequence 1228

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCGGTTGAAGAAGATGGGTTTCAAATCCAAGGGTCGGGCTTGGGCCCTT
TGCCACGAACCTCCATAAATGAAAATTCCATTGGGTGAGTTGTTTACACA
GTTTTTCTGGTACCAATCCTTGCTTTAATTTCAAGGGGTCTTCATTCATC
TCCATTCCACTTGTTATCAACTTTTTTTTTTGTTTACCAGGGCTTTTACTT
CTTTTTCTACCCAATGGAAAAGGACTTAATGGATATTTATTTTTTCTTCC
CATAAAGCTTTGTGAAAATATTTAATCAATTCACCCATTAAAATTTCAAG
CCCTTTCCTTCTGGTTAAACCTTTGGAAGAACCACTTCAGAGCTTTTTTC
TTTAATTTCCAAGAAAAC

>Sequence 1229

CCGGGCAGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATAT
GAAGTCAGAAAATATAATTCCCTCCAGTTTTATTTATTTATTTATTTTGC
TTAGGATAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTTA
TAAGCCCAATTTTGTAGTTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTAT
GATCAACTCAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTTTTTTGCAAAG
TAGCACTATTCCTTGCTGGGCATGGTGGGCTCATGCTTTATATTCCCAGC
ACTTTGGGAGGGCCAAGACAGGCCGTTTCACCCTGATGTTTAGAGGTTCA
AATACCCTCTCTGTGTTTAAACATGGTTGAAACCCCTGGTCTTCCCATTAA
AAATTACAAAAAATTAAGCCCGGGG

>Sequence 1230

AGGTACAAAGAAATGAAGTAATGTCAAATATAGAATAATGGTTTCTCTGG
AGGAGACTGGAATGTGGGTATGCAATCAACAGCTTCTGGACTGTCACTGT
TTCCTGTTTTATTTCTTAAGGTGAATTATTCATTATTCTTTATATTCTT
TTAAAATGTTATATAACTTTATAGATCAATTAATAATGTTTGGCTCCTT
TTATTTTAGAGATCTCCAGCATTTTAGGTTGCCTCATCAATAGTTGGCAA
AAAGAGGCCAGGCACGGTGGCTCACGCCTATAATCCCAACACTTTGAGAG
GCCGAGGCGGGTGGATTACTCAAGGTCAGGAGTTCGAGACCACCCTGGCC
AC

>Sequence 1231

AGGTACTTGTAGGTTGTGATTTTTTTTTTGTCAACCTGATTCTGTCTGTTT
TTTCTTAGGAACTCATCAAAATTTCCAGCCTACTGATAACACTCCATTAT
TTTCTAGCACAGCAGCACTGTTAGGAAATTTTCTTAAATATGCACGTAG
TAAAAGTATATATATAATGTATATATACACTTAAGGACATATATTACATA
TGGACACACAGGTGTATATGTGTGTATACACACATGTATATATTCCCAGT
GACTTTCAGGTGGAGATGAGCTAGATATACACGTTTCAGCATTTTAATGCA
ATACTTAATTATAATTCATAAGTGACCACCACTGTATGCAAGCCATTATT
ATGATG

>Sequence 1232

Table 3

232/1077

AGGTA CTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACACTTGAAGACTTAAACCCAGGGATGGTTGGAGGG
AAGGATGGGTGGAAGGGAATTAAATTTTATTCTTTTGCATTGAAACAAA
CACTCACCTTTTTTTTTTATATCAACTTTTTCACCTATTCACCTCTTTAAA
CACTTTTATTTTTTTCACCTCTTTACAAG

>Sequence 1233

AGGTA CTGGTCTGTGGCCCAGGGGTTGGGGACCACTGGATTAGTCAACAA
GAGTAGTTGTTCACTTCTTCATCCTCCCTAGAGCACTAATTAGCAAGAAA
ATTAAAGAATAAATTTAACATTTACCCCTGGAGGTTCAAGGACAAGTTAG
AAGTTAATACCTTAACCTTTCAGTTTCACTCAAATGTGCATAAAGCTCCAT
TAGTGCTGCTATTGGTTTCACTAACTCCATCCACAATTCTCCCGAAAACA
GAAAACCTCATACAACAAAGCCAAACCTGAAACACAATCAGGTTTCCACC
AGGCAGAAGTATGGTGACTAAGCCTAGTGGCCTCGGCACTGCTGGACACT
GAATTGCAATGGGGTAAGTGAAGAGTTCCAAAGCCAAGGGAAGCCTCCCA
ACAGCATAGCTTGGAATGGAGTGATCTGCTGTT

>Sequence 1234

CCGGGCAGGTA CTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTCTTCTTATAA
GACATCTGATTTAAAAAAGAAATAATAGATTTAAGAAGAAAAAATT
AGCTAATAATGACAGCAGGCTTGTAATATTATCATAATGTCATTTATCAT
AGATATCCTTATTCTCCAGGGCAGCACTTCTCAAATCCTTGACAGTATGA
CATTTTGGGCCAGCTAATTCCTTAGGGAGGGACCTTTCCTGAATATTCAG
GCCGTTGAGTGGCCTGCTTGGCCTTGACCCGCTCACTGCCAGTAGCACAC
CTCCCCCAAGCTTCAGCAGCAGAACACCTCCAGTCACTTAGTGGGGACTG
GGTAGGTGGGAGACAGAATCGCACCAAGTTAAGTGTCTCTGCGGCAGGGTG

>Sequence 1235

TGCGTGCCGATGGTATCTATTATGACTATGAAAACCTTGTGCTTGAATTGT
ATTTAGACAATTAATCTCTATATTATATCGTTTCATAGAACATATTCCAC
TATAACTGTAAACGCACGTACAGTAATCGTACTCCCTTTTGTAGTTGACCA
GGAATATATCATGAACTTGTATGTGTCTCACACGGATGCATATATTTCT
AAAAATAAGTTGCTTTTGTTCATATATACTTACTTACCTATTTTCAGCT
TATGTAAAAGTACTGATTGAGTAGTTATATTCCATATAATTACTCAACGT
GGTTTCTGTGACTTTTCGTGGTCACTCTTCTAGTCATCATCTGCACCTTT
ATTCTATTTAGAATTCGTAAAATAATATTCCGACTAATTGTGGCGGTATG
CTATGATCTTGATATATTAACCTACCAACGTATTTAATTCTCTATGGTGTA
TACAACAAATTNCAACTATGTTAGTCACTATATAATTATTACTAATAACAA
AGGGGAGTAATTCATTATCAATTACTAATTATCTCCCCCTACTTACACCA
AACTCTTTGAGTGAATTATCCAACCATTTTATATTTTATTTCTTGATTAT
CAACCAAAAGATGGCCATTCCATAAACACTCTCCCTTTAATTTTGCATCT
AACCGCCATATTGATGGGTAAATAAAAAGTCAATCATTCAACATTCGGCG
ATTGTAAATTTTGTATTCTTAATATTCCCATTTCACACTTAAATAAGG
CACTTGTCTGTGGTAAACAAATATATTATTTTAGTATTCAACATTTT
CAACNTCCAACATACATAATAAATTATTCTTCATAAGTCCCCTTCTCTC
ACCG

>Sequence 1236

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTGTAGTAGAGATGGGGTTTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAATTCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAAGTTTTTTTTTAAA
ATACAATTATTTCTTGTTATTGATTAAAA

Table 3

233/1077

>Sequence 1237

AGGTACG TTCAGACAGATGGTGCCAGGAGTGTAAAATAATTTATTGTCTA
AGGAATTTCAATTTTCAGTTAGTGGTAAGGATAATAGAATCTTTAATTTG
GTGCAGATTTTCAGAAGATTCTGAAAAACAAAAAAGCCCTTAAAAATTA
AGAGTTGTAAGGATTGAAATTTGCAGGGAGGTGGATGACTTTATTTTGA
GTGCATTTTAAATGAAAATTGATGGGTTTTTTATGAGGTCATGGGAACTT
TTGCATGAGGTGGATAGACCAGTTGGCCACTTCAGGGGGCTGGCAGGGGA
ACCGCTGGTTGGTCATACCCGCATCTTGGTGCAACTGCTTTGCTGCCGTG
GGTACCTGAAAAAAAATAAAAAATTATAAAACGTTCTTACAGTAAAACA
CTTGAGGGCTTACACTTAGTTGAAAAAACTCGATTATAAAAAGACATTT
AGCCGATATTTTACCCTTGTAACATTTAGGGGGGCACCAGAACAACACTT
TTGTATGCCTTAAAGGAGGGTGAACTGCCCCGTGCGGGCATTAAATGGG
AATGGCTAGATACTCGGAGGAAAATTGATAATCGGTCCAAAGATTTACCC
TAACATATACAAACCTGGGGGACTAAAAGTTTTAAAGACCTGGTGTGCCT
AATTGAAGTGAGCTTAAATTCCATATAATTGCGTTGGCGCCTACAGTCCC
GCATTTCTAGATCGGGAAACCATTGGTGCCAGCTTGGATTAAGAGATCGG
CCAACCCCCGGGAAAAGGGGGTGTCTATTGGGACCTTTATCGCATACTT
ATTAAATGAATCACTGACATCGGTGTTTGCAGTGGCGA

>Sequence 1238

CCGGGCAGGTACCCCTCACTGCCACTACGAGTATCTTAGCTCACATTGGT
TTAATCAGTCTTTAGTAACCCAGGGTGTCTAAACATTTCCATGTCTAAA
GGTGTCTTTAAGAATGGGAAAATAGTCCCCCTGCCTTTCCTCTTCACAC
ACACAGTATACCACTTCTGCAGTGTTGACTCTAGACCCATAGCCAGCAGG
GCATCTGCTGTAAACCTGGACGCTGCTGGCTGTGGCTGAACTGAGTTA
TCTACTGGACAGTGTGTTTGTGTCTTATAGCAATATCAGTAGTTGAATCA
TGGGCCATACTTCAAATTTCACTCCCTTTCCCTTGTGGTTTTGAA

>Sequence 1239

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTGAGACGGA
GTCTCGCTCCTTCGCCCAGCCTGGAGTGCAGTGGCGTGATCTCGGCTCAC
TGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCGTGCCATTCTCCTGCCTCAACCTTCCC
GAGTAGCTGGGACCACAGGCGCCCCCACCAGCCTAGCCAATATTTTGT
ATTTTATAGTAGAGAGAGATGAGTGTATATAATGCCGTAGGAATAGGTAAA
ATTACCTAGAGAGCCCAAGTCTCTAGGAACCTCAACTTTAGAAGTCAGGC
AGAGGGAAAAAGGTGTTCCAAATTTTTTTTTTTTTTAAAAAAGAGAGTATT
CAAAGTGGAATAAATAGGTTGAACTGTTGAGAGGTCTAATTAGATGAG
AACTAAAACATCCTTTGGATT

>Sequence 1240

AGGTACTATGTGTGGTTCACCCACTGTCTTACTCTCTAGGAACACTGAAG
TGATTTGTTTGCGTGCCCTGCAGCACAGTCCTTGGTCCCCTCTCAACATG
CCACCCACACGTTTTTGTACCTGAAAATTCTATTTGTATCACTTTCTC
CAAAATGGCTAGGTGCAGCCTAGGTCAGAATTAATCGCTCCCTTTCCCGA
GTTTCCACATCTTATTCTTTGACTTATCCAAATTTCTACCACTTTTGTTA
TTGCTCCTGCTTACATTCTGTCCCATATTGAACATGTGGTATATGCCAGG
CTCTATGCTTTCTCTTTATTATTTTATTGCCTTCTTATGTAACCCTACAA
AATGTTTTTTTTTTTCTTATAAAGAAATGGAAGCTTAAAGGAGGTGACA
TTC

>Sequence 1241

CCGGGCAGGTACAAAAATAAATTTGACACAGCTCTTGACCTCAAGGAATT
TACAGTCTGGGACTATTTGACAGGACTTTTATGGTCCCCTTTGTGGTTAA
GAAAGCATAAATAGGTTTTAAATATCATGTGCAGAAACACATAGCATGTT
CCTACATGACTCACAATTTGAGCAATTATACAGACATAATCCAGTATCAA
AAATGGAATAAAAAAGGAAAGAATACAGAATGAGCTTCTCCAATTTTCAAT
TTCCATTGTTAAGTTAGGAAGTCCCAAACTACATCAGAAAAAAATTTAGA
ATAAATGAATCACTGATAAAGAGAAGAGAGAAAAAGAAAGCCAACACAAG
AACTTACTCTAAGAAAAAAGCAGA

>Sequence 1242

Table 3

234/1077

AGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCCAAATAT
GAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGCATATT
AAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGGCCAGCC
AGACGAGGTCAATTTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAGGCAAGT
CTTGATGGAGCACTTCTTGGACAGTTAGAAGTTTACCAGGCTCACAGGAG
AGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGGAGACCT
TACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGCAAGTTG
AGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCCCATTGTGCCCCAG

>Sequence 1243

AGGTACGCGGGGGGGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCTAATTTT
TTATATTTTTTAGTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGATGGTCT
CGATCTTCTGACATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGG
ATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTTCAGGTGCTGGTTCC
ATGGCTCTTCCTGAGCCGAAAATAAGGAACTCCATAGACCTTGTCCTACT
GGAAGTCGTTCCCATCTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGNGATCTCT
GCAGTAAGTGGAAGAGTTTCTTCATGGGCCCCCAAGGGTTATATCCATT
CTAGAA

>Sequence 1244

CCGGGCAGGTACACTACGCAAGATAATACTCTTCAAAAAGTGCAATTACT
ATGAGCTATGAGCTTTATCTCATCTGCTACTTCCAGTTTATACCTTTGTT
ATTTAATAACCATTTGCTTCCCTCACTAGTTACTTCAAATATATTTCAA
ATCAGGGGAGAGAAAACGATGACTTGTGAAATCACCTAACAAAGTGAAAA
ATAGACTCAAAGTTTTGATTCCATTTATGTGTATTCCTGGATTTAAGAC
CTGCTTAAAAGCCTTAGAAAAATGATTTAAAATACTGACCTCTGACTATA
TGTGGGCTGTTGCATCATATAACCACCCACCATCATCAACTTATATTGA
ATAGTAATTTCTGTGCCAGCTAT

>Sequence 1245

AGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTACCTCA
TTTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGG
GGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGACGTCTCCCGTTTTCT
TTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCA
TGAGTTCACTCCTTAAGAAGGAAAATTGGGCAAGTATTTAATTGGTTGGA
CATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCT
CAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGC
ACTGGGGAAATCCTTGGCACCCAGAAG

>Sequence 1246

ACCGGGCAGGTACGCTGGGAGTAGTAAGCCACATTACTCATTTGTGAGGG
GGAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAAGC
CACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTTAGTAAGGAGGGTAGC
ATATTTTTTAAAAAAACCTTTATCCCCTCTTTTCTAATCTTATTATGTTC
CTGATGAAGTGTTCACTCCATTGTAGTATAACTCCAAGATGGAAAGATCA
TTCAAGGTAAAGTTATGCTTGGGGATTGAATGCAATTTCTTTTAAACAGGT
CCACCTTAACAAATGAAAAGTGGGTCTTGTATTTCTTTGGTCATAAAAAA
ACACTCATGTTTTAGGAGTAGTAGATTTTATTGTCATTACTTTATACAGA
AGCCTGAACCTTTGTCAAATTAATTAACAAGTACAAAGATAATTTGGAC
TGGAAAGGGTAAACAGGCCAAAGGGGTAAACTCTTCTTGAG

>Sequence 1247

AGGTACGCGGGATATTAATAATATGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGA
GGTGGGCGGATTGCAAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAATATGA
TGGAACCCTGTCTCTACTAAGAATACAAAAATTAGCCAGATATGGTGGCG
CGCACCTGTAATCCCAGCTACTCCGGAGGCTGAGGCAGAAGAATTGCTTG
AACCCAGGAGGCGGAGGTTTCAGTGAGCTGAGATCACGCCACTGCACTCC
AGCCTGGGCAACAGAGCCATACTCCATCTCAAAAAGAAAAAAAAGGT
ATATTCAGGTCCAGTGGATTATATGTTTTCTTGCTACTGAACTGTATGAG
TTTTTTTAAAAATAAATTTTGGGTATTAACCCCTTATCAGATATACAGCT
TGTAATATTTTTTTCCCAGTCTGTAGTTG

Table 3

235/1077

>Sequence 1248

CCGGGCAGGTACACCATTAGAATCCTACCTCAAACATGCAATGGTGGGAA
AAGATTTACAATTTAAAATTTAAATAGTAGTTAAGCTAAATTTATTTTGG
AATAATTTAGGTTTCCCTGGATAATTTTCCACGTTTCATCTCAACATTAT
ATAAATTCATTCACAGTCACTCAGGATGAGTAAGTAATGCCTCCAAAACA
GCCTGGTCGTGGGTTCTTCTGAGTCCATCTGGCTTCTGGCTAGAAGCACT
GGAATGACTCATAAAAATGAAGCAACCTGGGGTCAACCTACTCCAGGTCT
TTTAAACAGAATTGCCAACTGCTTACCAGGTGGTTCCAATTTCCGAGAAT
ACTTAAAATAAGGGAGAAA

>Sequence 1249

AGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTAAGAATTTTAATTTTCCTAGTTCCTTA
TCTTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACATGAGCTTTTAA
GAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTATGGGTTTTATCCATTTGTAT
ACTGTTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAATAGCCATAGGAGGTAGATTC
CATTACTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAACCTGAGTTTTAAAGTGTTAAAG
TGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAACTAAAGGTTGTTAG
CATAACAATTCAACCAAGATGCAATTGAAACAATATGTCTTTGCTGTCA
TGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGGCAGCATATTTGCAGTGA

>Sequence 1250

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTG
TTTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAAGAGGAGGA
CAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTC

>Sequence 1251

CCGGGCAGGTACAGTGGAGACAGCATGAGCATTAGAGTCAGAATACTTCA
TCCAAATTCAAGTATTTGTTTAGTTATAAGGGACAGAAATCGAACTCAAA
CTAGTTTAACATGAAAGGAATTAGTTGGCTCAGCTGGCACACAGAATCCC
AAAGGGTGAGATAACTGAACCAGGAGGGTCCACTTTGCAAAAGGGTCTTT
TGTAGGCAACAAGGGCTTTAGCTCTCAAACCTTACTTCCCTGTTTCAGAAAC
TGTAATATTTCTCTTCCCACTGAGTTAATCTTAGCACTTCAAACGCAGGA
GATTGATGCCCTTCTTAACTGCTTAACCCGACTAGAAAACATCCTGACTT
TCCCATCTCCTCTGTAAAGTCACTAAAAATTTCTTTAACTGGGGAAA

>Sequence 1252

CCGGGCAGGTACATCATTCTGCATGATTCACGGACTAGGAGTCCCTGGTC
AAAAACTTCAAAAACTAAGTGATGGGTCCCAAGTTACTCAGTGGCAGAAA
CTTGATTACAGTAACATGTCAGCTTGTGGGCTTGAAAAGTCTTAAGCGTCT
CTACTTCCTCTAACCCTTGGCCCTTCCCCGGGGACTTTACACAATTCCTC
CCTTCCCCTGAGGACACATTGGTCAAATTTCCATGAGTAGTTATCGGGAA
GGTCTGTGTCATCCTCTTGATCAGCCATTGAAATACCTTGGTGCTACAAT
ATCACACCGCCTCGCAAGTCCGGGAGTATATCCTCACCTTTTTTTCTCAA
CTTGATTATAACGACTGGATACACTGGCTGCACTATACTTACACTACGTA
GTTCCCTTTATGTCTCTTTCTTTTCGAGGCATCACATTGATAGAACTTT
ATCGTGATCATCGTTGATAGAAGCAACATCCTATTTGGCCATTTTTTCAT
TTTCAATAAATGGGGGAG

>Sequence 1253

CCGGGCAGGTACACATCCCTGACCTCCAGAGCAGACTTAGCTGTCCCTTC
CTGGCACCTCTCGGAAACACTCTCTTCTTGGCCTCCGTGATTCTTCT
ATCTCCCTAACCAGTTTTTGTCTCTCTTTTGGGACTTCTCTTCTACCAGC
TCTGAAAGAAAGTTCTGTCTTGGCTTCAGGTTTCTATCTTCGGCCTGTTG
TCCTTCAACACACTCCCCATAAGGGGACCCATTCTCTCCAAGCCTTCGTT
CATCACCCAGATGCTAATGAGCCCTTAACCTTTATCCTGACTTCTGTGAA
CTCTGGATCCGTTTCCAGTGTCTACAGGATTTCTCCACCTGAATGTCCT

Table 3

236/1077

CATGACACTTCCATCTCAGAATATACAACTTGAACCTATTACTTATACCA

>Sequence 1254

AGGTACTTCTCCACCCTTCTTACATTTATTTATGCCTAGCACTGTTACTT
TCCAGAAATGAATTAATACAGCTATCATCACTGAGTCTCAATTACTTGAT
AGATGACAGGAACATCCTCTGATCTCTATGGGATGAGAAATGTAAGCTTT
ATTACCCCTTAATTCCTGCTGTTTTGCAACCAGAGAGTAAGCAAAGGCTA
AAGTCTGAGGGTGAGAATGTAAGAAACCTTTGCCTACTATGTTGTGTCTG
GAAAAAGTTTAGTTGGCATTAAACCTTGTGAGAATTTTACCTTACTTTGT
AATGAATTGAGGAAATTATGGTGATTGAGGTAATTTTGGCCTCAAGAATG
GGATGAAGGAATGAAGATTTTCTGTAAGGCAAACACACTCAGCATTCTAA
TTCCTGAAAATCACCTTTCTTGGATCCTATTTTTTATAAAGGTTGTTAC
CGCTCTGCGG

>Sequence 1255

AGGTACCAGGGATCGGCAAACCTTTAAAGGCCAGACACTAAGTATTTTAG
GTTTTGCGGCCATAAGGTCTTGGTAACAACACTACTCAGCTGTCACTGTAGC
TGAAAGCAGCCACAGATGCAATACATAGACAGATGAGTGAGGCTGCATTTC
TAATGAAACATTTATAAAAGTGGGCAGGGCTGGGCGTGGTGTCTCATGCC
TGTAATCCTAGCACTTTGGGAGGCCAGGCAGGTGGATCACCTGAGGTCA
GGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAATATGGTGAAACCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAATCAGCTGGGTGTGGTGGGGCGCACCTGTAATCCCAGCTAT
TTGGGAGGCTGAAGCAGGAGAATTGCTTGAACCT

>Sequence 1256

AGGTACTGGGTAGCACAGAGATGAGAAATAATAGAAACCTTTTTGTTCGG
TTGTTTCAAGAGCTAACATTGTCAAAGCTCAATTCCTGTTTTATGTAAG
GTTTTGGTTTATATTTTCTCAAAGAAGTGAAGTGCAGAAAATAGAAAAC
AAACCAAATGGATGATCATGCAGAACTTTGTTAAGGGGCTGGTGAAATC
AGACTTTTCTTATACTAAGGAGTGGGGGAGCAAACAGCAAATGATCCCTT
GATTAGACGATGTCAAGTGTACCTGATACTTTGTGGGGCTTAACCTTGG
TGACTTCTTAAATGGAGGCCAATTAAAATTTTTAAAAATTCTATTTTTTA
TATTAATGTCAAAGAAGACAAAATTTTTATTTGATACGCCATTATAATT
AAAAAAATGGCGTTTCTACATTGTGAAAACCACTCTTTAATTGGAAATTA
TTTATCTATCTTTGGATAAAGATATTCAT

>Sequence 1257

AGGTACATAATAGGATATTATATATTAGAAATAAATGACTAAATACGTAT
ATAGCAACATGGAATAAACAAAAGACATACAGCACTATGCCATTTATATA
TATAAAGTATATATACACAGAGATATGTGAAACCTTGAAAAACAGAGGAT
AATCTGAAGGATGTATGTTAAAAATTCAAAGTGGGCCGGGCATGGTGGC
TAACACCTGTAATCCAAGCACCTTGGGATCACAGGCGTGAGCCACTCCAC
CCAGCCACCTCTTTTCAAGTTACCCAGCCTCAGTATTTCTTTATAGCAAC
ACAAAGAACTAACCCAGCCATAAATTAAGAAATATGAACACTTTAGGGGT
GGGTGGATCATGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCCGGCCAACATGGTGA
AACC

>Sequence 1258

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTCAGTCAGATATGCCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAAACTTCTAATGATTTTTTCTGGTG
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTTCTTAAAAAAATCCCA
TAAAAATATTCATTATCAATACATCATATTGATGATATCACTCAAGAAGG
AGATGTCTCACTCTAAGCATTATTATAAAAATTCACAGGCAGTCCACTTT
TCTAGAAAAATATGCCAGTGATCCTTCTAGCCTTTTGCATCCTGGGATTA
TTAAACCAGGCTGCTGAGCAGCCTTGACACCTGCTCTGTGACCAATGCTC
CAGGCTGTTTATTTTGGCCTATAAACTCTCAAAGTTGATGGGCCCTGCCC
TCAGGAGGGAGGG

>Sequence 1259

AGGTACGTTTGAAGGTGTCTACAAGGCACCACCTTAGACCTTTCTGAATT
CTTAAAAGGTTGTGCAGTTTACCCTGGGTTTGATTTTTGCTCTGAAACC
ATTTCTTGGCTCAAGAATTGTTTGATGTGTGGAGAGATTGGGAATGAGAA

Table 3

237/1077

ACAGGTTTATATTTAACAGTTTATTCTTTAGCTCATCTCTCTGCTCAC
ATCTTATAGGCAGTGAGCAGAACCCAGGTGTCACTTTAAGTGGCTGCCTG
GAAATCTCTTTAGATAGATCATTGAGTTCATTAGGTGCATTTCCGCTTCC
CACTTTACTGTAGATGTCAGTGTTGCTAAACTCTCTGTCACCTGCACAACA
GGGTCCTCCTTTCTCTAGCTTGCAGGAACATTTTCCCTCACTTTTTTTT
AAGCCCTCACTGGCAACCCTTTTTAAAAACAACAGTGATTTCATTATCT
TGCACCTGTTGCTATTGTGTTAGGGCATTAAAAAGGGGCGTTGGGCTTA
ACTCCGGGGTCTTTTCGTGCCTGCTGGTTAGACATTTTGTGAAGCCAGATT
TTATTGTCAAAAAGGGTTAAATGGTGGGTAAATCACATAAATTTAGGGGG
GATTCTGTTCCATTGTTAAAAAGGCCTGGGAGGGATTACAATGCTGATG
TCTTTTACGGCCTTGGTATTCTCAAATTCTAACACATTCTTTGGTCTG
GTTTCAAAAATCCAAATATTTTATATTTTTCCTTGCCCCAACATGCCCCA
CTTGAAAGCTTTTCATGGTTTCTCCATTGTTTTAAATCTAAAACCCCTCGT
CTTGGGTAAACTACCCGGAGGACCCCCGGGAAGATAAATTAATAATTCTT
TGCTATATTTGGGGGGGACCTGAAATATTTATCTGGGGCT

>Sequence 1260

CCGGGCAGGTACATTATTCATACACTGTAATGGCGTAAAAGAACCCTAGA
CACATGGACTCCCTTGCTAATAAGTGCACCTTCAAAGCGATAGTCATTAT
TTAGCATTATATCGGAAGAGGCTGGCCCCAGCTCTGGTGAAGGGCAGAGAA
GGTGTGGGTGGCCTCACGTGTTCTCAATGTCACAAAATGATAGCATTAAA
CAGACCCACTCCCTCATGGAAGGCAATTTGACGACCTTCTATTGATATTG
CAACATGTGTCTCTGGCAGCAGATCTCAATCCTTATGTAAGGGATATGGG
AAGACTTCCTCCACTTTATGTATATGCTTTCCCTAAGCAGTATCCGTCTA
ATGCACCTGTTATCCATAGATAACAATCCC

>Sequence 1261

AGGTACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCAGTAATAGTTCAAAAATTA
ATAGTTTTTGACATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTCAAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAATTGTCAATTTTTTCAATTT
TCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAGTAAAAATTG
AAAATAAACTTGTGCTTATATTTGTTTGCAACACACTAGTTAATTTAAC
CTGTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAA
AATTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAA
GAAGTTTTTTAATGATATGCCAGCTTCCTAATTTGGAGACAAAAGCC

>Sequence 1262

AGGTACGCGGGGGATCGCTTCCTGGTCCTCGCCTCCTCCGCTGTCTCCCT
GGAGTTCTTGCAAGTCGGCCAGGATGTCTCAGGCTGAGTTTGAGAAAGCT
GCAGAGGAGGTTAGGCACCTTAAGACCAAGCCATTGGATGAGGAGATGCT
GTTTCTATATGGCCACTACAAACAAGCAACTGTGGGCGACATAAATACAG
AACGGCCCCGGGATGTTGGACTTCACGGGCAAGGCCAAGTGGGATGCCTGG
AATGAGCTGAAAGGGACTTCCAAGGAAGATGCCATGAAAGCTTACATCAA
CAAAGTAGAAGAGCTAAAGAAAAAATACGGGATATGAGAGACTGGATTG
GTTACTGTGCCATGTGTTTATCCTAAACT

>Sequence 1263

CCGGGCAGGTACTCTGTGTTCCGCCTGCTCAAGTTCTAGACTTCTGGTGT
CCATAGCAACCCAGCAGAAAACATCTGCATAGCCTTTGGGCTGACGTGAG
TTAAACTTGAGCAGTGAAGCAGCATAAGTTTTATGGTGCAAGGCACACTA
CAGATCCTCCCTTACCCCTCACATCTGATCCCTCTGCCTATGCTCAGAGC
CACTGCTATTTCTACAAATCTACAAGGCCCAGACTGAGGTGATGACCGGG
CCAATCTCTGGAATAGTGTGAGACAATTAGATACTCTTTCCTGTCTTCAG
GAGCCCATCTGGAATAAAGCTACTTATCAAGTTTCAAAAACAACAGAAAA
GAAATGAGATTGAGGTGGAAAACAACCCAAGTGTTTCATCAACAGATGAAA

>Sequence 1264

CCGGGCAGGTACAAGGTTACCTGTTTGTTCAGTATGTGTAGGGAGGGGC
TGGGGGTTGGGGAGAGAGAAGGGTGGCAATTAGTCAATGACATTTATGAC
CCATTTATAAAATACAAATGAAATAATTGGTTACAAAATCATGACAAGCC
TTCATTGTCTTTTACAAACTGTTCTCAACACACTGTGAAACTTAATGG

Table 3

238/1077

ACACCCTTTGTAGAAAGTGAGGAACAACAGCCATTCTGAAGAGACCGATT
CAAAGCGTTCAACCTGAGACTAGCTGTGGTGGCGAAGATTCTCTGAGTTT
TGGTTCCTCAAATCTCATCTCATAAACCCCCCTTATTATTAGGAGATAC
AAAAGGAGGGGAATTTTGTAGATTCTCAGCCCAGGGGAATTGCCCCAGT
ATTATGTTGTAGGAAGAACCAAACATCGC

>Sequence 1265

CCGGGCAGGTACACTGAAAATCGGGGCTCGCCAACTTGGATTCCAACAGC
ACAGAAGTGAGGAGAAGAAGCACAAATGAAGCATAATGTCTGGATAATGGC
TACAACAACCATCCCTGAGAACTGCCTGGTAATATCAGGGTGATAGGATG
GGCTTCCACTCTCCTAAAACAGCCAGCAGTTCTTGTATTTCTAACTAGAA
GGCAGAAAAAAGAGACAATCTACATTAATCATGATTTGGGGATTATTAC
CAAAGTGAAAAGAATCTCATTTCCAATCAACTTAGAAAAGCTTATCCTACT
CCATTAAGTGAAAGAAAGAAATATCTCTTTCTAAAATAAAGCATGTATCC
ACTTTGCCTTGGCATAGGACAGGACACACTGGGCCCAAATAGCTCCAGT
CCTTCCC

>Sequence 1266

CCGGGCAGGTACTCAGCTGCCAGAGTTTTCTGGATTACTGACTTTACTC
CCTGGATCCAGAGAGGGTGTTCCTAGTCTCTGCATCTTGTCTT
CTGCCTTAGCCTTTTGTCTTGCTCCTTAATAATATGATTCTTGAGGTCC
TACATCTGTCCATCTTAGTGGCAATGCCTTTACACCAGAATGCCTGGTCA
GTGCTAACTTACTAGGACATCTGCAGAGTGGGGAGACGATAAAGATCAGC
ACCATCTAGTCTGCCCTGCCCTCTCTGACTTGGATATCATTCTTAGAT
C

>Sequence 1267

AGGTACTTGGGAGTAGAAGGCCAAAGTGGGAGAGGAAACCATTGATACAAT
GAATGAAACAAACAAATGAAACACACATCAAGCAAGTCTTACACATGGTG
CTCACTAGAACTGGGATTCAGAGTTGTATTACCACAGAAGTGCTATCAT
CCTCCTCTTTTCTAGGATCACCAAATATATTTACTAAAAAAGCAAGTTTG
TGAGGCATTGTATCTTTTCTACTTGCTTGGCATTAGACAGGAAAGATAAA
AGGGTTCCAGACCACATTTAAAGGGAACCTCCCTCTGAAGAAGTTAACAAA
CTATGTTTGTGGCAACCATGGGGTTAAGTAGCTTTTCACTCAACTGAAC
CCCATGGGAAATATCGACTATTCAGTTTCCCCTCACTGCTATGCTTGTGA
AA

>Sequence 1268

CCGGGCAGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACTGCGCCCGACCATGCT
TTGTCATTTTCACAGCCACGTGGTGTGGGAAGGTTGCTTCCTCATCCTG
GCCCTCTCCATCCCAAAGCCTGATTAGTTACCGGACTGCCTTGAGGCTGT
AACTCCAGAGGGTGGCGCCGCTTATGCCCAGCAGGTGGGATGTGCCAGAG
AAAGGCATCTCTTACTGCCACGGTTTTATTTTACTGCAATTTTCATCCTCA
CACATCGCACCCATTTTACAGGTGAAGAAACCGAGGGGGCCCCACTGGGGG
AAGTGGTTTTATTCAGTGACTCAGAATTGGTAAGAAATGAATGGCCTCTT
AAGACCCACCCAGGGCTCTTCCTTGTCAGAACCTGTCCCCTAGGTCCTGC
CAGGGCTACGAGGCAAGGCGAGTTTTCCAGCGA

>Sequence 1269

CCGGGCAGGTACCTAACATTTCTCTGCTAGAAAGCCACTTTAAATTATTGT
TCTTTTTAAAAGGAAAATCCAATATAGTTGAAAGCTTGTGCTTTATAAAT
ATGTGATGCTTCCCTGCATTATCTGAAAGAGGGAGAAAAACCATGTCTTG
CTTTTTTGGGATTTAACCTGTTTTAGCTGATCACAAAATCTTTATTAATT
GCATTTATTAGCTATATAGCACTCCAAGGTCTTTTGAAATTNTTTTTGGT
TGCAAAAATTCTGATGAAAAAAATTTAAATTGGTATTATTAATCTTTGTA
AATTTTTTGCAAAAAAAGCATGTTGAATTGTAGTTTGGTGCCTCCTTGCT
CAAATTGACTTTTTTAAGTAAGCCAAGAGTCAAAGCCAGGTTGGGTTCTC
TTTTCTTCAACCC

>Sequence 1270

CCGGGCAGGTACAAATGGTTAAGCAGATCCCTCAAATTCTGCTAAAACAA
GAGGAAAGATAAGAAAACCAGAAATGTCGCCTCCATCCTGGCCAATGTAG

Table 3

239/1077

AAGAGCTAATAGGTGAATGACAGCATATTTTTAATCCATAACGGAATGTT
GGTTTCTTTTCTTGTTAATGGCTTCCTTTCTTTAGGAGAACCTGATATG
AGCAAGCAGAATTCTGGAAGGCAACATTTTGGAGAGCCCTGAAGTGACAA
TGGGATATCTGGGGAAAAGTCAATTTCTGGCAGCCCCAGTCCTTTTAAA
TTTGCCTAACTAGTAAATATTGATTTACTAAATGGAAACACTTCTTTCT
GGACTGCGTGGGAAGGTCTATTTACACGAGATAACACGTGGTCTTTAATA
ATAATTTCTG

>Sequence 1271

AGGTACAAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCAGGCGCCTGTAGTCCCAGCT
ACTCAGGAGAGTGAGGAAGGAGAATGGCGTGAACCTGGGAAGCAGAGCTT
GCAATGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCAA
GACTCTGTCTCAAAACATAATAATAATAAAAAGGTGTTAGTGTAAGT
CTGTGTGGAGAATGAATTAGGATGGCTGAAAGAGTGAACACTGATTTACC
AAATAGGAAGTTCTCACAGTAGTTGAAACACAAGTTATGGTGGCTAGGAC
TGGGAGGGGACTATGAAGATAAAAAAAGCGGTCTATTTTGAAATAGAAG
GGGATATGTTTTGAAAATAGAGAAACAAAAGTGAATGAAGTAGGTTGA
TAAN

>Sequence 1272

CCGGGCAGGTACATGTATGTGAGGAAAAGGAGGTAAACAAGGAGTTAGAA
AGATGTGATGAGACCAGGTGGTGATGGACTGAATATAAAGCAAAGACATC
TGGATTTTTAATTCTGTAGGGAATAGCTGACCAAGTATATGATTACATGT
CTGCTTTTTAAACAGCTTTGTGATTTGAAATGCTGGGTTGTTATTGTTTT
TTTTTGTTTTGTCTTTCTTTTTAAAAAACAACATGGCTAACTCTGC
CAACCATACACAAATATGCATACTGGCATGTTGAGAAGGAAGACAGGAAT
CGTTAGAATGATTCAATATTTTTCAGCCTACCATATAACGAGGTTAGTGT
ACGCCTAGTAATAAGAATGAGGAAGACCGACTAGATTCAATAAACATTTA
TCAATTATTATCTGCAAATTGTTAGAGGACAGTTTTAAAGATTATTGTAC
CTGAAATATGTGCCATGTAATTATATGTCGTTTAAATTACCTTACTAAAA
TTACCTCCAGTAGTATTATTGGTACGTAATATACACCTCATCCCCAATAA
ATCTTCGGAATATTATTCAGTATATCAACAGATACATATTACATAATGTC
GACTTATTATTTGAAATAAAATCTCTGGAAATATATATTATAACGGGTAA
ACAATTTTCAATGCTATAAAACTTATAATAATATCGCATACATACTGTTA
TAAATATTTGTTCTTGTAATCACTTGATTACTATATAACTATTAATTT
ACAATTGTTGTTTACACAAAATAACATCTAAGTCTTATAACTACGTTATT
CATTAATATTGTGATCTTCACGTATTACAATCTTATGCTTCTTATTTAGT
AATTTAGTCAAGAGTTCATTTCTGATTTTCAATTATCTAAAACATTATATCT
CATTAGTATATTGATTTTCGACATCTGATGACTTTCAAG

>Sequence 1273

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAGG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
GATAGTGATACCTTTGAGGTAAGGGAAGGGTGGTATGTGAGTATTAGTCT
ACAGAATTATGGCAAATTCAGTGACAACCAATTAAATGTGTCTAAGAAT
TGACAGATATCAACAGATTTTACTTCTGTTGAAGGGTAATGTTTCAGGAA
CAAAAATTTCAAATAAAAACTATGAAAAACCATATCTTTTACAGGCTGAA
AAATCTTTTCCCTAAACCCATTGTTAATTTTCCAACCTTTTAAAGTCCCT
CAAAGAGAATGGATAAAAAAGGGGAGGTAAAGGCCTTCCCTTATAACAAT
TTTTCTTGACAAATGAAAAC

>Sequence 1274

AGGTACCTCTTAATTAGCCAAGAATAAGTGCCGTGGAAGAAGGCAGGATG
ACTTTTTAGAACCCATTTTGTAGCTCGAAGATCACTGAGGGAGCCATCAAA
TCCATCCACCTGTTCAATCAATATTCAGCCAGCAAGTGGGTGTCAAGGTG
AGCAGCTTACAGTGCTGAGCACACTGGAAACACAGGTGTGTAAGGGACAG
CCACGGTCTCAAATTACATTCTGAAAGGGAATACTAGGTAAGTGATCCCA
AACATGCAAATATCATTCCTTGGTCCTGGGATGTGGGGGAAGCATTTTGG
AGGGAATTGACATTGATTGGCGAGGTCTTAAAATTTGACCTTGGTTTAAA

Table 3

240/1077

TTATGAAAATTATTGGGTGCTTTTAGGTATTTGTGAATTATATGG

>Sequence 1275

CCGGGCAGGTACTATGCACTTCCCATGCTCCTAGGGTTAGGAATAGTTTC
AAACATGATTGGCAGACATAACAACGGCAAATACTCGGACTGGGGCATAG
GACTCCAGAGTAGGAAAAGGACAAAAGATTTGGCAGCCTGACACAGGCAA
CCTACCCCTCTCTCCAGCCTCTTTATGAACTGTTTGTGGCCAGTCCTG
CCCTAAGGCAGAAGATGAATTGAAGATGCTGTGCATGTTTCCTAAGTCCT
TGAGCAATCATGGTGGTGACAATTGCCACAAGGGATATGAGGCCAGTGCC
ACCAGAGGGTGGTGCCAAGTGCCACATCCCTTCCGATCCATTCCCCTCTG
CATCCTCGGAGCACCCCAGTTTGCCTTTGATGTG

>Sequence 1276

CCGGGCAGGTACATTACAGAGCATATGATCTTTCAAGGTTTTGTTCCACA
TGTGTTATGCATAGTAAGTCTCATTTCTATTAATAAATACTCATAAATTG
AATCACATTACAAATAAGTGCCATATACTTAACTGAACAATATACACACA
TACGCGTTCCTGATAGGTGATACAAAGGCAAGAAATTCTGAGAAATTCTA
AGATTGTGATCTGTATCATTTGGATGGTATATCAGGAGTGGCAGAGGGAG
GAACGTTCCCTAAGTTCCTTCACTTACTGGCTCCTGCACTTAGGTAGGATC
ATGTCACTAGTGCTGGCCAATGAGCAGAAGTATGGAGTGCCATTCCTGGA
GTAAGGGAAACGTATGTGCAATACTCTAATTTATTTTTTGTCTTCCATCG
ATACTGAGGAG

>Sequence 1277

CCGGGCAGGTACCATTCTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATAT
GAAGTCAGAAAATATAATTCCTCCAGTTTTATTTATTTATTCATTTTTGC
TTAGGATAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTAT
TAGTCTAATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGA
TCAACTCAGTGCGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTA
GCAATATTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCCAGCACTTT
GGGAGGCCAAGACAGGCGGATCACCTGAGGTCATAGGTTCAAGACCGGCC
TGGTCAACATGGTGAAACCCTGTCTCCAATTAAAATACAAAAATTAGCCG
GGGATG

>Sequence 1278

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTTCATGTGTATCTTCTTATCACAT
AGGGAGTCCAAACATCACTTTCTCTGTGAGGGCTTTCTCTCCAAAGCACT
GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACTGTCAACTCATACACAGGCAT
ACACATTACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAATGACCATTTTC
CTTATTTATTGTTTATCATCTACCTCTCCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
CAAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCCTGTCTTATTCAC
TGCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATAT
CTGTTTAACAAATAAACTCTCTCTCCTCTACTGAAACTATTGTTGGCAGT
CACCAAGGACCTATTCAAACAGAATCTTTG

>Sequence 1279

CCGGGCAGGTACATTGTGACAATTTGATACATGCATACATTGTGAAATGA
TCAAATCAGGTTCATTAATATATTCATCACCTAATATATTTGTCATTTAT
TTTTGGTGAGAGCATTTGAAATCCACTATTTTATGACATCAGTAAGATAA
CCTAACTAGAAGCTCCCAATACTCACCACCACCCTCCCAAAGATAGCCAA
AACAAATAAGTAAGCAACTACATTTAGAAGAAAATAACTAAGGGAGGATGT
TAGAATACATTAAAGGTGTATTACAACTCTGTAGTGTGCAGAAACCCAA
GATGGCCACATAGACAACAGAAGGAAACACCTTACCTCCACCACCCTATC
CCTACATTAGGATCAGTTGGAACCAGGGGGAAATTCTCCTTGCAGGGAAA
AGG

>Sequence 1280

CCGGACAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACCTTTTTTTTTTTTTTTT
TGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCAAATTGACCAGGTTGGTCTCG
AACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCACCTTGGCCCGCAAGCGCTGAGAT
TACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACCTTCTCAACATTCTG
AGTTAGTCACTTTCCCTTTGGTTTAAGCCAGCTCGGGTACTTGCAACCC

Table 3

241/1077

TAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACCACCTAGAATAAAA
TTCATTTTCCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATGGAAGGTGGGGAATT
CAGAGAGCAGAAATCTGTCCTGACCAGAGAAGAGTTCTTAACAGGTTCCA
CTGGTATCCAGGCAAGCTACCCTCCAGACTCAAGGTGTGAGGCTTACATA
GCTGCTCCTCCTCGCTGAAACCCATGATTGCCATGGCCTCCACGGTTTCC
TGGAACATCTCATCATCCTGGGCTGCCGGGATGGGCACAAAGCCATTGGA
GAGGAAGGTGTANTTGTGAAACCCTTCCAAAGCAGGTCACCTTCTCATCT
TCTCCTTTGCTTCAGCAATCATGTAGTAAAAGAAGTGGAATGTCCTCTTC
GCTCTGGCTTGGCGAAATGGCCGTGAATTTTCTAGCACAAAGGTCTTAAT
GTTGGCTTCCACGAGGAACCCCTGACGTCAAATTGATGCGGTTAATTTGG
CCTGCAACAGGAAAACACAGTTAAGGCTTGCTGCCAACATTAGCCGTAAA
CCCAGCTGGGGCAACCAGAAGGAAAGGTACTTCGCCGTTTAAAACAATGA
TCCCCCG

>Sequence 1281

CCGGGCAGGTACAAAAAGCAAAGACCCCTTCTCCATCTCTGGATTTTAAA
AACTGGAAAAGGATGCTGAGAGGATTGAGCCAAAGAGCCAGTCCTGGGAC
AGTCACTGTGGCCAGCTAGTGGTGTGCTTTGTCTGGCCACGCTGGGTCCT
GCTGCTCGCTCCAAAGGGGCAACATACTTGATTTGCAGCCCTGGCAGAAT
CATATGATTAAAGTGTGGGAGGGCGGTGGTGAGGGAAGTATCTCCCCAAA
GGAAAGAAGGGGTATGGAACAGGTAAAATTAACAGATGTTTACAAAATTG
TCTTAATTATTTTCCCCAAAATGCATAGCCAGTTTCCCAATCCTAGTTT
TTCTCTATTTACTTAAAATGCCATCTTTATTATTTATCATATAGTAAATT
ATCTGTC

>Sequence 1282

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTGTAGTAGAGATGGGGTTTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTTATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTTTAAA
TACAATAATTCTGTTATTGATAAAATTTAAGGCATTTTCATTGCCTTTTG
CAAATTTACCTTATACTACCTAACAAGGGAG

>Sequence 1283

CCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAA
TCCAGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCC
ACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCCA
TTGTGGGTTTTACATACACAGATGTATATTATTTGTAGCCAGGTAATG
AACAGTCATTGTCAAGTTGGATAGAATCTAATTCAGACTTGAATAATTCA
TTTCATGGCCTCTGCTTTTTGTCAAATAGGGGGAATAAAAAATTTTCAA
AGGAACAAATCCGGGAATATTTCTACTTCAATGGACATGTAAAACCTTTT
CCTATTTCCCATCCTTAACACTTGAAAGGGCCGAAGGTAAAAGGCAGTGT
AGGTGAGGTGGGAACGTCTTTTGGGATCCAGTCACCC

>Sequence 1284

AGGTACGCGGGAGAATAACAAGCACTCTTTGGTATGGGTAGCAGCAGTTT
CAGTGTCTTCCTGTGGTCTGTGAAGAAGAGAACTTAACAACAAGAAGAG
GGAAAGGGAAGGTCGCCTAAGGAGAAGACACAGGAGTAATGAGAAGACAC
AGGAGGTAGAGCAGCACTTGCTGACTCAGAAGCATTAAACATGAACTTAT
TCCACTGATTGAAATCTGTGATACTTAATAGCTCTTATGTCTAATCATAT
CAATATGCAGCTGGATTGATACACTCCTGCAGGTGGTTGGGGCTCCTTCA
CTGCCATGTATGTCCCTTTTGTGTCAGATATTTCAAGATTGAGCATCATT
TCAGACCCTGAAAAATCCCTGAAAATTGAATTCTCAATAGATAATGCAAC
TCCACATAATATCTGGA

>Sequence 1285

CCGGGCAGGTACCCAGTGTCTCATTTTCAGGCCCTCCTCATCTTTATTGGA
CCATTGCAGCAGTCTCCTAACTGGGCTTAATGCTCTAGTCTCTCCTTCCT

Table 3

242/1077

TCAGTGTGCCCTCTACACTGCAGCCAGTTTCAGGAACACTAATTGAGTCA
TCCCCCTGTTTAAAATCATTTCAGTGACCAGGTGCTGTGGCTCACACCTGT
AACCCCAGAACTTTGGGAGGCCGAGGAGGGCAAATCGCATGAGTCCAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGTCAACATGGCAAACCCCATCTCTACAAAAAAT
TAGCCAGGCATGGTGGCATGCACCTGTAGTCCCAGCCACTCAGGAGGCTG
AAATGGGAGGATCACTTGAGCTGGTGGAGGTTGCTGTGAGCT

>Sequence 1286

AGGTAATAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACACAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGTTTTA
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCTCCTTAAAAATCATCATTAAACAATCTTTCAAACAGTCA
AGTGTTTGGCTCAATAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAAGTAGCTTAGAA
TGAAACAAAAGGATGGACATGGCCTTTGAACAGAAGAT

>Sequence 1287

CCGGGCAGGTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTT
TAGAAGAGATGGGGTTTCAACATGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTG
ACCTCAAGTGATCCGCCCACCTTAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGG
CATGAGCCACCATGCCTGGCCTGAAATTTGTTTTTAAATACTATATTGCC
AATTATTGCCATAAAAAGGAATAATCCTTTTACACATCTATACTGCATTG
CCCAATATTTAATGTATTATTCTTCAAGATGAAAGAAATATTATATTTGA
ATAAACTGCCTTATCTTCTGAGTATTTTCCAACCTCTTTCTGCTAATGG
GTAAAGAGAAAAGCCACAGCATTCAAAATTAAGTCTTCTAAGCTTA
TTTGAAATCCTT

>Sequence 1288

AGGTCCCAGAAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCAGTCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTTCAATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCGGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGGAAGTGTTAGCA

>Sequence 1289

NNCGGCCGCCCCGGGCAGGTACCAGGATTATAGTTAGAATTTANCGGACTG
GGTAGGAAGACTGGATAGAAATCTAAAGATTGCTGACTCAAACACAATGT
GGTTTCTTTGCTTTATTGTCACAGCTCTGAATTCACAATTATTAGTTAAA
TTCATAGGCACTATAACTTTAGAAAGCACCTTCCAAACCAAGTTTAGTGA
TTTATTATAATTCTTACTTTTTAGATTGACTTCAGTGTTATGAGAATATT
GAGAATNTGCTACATAGTATCATCTCAGCTGTGTCCACATGAGCTATCTG
T

>Sequence 1290

CCGGGCAGGTAATAAAAAATACAAAAAATTGGCCAGGCATGGTGGCACATG
CCTGTAATCTCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACC
CAGGAAGCGGAGGTGGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCATTGCACTCCAGAC
TGGGCAACAAGAGTGAACTCCATGAAAAAACCACAAAAACAAAAAA
AATGTGTATCTTATTACAGTTGAGTCCTTTTGTGAGACGAACATTCAGTG
TTTGCTAGATTATTCTAATTAGCTACCTTTGTATGGTTAGGTTAGCATGG
AGCTGAAGATAAATGTCCCGTTTGAAAAAATGACAGCCCTTCAGAAAAC
CTGGCAGTTTACAGAAGAAATACAAATGG

>Sequence 1291

CCCGGGCAGGTACACTTTATCTGTCTCTTTGCTTCTTTCCCACCCTCTTT
CCCAGCTCTCTCTGTCTCTCTTTGTACCCTGACCCTTTTTTCTTCT
ATGCATACTTTTTTCTTTCCCTTTTTAATCTCTATATCTTAATCCTACCA
ATGGCCCTCTGAGAATTTATTAGCCATGATAGGGATTCTTAGGCCTGAGA

Table 3

243/1077

TTTCTTATCAAAAAATATTTTTAAAGCATTAAACCGTGTGCTGAGCCCTGT
GCTGGATACTTTACGAGATTCAAAAATAAGACCAGTCTCTTCTCTTCAGA
AGTTTCCAGTAGATAAAGGGGTAAACATCACTATACTATATGAAAGAGTTT
TTAGTGGAGGTAAAACTACCAATGGTGAAAGTGTTTATAGTTTGGGGGG
AGAACATC

>Sequence 1292

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGGCAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTCTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATT

>Sequence 1293

GCCTCATGGAGCTCATTAGAACACTCGATCTCATCGCGGTGACAGGCCGA
GGTACGTTTCATCTACCTATTTTGCACCTGGATGTAAGTCCTATATTGTGT
CTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTTCCTGATACTGTC
ACAAGATTTTTTTCCCTTAATTCTTTTAAATCAGGGCCACATTTCAACT
CCCTGCCCCGCTGCCATTTGATGATATTTTTGTTTCTCTTTAGGTATCGTC
CTATTTTCTTTTCTTTACCACTGACAGCGGCTTATTTTCATATGAATAAT
ATATTAAATACATATGCATTTAAATATTGTTTTGATTTGTTTGCGAATT
GTTTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAAATGAGTAATTTTTCATATCCTG
TTCTTGCAGGAAGAATTTTAAATCGTTTCTCAAAGACATTGGACACTTG

>Sequence 1294

CCGGGCAGGTGGGATATGGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACCGCAAT
GAATGTGGCAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGGATACAGCA
GTAAATATGACAGGTGGGATACAGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACGG
CAGTGATTATGACAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGGATAC
AGCAGTAAATATGACAGGTGGGATACAGCAGTGATTATGGCAGGTGGGAT
ACGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGG
ATACGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATTTGGCAGTGAATATGACAGGTG
AGATACAGCATGAATATGACAGGTGTGGTTCCAGTCCACAAGAGCTTGTA
T

>Sequence 1295

CCGGGCAGGTACACATAGCTCAGGAACTACTGATGCACTGCCTTCCATTT
TAGTGGCAGTTTGAATTTAAGAATTTCTAGTTTGTCTTAAGCTTTTCTGT
AATCTCTCACATATATATTCTTAATTTCAACTGATAATTTCTTTCTTAAT
GTCTAAATAAATAGCCCTAATTTGCCCTTTGAAACAAGCATTGGAGAAT
GCTTGGAATTTTTAATTGCCCAAAAAAGGTTGGCCTTTTGGTTAAGGGT
GGCTTTTTTCATTTTCTTGCAGTTAGAAACCCAATGGTTTGAAGGCTTAAT
GGGTTCCCATCCAAGCATTAAAGCAAGGCCCTATTTGGTCTATGTTGCAAC
AAGTAAAACTGGCATTGTTTTTCCACCTAGTTAAAAAGGAGAATAACCC
CTCAACAGGTTTTTAGGGATTTAATGGCCTGAAGTTGTTAGTTGTTATCT
TTTGGGGATATTTACAGGATTTTTTTTTTCTATTAAA

>Sequence 1296

AGGTACAAATTGCTGAGGAGAAGCAGGAAACCTGTTTCCTTAGTGGCTTT
TATCCCCCTCGGCATGCGATGGGGCTGATGTTTCTATGATTGCCTCAGACT
TTCACATTTACTAGTAGGGCTGAGAGAGGGCTTTAGTGAGGAAGGAGATA
TTCAGAATANAAACGGTTGAGAAAGCTGAGAAGACCATTGAGTTTTGATC
AGTTGTGAATAGAGTGCAAAGCCATGGCCAAGCTGTTTTTGGAAACGCTG
GCCGGCGTGTCTTCAGTGGA AAAAGCAAATCAAATGGAGCGAGAGCAAA
GGGGCGTCCTCAGTCCTCAACCTATAATCACTGTATGGAATCGGTCCTGG
CAGCTGAACATAGGAAGTCACTGGAACAAGTGATAGTGCAGATTGGCTTT
CAAACATCCTCCTGGCTTGAGTTTTATCAGCTACAATGTGGGTCCTCTTT
TTGAAGCCTTAATTCACAACAGCAGCTTTTTTGGGGGTGGGGCTGGGCGGG

Table 3

244/1077

TGTTGACATTGTTCTTTCCCTCCTGGAAATGGCGCTAGGTTGTTGCCTCG
AATATAAGTTTTTTCTCTGGTTTTGAGAAAAGGGACCATTTTTTGACCCC
GGAGGGACATTTCTGTTTTCTTGGGGGGCCTTTAAAAACCGCCTCAGAA
TTGTTTTGTTTTAACCAAACCCGATTTGTTTGGTGGGATAATACCCCCC
AACTCTACTGATTGTCGCAAAAATATTGTTATGTAGGGGGTGTAAATGA
AACGAATAAGAGGGGCACCCCGCATTTTTATATTCCGGGAAAGGCCTGTA
AAACAAATAGGCTATATATATATAT

>Sequence 1297

GCCGCCCCGGCCAGGTACCCTTCCATGATGTTGAGGAGAGACTCTCCTATC
CTCACCACACCAGAGAGTAGGTATGCAGGTTGCCACCAGTGTTCTCCTCC
CTACCCACTCCCTCACTTTTCTTTTCATTGGTTCAGTAGAAGGAGGGGCT
GTGCAGTAAGGCTGCCGCTTGAGCACAGGGACAGCCGTCAGTGCAGTGCT
GGTCTCCTGTTCTTGGAGGCACCTCAGTCTCCTTGACCTCTTAGACACCC
TCCTACCCCCAAGGTGGGGAAGGAGCAAGCAGAGGCAAAATCCCAGCCCT
CCTTGTTAAGACTACAGTGACTTTCCTCCTCTCCCTTCTCCGTGTCCGTA
ATGCATAGCTGGAAGGAAGTGTCTGGGTGGTGTATGCCAGTAGCTGTGCTG
GTGCCATGCCAGGTGCTCTTCATGAGCACCAAAGGAGG

>Sequence 1298

AGGTACGTGAAAGCGCTTTGAAGATCACAAACCCATTTAGAAATAGGTGG
GTTGCTCTTCCTCAAATCTTTGAAAGCTGTCTACTACTATAAATTCATTC
ATTCATATCTTTCCCTCATTCCTTTCAGTTTTTTAAAAATGTATTCTATC
CAACTTACATGTAAGCACTTTGCAAACACTCACTCATTTACTATGAATAA
CAATCCTACTATATTCACAATTATCATTTCCTCCGCTTACAGAAGAGGAA
ACTGAGGCACAGAGATTAGACAGTGTAGGCAGGATTCAAACCTCAGGTGGT
CTGGCTCTACTGTCCTTGCTCTTAACCTAGGCCACCTACAGTTATCCAG
GTTTCTGTTTACTAATCCTCAGCCATCTTCCTCTGATCAGAATCAACATA

>Sequence 1299

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTAAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGGGGCCACATGGA
AAAGTN

>Sequence 1300

CCGGGCAGGTACCTAGGAGCTTTTTGACCCTGTGTTGAGATGCCTAAACA
GCTTCCTGATTGACCTCCTGATATTTCTGCAAATGTGGACTAAGAGGCCA
GGATTCCTCAAGGCCCAGGTGACTCAGGTTATTCCAAAATTATATTTGGA
ACTACCAAATCCTTATGCTTGAATTTGGGATTGCAAATAGGGGGACATTC
TTTTCCCTAAATCACTTAAAGTTAGCTTTTTTAAAATGTTCCCTCCCTCTTC
ATTTAATGGTTAAGTAGTACTCTATTTTTTTTGGAGTACTTTCATTTTCTT
TTTCCCATTGACCTTTATTGTTTATTGGCTTTTGGGATTAGAAGTTTGTG
ATTTCAAGTACAGTAAAGTAGTCTTTGGCTTCATGGTGCATTTGGTTATT
TCTCAAGGGGGATAAAGTTGCTTTATCTGGAAGGGCGAATCTGAGTTTCT
TGTTCTTGCATTTTACATGGAAAGTTTACCTTTTGTTCGGTTTTTAGTT
ACATAAGTAGGTATCACTCCCGTGTTTGTGCCCCGGTGGATTATAAGGA
TGG

>Sequence 1301

AGGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATA
GTAATCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCT
TTTGGCTTTGTGTTTTTTTAAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGT
TCCCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATT
GCTCAGGAAGAAAAAGTGAATAAATTCCAGTCATTCATTCTGGATGTTAG
TTTTCTGTTGTAGCACTCCAAATATGCTGAAGCGATTGAAAACAAACTAA
GGTCTGCTTGAACCTATTGTATTCATTTCTCTATTGCCGAACCTGTAATAA

Table 3

245/1077

GCATTCCATACATGCCTCGATTTTAAAATTTCCAGTAATTTTGTTTAACA
CTTTCAAAATATTCCCCTC

>Sequence 1302

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCATTCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCAGTACTGAGTAGCTGGGTGATTCTGGGAAAAACA
AATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTT
CCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAA
TTCAGTATGCACAACTCTTTCCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAA
AACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCCTAACTCATCTATATCCACATC
TTTCCAGACCTCTTTCCTGTCAGGTTTCAGAGG

>Sequence 1303

CCGGGCAGGTACAGGAACAAACGAAAATCCAACTTAATGGTTTTCTTGG
AGGAAAGATGATTCTAGTTCCTTGCAGTTACTAGGAACTCAGGGGAGAGT
TGCCATGAAGTAAATTACACAGAACTAAAATCTGTGTTAGATAACAACAG
GGAGATGTCAGTTTGGGACTCTCCTCCAGGGAGCGGAAGGAGTTTAACT
TACTAGAATGAAGGCAATTTTGAAGAGTGAAGGGCACAGATGAGAAAATG
GAGAACGGGACCTTTGGAGAACCTAAGAATAAGGAAAAAGAGAAGCGAAG
GAAGCCAAGGCACAGCGGAAGTTCCAGGTTTTACCCTGAGGGAAAGCCA
CATTCCATCACAGGGTGAGGGTGTT

>Sequence 1304

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATTT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTATGTAGAAAGATCTTCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTGGCCATCTCCTTTCTCCTCTTTCCTTTGTTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAAATTGTGTTATTAAATTGGTGAAT
ATTGCCATGCCTAAAGTGATCTCTGAGATATCCTCCTTATGGGTATAAAC
ATTACTGTCACATGTTGTAAAGAGCTTTCTATAATAGACACAGCACACTG
GATTTAATTTTCTTCTCCCTTCTTGGTAGATCTCTTCTGGTTAAATAGAA
AATGCGGGACTTGCTCCTATTATAGAAGCTTGTATGAACTGCCAGGGGT
GCACTCTGGAGGGAACGCTTGGCTCATGGAAGTGAACCTTGGTCCAATGG
AGCTGGCTTAACTTCTTGTGGGGTTCCAGGAACACCAAGTGCTTTCCGCC
TAATGAGGTGAAAATAAGTGGGGAGAATTACATATGGCGAAAATTTTGC
GGGAAAAATAGATGCTTAATTTTTCTTCTTAAATTAATGGAAGGTAAA
TACTTTGGGTAAATACATGATTGTTACCCTCTTAAAAACAGATGGTTAA
AATCGGGAAATAACACTCTCTTAGTTTACAGGGCCATGAATACATCTGGC
CGCATTTTGTAGTAAATCAAAGGAGAGGGTATTCTAATTGAATTACTGGC
CTTGGCCGTAAAAAA

>Sequence 1305

ACCGACGACCTGTTGGCCGGCGGCGCGAACGACGAGCAGTCCGACCGGGG
CTTCCAGGGCGGCGGCAACCGCCAGTCCGGTCTGCGGGGAATGGCCAGG
GCGAGCGCCAGGCCGAGGCGGGCGCAGCCAGCGCCGATGGCGACGAATAC
GACCAGGGGACGGCGCGCAGCCAGTCTGATCCCCAGGTGCGGCCCCGGCG
CTGGAGGGCCGCCACTGTTTCATGAAACCGCGCACATACCGACATTCGTCTG
CTTTTTGATAACTGAGGGCAAGTTTGTGTCAAATGTGGCAATGAACCAT
GAGCTTTCCAATACACCCGCGCTCACGCGGTCTACCGCGGCCAGTCCCA
GGAGCAGCGGCGCGCCGAGCGCCGC

>Sequence 1306

CCGGGCAGGTACATTATCTCTGGACCAGGAACACAACACAGCGGAACAAT
GAGTTTAGATACCCCAACAAGGTGGGTCTCTGGAGGCTGGGTATGTTGTA
GATGTGGCTCATAGAATCACAGAGTTAAAGGGCAACTGGAATCATCTAA
CCAATTTCTCATCCAAGCAGTTTCCCTCCTATAACATTATACATAGCCAG
TCTCCTAATATCCATTTACATACTTTGAGTGACAGGAAGCCTGCCACTTA
ATGAAGTGATCCATTTTCAATTAATAAAGCTCATTTTTATGTGGTAACT
GTTTCAATATCCCAGGTAAGCAGTAGCATTTGCACAGACCAAGAAAAAGC
GTGAGGATTGCGTTCAGAGTGCCAACCC

Table 3

246/1077

>Sequence 1307

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGC
TCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAA
GGAGGGAGCAGATATATAAAAATCCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATG
TCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCAAGTGGGAGTCAGCAGGAAA
GTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGCACCTACAATGAAGTGGTTTGT
TTCTTGGCTAAAAACACCAGTTTAGAGAGAGTTTCGTGCATACTTCACGAG
CTGACTCTGCAATAATACACTGCAGATCTTGCTGGAAGGAACAGCAAAGA
TACCAGTAAAGATGTCATCTGGCCAATTTGTGTGAAAA

>Sequence 1308

AGGTGCTGGACATGATGGGAGACACTGGAAAGTCCCAAACCTAGTTTAGG
GTGTTAGGGGACTTCCTGGAATCGGGGACATCTAAGCTGAGCCCTAAAGT
AGGAGACAGTCAGATGGGAGAGAGTAAAAGAAGAAGACATTTTCAGGCCAA
ATGCCTGAATACCATAACCCTGGAGTGGTCAGGTTGGTTCTCTGGTGGGAA
CACGAAGATTCTCCTGATCTTCTCCTCCCTACTCTCAACACTCTCAACAT
TCGTAGTTTTTACCTTCACTAAATACTCTTTCCTATATTATAGTGATGTT
ACCCCTTTATCTACTGGAACTTCTGAAGAGAAGAGACTGGTCTTATTTT
TGAATCTTCTAG

>Sequence 1309

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTTCATGTGTAGCTTCTTATCACAT
AGGGAGTCCAAACATCACTTTCTCTGTGAGGGCTTTCTCTCCAAAGCACT
GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACTGTCAACTCATACACAGGCAT
ACACATACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAATGACCATTTTCC
TTATTTATTGTTTATCATCTACCTCTCCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
AAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCCTGTCTTATTCAT
GCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATATC
TGTTTAACAAATAAACTCTCTCTCCTCTACTGAAACTATTGTTGGCAGTC
ACCAAGGACCTATTCAAACAGAATCTTTGGCCAGGCACTGTGGGTCACG
CCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAAGTGGGCAAATCACTTGAGGT
CGGGAGTTCAAGACCGGCCTGACCAACATGGTGAAACCTCGTCTCTACTA
AAAATACAAAATTATCTGGGCATGGTGGCACACGCCTGTAATCCCAGCTA
CTCTAGAGGCCGAAGCAAGAAAAATAGCTGAACTCCGGAAGCAAAAGTTG
CAATGAAACCAAAATGTGCCACTGCGCTCCACCCTGGGCAAAAGAACAAA
ACTCTGAGTAGAAATAGGTAATGTTGTGGAAGGTCCCTTGGCCGTTTT
AAAACAA

>Sequence 1310

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAGGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATTGNTNNATTTGATAGGATTTGA
TAGTTTACTTATTTTATTTTCGTTTTTCCGTGATTGATTGCATTGATTCTC
CCTTATTTGTATTTTGTCTGCCTCTTAACCAATTTTGTCTCT

>Sequence 1311

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTGAAAAAATAATTGCTTGTTCTCTGTCAGA
TGCACTTCGTCTTAGTAACATGTGCCATGGGGAAGACGACCACAGGCCAG
ATAGTCAATCTGTTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAAGGGGACAG
TGTTCTAACACTTCCTGTGGGCAGGACCACTGCAGGCGATTGCAGTGACT
GCCCTACTCTGGATGGAGATAGGAATATCGTGCCCTTGCTGGGATGGCAGT
TTCTAATCATTCTCCTGCCCTTGCAAAGCTGTGTTGGGAAGTTGTAATC
ATCACTGAGGAGTAAACTGCAACTTTCACGGATGCCACGATCAGGACCA
TGAATGAAGTTATAACTGGTATAAGGATAAT

>Sequence 1312

CCGGGCAGGTACATTGGATATTCCTAAGGATACACATTTTAACTGTGGA

Table 3

247/1077

GTGTAACAATAGGAACTAACAATAAATAATTGGGTTGGCATTAAAGTTTAA
TGGGATTCACTTTGACTTTAATAATTTTTTTTGAGACAGGATCTTGCTTT
GTTTGCCTAGAATTTCTTAATTTTCCTTTCCTTAATAAATATGATATGAG
GAGAACCTTCTTCATTGCTTATATTGGATAATAGTATTAAAGTTAGAAAT
AGCCTAAGGGAAATTTACTTGATTTTTTTTTTCAAGGAAATATACTAAAG
AAAAAGCTGATATAGGATGCTTTTAAATTTATAAATTGTTTCCTCATAAT
CTTAACAGTTATAGGAAATGAATAAAGAGTAT

>Sequence 1313

AGGTACCTATTTTATACCACTCAATGAAATCTCCACCTATCCATTGTTCC
AAGACAAACACACTGTCTTTGTTAGTTTCTCATGCAACCTTGTGCCTCAC
ATAAATCAATGAGAAACAACTACAACAGGGACTTCTGATATAATGTGCC
CTAAAGAAAATTTGTTTCTGGCCTGTTTAAATAAAAATTAATAGCTTCC
TTAAATTGTGAATATTTTCCATTATAGTGATATTGTAGGAACACCAGAAT
TTTTTTTTTTTTGAGACAGTCTCACTCTTATCGCCCAGGCTGGAGTGCAG
TGGCACTATCTCGGTTCACTGCAACCTCCATGTCCCAGGCTCAAGCGATT
CTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTGCTGGGACTACAGAGTGAGACTCTTGTC
TCAAAAAGAAAAATAAAAGAAAAAGAAATGCT

>Sequence 1314

AGGTCCTTGAAGAAGACTTAGATCTAGAAGCAGCTATGTTAGATGATCAG
ACCTCATACACTGCCACTTGGAAGATGAGGTGTGGTCATGGGGTTCAGTT
TCAGAAATGTGTTCTCTCTGTTGATCGTTTCTGGAGGAAGAAACATGGGG
ATGTGTTTAGAGGGGAGGATATGCCAGCTACTTATCATAGGAAGTCTAGA
AAAGGCAGCCATAGTGAGGTCCTATTTGAAAAGGAGTAAGAAGGAATGT
ATTGGGCAGGAAAGAGTGTGCATAGACTCTTCTAGGTGAATCAGGTGAGC
TGTGTTCTATCTGCGGAGAACTAGTGATGGTGGGGCAGACCAGGCATCTT
CCCCTCCACTTGTCATAGGGGTCTGAGAAGGGAAACATGGGGCAGAATTG
GGAATCAATCTGTAACACTGCTTTTAAACTAAG

>Sequence 1315

AGGTACTAGGAACTGAGTAATTTGGAAATAACATTAACCACTTTCATATA
CCACACACCTATCTTGTTAAGTCCAAAATGTCAGTAGTAATAAGGCTTAA
TCATTAAGATTAAGAATATTGTTATATGTTTGGAAATATGCTAAATTTATA
TGCTCTTCTTTGACCAAATTCAGTGTCAAACAAATGTCAATCACGTATCT
GATTTATTCCCTGGTCGGCATTACTGAAAGAAAAATGTTTATTTAAATCA
GCATGTTTCAATTTATTTTATTATTTTTTTTATACTTTAAGTTCTGGGATA
TATGTGCAGAACTTGCAGGTTTGTACATAGGTATGCATGTGCCATGGTG
GTTTGCTACACTCATCAACCTATCACTACGTTAGGTATTTATCCTAATGC
TATCC

>Sequence 1316

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTATTTTGTTGT
CCCAGCCCATTCCTACTTGCACTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTCTGCTGCTGCCACTGCCACCTGTTTTCTTTT
CTTTTGGTTGCTGGTTCCCACCAGCCATTCCAGATCCAGCCGGACACACG
GGATTGTCCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATCCTCTTCCCCTGGCCACA
TCCAGTGGGGAGGACCCCGTCCTCCCTCGTTCACCTCCTGATGACATAA
ATTCTTGACCGTGGGCTCTTTGTATCTA

>Sequence 1317

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAGACAGGGTCTCACA
ATGTTGCCCAGGCTGGTATCAAACCTCCTGGCCTCTAGTGATCCTACTGCC
TTGGCCTCCCGAAGTGTTGGGATGACAGGTGTGAGCAACCACACCTGGCC
AATAATTTTGTATTTGACATGTATATATAATATCATGTTATACAGATATT
ACAACCTGGCTAAGGGGCTGACTCCAGATTTGCTCAACGGTGTCTAAGAAG
GAAATTAAGTGAAGCACACAGAACAAACAAAGATACTGTCCAGAAGAATTC
AGAGAAGACAGACATAGCACAGAAAGACAGAAAACCAACTGGTGAAAGGA
TTACTAAATGGGTAATTTCCCCGTATATCACACTTCTCTGTATTACATAT
TACAT

Table 3

248/1077

>Sequence 1318

AGGTACCACAAAAAGATAAAAAAAGCTAAACAGATAAATGCTTTCCTAA
AATTAGACAATTCCTAGGAAAGAGATATATAGGAGGCTATTCCTGGGAG
GAAATTTATACCACCATTCAGCCTGCTGTAAGGTGGAGATGGTAGACAG
CTAAATTAGGGTCCTCTCTATAATATTGACTGATGATGGGGGGTGTGGTT
TCTTACTTGGCTGAGTGCCTTGCCAATCATTTCTGCACCTGCGGGGCCTG
GAGATTGCTGATGTGCTTCAGGCATAAGCAAACCACATCAAAGGCTCAGC
TCACTGGCATACTGACGGTCAAGGACAGAGACCTGCTCTGACCAAGGAA
TACCCCAATGAGACTGGCCTGGAGGATCCAAGCCAGTTCGGCAATGTTTT
ATGGAGT

>Sequence 1319

AGGTACCCCCGAATCTAAAATAAAAAGCAGAAATTATATGAAAAAACTGGG
GTGGGAGTTGGAAGGAACCTTAGATATGTAATAAATTTGTTTGAAAACTG
TTAATTTCTCATGCTTTCATTAAAAAATAATTTTCCTCAAGAAACCCCAA
ATTCTCCACCTCANGAATGAAAAGTGCATTTGAATTTCAAGAAGGTATGG
GCATGAGAACCTTGCAAGTTTCTAATTTGTGGAGACAAAATAATTTTTAT
AACACCAACCAGAGGTTTCTCTACAAACCCCTTGTAATTCCTTTCTGAG
CTCTCTTCTTCTAGAATCTTGGGGCATCTGAAAAACTCAAAGCTATGTA
AACACAACATAT

>Sequence 1320

AGGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGGAATCGACCCCAGCT
CTTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTC
CTCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCCAATCAT
CCCTACCCTGTCCTTTCCTTTCTCCACCCTTCTAACTTAGGCCTGGAATA
TCAGTTCCTGAATTATTTTACCAAAGCAATCTAGTGATTGATTGAAAGCC
TAATTACATCAATCAATACAATGATTATGATGTTGTAAGTCGCTATATTT
ACAACACTTCTAAATTCCTAGACTGCTCTTCACCCCAGTCTACCTTAGA
AAATAAGTTGCCCCCAGCCCCCATTTAATTTGGGGCCTTGAAATAAAATAA
TTTTGGTTTGGGAATAAAATTGAAATTACCATTGAAATATTATTTCCGTTA
TTGCCCTTTATTGCAAGAACCTCCTTCTTTTTTACCCCCAGTTTGGGGC
CCATTACTTACACAAA

>Sequence 1321

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTAGCAG
AGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAGCTCCTGACCTTG
GGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAACTAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCATTTTAGAAAACTGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAA
ATGGAAGGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTCATTTAAGTAATC
TGGACCATGAACTGAAAAAAGTATAGGGCCTCCAAAAGTCATAAAAAA
GTGAAAGCAAGAATTGGCAATTAAGTGTAGGACAGGGGA

>Sequence 1322

CCGGGCAGGTACTTTTTGTTCCCTGCTGTGGATGCTTCTTGGATAGGTTG
ATAAGCAAAGAAGTTCACGTTGGCGACAACACTTCCATTAAAGACGCGTG
CAGTAAATCCTATGATGCAATCTCCTGCAGCTTAACTAGCAGACCCAAGC
TGGTCTGGCATGATCTATGCACCAGCTTGCAGAAGCAGTCAGATGAGTCA
CTGTGTGGCCCTCCAGGGAGAAGCAAGTCCATACTCTAAAAAAATATAA
ATTTTTATTCTAGAAAATACAAAAAAGACCCGACCTTGCCTACAAC
TACCTTTTGTTTTAAAGGAAGTCATATTCCAGGCTCTCCCTGTCCCTTC
AAAAAAGCTCAAACTGGACCCAACACCAAGTCTCTCCCATGAACATTCA
GGCGGNGTCTGAGGTGGTGAGGCCAGCAGGTTTGCCTCGAGAGAGTTTGC
TTCAAGTGAACTCCATAGGCACATGCAGCCCACTGAGTGGAACAACTG
AGTTTCTTTCATTCTTAGTCATTACTCAGCTTCAAATTATACACATGTTG
GAACTTATACACCTACTTTTGTATTTTGGAAAATCACTGGATTAATGAT
TGGACTAACACAATATGCAAATCTAAAGGACAAGGTTGGGCGCACAAAAA
ATGAATCTACAGGCACTAAAGAATAGCACAGAACCCACAGCCCCATGCCA

Table 3

249/1077

CCTTGAAGGCAACGTGCCTTCCTTGGGACACAAGANAGGGCCGGAATTCT
GGAGGGAACGGGTAAATCTACCTGGACAAGCAAGCACAAAGTAGGCTTTCC
GGTTAT

>Sequence 1323

CCGGGCAGGTACCACATTTGTGAATTTATGCCACAGACTTATTTACGTAG
TGCACTAAAATTATAAATAGAGATAATGATTGCAGCATGGTTTAGAGTAG
TAAAGGACTGGAAACAATCTCCATGGCACTGATAAGGCAAGATGTAGGGA
GGAGAAATGGGGAGTGAAGTCTCAGATACAGTGCCTCCTTTTGGGGGTGA
TGAAAATGTTTTGGAAGTTGATAGAGGTGCTAGTTGCACAGCTTTGTGAG
TTTTCTACATGTCACTTAATTGCACACTGAAAAATGTTAAATGTGGGCTG
GGGACAATGGCTCATGCCTGTAAGCCCAGCATTTTTTGGGAAGCCAAGGTGG
GAGGATCTCTTGAGGCTAGCAGTTCAAGACCAGCCTGAGC

>Sequence 1324

CCGGGCAGGTACAACATTTAACCTCTAAGCCCCACCCCCGAATTCCTTGA
GCAATGACTCATCTTGTTTCTCTGGGCACCTTGGCTTCATGAGTCAGTCT
CAGATTTGGGTAGAGACGTAGTCATTTAAATCCTCTCCTAGGACAGTCTT
TGATAGCCAAAACCTTTCCTGGTCAATTCCGGACCCCCCAGAAATAACCTT
CTAGTTCAAAAATGGGCTCTTAAACACCCCTGACCCATTGTTTCTTCTT
CTGGGCAGCCAGTTGCAAGCCCCTGCAACACTTAACTTGTTGCCCAAGG
AAGAGGGTGTCCAGCATTCCAGTTGGAAAAAACACTTCCTCAAGGGCTCT
TGCGGGGGAAGCCTTCAAGGGGGCCAAGGGGGCTTGGCTTTNTTTCAACCA
TTAAGGCCCAAGGTTTTAATTATTGGCCTTTAGGTGGACCCTCCCCCCCG
TTGAAAACCTTTTGGGGCTGGAAATTGGCCCAAGAAGAATTTTCCCAAAAT
TTTTAATTTTTGATT

>Sequence 1325

CCGGGCAGGTACAAATCTAAAACACAAACATCACCTTTACAAAACAAAAT
TGTTGATTAATAATTATCTTTTTTCATAACTATCTCATAACTTTATGACTA
CAGGCCCACCATTTAACAACCTTACATAAACTAACATGTGCTT
TTAATGCTGACCTTAGTTTAAAAAGCCTGCCAGTATGGAATGACATTCAA
ATAAAATAAAACCAAATTTAAAAAGAACAGAAATGCAAACTCAACAATAT
TCCCATCTTTTGAATCCTGACAATGTAGAAGTCAAATTCATAATCATCCT
AAAAACCAAGGGGAGTCATACGACCCTGTATGTCTCTTTCAGTCTAGGA
ATAATGCAAACAGCAAGAAGA

>Sequence 1326

CCGGGCAGGTACAAGCGATTCCCCTGCCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACA
GGCATGCCATCACGCCTGGCTTATTTGTATTTTATAGTAGAGATGGGGTTT
CTCCATGTTGGTCAGGTTAGTCTCGAACTCCCAACCTCACGTGATCCACC
CACCTCAGCCTTCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTCAGCCACCACGCCC
AGCCCCAGAATACAAATTTTAAACATTTAGTATAATTAGACAGTCATGGC
ATTTTAAGGTCAGAGCTTCTTACTCAAATGCAGCTCTTTTCTGTAAGGAC
AATAAAATGTTAATTTTTACTCAGTTAACATTCTAAATTAGTGTTTTAAG
GTCATCTCTTTTACTTAGAAGACAGTTGTTGGCCAAGAAACGTTTACTGA
ACCAGCTTTAG

>Sequence 1327

GGCATGATCGAATAATCTGATATGCGANNGATCTCCGCGAGGTGCNNGCC
GAGGTACTTAGCAGTTTTGTGACCTAGAGTCAGTGCTTTGAGTATTTGAG
CCTTAGCTNCTGNGTCTATAAAATGGGGTTTACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTAAGATTAGATTGCACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GAAGTGTTGCTGATTAGCATTTGAAAATTCCATCCTGTGGGTGAGAAAAC
CCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAACCAACCTCCCCTGATGAAGC
TGGAGGTAGCAGAACCTTGTTTTTACTGCCTTCCTTTGCAGCTTAGAGGC
CGGCACAAGGACTAGCCCGGCAATTGGAATGCAAATGCCTCCAGGCCCTT
GAATTCACAACCTTGGGGACTTTGGACCCCAAAGTTTATTACTTATTGGG
CT

>Sequence 1328

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG

Table 3

250/1077

GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTTCCGATTTTGAA
AAGGAAGTTCCCAAAGTGAGCCTTTACCAATGGAGAGGAAAACAGACGAG
AAAAATCTTGATGGCTTTACAAGGCATGCAACAAACAAAATGGAATACTG
TGATGACATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACACGGGGCAGAGG
GTCAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCAT
TTCATATTTCTAACCCCTCAAAACAA

>Sequence 1329

CCGGGCAGGTACAATGGAGGAATACAAAGAGGGACATGCTGCAGCCTGTC
TAGGTTAAGGTGTTTGATGCTTATGATGTGGCCAGTTGATGCTGGTTCTA
GAGGCTTGTCCTGAAAGCAGCTTTCCTCTTTATGTGTCCCACTTGGATT
TCTTTGAGCTAAACTTTCATGAAGACAGGAGAAATGCTTACATCTTAATA
ACTTCAAGAGGACATTTTGGTTGGCAAGAGACATTGGGTTGATGCAAACC
ATTGGTTACTTCCGAGTATGGTAAGGAGTCTGTTGTGTGGTGTGCAGGTC
CCGTCACCTTGTCTTCACTGAAGGATTCCTCTTACTGAGAAATCTATA
ACATTACCTGCTGCAACAGCTGTGCCCTTTTGTTCCTTTGGATAATCC
TGGCTTCTTTT

>Sequence 1330

TGTTNTTAGCAGCCGCGCACAGAATACTTAGGGCGGATTGGTTCTACCTC
CACGGGGCGGGCGAGGTACTGAGTTCATTAGATAGAATTAAACATGAAG
AAATAAAACAAATAGTTTGACAAGCAGTGGGGGTCCTAAACACAACATT
CCTAAGTAATTCAGTTGTCAGAAGTGCAGTTCCTCAAATGCAGTTAGTATC
TTTAGAGGAGTTAGAAGTTCTGATTATCAGGCTCTGTAGAATTTTTTTC
ATCCTGAGAGAGATGAGGGTGATCCCATGATAGAGCAGAGAAAACACTCA
AGAGGTGGAGTTCTAGCCTAGCTGTGCCTTTTACTAGCTCTTTGACTTTT
GGACACTTCGTTTAATGTTTGGGGCTTTAAGTTACTGGGCAGTGGAATGA
AAAGTCAGGGGGGAATAATCCCTACATTTCTACCAGTTTCAAATTCCTT
TAATTCAAATAAATTAAGGTCATTAAAAAAG

>Sequence 1331

AGGTACTTTTAAATGAAATTCATATAAGTTGATTTATTTCTCTTTGGCCT
TTAGATAGCATTTGAGGGTTAGGTAATGAAGATAATCACTCAAAGTTTCT
GTAGAAATCTTTATTCTTACCAGTTGTTGGGTTTTTATTCATGAGGAAAA
TATTTCTCTTAATGTCTGATTCATCATCCTACCTTTTCTGGTTGAATAA
CTATTATTCTAATTCTGGCCAACATCAAACCTTGAAACATTGCCATCATTCT
GGCTGGCCTTCCTTCCTTAGTGCCTCTTCTGTTTTGTTTCTTTCAGATAT
TATTGTCAGTATAATTTTAGGATGATGAAATAAAAATGTTAATGCTAGAG
AGGATGTTT

>Sequence 1332

AGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAAAGAAT
GAGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAGACAAA
ATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCCTTACATGTAAAA
ACAGGCACCTATAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGATGT
TTTTAAAGTGAAGCTTGAAGTTATTTGGGAGACAATTCATTGTTTACAA
TAAAAACTTGCCAAATTCCTTTGGGATAAAGGAAAGCAGAGATTCCCGAG
CATGGGGACCAAATGGAAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACC
AGGGCAGAATGCATCTCTTCCTTTCTCTTGGCTTTCCTGGATAAGA

>Sequence 1333

CCGGGCAGGTACTAACATTTGTAGAGAATTTTGTAGTTTACAGAGCACTT
TTTCCTCATTTTATTATTTGTTTTTACAACCATCTGGTGACATTAAAGG
GTAGCAGAGAAATATGGGGAAGTGGGTGGGGGATGAGACTAATGGCAGAG
ACTGTGTGTGTTAGGAGGAGTGGTTGTGCGGAGATACTTAAAGGGATTGA
ATGCAACAGTTCATTCATTTGATTGAACAAATTGAAAATTCATAAATATT
CTGGAACCATCAAAAGATTTTCAGGTAAGGAAGCATCCTGTTCTCTTTTG
GATGATCTTAACATTTTTAACTTGAGCATCTGTATTCATGGATAATTTT
ATGAGCCATGATTGAGGAATGTAAGCTGGCGCTTTTG

>Sequence 1334

Table 3

251/1077

AGGTACCTAAAGTAGGATTCAAGCCCTATTAGATTTTGAGATCACATTTT
AAGAGAAAGAATACAAAATTAGGCACGAAAGTGAGTATTTATTCATGTAG
AGAAAATAAAACATAGCAAAATATGAATTTTAAAAAGTTAACAAATACCA
CACAAAATTATAAACTGCAGAAAAAAGTAACTATATTGGTGTTTTGTAAA
TAACATGATCCTCTAGAGTTTTTTTCATTTTTTAATCCATTTTTGGCTATA
TATTCTTCAATTGCCTCTGCACATGACTTCAATTTGGTAATATCACACAA
CTAATTACACGGTAAAATTATTTTGGGTAATAACCCAGTATTGTTCTCT
TCCAGCCCTGCAGTGAAAGCTGCCCATCAGACTCTGAGGAGGCTGCATAA
TTAAACTCTACTGTTTCA

>Sequence 1335

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGCTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACTGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATGTTTAGGGATTTAAAAATCATAA

>Sequence 1336

AGGTACCTTTGGGACCAGATGCTGCTTATCCAACAGCCCTTATCTCCTTT
CTTGCTAGTAGACATGACTGAACTTTCTAGTCTACACGACTCAAAGGATC
ATTCATTAATCTAAGCCACTCCTGATGGATGATCTTACTTGCTTTGCCAA
TGACAGGAGTGAGATGACCCATTTCTAGCAAAGCCATGAGGCCGTATCTG
CTGGAGCTTCCAGGGGAAGACTTCCTTGCTTTAGAAGGACACAGAAAAAT
CTGTCTCTCTTTTGCCAGACACGGTTCTGTGAGCATTTCCTTCCCAGAAT
TACAGTAGCCATATTGGGACCATGAGGCGAACTGGCCTGAGGATAAACAT
GGAGGATGGCAGAGCACAAAAATTTCAAGAACTGAGTG

>Sequence 1337

GCCGCCCCGGCCAGGTCCCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTC
AAGATCGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCAC
CCTGTCCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGA
AGATACAGCGCCCGCGTCCTGGGGTTGCTGGTGAAATTAGACGCCCTTCG
CTTGTGGGGTTGCTTGGTATTGGGTGCCCGTGTCTATTTTGGTCACAGGG
ACACTACCGCTTTGAGGGTCTTGTAATTTGAACTCTTCTTGAAGGGAGGG
CTCGATAACTTTGAAGGCTTCGGTTTGGCCAGACCCGGTTATTTGAATAA
AACTTACCTAGCGGTTTGGGGTCTTTATTTTTTCATACTCGGCCTGTATA
TATGGTGGGATACCTGTAATTCTTGAGTTTGGCCATTTGCCCCGGGATAA
GAAGACTCCTGTCCCCCTTTCTACTTTGATTTTCTCTTTGGGGTTTTGT
GGC

>Sequence 1338

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAATCATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTCAGTAT
TTGGGTATGGAACCTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTCA
GACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATAA
GATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACACGAGTAA
GAATTCAGTAAATGTTGACCGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAGT
TTGAAGACACAATTGCATAAACTG

>Sequence 1339

CCAGCGGGCGGCGGCCGAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTAT
TTGGAGAATAAAAGAAAATATGCCGTCATCAAAGTAGAGCGTGTTGGGGG
GCATCTGGTTTACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGT
GACATCTGCCAGCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTCC
TTGGGCAAATGTTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCT
CAAGGTCTTTTGGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGGCTGGA
GTCTAATCTCTTCTTGCCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATG

Table 3

252/1077

TTAGGACTTGGCTTTGACTGAGGTTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGGC
TGT

>Sequence 1340

AGGTACCTGGCTGGAGTTTGGCTTCATCCAGAAGACAATGAGGTCATCTT
GTTTGAGAAGATGATGAGTGGCTCAGATGTCAAATCTACAGACAAGCCCA
CGCTGTAAAACTGTGTCTGAACATTTTTTCTTTTTGAGATGGAGTCTCGC
TTTGTGCCCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCACAATCTCTGCTCACTGCAAGC
TCAGCCTCTCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCCAGCAGCT
GGGACTGCAGGTGCACGCCACCACGCCTGGCTGATTTTTTGTGTTTTTAG
TAGAGATGGGGTTTCACCAAGTTAGCCAGCTTGGGCCCAATCTCCTGACC
TTGTGATCTGCTTTGCTTAACCTCCCAGAGTACCTGCCGGTGCGGACGCT
GAAGTTAGAG

>Sequence 1341

AGGTACTTAACACTATATTGAGATTGTTATTTTAACTGGAATTCTAAGAT
TTGTGAACTGTAAATGAAAAACATACTCATTAAATTTTATTTTTTCTTGA
TACTCAAATCATATTTATAAAAAAAGGATTTTTTTTTTTTTTTTGAAT
GGAGTCCTGCTCTGTACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCACGATCTCGGCT
CACTGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCACGCCATTCTCCTTCCTCAGCCTC
CTGAGTAGCTGGGACTACAGGCGCTTGCCACCACGCCC GGCTAATTTTTT
GTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTAGCCAGGATGGTTCTCA
ATCTCCTGACCTCGTGATCTGCCACCTAGGCCTC

>Sequence 1342

CCGGGCAGGTACCTTTAGACTAGCATCAGCCATACAGAATGCAGTAAAAT
ATGAGGCTGGCTATGTAGGATGAAGAGTAATTGCTTGACCCTACCTTACA
GTTATTCTTAGTCTCAAAAAAGTGAAGGTCTTATCGGTCCTGGCAAGCTA
CTAGTAAGCTAGCAAAATTACAACCTTTTTGTGCTGGATTTAGTAAAAAA
TGTTTAACTTCTTCTTAGGCAAAGAAAAAAATCCCTACATAAATGCACAG
ACATCTATAATTTATAACAGAAAGGAAAGAAATGATTCAGTGTGTTTCAT
GCAAAATTTTTCAAAGGCGTCTAACGTCTCCATTTAATAGAAGCCATAAA
ATACTCCTAAACTGAGATTTTCAT

>Sequence 1343

AGGTACATTGCTTCTGTTCTCTGTCACTCTGTTTCTGTGCCAGAAGACAC
ATTGCTTCTCCTCATTCTCTTATGCAGTGCTGTTTAAGTGGTGGTCCACA
AATTGTTGCTGGATGGTGATGAGATCGATTAGGAGTTTATACCTCAATGT
AAATTAATGCACTTCCTTCCTTCTTAAGAATGTCTTGCCATGAAAATAT
CAGCATGCCTGTGGATGTCATTGATTTAAATGAGGGCACAAGTTCCGTAT
TTCCTTGCAGATGGGTCCAGACTGTTTGCAGACTGGCCATGGTCCTTGGG
CCACACTGGAAGAAGAACTGGGCTAAGTATTTTTTATGCCTGTGATTTAA
CTTCTCCAATAAACCGCAGCTCTTGTAGGATATGATGGTCGCTGTCAGGC
AAGGACTAGATT

>Sequence 1344

AGGTACGCGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTGCCTCAT
TTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGG
GAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTT
TTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGAC
ATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTC
AACTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCA
CTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGC

>Sequence 1345

CCGGGCAGGACGCGGGGAAAGTCCTCAGTAAAATACTGGCAAACATAATC
CAGCAGCACATCAAAAAGCTTATCCACCACAATCAAGTCGGCTTCATCCC
TGGGATGCAAAGCTCATTCAACATACCAAAATCAATAAATGGTAATCCCA
TAACATGAAACAGAAACCAATTGACCAAAAACCCACATGATTTATCTCAA
TTAGATTGCAGAAAAGGGCCTTCGAATAAAAATTCAAGCACCCCTTTCA
TGCCTAAAAAACTTCTCAATAAAACCTAGGTTTTTTGATTGGGAACATTA

Table 3

253/1077

TTCTTCAAAGTTAATTAAGTAGGCTTATTTTTATTGACAAAACCCCCACA
AAGCCAAATTATCATTACTTCAGATGGNGGCAAAAAAACCTGGGGAGACA
ATTTCCACTTTTGAAAAAACCCGGGCATCAAAGAACAAAGGGATGGCCTG
TTCTTCTTCAACTAACTTTTGGAATTCAAACCATAATTTGTTTGGAAGT
TTCCTGGCC

>Sequence 1346

CCGGGCAGGTACAGCTAAACTCCACCGCAGAGCAAGCAAACCCAATCTGG
CACACAGCTTTTGGGGGTTTCCTCTCCTACTATGGCCCCTAGCCCTGTGC
CCAGACATAGTGAAGGGTCAGTAATGTTGGCTACATTGATCTGCAAATCT
ACTACACCCTCAGCCAAGCCAGTCTGTTGAACAAACATCCCCATAAAAC
CCACCGGATCTGCCCTAAAGCCCAAAGAGCCTTGGCCCCCCCACCTATTGG
GAACATCTTTCCAAAAATACCACCCTTTCAAAGGAACTCCCCTGAGAAT
GGGGGTGGGAAGTCTAATGCATATATTTTGCTCTGCTATGTGTGAAGCAT
GGTATATCCACTACTTTATTCAGCCTTTG

>Sequence 1347

CCGGGCAGGTACATCCCAGCTGATTCAGTATCTCCTTCTCTTTGAAAAC
CTCACAGAACTGCCCTATAACTTCTACTGACATCTCATCTCAATGGCTA
GATCAGTGCTATATAACAAAACCTTTCTGCAGTGATAGAAATGTTCTATAT
CTGAACTATCCAAGAAGGTAGCCTACTAACCCTTATGACTGTTTAGCA
TTTAAATGTCACCTTGTGGAAGTACAAAATCAACTTTTAATTTTACTTG
ATTTTAATAAATTTAAATTTAAATAGATACATGTGTCTAGTGGCTACCAC
AATAAATAGTGCAGGGCTAGACCTTAATCACATCACTACCCCATCTGCAA
GAAAAGCTGGAAAATGAAAGTTTGGAGCTAAACACGTTGCTACCCTCCAC
AAAATTATGTTTTTCTTAGTAAGGAAAAA

>Sequence 1348

CCGGCAGGTACTTGGTTCTCGTCCTCAGTTCTCTTTGCACTCTCTCTCTC
TTTACAGATATATGAAGTCAACTTGCCCTCTTCTGATGCCACCAATACTT
CCAGTGCTAACCTCTCATGTAAAGTCTGAGACCCTTGTCTAACTGCTCCCT
ACCTTCTCCACCTGCGGGTCTCATTCAACCTTCATTTCAAAGGTTCTAAA
ATGGAAGTCAATTAATTTCTACTAACTTGTCCCTTTGCCAGAGCCCTTG
GGACCTAGCTAATATCCTCTGCCACTCCAGGTCTTGTGTTGGACCCACGTT
CATCAACCAGTCATTTGTTGTCTGCTTAGTCCTGATGTTTATATTGCCTT
AATTCTTCTCACATCCATCTCCCTCCTTCCCATCCTCATCTCTTACCTAA
GCCATTAATTACCATGTTTATCCACCTGCAAAGTCCCTCCATTCAATTCTA
TTCTAAGCAAGGTAAAAGTTCAAATCATCCTCCTATTGAGAAGTCTTTA
ACAGCTTTGCATGGCCTGCGATTAGTCCGTTTTACATTGCTATAAAGAA
CTACCCTGAGACTGCGTAATTTATAAAGAAAAGAAGTTAAATTGACTCAC
GGGTCTACATGGCTAGGGGAGGCCTCAGGAACTTATTAATCAAAGGGGA
AAGGCAAAGGGGGCAGCCAAGGACCATTTTTATAATGGGGGGCCCGGGGAG
AGAAAAAAGCAAAAGTTTTTTAGGGGGGGGGGGGGGGGTAAAAATTTT
TTAGGCCCCCCCCCAATATAAAA

>Sequence 1349

CCGGGCAGGTACTGAAACAGGAGGCTGATACAGGACTTGTGCTTAGCTGA
CTGAGCAGCCCATGAAGCAGTGACCCGTGGTTCTTCCTCTATCCCTCCCT
ATACTCAACTCCTCTCAAAGTCTTTTGTCTATGTCATTTTCTCCCTTCA
CTTTTCTCATGCCTTCTCCTCCTCTGCTCTGCCTCTGCTATAAGCCTGTC
TGTGCAATCCAGGCTCACTGCAAGGTCTTCATGTTGGGACACCGAGCTAC
TAGGGTTTCTCATCTTTGACAGAGAAAACGGGGATGATTGACATATAGCA
ACTTTAACTGGGGCCTCCCCAAAGTCCAAATCTGAATGTCTTTAAAAAC
AATGAAGAATCAAGTTAATGAGTCAAGTCTGTCTAA

>Sequence 1350

AGGTACTATGGATCCACTCAACCAGAATTTCTAGGGTCTGGATAAATTTGC
ACATTATCAAGTCTCCTGGGTGATCTTATACAACCCAAGTTTGAGAAGCA
TCAATATAGGTCATAAGGAATTACTAAGCTTTAAGCAGATCAATTTTGTA
TTTTAGGGTGATTATTGTAATAGCAGTGTGAAAGCAGTGTTAATCTCCCC
CCAGTCTCTTCCATACAGCCTATTTATAATAGCACACACACAAAATTCTG

Table 3

254/1077

CTATTTACCTGACAATTTTTACAGCAGTGTGGAAAGTAAAAGAGGAGAGT
AGAAAGGTAGAAGGACAGGTAGGGACAGTAAAGTGAAATGAGAAAGGAAT
AAACTAAGGCAGTGATTATGAGAAAAGATGGGGCTAAAGTCCAGAGACAT
TT

>Sequence 1351

AGGTACACACTTAATGGGTTTTCAAGAAGATGGGATTGTTTTTTCTTGGC
CATATAATATAAATGTATAATAAATTTGCTCTCTTTGTAATTAATAATTAA
GAGACAGTAGCTCAGCTAGGCCTTTTAAATGTCTATATAACCCAACACCA
CCATAAGTCCAGCTCAATTTTTTTGTGACCTGTTTTTCTCATGGGCTAGCT
CAAAGATTTTTTTTTTTAAGGCAGCAGCAAGATGAGGTTTTAAAAAGGCT
TTGTTAGGGCAATTAGACATTTTCATTTTTCAAGCTGATTATAGCATTTA
TCACTTACATTGAAATTTAGTATTTGCATTTTGCCTCTACGCTTAGAATG
TTACCCAACAATATGGTCACCACACAAGTTGATTCACAGGGTGTGTTTGC
ACATTTCTCCAGTTTTTTTGATTAAGATA

>Sequence 1352

AGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAACAGTCT
TTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAAAGACAG
ATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTAGAGGATGAGCAT
GTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGTGGTAGT
GTTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAACTGGAAG
CAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGATAGAGCCTTGGGCAGAGGTGA
GAACATCTGCAGGAGGGAAGGGAAGTTGATAGAAGGGAAAGGGTGTGCAA
AATGTGGGCAGGAAGGAAGTTTTGAGTTAAAGTTTCCATT

>Sequence 1353

AGGTCCTTTTTCTTTTGGGTAGTTTTTTTTAAATATGGAGTTTTAGATTG
CATTTTAAAAATTGCCTATTGTTACTACATTCCTAAGCTCTTTCAATATC
TCAAGGATACTGATACACCTATGGAATCCCTTGATATCTCCTTGCAGATT
CGCCCCCTCCTGTTAGCTCCTCTCTTCCCTATGTTGCCCTCCTGCTTTACG
AGACTGATTGCTTTCCACATCACTGCACAGTGGACATTCTGGCATTGACT
TTCATTGTCATCCTGCGTTGGAGACCATATATCTCTTTTTTTCTTAGTTA
ATCCCTCATTTTGCTTATCACACTGTCAGTAACTTTGTATAAAAGGACA
AATTAAGGTTAAAATTTTTTGGAGTTTTTTTTTTTGGCCCCAGCTTTTCT
ATATATATTTTTTTCATGC

>Sequence 1354

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGAATGGAAACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGA
GCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGT
TTAACTTCTTCTTCTTTATTCCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAG
TGGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATGTCTAGGGATTAAAAATCATAGAGGGTGGCGCTAGGAAATATAG
AAAATGCCAATGAAAG

>Sequence 1355

AGGTACTATGGATCCACTCAACCAGAATTTCTAGGGTCTGGATAATTTGC
ACATTATCAAGTCTCCTGGGTGATCTTATACAACCCAAGTTTGAGAAGCA
TCAATATAGGTCATAAGGAATTACTAAGCTTTAAGCAGATCAATTTTGTA
TTTTAGGGTGATTATTGTAATAGCAGTGTGAAAGCAGTGTTAATCTCCCC
CCAGTCTCTTCCATACAGCCTATTTATAATAGCACACACACAAAATTCTG
CTATTTACCTGACAATTTTTACAGCAGTGTGGAAAGTAAAAGAGGAGAGT
AGAAAGGTAGAAGGACAGGTAGGGACAGTAAAGTGAAATGAGAAAGGAAT
AAACTAAGGCA

>Sequence 1356

AGGTACGCGGGCGAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTT
TTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAG
AAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACCATGGCCTACATTGGATTT

Table 3

255/1077

GTGAGGAAAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTT
GCCCCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGGAAGACCCTTGGAGAAGTCATCAA
TGCGTTGAAACAACTTGGCATGTTTCCTGTTTTGTGTGTGTAGCCTGTG
GAAAGCCCATTTCGGAACAATGTTTTTCACTTGGAGGATGGTGAACCCTAC
TGGGAGACTGATTATTATGCCCTCTTTG

>Sequence 1357

CCGGGCAGGTACTGACACAATATGAACTGGAGTTTAGAAGGAGAGGGTCT
CATTCTGAATGGTGAAATAGAACAAATAACTGGCTACTGAAAAATAGAGT
TGGA AATTGTATGTGATTAGGTGTGAATATTTTGGGAAATTAGTTCTGAA
ATAGGCCATCTTCAGAGGAACTGATGTCCTTTGGAGGCTTATTGGTGAAG
GGAGAGAAGGAAGTAAATGAAGGTAAGTGTGCTTTAACAAGATATCAAAG
AATCCAAAAATATCCTCCATAAAGGTGTGTGATTTTTTTAAAGGAAATCG
TGATTTATTTTACAAATAAAGCACTGTGCTCCTGAATGAAAAAACAGCC
CCCCTACACTTGTCCATAAGATTGTTTACTATTGTAACGTGAATAGTTTA
TACCACATGTGAAAAAAAATCCACACAAATTTACTCTCAAACGTTTCT
TTGAACATACAAAAACACGCTAGGCCAGGTGCAGTGGCCAGTTCCTGTAA
TCCCAACACTGGAAGGCCAGGCAAGAGGATTGCTTGAGCCTAAAAGTTC
AAGACCAACCTGGGCCACATAGGAAGACCCCCATCTTACAAATTATTTA
AAAATTAGCCGGGCATGGTAGCACATTCTTGTGGTCCCAGCTACTTTGAG
CAGGAGGATTGT

>Sequence 1358

CCGGGCAGGTACTTTATAATAGTGATAGATCTGTTTCATTGTGGATTTTT
TTTTGGTTAATCTTTATTACTATTCACTAATATTATCTGTGACTAGAATT
ATTCTTCTGTAGAAAAACATCATTGTGATAAGGGATCAAATAGTTTTT
TTGAAAAAGACTTTTTAAAAATTTAGTTTTAAAAAAATATAACTTAAAT
GTGTAGACATTTAATGCTTATCTTTCTCCATATTCCTGCTGATCTGATAT
GTATGTTTTAATTTATTCATTATCGAACATGTGTTAATCATTTAGAGGT
GATGGAGGTTTCAGAGTTGGAAAGGCATCATCATAGTCTAGACAATGAAAC
CCACATAATTAATAATGTATAACCCAATTATTGTTAGTTTAGCAAATAGG
ATTTCAAGAAGCCAGTGCATTTCTCGTGACATGTTACTGGAAATCAAATA
CTTCCCTCATGATGGATATCCTTTCTAACGGCCAGGAACAAGAAAAAGAT
GGGGTATATATATACCTATATATATATATTTTTTTGGTGGAGGGCTGATG
AAGTTTGCCTGTCAACCCTGGCTAATGTGCAATGGTGCAGTTTTAGCCTG
CTGCAATCATTGGCCTATAGTGTTCAAGAATATTTGGTGCTATAAACCGA
ACATGTGGGTAAAGGATAACGGGCTCCTCCTCGCCTGGCGTAGGTAATTTT
TGGTGGATTATAGGAGTACCGGGTCAATTATTAGTATGCACCACGTAGT
ACAGTTTGATCGACTATC

>Sequence 1359

CCGGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATG
ACTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTACCTCTGAAAAGCTACTCATCCA
CAGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGGGAGGAGATCTGGCTTCTC
TCTCCAACCTCTGAACAGATTGGGATCAGAATAGGCCCCCTTTACATCCCT
AGCCAAGATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCCAGGACATAGACAATGGGG
TCTGATGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCCTGGGCAAGAGGCTTTTCC
TGAGGCTGGCAATGCCATTTCTTCAGACTCAGAAAAGGGATTAGGGAGG
GGGAAATGGGGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTACCCTGGAAAA
CTAGGACACAGCTTGTGGGAGCCCACCCAGCAGCTC

>Sequence 1360

CCGGGCAGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTTTAAGAATTTTAATTTTCCTAG
TTCCTTATCTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACATGAG
CTTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTGTTTACTATGGGTTTTATCCAT
TTGTATACTGTTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAATAGCCATAGGAGGT
AGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAAGTGAATTTAAAGTG
TTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAACTAAAGGT
TGTTAGCATAACAATTCAACCAAGATGCAATTGAAACAATATGTCTTTG
CTGTCATGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGGCAGCATATTTGCA

Table 3

256/1077

GTGACTCTCCAAGGCCTGCAAGGTTAGAGCTGGTCTAGGTAGATGTTTGC
AGCTGGAAGTGGGAAAACATCCAGGCAAGCAGGGGGTTAATCCTGGTATT
CTTGCAAAAGTTCAGATCCATGGTATGAAGGCAGTATGAAAAGATATGGG
CAAGGATAGTGGCCCCAGAAAGGCTTAACAATTGTTTACAGGGCCCAGTC
ATGGCAACTGTAACCTC

>Sequence 1361

CCGGGCAGGTACCATGGTGCCTTATACCTACCAGGTATCCAGTAAACAGC
AATGGCTGGTTGACTGGTTGGTTGGTGTGTATCAGAAGGTGAGGAGACGG
GTCAAAAGTCCTCCACTTAAAAAATAACCTTTTTATTTTGAATATTAG
AGTTACAGGACAGCTGCAAAGATAATGCAAAGGTTTCCTATACAGCCTCA
CCTCCACCTTTGAAAATTGGTGTATGGTAGAAGAAAAATAACCCTGAACCA
GTGTGCCCTTGGGCAGGTCACACCACCTTAGCAGGCTCCAGTTTTATCAC
TGAAAGCAAGATAACAGGGTTCGCCTCACTGTCTTAGTCAGCTTGAACCTG
CTATAACAAAATACCATAGCTGGGCACGGTGGCTCGCCTCGCGGCGCCCG
CGTACCT

>Sequence 1362

AGGTACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCCTGGATT
CTGCAGTTGTGGGGTCTGCCTGGTGTGAGTTTTACTGTGGTGGACTCAG
TGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTTCCTGCCA
AGTGGAGAGTATGTCTTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGAAAAGAGG
TGATTTGGATAATGTAAACTGCCCTTCCTATCCTCTTCAACGTATCTTT
TATTATTATTGTGCTACAACCAGACACTGTGATCTTTCATCTGGTTTTCT
TAGATGTTGTAGAGATATTGTGTGCATGGACCAGGTATGGTGGCTCATGC
CTGTAATCCCATTTTGGGAGGCCAAGGCGGGAGGATTGTTTG

>Sequence 1363

CCGGGCAGGTACATTTTAATCCCATTAGTAGATATGTGGTGACTATCATT
TTTCTATTTTGCATATGCTTTATGTAAGATTATATAACTACAGATTTTAG
TGACTTAAGGAAAAGAAAAGGGAAAACACTAAAAGAAAGGCCTTAAAGTC
AGAAGACCTGGTTTTAAATTCCAGTCCCTCCATGTGAGGTCCTCAATTC
CTCCTTTATAAAACACAGATGAAAATGAGATGTCCTTCAAGTCTACAGTG
GATCTGAAGGGAGGGCTATTATTTTCTGTGAGACGAAAAAGAATGTCACT
GACATGGCCATGAATCCGCACAAAACAAAGCGCTGTGTGTACATGGGGGA
CATTGCGCAGTCTCACAAAGAAAATTCCACTTAAAGGGCTTAAAAA

>Sequence 1364

GCCGAGGAACTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACACAGACAC
AGTCTCCCTCTGTGCGCCAGGTTGGAGTGCAGTGCCACAGTCTTGACTCA
CTGCAACCTCCACCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTTGTGCTTCAGCCTCCC
AAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCACCACTGCGCCCAGCCTGCTTCACAT
TTCTTTATGGGATCTTTATTTTCAGTGTGATGAATTGCAAGAGGATGTG
CTCATGGGCGGGGCCCTTCCTTCATCCTCTTCTGGGGTGAGCTGGTTCCA
ACTGAGCCTTACCTGCCTCAGCAAGGGCCTGCTCTTCCTTTCCCTGGGT
GCTTTCCAGTCCCTGGACTTCACAGACCTGTCTTCTCCCTCCTTTCAACT
CTGTTTGCATATGTTC

>Sequence 1365

AGGTACATTTTCTTTTGGGTAGTTTTTCTTAAATATGGAGTTTTAGATTG
CATTTTAAAAATTGCCTATTGTTACTACATTCCTAAGCTCTTTCAATATC
TCAAGGATACTGATACACCTATGGAATCCCTTGATATTCTCCTTGCAGAT
TCGCCCCCTCCTGTTAGCTCCTCTTTTTCCCTATGTTGCCCTTCTGGCTTT
TACGAGACTGATTGCTTTTCACATCACTGCACAGTGGACAATTCTGGCAT
TGACCTTTAATTGGCATCCCTGCGTTGGAAAACCATATATCTTTTTTTTT
TCTTAATTTAATTCCCTCATTTTTTGCTTTATCACACTTGTCAGTAACT
TTTGTAATAAAAGGGACAAAATTAAAGGTTTAAAAATTTTTTTGGGAGTT
TTTTTTTTTTGGGCCCCCAGCTTTTTTTTTATAT

>Sequence 1366

CCGGGCAGGTACGTGCCACCATGCCTAGCTAATTTCTTTCTTATTTTTGA
TAGACACAGGGTGTCACTGTGTTGCTCAAGCTAATTTCAAACCTGTTTATC

Table 3

257/1077

TGAAGCAATGTCCCTGCCTCAGCCTCTCAAAGCGGTGGAATTATAGGCAT
GAGCCAGAGCTCTATTATTCTAAGCTGCGGGCTGAATTAGTTGGATACAA
TAGTGATGACTGTATTCAGGGCAAAGAAGAAAGTAATTGCAGAATTATTC
AATAAAATTTTATGAAGGGTTCTCATACAGAGATATCATGATTAAGAGAT
GGAGAATTATCTTTACTATTAGTGACCTTGCGGTTTTTCCAAGGCTTGGA
AAGGCATCT

>Sequence 1367

CCGGGCAGGTACCACATTGTTTGGATCGCCATAGCTTTGGACTAAACTTC
CCCATTAAACTTTTTCAAACCTTGCCTAGTATATTGTGCAGGCCGGGCAT
GGTGGCTCGCGCCTGTGATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGTGGATGGA
TCGCCTGAGATCGGGAGTTTCGAGACCAGCCTGGATAGCATGGCGAAACCC
CATCTCTACTAAAAATCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAGCTG
GCTGTGGTGATAGGAACCTGTGATCTCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAG
TGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATAGCACCGCCTGGG
CAACGGAGCGAGACTCTGTCTCAAAAAAACAGAAAA

>Sequence 1368

AGGTACAAAAGGATCCGCTACTGTGTGCCTTTCTCTAGCTAGCTCATTTT
ATTCTTGTTATGCATTTCCAGACAATGCATGCTGAGGGCCTACTATGCA
TGAGACACTGTCCTAGGAACAGAGGTGGTTCCCTGGTGGCCCTACTACGT
CATTATCATTGTGGATTTTGGATTGCAGAATATTGAACTGACACATTTT
TGATGGCACATGTCTTGAGGGAGAGACTGCAGTAGGGCAGGTGAATCTTT
GCCACCTGTGCAGACCCTAATGTTTGCCACAATGTTTCGTATTTGGTTGAC
AGCTGATCGTGAGATTTGTCTTGACATTCAGGAGAACTGGGTTATGTA
GCCTCTGGACTTTTAAAATGAGATGGCCAGTGGCGGATCCTTTTTTCT
TGAGAAA

>Sequence 1369

AGGTACCACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCAGTTTTATTTATTTATTTTGGCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCCAGATCACCTGAGGTCAAGAGGTTCAAGATCCAGCCTGG
TCAACATGGTTGAAACCCCTGTCTCCAATTAATA

>Sequence 1370

AGGTACTAGACCTCCCTGTCTCATTCTCATTGAAACATTTTCTTTTGGCT
TTCATAAACCTTTCAGACCAATCTTCCCTCCTCCTTCTACTTGCTCCTTA
AATGTCAATGTTTTCCAGGGTTCCATTCTACATTTTGCTCATTTCTTCA
TCCAACCCTCATTCGCTCTTGACTAAAATTTGACCCTCTCAGAATCAAGA
GGAGTTTGAGATCCTCTTTGCTACCCACACTTGTTTTCAAACCATTA
CCCCTCATCTTAAAAAGCCCTCTGGGCTGGGCACAGTGGCTCAACACTTT
GGGAGGCCAAGGTGGCAGATCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACAAGCCT
GGGTGACAGAGCAAGATTCTGTCTCAAAAAAACAACAAAAAACCT
TTGTTTCTTT

>Sequence 1371

AGGTACCTTCCTCCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTGTCTATCTTTT
AGATGTATATTTGGGAAGTTGCTCCTTGCTGACAATCCTTGAAAAGTGCC
CAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCTGGGCGCGGC
GGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGGCGGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAACTTAGCCGGGCGTGGTGGGCGGGTGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGG
CGGAGCTTGCAGTGAGCCCAGATCTCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGA
CAGAAGGAG

>Sequence 1372

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGATTGAG

Table 3

258/1077

GGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCC
GCCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCAT
CCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTT
GCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAAC
CAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGAT
AAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGTGCTATG
GCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGAT

>Sequence 1373

AGGTACCGGAATTGACGGAGGCTTTTGTTCATTGTGCGGATCTGGAAGCAG
GTGGAGGGTTATGGGAAGGATGTAAGTCACTGGATATATCTTCATATGCA
CCGCGAAACCATAGAAATACAGCTGCACACGCGACGAGTCTTTTCTTTATC
AAGTAGAGGACCATCAGGACCAGGGAGGCGACAATAGAGTCCGCATTACC
GCGGCTGGATACTGCCATAGGCAGGGGGTTAAGAAGCCAAAAGACACAGT
AGCCACAAGCCTGGCGGCGCCCCAGCCCCTTCAGCAGCAGCAGGCGGTAT
AAGAGGAAAGCGGTGAGGAGGTGCGAGCTGATGAAGAGAACTTTCCAAA
GAGCTCGCTGAGGTAGAAGTTGGGAGTGAGGAGCCAACCCAGCAGCGGGG
TGTAACGGTACCTGCCCCGGGCGGCCGC

>Sequence 1374

AGGTACACAAGTAGAACTGTTAAAACCGTGTGGCTTCCAACCTGCTCTAAT
AACTTTAAGATTCACAGTCTTCAACTTTCTTACAGTGGAAGCCATGGGGG
CATTGTCCTGTTGCCTTCTCTCTCATTCCATCATAATGAGAAAAGATGTTA
AGCTTCACTGTACGTAAGTCCCAGTGAACGTCTTCTTCTGATACTCATAA
GGGCCATAAATAGAGAGACTAAGGGCACGAGGTGGGAGTTATTCACCATG
CGTTGACTAACTAAGATACCTCCATAAGTTTTGTCTTCTGCAAATTATC
TCTAAACTGCGGATGTCTCTCGGGTGCTCCTATGTGCTTCCGATTCTTCC
TTCTCTTAATTATATCTCTACGGCTTATCTGATTGTATTTATGTCCTACA
TTCTTTCTTAATAAATACCTGGATATTTTTATTAAATGAACAAAATTACG
CAAATGAATTTTATATTCTTTATTTCTGTTCTCTCACTTTTACTCTACCT
CTTTATATACACTACTGACGAATTTCCCTCCATACCGATAATTACTTTTTT
TCTTCCTCATTGTTATACCTATCGTCTTACTTTATAATTTCCCTATTTT
ATACATTATTCATTCTTGACATTATTCATATTAGTTTNTCAATCACTCTC
ATTGTCACTTTGTTTCTCGGTTCTGAGACATTGACCCTACACGGCTATTA
GCTTTCACATCTTTTCTCTCACTAATATCTATCTTTATTTTCTTTCTTAT
ATATTACTCACATAGTATATTATTCAATATGTTTCGTTTTAACCTCCTTT
TGTAGATTTTGTGTATATTCAACTGTCATTCTCTTATTCTCTAAATTCTT
ACTTCACACTACTTTCGCGATTAGTTGTATTCGATCACCTACTCACTCTC
ATATACCTCCTATG

>Sequence 1375

CCGGGCAGGTACATATATTAGAACGATATTTTTATATGCAAGAAAACCGA
GACTGAGAGAGGTTAATAAACGCGTTTGAAAGCACATAACTGGTAAGTGG
CAGCTCAGGATTCAAGAGGGCCCATGTTCTTTCTGCTACATAACACTGCT
TTAAGTCCTCATTATCCATGGGATTGAAAAAGTGAAAAATAGATCCTTTA
AATTACTCTCCACACTCCTCCCACCCATAAATTTTTTTTTTTTTTTTTT
AGATGGAGTTTTGCTCTTGTTGCCAGTCTGGAGTGCAATGACACGATCT
CAGCTCACTGCGACCTTCACCTCCTGGTTTCACGCGATTCTCCTGCTTCA
GCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAGGTGCCAC

>Sequence 1376

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGTCTGCTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCTCCTCTGCTCAACTTCTGA
GCTGGTGTCAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGAAGT
CTGGCCAATTCCTTTAACCCCTGGCCTTTTACCATGCCCGGGATGCTTAT

>Sequence 1377

Table 3

259/1077

AGGTACAGTGACAACAGTAAGGCCAGAAATCCAGTTTGGGAATCAATATGT
TGTTTTCAAAATGACTGATTATAATCAAAATATTTTCATAAAAATTGATTC
TAATGTAGCTAACTAAGATTCTAGAGGATGTTAAGAAGTCTTTTTTTTCT
TTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTGGAAAGAGGTGTCTTTGGCTTTAGTACGC
CCAGGCCTGGAGTTGCCGGTGGCTCCAATTCTCAGGCTCAACTGCAACCC
TCCCGCCATCCTGGGTTTGCAAGCAATTTCTTCCTGGCCTTCAGCCCTTC
CCAAGTTAGCTTGGGGATTTCAGGCAATGTTGCCAACCACAAACCCAGC
CTGATTTTTTGTATTTTTTTAGTTATGAGAACAGGGGTTTCAACCATGTT
TGGCCCAGGCCTGGTCCTTGAACCTCCTGAACCTCAGGTTGATTCTGCCC
CGGCCTTTAGCCTCCCAAAGTGCCTGAGAATTACAGGCAATTAG

>Sequence 1378

AGGTACCGCAGTGCCTGAGTCAGGTATCCATTTGCATTGTGAAAGGAGCC
TGAGGTGTGAAACAGTTCTGGGTTCTTTGCGCACCCAGCTGGCTGGCTTC
CTGTGAACTGGCTGCATTTTCAGATTTTCATTCTCTAGCCAGAAGCTGAAAG
GCAGGAGCCCTTTGAAGAGATACAGGGAAGCAAAGAGGGTTATCCAGATG
AGAAGGAAGGGAAAGGGGGCGTGACAACTCCTTGGAGGGAATTTCCCCAG
TGGGAACTGCCTCTGGAGGAGCTTACACAGGGCACATCAATGGGAAACCA
CGTCTGGTCTGCTCGGAAGCCCTGGGGGGCCTCTTGCAACATGCAGGCA
GGCTCCCCAACTCAACCCTCTCTCTCTACCAGAAGCGCATGGACTGGGC
CTGCTTCCCCCTTCT

>Sequence 1379

CCGGGCAGGTACACACACACGTGCACAAATACACAGCTAAAGAGGGGGAA
TTCATCAATGGCCTTCTGAAATACTTCGCACACCAAGAGGAAAGAAGAGG
CAGCCCACAGCAAGGCAATGTATCTTCCTCTGCCTTCTCTGAAGTTTGCT
CCCAAATCTGAAGGCTGACCTTGAGGAGGGCCAACCTCAAGGCTGTTTGT
GAAACCCAGGGAGGCATTCTGGGGGAAAGACAGGGCTCATAATTAGTGTT
CAGTGGGTTCTTTCAAAGTCCAGGCCACAGAGGCAGTGTGGGGCCGGGC
ACTGGTTCTGCCCTTTTCCCCACTGATTGTAAACAACCGAGCACTGCGCG
TAGTGTACAGACCAGCTGCTGTAAAGTCTATTAACCTAATTTCAAACN

>Sequence 1380

CCGGGCAGGTACATTATTTGCCTAATTACCTATGTCGTTGAGTCATTGAG
AAAATTAATGAAATGATCAGAACTCATCTTAATGACAGAGGAGACTCTC
CAAACATAATGCAAAGAAGATATAATCCACTGATAAATAATTTTAAGGTG
ACTTTTATTTTTTTTTTAACCGGGAAGTATTTGTGGTTTTTTTCGAATTGGC
ATTTGTTAAATAATACCCACATAAGGGGTTTCCTTTTACACATTTAATTA
TTTGAGGGGGGGTAATAGAACATATATCAGAAATATTGGCGTGGGGCTGG
ATTTGCATTATATGTGATATTTTACCAGAAGGGGAAAGAAATGGGATTTT
TTTTTGTGGTGTGGTGGTGTGAAGAATGGTTCTCTTCTGTTACCTCA
GGGCTTGGAAGCGCAATTGGTTGGCGAACCTTCGGGTTCACTTGGCAGCC
CTTCTGGCG

>Sequence 1381

AGGTACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTCCGTCTCCAA
AAAAAACTTTGCTTGTATATTATTTTTGACTCACAGTTAAATTGAATAGA
CAGCCCACACATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTTAGGG
GGTTAATCCCAATAATTTTGTAAAGGAACCTCAAACCCAGAAATTGAGAAAA
CAATGCTTTACTAAAAAAATAAAGTAAAAGGGAGTTGGAATTAGGAACAT
TTTTCTTAAAAAAACATGAACATTACAATAAAGGGCCCAGGATTTTTTTT
ATTCAAAAAACATGGTTTGGATTAAACATAAAAAACCATTTCAAACAATTT
TTCCTTAAATTTAATTTTACAGGAAGTAAAATTAAGGAATTGGTTCCAAATA
AACACCCTTGTGAAAGAAATTATTTTAATTCTTTACCCAAAGGAAAGGTT
TTACCCCTTGGGAGGGGGTTTAATTTTAATTAATAAAAAAG

>Sequence 1382

CCGGGCAGGTACCTAAGATAGAGCTGTTAGAATTTAGATAGACATTAGAT
AGACAGTGAAAATATTTTAGTCTACAGTTGAACTGTAACAATATTGGTA
TTGTTCTCAACTACCCCTGGTCTAGTTAAGGGCTTTCAAGTATGTGTTG
GACCCAGTATTTTCATGTCCACCATCTAGATAGTCCTTGGTCTATTTC

Table 3

260/1077

ACCCCATGTGCTTTCTGGTGGGATGATCACATCTGCACCTCTAGTCCCCA
AGCTGTTCCCTGAGCTCTGTGTCCTCACTGTCTCCACATGGAGTGTCCCCT
TCCACCTCAAACCTTGACAAGGGATTGTGTTTTCCACACCACCTGCTCCT
CCTGGATTCCAGCCCAGTCTGTCCTTCCTTTTCTGGGTGG

>Sequence 1383

CCGGGCAGGTACAGTGACGTGATCCCGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCC
GGGTTCAAGCGATTCTTCTGCCTCAGTTTCCCGAGTAGCTGGGACTACAG
GCATGTGCCACCATGCCCCGGCTAATTTTTTATTTTATAGTAGAGGTAAGGT
TTCATCATATTGACCAGGCTGGTCTCGACCTCCTGACCTCATATCCACCC
ACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCAACGCACCTG
GCCTAAAAAATAGATTTTTAAAGAGCTGTTTTAGGCCACAGCATCTGA
TTCCATTGTAAGCCTGATTTTCCCAGTCTGCTCTGAAGCGGAACCAGGTA
ACTCTAATATGACTTTTAAAATAAATGCATGCTAACAGGCAAAAATAGAT
GTTGCTTTTGAAGCTAAAATTTGTTTCACGTCTCCCTTCTAGACTGAAAG
CTTCACAAGGGCAGGGTTGCAATCTGTTTTAGTTACCCCTGAATCCCCAG
AGTTCACCTGTGCCTGGCACACAAGCACTCAGTATTTGATGAATGAATCA
AAGTAGCAAGGAATTTTTTGTCAAAGACTCATGTTGCATAGCCTTCAAGA
GTACCT

>Sequence 1384

CCGGGCAGGTACTTGAATACCTCTTTCCTCTAGAATACAGTGATCCTAT
TCCCCAAAGTGCAAGCTTTCATGTGGAAGCATCCTAAGTGATCGTCTGG
GTGATGCCATATTTCACTAAAGTGGGAAAAGAAGAGGTGAACTTTGCTCT
TTCAACAAGGCTTGCACTTTATACTTTGGGCAGTGCATGGGAGAAGGGGG
GCCCTTAGAGGTGAGCAGGATCACTGTAGCTAGAGGAGAGGTCTCACTGA
AACAGAACGCATCTGTGACTGTAGCTTGCATGGAGAGCCTAGACAGCCAA
CCATGGATTTGCCTTTATGTTTTGAATGGAAACATCTATTTCAATTGGGA
TAGAAACCTTTACCTATGTCATATCTGTAAGAGAATTTAGCTTATAGATA
TGTAAGATACGTGTGTGTGTTGCTGGGTGGGGAG

>Sequence 1385

CCGGCCAGGTCCCGAAGGAAGGCCAGGTGCAGTGGCTCACGCCCAGCACT
TTGGGAGGCTGAGGTGGGAGGATCCCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGGTTAC
AGTGAGCTATGATAGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGATTTTGT
CTTAAAAAAGTTGATATGAGTTTTATTTTCTGTCCGTTTGA
AATATTTTGTAAATATTCCTGCATTCTCTGTCGTCTGCCTTTTCCACACA
ATGTCCTTTGCTTTTCATGTTTGTATCTTCTTTTCTGTTCACTCAGAGG
TCATCAATTTCTTTCTTTCCGTCCTTAATTGGATTATTTTCTTTTGGCC
TTTGGGCACAGAGTCTGACCTTTGGACCA

>Sequence 1386

AGGTACCAGCCGCTAAGCATACAAAGATTCAAGGTTAAAAAATCCTCTC
TTCATTCAAAAAGTTCAGCGTCTAGTAGGATGAATAAATGAATGAATGAA
TAAACCAAGTGAAACACTGCCAAGTGCTATTGTTTAGATCTAACCAAGCC
TGCAGAGGGAACAGTGGACTCTACCTGGGAAGATTAAGAAGATCTTACCC
AAGTGGGGACAGGGAACAAGGTCTCAAGGTGTGAGATGTCTTCCAGGTGA
AGAAGCGAGAGAGGGGCCATTCTAGGCAAGGAGAACCCCAAGAGATGGGTCA
AACAAGAGGTTGGAAGTAAGTAGGAAAAAATAGTGAAGGGTGAAAAGATA
TCTGTCATTTTAAAATATTAATAAAAGACAGATTATGTTGGATTGAGAAA
TGGGTGACAGTTTAAGATGTCGGGCAGGAAGTGTACGCTCCTCTTTAAG
AAACATGAAGTGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAAA
ACGGCGTGAACCCGGGAAGCGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATTGCGCCAC
TGCAGTCCGGATTTCCACCTGGGCGACAGAACGAGACTTCCTTTTAAAAA
AAAATAAAAAGAAAAAGTCCCTGCCCGGGCGGGTCGTTTATGAAATAGTG
GAATCCCCTGGCCTGGCAGGAATTTCAATTAAGCTTATTTTATCCCGT
GCCCCCTTCGAGGGGGGGCCCCCGGAACCCCAACTTTTGTGTCCCATTTAA
GGAGAGGTTAATTTGCCCTTCTGTCGTAAAAACGGGTAAAGCTGTGTAC
TGTGGAAGGTTTATCGATCTAATTTCTGACCGTATTATCTATTGGA
GTGCATACGTGGAAAG

Table 3

261/1077

>Sequence 1387

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGGCACTTTTACTCTGATGTCGGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTTGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAAATTTGGTGGACCAAGCCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACCTTTTAGAGCAGCACCCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCATCCCTGCCTGAGAGCTCAA

>Sequence 1388

AGGTACTCCTTTTATAAAACTTGGAGTTGATGTAAAGGCACAGACAACAC
AAGTTACCTTAATAATAAATGCACTTTTCTTTGTAATTTTGGGTAATTCA
GTGTGATTTGTAATTCTTTTAAAAGACACACAATCACTTGTATTTTGTCA
TGGTTCTTTTTTTCCTAATTTCCCACTATAGTGAAATATCTGTTTTTCT
TCTCTATTGGGTTTGGATTGGAATGATCAGGTAGAATTAAATGTAAAATA
ACAAAAGGAAAATACTTTATAGATCTTCTCAAAATACTTTGAAGGGTATA
ATCTCTTTAAGATGGCTTTATTCATATTTAAGCCAAAAACAAAAAGCAAC
CAAAACACTACTGTTTATACAAAAAGCAGCTTA

>Sequence 1389

ACGTACAAGGCTTCCTGGTTTTTTTCCATATGCCTGAAACTGTACATCATT
AAACACTGGAGAGAAAAAGGCTATTCACGTATCTGCCTAGTCCCTGTTGT
GATTTGCTTTTACAACCCCTGCTCAGAACATACACACATACACCCATTGA
AAATCTCCCACGAAGGAGCTACATCGCACAGCAATTAGTGTTACTTTAAC
ACATTTAATACAACCGTTATTCCTCCAGCCCCGGAACAACACTCATGGTACG
TCTGTGAACCATGCATGTAGGGAGCATTGTAGACACTGCGTGGTTGACCC
TCATGATCCACTCCAAATCTCTCCCACTGAGTAGAAACACAGGTAGAAGC
TTGGGGGAGTTAATTCATCTGCTTGCCACCTGAAAAATAAATATATGACA
AATGAATGG

>Sequence 1390

AGGTACGTGAAAGCGCTTTGAAGATCACAAACCCATTTAGAAATAGGTGG
GTTGCTCTTCCTCAAATCTTTGAAAGCTGTCTACTACTATAAATTCATT
ATTCATATCTTTCCCTCATTCCTTTTCAAGTTTTTTAAAAATGTATTCTATC
CAACTTACATGTAAGCACTTTGCAAACACTCACTCATTTACTATGAATAA
CAATCCTACTATATTCACAATTATCATTTCCCCGCTTTACAGAAGAGGAA
ACTGAGGCACAGAGATTAGACAGTGTAGGCAGGATTCAAACCTCAGGTGGT
CTGGCTCTACTGTCCTTGCTCTTAACCTAGGCCACCTACAGTTATCCAG
GTT

>Sequence 1391

AGGTACCAATAATTTTATGCCCTCATCGAGTTACTTTAATTGATTTTTTA
TTGATTTATTCAATCAATCAATCAACATGTTTATTAAGTGCTTATTGTGT
TAAAGGCAATGAGTGGAAGTAGCTGAAAAATACCCTTAAACATATTTGAA
CTGCCTTGGGCCACATTCTATCTCTTGACTGTCGTGGGTTCTCAAAGGTA
TGGCATGTTTCTCATAATGAAGTTAAGTAGATTAAGGGATTCTGTTACA
GTTAACTTTTAGCCTTCAGAAGATTTGACTATGATTAAATGGGTGAGCAG
TATAAATTCTGGAAGGCAGAACTGCATAGTAAAGAATAAAAACCTCTGGTA
TCAGAGACAACTGGGTTTGAGTCCTCGGTTTGCTATTTGGATGTAACCTC
AGGTAAAACATTTATCTTTTTTAAGCACCGATTTCTGT

>Sequence 1392

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTG
TTTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAGAGGAGGAC
AAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCCTACACAAGGCAACTGGCT

262/1077

>Sequence 1393

>Sequence 1394

>Sequence 1395

>Sequence 1396

>Sequence 1397

>Sequence 1398

>Sequence 1398
CCGGGCATGTACCTGGAGACCATTAAGTGGACCAACTTTATAGAAAAAAA
AATACAACCTTATATTTAGTCTTCCTGAACAGTGTTAGTATTTCTCAGATG
TGCTGGTTTATCATTTAGGTATTGGGAAATTGAAAAGGAAGAATACCTAT
TACTTAAGTTTTGGGGAAAATTGAAAATTGAAGAAATGGAAAGAAAAGAG
GGGAGGGGAAAAAAAACCTGTGTGGTGTTTTTTTATTGGAGAACAACCATTTG

Table 3

263/1077

GTGGCCCCTTGGACTTTTAGGATTTTCAGGTGGGGGACCCCTACAAAAAA
AGGAAAAAATTGGAAAAGGGTGAAATTACTTGAAAGTTCTTAAAAGGGT
GGGTGCTTATCTTGAAAAGATTGTGAATTCCACTTGGGGTTGAAAAAAA
GAATTTTTTATTAAATTATTTTAAGAATTGAACTTTTTGAAGGAGAAAAC
CTCAAATTGGTGGAAATTTTAAAAAAGTCTTGGAACCTTGGGCTTTTAA
AAAAAAAATTTTAAAACCACTCAATCTCAAAAAATTTTATTG

>Sequence 1399

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATAACAGGGATTTTTTTTTATGCCTTGGGG
TTCTGTTTCTGATTTTCTTTCTGTGTGTTTCTCCATTATGTTGTTGCATT
TTTCTCTATTTACGTTATCTCCCTTTCCCTTTTTCTTTCTGTCCCTCCCT
CCTTCTTCTCTCTATTCTTCCCCTCCCCTTGTTTTTATGCCTGATTATG
TGGACACAGACAAGGATTAAAACAGGGCACCTGCCCTTGAGGAGTTTACA
ATCTGCTGGGCTGAGGATCAACACATGTTCAAAAAGAGAGGAAAGAAGTC
AAGGGAGATCATGCCAGATGGACTTAATTTCAATGAAGAACAGGCATTTC
CATGGAAAGAGACAAGT

>Sequence 1400

AGGTACTGTTCAATTTTTCTGAATATTTGAAAAATTTTAACATAAA
ATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGTGCAGTC
AGTGTGGAGAACAGAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAGAGATTCAGCAG
GTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAACAGAACTTAACAGATTGGGCCTTTT
AGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAATGCACAAT
GTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGGAAGAGAC
TCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGGCAACCAA
CAGAAAAGGAAGGACAGACTGGGCTGGAATCCAGGAGGAGCAGGGTGGTG
TGGAGACACAACCCTTGTCAGTT

>Sequence 1401

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTTTCTAGAACACCATTGAGTATATGCT
CATTAAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAGTCCTACACCTCCC
CCAGCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTG
TGTTAAGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTTTGTAAAATCTTATAAG
GTAAGT

>Sequence 1402

AGGTACCTCCTAATTTGCTCAAAGATGCTGTCCGTATGCCAAGCGTGCTG
CCTTGGGATGACATCAGCTCAGAGGAGCTGCCATTTCTAATTTTCCCACA
GGTGCCTTAGGGTCTAGCTGCAGCCCTGCCTAGTTTGGGAAGATTCCCCA
TACCCTTTCCCCTGGTTTGAAAAGAAACATCCAAGGCCGGGCGTGCTGG
CTGACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCATGGGGGGCGGATCACC
TGAGGTTGGGACTTCGAGACCAGCGTGACCAACATTGCGAAATCCCCTCT
CTACTAAAAATACAAAATTAGCCGGGCGTGGTGATGCATGCCTGTAATCC
CAGCTACTCTGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTTGAACCTGGGAGGCAG
AAGTTGG

>Sequence 1403

AGGTACCTGTCAGTGTTCAATATTTAACAACTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTCAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTTCTATTATCCATGTGCCCAACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTAAAATTTTCTTTCAATTGTCATTTTTC
TAATAATTGCATTCAGTGAGAGGAGAAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GGCCTTTCACCATCCTACACAGGATTATGACTTGATGACATGGATATCAT
ACATCTTAATGTTATAATCGTATAATTCTTTACAAAGATCCCTCAATAAT
ATCACCAAGTAATTTTTTTGAAAAAATCTCTTGTAATTATCAATAATATT
TGTTAAAATTATATTTTCTTTCAAATTTCAATAGTTTTACAAATTTTTTG
AATAATTTTATACCTTTTTTAACATTTTTTATTTAATTTTAACTTTGT
G

Table 3

264/1077

>Sequence 1404

CCGGGCAGGTACATCAGAATTTTCAGATCTAGAGCCTACATCTCTGCATTA
TTTTTATGCAAAAGATTTGTGATCTATTAAATCTATTTTGAGTTCTGCCC
ATGAAGATATATATTTTAAATAAATATTCTTCTTTTACATTGGAGTATCT
CCCAGATCCCCCACACCAAAAAGAGAACTGTGAGATATACCAGTTATTAA
TACCAGTTATTAAATCAACAACCTGGGCCAGGCATGGTGTCTCATGCCTGT
AATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGATCACAAGGTCAGGAGA
TCAAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCACCTCTACTAAAAATAC
AAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCGTGTGCCTGTAATTCTAACTACTAGGG
AG

>Sequence 1405

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAAGTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTCT
ATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTTGGTGAC
ACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTGC
CCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAAGACTTGGCTTTGA
CTGAAGTGGTGTAACCTGGGGTTGCAAGGGCCTGTGCCAAAGCTTTTCTG
GTGGCCTTCACATTGCTTTCAGGATTTGGATTAATTTTCTGGCAATCCTT
T

>Sequence 1406

AGGTACCTGACATGTGGGGCACTCAATGAACATTTATCAGAGGGGAGCAT
ATCAAACAGTATTGGGGCAGTGACTGCCAAAGAACAGACTGGATCTACGG
GTGGGGAAACCAATAGTGGTGGTNGAAGCACAGTTGGTATTGAAACTGGG
TCATCATTGGCACACACAAAAACAAAAACAAAAACACAGGTGGGCACG
GTGGCTCAAGCCTGCAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGAGGATGGAT
CACCTGACGTTGAGAGTTCGAGACCAGCCTGATCAACAACCTTGCTAAAA
ATACAAAAAAATTCCTCCAGGTATGGTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGC
TACTCAGGAGGCTGAGGCA

>Sequence 1407

CCGGGCAGGTACATAAAGACAGATATATAGATTAATGAAATAAAATTCCA
TTAATATAGAATATAGAGCACACAAATAAGCTCATGAGCTTATACAAGTC
AGTCAAGTGATTTTTTTTACAAGGGTGCCAAGACACTCACAGGTGAAGGAA
CAGGCTGAAAGAAACAGTGCTATGTCAACTGGATAGTCACATGCAAAGGA
GTGAAGGTGGACCCCTATATCACACCATATTCAAAAATTAAGTGAAT
TGATCAAAGACCTAAATGTGAGAGCTAAACTATAAAACCCTTAGAAGAA
AACACAGGAGTAAATCTTTGTGACTTTGGATTACACAACGATTTCTTAGC
TATGTGATACCAAAGCATGAGTAAAAAAGA

>Sequence 1408

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCAGTCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAGGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCA
GAAGGTTTTACAAGTAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTG

>Sequence 1409

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTATAGTAG
AGACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCT
TGATCCGCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCC
ACCATTCGGCCTAACGAGACTTATTTTACTCAACTAGATGGCGTTCA
TTCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATT
CCAAAACCAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTTT
GAGAGATAAACAATGAACATGAAATTATAATTACAGTAACAAAGAATGAG

Table 3

265/1077

TGTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGT

>Sequence 1410

TGCAGGATTCGTTGTAACCTCCTATTATAAGGCCAATTGGAGCATACCGCG
GAGGCCGCGAGGTACACTCTACAAGTTGAAGTGGGGCATTATGGACTG
GGATGGCAGGTCAGGAGTAGCCCAAGGTATGCATGTGCAAGAGGAAAAC
TGATAAACTCAAGTTTATCAAGAAATTGTTGATTTCTTGTTCACCTGTTG
ATTTGAACCAGGCTTCTGGTTCAAAGGGGCCAGGCCATAGCTACAGCTGCT
CTGGTGGGCCAAACCAAAAGCATCACTGAGTTTGGGCACTTGAAGTTTCA
GACAGCTGGGAGTCTCCATAGAACCGGAAGGGAAAACACTTCCAAGGATA
TGAGCATGTCTTGTCCCTGCCTTTGGGGCCACCCATGCACACCAGCTCCAC
AGCAGCTGAAGCAGAGCAGATCCAGAGGAGGCTGTCCGAGGGACC

>Sequence 1411

CCGGCAGGTACTTTTTGTAGAGACAGGGTTTTGCCGTTGCCCAGGCTGGC
CTCCAACCTCCTTGAGCTCAGGTAATCCGCCCCCTTGGCCTCCCAAAGTG
CTAGGATTACAGGTGTGAGCCACCACGACCAGCATCTCCATGTGTCTTCT
ACCTTTTACATTTATGTCTTTAATCTACCTAAAATGATCTATTGTATAGA
GACTGAGATAGGCATCNAATTTAATTTTTNCAATTTGCATAACTAATTGTG
CCAGTATAATTTATTGAAAAATCCATCCTTTCTCTACTGATCTACAATAC
TCCCGCTGTCATATATCAAGTGTCTACATATGTGGTTAGTCTGCTGCTGA
CTCTCTATTCTGTTCCATGATTTATTTGCCCAGATTTGTGCCAATATGCA
CTNTTAAATGTTCAAGTCTTAATTGAAGCTTAAGCAAAAAAATTNTTAAT
ACCTTGATTGAAATATTTACAAATAAAATCAAACCTTTTAACATCACTATT
TTCTACCAGTAAGATTTTAAAGTTTCTTTTAAATCCTATTTAATATCAT
TAAAAATTAATTGCCATGCCTTGTTAGGATAGTGGTTAGTAAAAGAAAAA
AATTAATTGCCACAATGAAAGCCTTTAAACTCACCTTTCTTTCAGTAATA
TCATAGACCTTATTGGTTTTGTAGAAATTTTATATTTCTGGTTTGGAACC
TTGGG

>Sequence 1412

CCGGGCAGGTACAGAGGAGAAAAATAATAAACAGTAATACCTGACAGG
TTGGGAGAGATTGTGCTGGTGTACAGAGTCTGTGACGGCACTTGTAAGG
GAGTGCTGCATAAATGAGAGTGGCTGCTGTTGTTGTATTATTATTTGTTT
TACATGGTTATAAACTTTCTCAAGCCCCGTTTGAAAAGAGAAATCAGT
AGTTGGCAAACAAATTGGAAGAACAATGGTTTCTTTCTTTTTTTCTTTT
TTTTTTTTTTTTGGGACAGTCTTGCTCTAAAATGCAGTGGCGGGATCCTGG
CTCACTGTAACCTCACCTTCTGGATTCAAATGGTTCTCCTGTCTTAACC
TTCTGAGTAGCT

>Sequence 1413

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAAAATAAATACCCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCACAATCACAGTAAATTCTTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTTGGGAGCTGGACAATAAACAACCTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCAATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGTAAATCAGAAGCA
GGGAACAACCGA

>Sequence 1414

AGGTACGACATGAGGCAGGGGTTAAGTTTTATTTTTGTCTCCACATAAAC
AGCCACCACCACTTATTGAAATGGCCACCCTTTCTCCAGAGCTCCATAGC
GCTGCCTCTGTAATGCATCAAGTGTCCATTTATGCCTGGGTCTGTTTTGG
TCTCTGTATCCTGCTTCATTCACCTATTTTTCTCTATTTTTCTATCTGC
TATTTCTATCTATCTATATTTCTATATTTCTATCTATATTTCTATTATTCA
CTTATCTATTTTTTATCTTAATAACTGCAGCTTTATAATAAATATTGATA
GAGCAAGTCTGACCACCACATTCTTTTACAAGAGAAAATTGTCTATTCTT
CGCCTTTGGCATTTCCTTTTCGGGGGGTTTGGTCTTGATTTTGAACCAA
GGTCTTGTCT

Table 3

266/1077

>Sequence 1415

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA
GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTAGATGTGTGTCAGTGAAGTTATGGC
AGTGGAGTGAGAATAATTTTGAAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGGC
TGATGATTAGAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCACTCAA
ATTCATACTAATTTTAATGTTATGGTATTCTAACTACTAGATGGGTAAG
GGGAAGTTTTATGATTCTGAACAATTCCATTTAGAATTAGGATAGGATTT
TTACTGTGGGGGTCCAGAAGAATCATAGCTATCAAATTCATAAAAAGAA
AAATTTATTTCCCAAG

>Sequence 1416

AGGTCTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTTA
ATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGCA
GATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGCAAAATCTACATC
GTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGACT
TCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCTTG
CTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTTGTTA
CAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTCTC
CATAAGCTTGGAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTCCTCTGG
TAACTTTGGAGACCCTCAGAGCTTTTCTTATTTCCAGAGACAGGCGGTTT
GGATGAGAATTATTCTCTTTTTTCACACAAATTGGCCAGATGACATCTTT
ACTGGTATCTGTAAAGACTGCATCACCCAGCTACTTTCCTGCTGACTTC
CACTTGGGTTTACTCAATGGGTGACACTCACAGGACATAAGAGATTAGAA
AGAAGGATAAAGATTTTATATATCTGCTCCCTCTTACTTTAAGCCATGGT
NTAGCAGAGGCCCAAGTCCTGGCTTTTTGAGCAACCCTTTATAAAGGTCT
GGAAAGAGTTAACTTGCCCTTACAAGTATTATGTGGCTTACTACTGGTG
CAGGTCTGGGTCCCCGGTACTTGCCGGCGGGCGTTTTAACTAGGGATCC
CCGG

>Sequence 1417

GGGNGAGGTTCGCCTAATACTACTATATGTCGGGTGGAAGCTAGCTCG
ACGGGGGGGGCCGAGGTACTGTAAATAAACAGGAGAGAACGGAGAAAAGT
CATGACTCAGGGGTCTTCTTCTCACAGGGCTGAGTAATCACAGGAGCTTT
GGATGCAGGCAGGCTGGCGCTCTGATCCTGACTCTTTCAATTACAGACTG
TGTTACCTTGGACAATTTGGCTAAGTCCTTATGCAAAAAAAGTATGATGC
CATCTACTTAATAGGATTGTGAGGATTAAATGAGATAATTCATATAAAGC
CCATAGCGGAAGGCCTGGCAGGTAGCAAGGGCCCAGCAAATGAGAGCTAT
TCACGTTGCCATTAATGCATCATCATCGTTACAATTATCATCTTTTTTTT
TTACGTTCCAAAGATTCTTCCTTCTATCTATTATCTCATCATATCTCATC
TCATCATATCATATCTCATCATTTTTATCCAG

>Sequence 1418

AGGTACGAAATGTTTTGGAAAGACTTGCTAAAGGTGAGTTCTTTCAAAAA
GTGTATGAAATTAGCTGTGGAAGAAACAACACTACAAATTATTTGGGGAAAA
ACTGAAAAATCAAGAAGTTTATGTTGATATTACTTTAAGGGTGTTTAAGT
CTCCATTCTACTTGGAAAATCACAAATAATATTATAAATTAGAGTGTT
ACTTTAAATGGAAAGCTTAGGGCCAGCCACAGTGGCTCATGCCTGTAATN

>Sequence 1419

CCGGGCAGGTACTAGACAACAGCTGTTTCCCTGGTGTATGATGGAGCCAA
CACCAGTCAGGGGTATATTATTACATCTGATTATCAGTCAGGATAAGGTA
GGCAATTCTCTGGTAACAAACCATCCTCAAATCTCAGTGCTTATATAGGC
ACTATTTCTTGCTCCACTAGATGGTTCATACTTGCTCACACTACCCATCA
TGGGTCGTTAGGAGATCTCTGCTTATGGTCACTCAGGAATTCATCTGACA
AAGGAGCCACCACCTTGAATATTATGGGTCACTGTGCCTTGAGGGACTGA
GGCACCTCTATCTGTGAGAAAGCTTGATTTGCAACTTGGGCTTGGCCTTT
TTATTCTTCTTGGAACCACTTGACTTCTCACTTTACTTGTTCTCTCG

>Sequence 1420

AGGTACCAAGGCCCAATCACCCCAAACAGTGACAGGAACATAATTCCTG

Table 3

267/1077

TTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGTTCCACA
TCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCCCTTCCACTGGCC
CTTAAAAAGGGGTGACTATATTTTTCATGGGAAACCCTGAACTCGCCCC
ATTTTAAACAGGAAATGTTAATATTAGCTAGATGATAAGCCATAAATGTT
TTACGACCTCTGCCGTTGACTCCTATAGTTTACTCCCGGTACAAATTACA
CAGGACCAAACTCAACTCAATTCGTTTCGGGGGGAAGCCTGAAACAAAAG
CAATTTTACTTGTGTTGGTACTTGGCACCCGAATTGAAATCAATTTTCTTA
CCGCAACACTACCCAAAAAGGGGAAAATTCTGGGTTTTCCTCAACATTGT
CTACCTTTAGGGAAAAAAGAATAATACTCCACTGTTTTGGGGT

>Sequence 1421

CCGGGCAGGTACCTTCAATTCCAGTCACATGGCTCGACCTATCCTCAAAC
TTCTTAAATGTGTAGCTTTCTTCTTCAATAGTGAGAAGTCTTGCTCCTAT
TGCTTTAATATATTTATATGTTTTCTTATTCTACTTTACAAAACCAATA
TTTTGATACACATGCCATAACCTTCTCAGCTTTAACATTGCTAGTCATCT
CTAATCATACCCTCAGATTTGACTCTGAATGGTCCTTGTTGTCTCTTCAG
CCCCAGTTGTTTCTTTGGCACTGGCCGTCCTCCTGACCTCTACTGTCTCC
TTGGCCCTCACCTGAAAGTCCTTCCAGACTCACTTGCCTCTGGCTCTAT
AAGATCCTGGGTATCACCAGGGCCTCTGCTCCCTCCATAGAACCCGTGTC
N

>Sequence 1422

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTTCTTATAA
GACATCTGATTTAAAAAAGAAATAATAGATTTAAGAAGAAAAAATT
AGCTAATAATGACAGCAGGCTTGTAATATTATCATAATGTCATTTATCAT
AGATATCCTTATTCTCCAGGGCAGCACTTCTCAAATCCTTGACAGTATGA
CATTTTGGGCCAGCTAATTCCTTAGGGAGGGACCTTTCCTGAATATTCAG
GCCGTTGAGTGGCCTGCTTGGCCTTGACCCGCTCACTGCCAGTAGCACAC
CTCCCCCAGGCTTCAGCAGCAGAACACCTCCAGTCACTCAGTGGGGACTG
GGTAGGTGGGAGACAGAATCGCACCAAGTTAAGTGTCTCTGCGGCAGGGTG
AACGGAAA

>Sequence 1423

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTACATAGAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATA
AGGCTGTGCCTTCTACATTAGAGGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGG
GAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATACATGGAAGGATTTTGATAAAAT
TTGAACCCCCCAACCCCTTGGAACATAACATTTGCCACA

>Sequence 1424

CCGGGCAGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATTGGATGGATTAGATGGATGGATAGAA
TGTGTACTCATTCAATTCAGTTTTGCAAGAAAGATTGAGCCACCTTCCCAT
CATACAGTGTGCTAATTGCTAGAAATGCATTTATGAGA

>Sequence 1425

AGGTACAGTAGGTGGGGCCCTGATTACGGAGCATCTTGAAGGCTGGACTG
TGGTATCGATACTTTATTCTGTGGTATGGGATGCTGGCGAGAACTTTGAG
CTAGGGAGATGTGGGGTTTGAGTGGTGCTGTGAACACATAAGGGCCAAAA
TATATATGTGTGGGACCGACTGGGCCCCATAGACCAGGATGTGGGTGGC
AGATGCTTCTTGTTATCCAGCTGGGAGACCGTGGCTCCATGTAGGAAGGT
AGGGAAGGCAGGGATGAATGTGGAGACTGAGAATGAATGTGGGTGAATGG
GGACTGTTGAGAATGAGTGTAATGTGTAATGTTTTGCAGGCAGAAAGTTT

Table 3

268/1077

AAAGAGAAATTCTGCATAGGCTCAGTAGTGTGACATTTGTCAAT

>Sequence 1426

CCGGGCAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTTATAGAATAA
AAGAAAATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGGGGGGGCATCTGGTTT
ACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATTTGCCA
GCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTCCTTGGGCAAATG
TTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTT
TGGTGACACATGGCAGCTTTGAAGCTTTTTGCCAAGGGGCTTGGAGTCTT
AATCTCTTTTTTGGCCCAGCTTTGGCTTGACAGAAGAAGGAAGAATT
TGTTTGGAACTTGGGCCTTTGAACTTGAGGTGGGTGGAACCTCGGGGGGT
GCAAGGGGCCTTGGTGGCCCAAAGGTTTTCTGGGTGGGAG

>Sequence 1427

AGGTACTCAAGGAGAGAGTTTCAGGAGTGCAGCCATCAACACTCAAGATT
CCATGAAACTTTACGCCTAACTGATGGTCCCCTGATTACTCACTCAGAA
CAAAACATATTTACCAAATATCACTTTCAGGACTTCATTCTGATCCTT
CTGGGGTAGAAGGTGCAAAAACCTGGTTTGTATTAGAGACATTAGGAATA
TTTCAATAAGGCCAACAGATTTCCATGCTGAAGGGCACAAGAAATGGAAG
AGCTAATCCCATTTCCCTTTGGAGTTCAGTTTAGATAGTTTAATTGTCATA
ATCCTATTTGTTAAACAGGTTTCCTTCCCTAAATCCATAGTATACCCTTG
TTTTTTAAATCCCATGTGTCAAGTAAGAACCCAAAGGAGCCTTGCTTTCA
GCTTTAAATAAGCAATAACCAGGCACGCCTGGATGCATTTGTTT

>Sequence 1428

AGGTACTTTAATTTTTTTTTTTTTTTAAGCAGAGATGGGGTTTCACCATG
TTGACCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTAAGGTGATCCACCTGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTTTGAGCCACCACGCCAGCTGTG
TTATGTTTTAACACATGTGCTATGTCGCTAAGTGGTTGGAAATATGAAAA
TGAGTTGATGTGTTCTTATAATAAGACATCTGCTTTAGTATACATTATTA
GCATGCTCTTCCACTTTGGAATTTTTATTTTATTTTCACTTAGGCAAA
AATACTTTTCACCATTAAGGTGGGTATAAAAGCAACAGTTGCTTTTAGAA
ATTTACTCTTTTCAATTGCTGGGCTGGTTTGGGTAAGTGGTTAGACCATA
AAAGG

>Sequence 1429

AGGTACGGAAGATACGGCAGTGAGCAAAACCAATCATGTTCCCTTGTCCTC
ATGGGGCTTACAGTGGGGGGGAGAAAATTATAAGCAAAAAGAAAATACAAA
GAAATACAACACAGAAAGCACAGGCATGAGGAAGGAGGGCACGGTTCTGG
GAAGGCTTCTTGGCCGAAGCAACCAGACAGCAAAACAGGCTTGGCCAGGA
CAGACATGGGCCTGTTATCCAGCTGGCTAACGGTGGAGCTACAAGTGCCT
TCGCCTCCAGAATCATGGAGGTGGGTAATGAGCCATTTACCCTCCAGTGA
AGCCCATCCTAAAATTAAGTGCTCTCTAACTAAACAAAGAGTTGTTTACT
TTTTTCTATAAAGAAAACAGAGGCTCCACCTGTTACTCACTCTCCTACCT

>Sequence 1430

GGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAGGAAGAAC
TGCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCAGCAGCAG
TTGTGTAAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAAGTCCTAAA
GTTTAACAGAAAGTTCTTAAAATGCCCCAAGCCCCAAATTTTTGTAATAA
TACATTGGTTTTACCCCCACACCTAATCAAATGTGTACCTAAGAATAACT
TGTAAGGTGGCAATTAAGACGATACTAATATTTCTAAATTCTAGCATTC
AATTATGTTCCCATATTTGCACTTTATTTCAACATTTTTTCACATTCCTC
TTTAATGTTCTTCCAGCTTTCCCATTTACAAATTTTTTTGTATTTAAACA
TTCTCCCTATTTTGAATATTTTCAAATTTCTATATACTTTAAATTTGTTC
CTCATTTT

>Sequence 1431

CCGGGCAGGTACCACTGCACTCCAGCCAGGGCGACAATGAGACTCCGTCT
CAAAAAAAGATTATTAATTTAAAAATATTTTAAGTGATCAGCTGTTAC
TCTACCCCAATCTCATTGGAGAATAAGATTCTACTGCGGTTCTAAGTCAT
TGTGTGCTGAGTAAAGTGGTTAACTAGTGATTGAAAGAATACAGGAGAG

Table 3

269/1077

AGGGTAGGAGAGTGAGTAACAGGTGGAGCCTCTGTTTTCTTTATAGAAAA
AAGTAAACAACCTCTTTGTTTAGTTAGAGAGCACTTAATTTTAGGATGGGC
TTCAGTGGAGGGTAAATGGCTCATTACCCACCTCCATGATTCTGGAGGCG
AAGGCACTTGTAGCTCCACCGTTAGCCAGCTGGATC

>Sequence 1432

GCGGTGGCGGCCGAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGG
CCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAA
GCTGGATCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTCATAGATAAGG
AAAGTGAGTCCCAAAAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAA
CAGTGACTGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTAATCCAAATGTC
TTCTCACTAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCAT
GGATGGGTGGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATTGGGATGGATAGAATGGA
ATGATATGATGTTATTCAATAAAATATTTATATATTATCCTGTATGGTTT
AATCGAACTATCTTTCTTTTGATCG

>Sequence 1433

AGGTACAGTTAATTGATCAATTTTAAGGAGAACTGTTTTCTTGTAATAAT
GTTTCTAAGCCCAAAAATTATTTGATCGCAAAATGTTTCGTATTGAAATAT
AAGTGCCTAATTTCAAAAAGGAAGCTCTTTAGCAACAAAGTTGTTTCCTT
TTTTTTCCAATTTAAGATATTTCCATCTCTATTTCAAATGCTTGCTTCTA
AAAAAAAGTTTAGTGAAATAAGAGGATAAATTTTATGTTTTTATTGATTC
GAATGACATTTTCCCTTGGATGAATTATGAAATGTCTGGTTAACTTTAGC
ATTAGTGAAGCTTGAATAGATTTTAATATTAAGCAAGTGTTTAGTTGCTT
GACATGATCAGTTTACACTATTGCAGAGCCTTAATTAAAGTTTTATTAAA
CTGTGTAAACN

>Sequence 1434

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTGAGTATAAGCCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGAACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAAATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATATCCGCAAAATGACCAGTGC
CAGTTGAGTAGATCAATGTTTATTAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGG
AAACATTTGACAATGATGGGGTGGT

>Sequence 1435

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACGGAGTCTCGCTCTGTCTG
CCCAGGCTAGAGTGCAGTGGCGCGATCTCGGCTCACTTCAAGCTCCGCCT
CCCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCCCAGCCTCCCGAATAGCTGGGACTA
CAGGCGCCTGCCACCGCGCCCGGCTAATTTTTTTTGTATTTTATGATAG
ACCTTGCTTTTTTATCCATTCTGGTAATCTTTTCCTTTTATTCAGTGTGT
CTTGTTCCATTAAACATTCAATGAAGTTATTGATATGATTAGATTCAGGCT
CTATTTACTTTTTGGTTTCTATTTGTTCCCTTCTGTTTTTTGTTTCCTCCTT
TCCTGCTTTCTTTTGGATTAAATGATCCAAAATGATTTTATAGAAATAATG
GCGTAATTTATCTATTAACCTTTTTTAGCAAGT

>Sequence 1436

AGGTACTATTAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGTTC
AAGGGGACAGAAGGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTCACC
TCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGTCTCTCTCTTTTATAAAGTG
CTTGACAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATCCTTGCTAAAGAGA
GGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATAAACTTTCCTTATT
AAGATTCTTCATTCACTCATACTCATCTCCTTTGATCCTCACTGCTCATT
CATTTATGGAGATACGCACCCATATCATAGCTACTTGGTCAAATCATGGT
GAT

>Sequence 1437

AGGTACATTTAAAAGTCTATCTTATATATTTGTTATGCAAATCAATAGAT
ATGTATCAGGTAAACTAGAAATTCTAGTTAGAAAAAATCCTTTTTTGTGTC

Table 3

270/1077

TTGGTTTTTGAAGATACTTAAAAGGTGAAAGGAATTTCTGATTACCATTT
TAACATGTTTAGATATGGGCTTTTTAGTTTCAATAGAAACATCTTTTCCT
AGATTATCTTGCTGGTATTAAGTTGTTAAATTTTGCTACGCTTTATTTTG
AAGTTTTACTGTCTTGTA AAACTCCATATTTTACATAGTTTACTGTCT
TGTA AAAATTCCCTATTTCTTAGGTTGATAGAAATGGCAAAACAAGTTAAC
TTGCTTAA

>Sequence 1438

AGGTACAAACTGGAGGTAGGGAATGGGCAGGAACACTAGCTACATTAAAA
ATAATTTCAATTAACTTATACAGAAAACATTATTAATATACTTAGGATTC
CCAGAGTAACTTATTTCCCTTTCCAGTATTGGTATATCAATAATAAAT
ATTTTATTTACTTTATCGTGGTATTTTCATATTA AAAAATACTTTTTAAAGC
ATGACTAAATAAACACATGTATATGTTTATGAACATAAACACTACTGAAA
CAAAAGTTTCAGAAAACGTTTTTCTTACTGCACTCTGATATTTTTTATCA
TATTTCTTTTTTTTTTAAATGCTAGTAATAACTCACTAAATAGATTTTA
TCATGGAGTTATCAAATACTACCTTAGGTTATGTGATACTTAGTAAATAA
T

>Sequence 1439

AGGTACTGGACTTGCCTAATTTCTAGGCATGGAGTTGGGGCTTGTAACAA
TGGTGGGAGATGGGCAGTGCTTTGGGAATGTAGCTGACCACTGCATGGGT
GCTAACTAGCCCAGGGATCTTAAAGAATTTGTGTAGGCCATGAGGATCCA
CTCCAGCCACTGAATAGTCATAGAATTGAATCTAGGACATCACCGTATGC
TACTACCATGCAGTTTTATCCCTTCTAAGAATCCAAATGCCCTAGTTTAA
TTTCTAAATTTTGTGTTTGTGTTATTTTCACTAAAGCAACATGTTAGTGGA
CTGCGGAGGGAAGTGAATTCATGGCTGGTCCTCATCTTGATATCTTTTAA
TAGGATCATGAGGCT

>Sequence 1440

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGT
TTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCC
CACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCG
GCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTTGCT
TACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAA
CAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGATAAA
CAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGGCA
GAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGATACCTAACTA
AGCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAGGGGACAGCTGAGCTGAGTTC
AATGAGCCAGTAGGAATTAGGTTGATATAAGTCAAATCATTTAGTGGTTA
TGACAACTCTGAAAAATAAGTATTTCCAATTTACAGAAGTGAAGCCTAAG
TCTTAAAGAAGTATCCAACATCATCCAGAAGTGGGGGGATCCCACAATAT
TCAAGGGAACCTGGCCCCAAAACCTATGATCCTTCCCCTATACCGGCCGG
CTTTTCAAGACTGGAAATTGGCCCTGAGGGGATTTGGTCAGGTACTTGGC
CGGCGGGCGTTTAAAACTAGGGGACCCCCCGGCTGAGGGATTCTGAATTAA
GCTATCATACGGCAACCCTAAGGGGGCCCCCGGCCCAATTTTGTCCCTTAG
GGGGGTAATGG

>Sequence 1441

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCCAGCC
CCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAACC
TTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAATACTTTTCTCTGTTTTT
CTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTTATAACGACC
CAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTTAA
GTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTT

>Sequence 1442

CCGGGCAGGTACACGCCACCACACCAGCTGATTTTTTTTTTATTTTGTGTG
GAGTCAGGGTCTCGCCATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTCTGGGTTT
AAGTGATCCTCCACCTTCGCCCCACAAAGTGCTGGAATTACAGGCATGA

Table 3

271/1077

GCCACTGCACCTGGCCATGTTGTCTTCTTTTTCATTACCCACCTCTTAAT
CCTACACATGCACATGTCTAGATAGTATACAGAGATAAACGTGTATAAAA
CAACACAAATAGAAAAAGTATGCATATGTATAAGGGATCTACAAAAACAG
AAAAGTCAGAAAACCCAAATTAAGAGCACAGTGTGGCTCACAGGCTAATC
CCTGCAGAGGCAGCTTTGGGTTTCAGAACCAAGTGAAGCTGCCTATATGT
TCAACCAACTGA

>Sequence 1443

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGTTTCA
CCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCCACC
TCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGGCCT
AACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCAATTTGCTTACT
CAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAACAAG
ACATTCTCTGTCATCAGGGAACTCACAGCCTAGTATGTGAGATAAACAAA
TGAACATGAAATTATAATTTTCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGGCAGAG
GGAATGTGGTAAGAGCTTGGCAGGGGTATCCAGCAGGGATACCTAACTAA
GCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAGG

>Sequence 1444

AGGTACAGACCATGTCAGAATTCCTAGTCTTTTACTTCTAAATTTTATTA
CATCGTGTGAAATTTAGAAAAATATAAGCTGTTTATTTTCTTGATCAAGA
TAGGTGAAGAAATACAGAAAAGAAAGAAATAATGAAAGCAAACCCCAACT
TTCAGATTTGGACACACCTTTGCTAAAAACTATCAACATTTTCCCCTTGA
AATTCTGAGTGGAAGATATGTGCTTCCCTAAGTCAGGAGCTGTATATGC
ACTCCCCACCCCGAAACATTTTTTGGGCAAATGGAATCATTAAAGGAATG
AGAGGTATCTACTCTTCAGTTCCCACTTCTTGACACAAACAGAAAACGCT
ACTGCAGCTTTTAGAGGTGACAGCTACTGTCTTCAAGGGG

>Sequence 1445

CCGGGCAGGTACCTTCAATTCCAGTCCAAAGCCACATGGCTCAACCTAGC
CTCAAACCTTTTAAATTTGCCGCTTTCTTCTTCAATAGTGAGAAATCTTG
CTCCTATTGTCTTTAATATATTTATATATTTTCTTATTCTACTTTATAAA
ACCAGTGTTTTGATACACACGGCATAACCTTCCCAGCTTTAACATTGCTA
GTCATCTGTAACCATAACCTCAGATTTGACTCTGAATGGCCCTTGTTGTC
TCCTCAGCCCCAGTTGTTTCTTTGGCACTGCCACCCTCCTGACCTCTACT
GTCTCCTTGGCCCTGACCCTGAAAGTCCTTCCAGACTCACTTGGTTCTGG
CTCTGTAAGACCCTGGGTATCACCAGGGCCTCTGCTCCCTCCATAGAACC
CTT

>Sequence 1446

AGGTACGGAAGATACGGCAGTGAGCAAAACCAATCATGTTCCCTTGTCCTG
ATGGGGCTTACAGTGGGGGGGAGAAAATTATAAGCAAAATGAAAATGCAAA
GAAATACATCACAGAAAGCACAGGCATGAGGTAACGAGGGGCACGGTTCTG
GGAAGGCTTCTTGGCCGAAGCAACCAGACAGCAAAACAGGCTTGGCCAGG
ACAGACATGGGCCTGTTATCCAGCTGGCTAACGGTGGAGCTACAAGTGCC
TTCGCCTTCATAATCATGAGAGGTGGGTAAATGTAGCCATTTACCACTCC
AGGAGAAGGCCCAATCCTAAAATTATAAGTGCTGCTCTTAACTAAACAAA
GGATGTTGGTTAACTATTATTTCTATAAAAGAAAACN

>Sequence 1447

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACGCAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGTTTCA
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCTCCTTAAAAATCATCATTAAACAATCTTTCAAACAGCCA
GTGTTTGGCTCATTAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAAGTAGCTAGAATG
AACAAAAGGATGACATGGGCTTTGAACAGAAGAAA

>Sequence 1448

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGCCTGCTTGGGTGGGGAGCATGGGAAAATGGGGCAAGTGCT

Table 3

272/1077

TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTGAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAGCCTCTGCCC

>Sequence 1449

CCGGGCAGGTACAATGAAAGGTAAAAGTAATGCTCTCAGAGGAAATGTTT
CCATTCTAGTTCTATTTGGAAGTCCTTGGGACAATTTGTGTTTTGATTAT
ATTTAGAAATCTTCAGTATTTTGTCTTGGCCAGGTGTAGTTGCTCAGGCT
TGTAATCGCAGCACTTTGGGAGGCTAAGGCGGGTGGATTACCTGAGGTCA
GGAGTTTGAATCACCTGGCCAAAATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAA
ATACAGAAATTAGCTGGATGTGGTGGTGGGTGCCTGTAGTCCAAGCTACT
TAGGAAGCTGAAGCAAGAGAATCGCTTGGACCTAGGAGGCGAAGGTTGCA
GTGAGTCTTGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGTGACAAAGAGAACT

>Sequence 1450

CCGGGCAGGTACATCACTGAAGCATTGGTTCTTCAAGCTCACTTGGAAGC
CACTGCAAATCTCAGGCTTCTCCAGAAATCTCTTCTGCAACTGTCCTGAT
ATGTAGCATTTAAGTGAGAGGTTTGCAAAGGGCCACTTTAAAGCTGCAGT
GAATCTTATGTCTGCTCATGCATATGGCTGCATCTGCCTCTGGGAAATTA
TGATCTTTCCTTGGCACTTGTGGTCATCTTGTA AAAAATGAGATGTATCCT
CCACCCCAAATTTGATTTGAATATCAAGACTAATGATATCCCAATTGCAG
GGTATTCAAGAGAGTATTA AAAAGGTTTGTTACATAATTGAGACTTTTTGG
AGAGAGCATGGCATGCTTTCCAAGCAATATCCAAAAAATTTGCTTTGAAG
GAGAATAGAGACTTGTTTGGCTTTTATTGTGGTTAGGAGGTA

>Sequence 1451

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCACTATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTTG
CCAGCCATGCCTTTTCAAGTCTTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGT
CCAAGAGCTGAGGACCTTACATTTATTGTTCCAATATTTATTGGCTATAA
TGATTTCTGTGGAGCAGTCAGCTGTCAGAAAATTTTGTCTCCTTTGTAGG
TAACCTGTCATTGGTCTTTGGATTTTTTTATAGTCTCCCTTTGTATCTGG
TGTAATTTAGTTTCAATCTGTTGTGCCTACGTGTAGAC

>Sequence 1452

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAAGACGGGGTCTGGC
TTTGTTGCCCTGGCTGGTCGCGAATTCCCGGACTCAAGCAACCTTTCTGC
CTCGGCCTCCCAAAATGCTAGGATTATAGGCATAAGCCACTGTGCCTGTC
CAAAACTTTATTTTAAATGACAAAACCTATTTTCTATAGCTCTGCTTGG
AATGCTGTATTTATCCTAAGCACCAGTTTTGGCCCTAGCTGGCCTGTATA
CAGCTTTAGGTAGGCTCTTGATCTAGTTTTGCTATAGGCAGGGTAGATCT
CAGTATTTTCAATTTTACTTGTGGCAGAGACAGTGTTAACCTTTCTCTCA
TGGATAGCGGATTCATTGAGACAGATTTTAACTAAGAGCTATGATG

>Sequence 1453

AGGTACCTCATTTTGTCCCTTGACTTTAGTGTAGTGGTGCTCTCTGCTTT
TCGTTAATTTTCTCCTGGCCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTAT
AGGAAATTATCCGTGCAATGAACTTAATTTAGAAAACCTCTGCTTGCTATAA
GGAGGTGGCAGGATTTATTTTTTCTAATAGTCCAGTACTATGGTTGACTT
TCATTGCTAACACAATTTTCAACAGATCCATTGACATTAGAACTAGTAT
GCCTTAATTTTAAAATTGTATTATTGCAAAAAGTTCATTTGGAACGAATT
GGATACAATAAAAAGCCGTAGAGCTCCGATCTTCACAAAATTAACGTGG
CTTTAAATAAAAAGGTTTAAAATATCTTGGGCCATTTTCCATCATTTCCCT
TTATTCTCTTTTTTAAATGTGGGGAAAAACATACTTCATTCATTGTAAATC
CACTCCAACTCCAT

>Sequence 1454

CCGGGCAGGTACGCGGGCGTCTGCTAATTTTTTGCTTTCTCTAAAGCGCT

Table 3

273/1077

TCTGCTCACTGCCATATGGTAAATTCCTCAGTGAATTATTCAGGGTCTTG
TCCTGATGCAAAAGACACTTTAAAAAAAAGCAGAACATTCCTTATCCCTC
TTGGAAAAAGAAATAACAAATAATTAAGGCCACAGCGCTCAGGGACCCAA
GTTTATTGGCAATAAAAGGTAGCTGTGCTGACAACGCTACCAATTAATCT
GCCAAAAGCGAGCTCAGTGGTGTGGCCATAAAGATCATGTGTTGGAAAAC
AGGACTGGAGACATCCAGGGATCTATATAAAGCATAGACAACAGTCTTAG
CGATCATGGGGCAGCAATGTGGGCACCCTACCTTCAGCAGATATGGTAGC
GGTCTGCGTTCTTTCTGTAACAAAACCTCCTCACTACGTGGAGAACCCCTC
AATCCCAAGTCAGCTGTACCT

>Sequence 1455

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGCGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTTTTGGCATTAAAGGGCTCATGTTAAACGCCCCCGGCTGCAAGAAGCCG

>Sequence 1456

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTCAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTG
TTCCTTCTCTCTTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTCAGGGTTTCTGGTTCTAGTGCCTTCATTCTTCCCACCCT
GGTAATTGAGTTTTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCTTTAGCTGC
TCTAAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCTC
TGGGGGACAAGGGCAAGACGCCCAGCTTGCCTGATCCCTTTGATGCCTTC
TTCCAGTTTGTCTAAGGGCTCCAGCGATCTGAGAGTTGGTAAGAAATCT
TTGTGACTACTGGCATCTACAGATAGATGTCAGAGCTGTT

>Sequence 1457

AGGTACCTGGGTGACGTTTACGTTCTGGGATTTCTGGGAGATGCGGTTTTT
TGCACGCCAGGGGCCAAGCCTGAGACGTATATGGACGGCAGGGATAGGAG
CTCTCTCCGCGCCACAAACGCCCTTGCTCATACCTGGGTTTCTTGATTT
TCCTGCCTAATATTAACCCAAGCCTTCCCATTGGCCGGTGCTTCTGAGTC
TCTTATTCTGCGGGACTTGGGAACAAAAGGGTGTAAACATGTTGATTG
AGTCTTTTGTATTATACCCCCAGTGATTCTTGTCACTTTGCCACAAAGTG
GCGAATGGCTGCCATAATTCATAAATACTTACTTCAACCAACCTGTAACA
ACCTGAGTATTCAAGGTTGGAGTTTCTTGAAGTTGTTCTTTAACGAACA
ATTAAAAAATTTCTTTAACGTAATTTTTAAACATAGTAGGTTTGTAATTT
TTGTTGGCATAATCCACCTGTTTTAAACTTGTACCAAAACGGCCAT

>Sequence 1458

AGGTACGCGGGATACTATGACTAATTATTTTTGTTATTATTACCACTTGT
ATTGCATATATCAGCTCAGTATGAATTTATCCACTACTTGCTGAATAATC
CCTGAATGAAGAGACAATATAGTGCAATATTTGACAATGTGTGCTCTAAA
TCACACTTTGTTTTAATCAAGCTCACTCAGTATTTATTAGCTGAGGGATG
TCAGCAAGTAATTTAACCAGTCTGATGCTCAATTTTTCTCATTTGTAAAA
TTGTGATGTTAATCCTAATTATAATATGGGATTGTTGAGAATCATGTATT
TTGAAAGAATCCAAAACATTTTTAATCAGTAATCAATCAAATAAAAAACT
AGAGCCTGGCCGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGG
AGGCCGAGGCGGGTGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCT
AACATGGCGAAACCCCGTCTTCTACTAAAAAAAATAAAAAAATTCGCC
GGGCGTGGTGGCGGGTGCCCGTAGTCCCAGCTACGCGGGAAGCTGAAGCA
GGAAAATGGCGTGAACCCCGGAGGTGGAGCTTGCAATGAGCGGAGATGCG
CCACTGCACTTCAGCCTGGGCAAGAAAAAGAGACTCCGTTTTAAAAAAA
NAATCTTTATAACAAAAAGGTCCCTTGCCGGGCGGCCCGTTTTAAAA

>Sequence 1459

AGGTACGACAATGGAAAGTTTTTAAACAAGCAAATGTCACTATCAAATTC
CTGTTTTAGAAAGATAATTCTGAGAAGGCACATCCTGAGACAGCCTGGGG

Table 3

274/1077

CCAAGATGCTGTGGCGTAAACAGATCGCTGAGCGATGATAAGGTCCTGAA
TCCAAAGGGCATTGGTAGAAACCAAAGGTGAAGGGACACATTCAAGAAGC
TTTTCCCAAAGAGAATGCCTGGGTGACCAATTAGATAAAGTAGATGAAGG
AAACAGAAGAAACAAAGATGATTCCACAGTTTGTCTTGGACAGGAGGGT
AGATGGCAAAGTCATTAACCTGAGAAAGTGAAGATAGGAAAAAAGAGCAG
GTTTGGCAGAGAATGTGACACCCTCAGTTTGGACCTGCTGAATTCTGAGT
ATGTTGGAGA

>Sequence 1460

AGGTACTGATCTAACCAAGATATTTTGTCTTCTCATCCACCAGTCACTT
TCTCAGTCCTTTCTGTATCCCTTGCAATTTGAACAAAGCTTGGTGAATAG
TGTGCACACAAAAAGCACACTAGGTGAAAGACAGATACATAAAAAGGGTA
AAGTCAGGATATTTTAACAAACCTATCAAGCTCTAAATATAAGCCTCCTT
GGTAGTTTCTCTTTAACCCTCTCTCCACTGTTGGATGAAATTTGCTGCA
TTCAATTCCAGTTCCCACCCCACTTCCTTCTTAACACAAGGTCAGGGTT
AAGCCTTCGGTGCTTTAATCCAGAGGAAAATTACTTATTTTAAAAAGCAG
TGAAAAACACCGCATTCCTTTGGCACAGGATGAAGACCAGCTTAGCTTTT
CAGTTGTTGATT

>Sequence 1461

AGGTACGCGGGGGAGCCAGCGATGGGTCCACCTTGCCTTTGTTGTTGTTG
TTGTTTTTGTCTTGTCTTGGTGACTGAGTGAAGGGACTTGACCCTGGT
TCTCCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTGCGGTGATCAGGGAAGCTGCCTG
GACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACCCCATCTCTCGCCCCCTCTTGAG
AATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTGTCAGCCTGCAGTCAGACCACAGTCT
GTCTCGGGCTGGTGCTGGGGGTGGCAGAAAGGGGGTCTTGACGCAACCCC
TGCTCCCCCGAGTCTCTCAGTCTCCTGGGGAAGAGATGACAG

>Sequence 1462

GCTCTCCGATGCCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTCTGC

>Sequence 1463

CCGGGCAGGTACGGGGGAGATAGGCAGGGGACATCTCCCACTGCTCCAGC
ATCCCCAACCCCATCCCCGGGCAGCCCCATCCCACACCCGGAGGAAACCC
TGTGTGCCTGTTACAGAGCCGACAACAGTAGCCAGCGTCCAGGCAGAAG
CTGACGCACAGGGAACCTCGAGGAACCTTCCATAAAGGCTAGTGTGCAGCCC
CTGGGGACGGGCCAACTGTGGGCTGGTGGTTGGTGAAGCCTGTCTTTGCA
AGAGCCCTGGCAGCAAGGTGGTGTGTAAGCCAAGACCATCTTCCTAAGTT
CTCCTTCCTCGTCT

>Sequence 1464

GGGCTCAGGCTCCTTGCAGATTCCTAACCAGCATAATGCTGGAGCCGGGA
GCCACCAACCTGCAGTCTTCAGAATGGCCGTGTTGGACACTGATTTGGAT
CACATTCTTCCATCTTCTGTTCTTCCCTCCATTCTGGGCTAAGTTAGTAGT
GGGATCGGTTGCCATTGTGTGTTTTGCACGCAGCTATGATGGAGACTTTG
TCTTTGATGACTCAGAAGCTATTGTTAACAATAAGGACCTCCAAGCAGAA
CCGCCCTTGGGGGACCTGGTGCATCATGACCTCTGGGGCATAGATTGACC
ACCACAACAAGCACCAGTTCTTACGGGCTCTTAAACGGTCCTAGCTTTAA
GAATAT

>Sequence 1465

AAGCCCGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TATAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGTAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTATCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCTT

>Sequence 1466

Table 3

275/1077

CCGGGCAGGTACAGGCCCTCATGTTCTCTGGACACAGCATGGATGGTGAA
TGTTCTCGTGGTGTGAGACAGAATGGAGTCAAGGAGAAACCAAGTATAGG
CACAGGGTGGGTGAGACTTTGTTTCCGCTAAGAAGGTCATGCTGGAGCCC
TCCATCACCTCAACCACCTCCCCACTGGCAACACCAGACTCCAATTTGAT
TTCAACAGGATCAGGACCATACTTCACATCCAGGAAGATGGGGTCGCTCC
TCTGGCTCAGAAGGGCATCTCGAGCTTCACATTGGTAAGTCCCTGAGTCC
TCCCGCTGGACAATGAGAATGGTGAGGATCTTGCCATCCGTGGACAGCTG
CATGCGCTCATGGAACACAATGGAGAGGTTGTTGGAAACCCAGTGGATGG
TAATGTTGACGTCCTTAGTGGTGCAGTAGAAGGTCA

>Sequence 1467

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TATAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATATTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACTACTCGATTGTCAACGTCAAGGAGTCGCAGGT
CGCCTGGTTCTAGGAATAATGGGGGAAGTATGTAGGAGTTGAAGATTAGT
ACGCCGTAGTCGGTGTACCTGCCCC

>Sequence 1468

AGGTACATCAATAAGTGACTGGTTAAATACGTTACTCCACCTACAAATAA
TGCAATGTTGTGTGGCCATAAAAAAAAAAGAATAAAGTAGATATTTAGTTG
CAGATATAGAATGAGCTCTACAATATATTAAGAGGCTGAACAACGTGCTG
TTTACAGAAAATATGCTCTAGTTGTATATAAAGGAAAAAGGATTTAAATT
CACATTTAACTTGGTAACACATTGAAAAATTGCAGAAAGGTAAATAAAA
AAATCCAAAGCTAGGCCAGGCAGAGTGGCTTATGCCTGTAATCCCAGCAC
TTTGGGAGGCCAAGGCGGGCAGTTCACAAGGTCAGGAGATAGAGACCATT
CTGC

>Sequence 1469

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGGAAAGCAATCGGTTTAAACAGAGCGCCAACCCTGTA
CCT

>Sequence 1470

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCC

>Sequence 1471

CCGGGCAGGTACGCGGGGAATTAAGTGGAACTTACCATTATTCTGCTTT
GCTAAATTACTATGCTACTGCTTAGTGATTTTTCTAATACCATTATAAAT
GCTTTGAATTCTCCTGCCCTAGAAAAGATAAATTGATCTGAATCTCTTA
TAGTTTGTGTGCTGTATCTGGGAAGTTCTGGATGACCTTTGACTGTA
TCAACGTAGATTATAATCGAGAATATAAATTACAGCTGAGGGGGGAAAGT
GGTACTCCTGGTAGATCAATCTGGATGCAATCAGGAGGACAGAAATCAC
AAAATAACTTAGAGTCTN

>Sequence 1472

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAATCATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTCAGTAT
TTGGGGTTGGGAAGTGGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTC

Table 3

276/1077

AGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATA
AGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGTCACTTAACACAAGT
AAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAA
GTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAACAGAGA
AAAGTATTTTTTGAAGGGGTCTTGAAGGCT

>Sequence 1473

CCGGGCAGGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAG
GAAGAACTGCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCA
GCAGCAGTTGTGTAAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAGT
CCTCAAGGTTAACAGAAGTCTCAAAAAGCCCAAGCCCCAGAATTTTGAAA
AATACATGGGTTCACCCCCAACCTAATTCAATGTCACCAAGAAAAACTT
GTAAGTTCCAATAAGGACAAACCAATAGTTTAAGTCTGCAAAAATATTTT
CCATATAGAATTTTAGAAGTATTATTTAACCTCTTTAATTCTCTGCTTTT
CAATATCAAATTTGTTTTTTGAAGCCCTTTTCTTTGGGTAAAAGTTTA
CCGAAATGCCTTTNNTTTCAAAAAGTAAGTCTTTACCGGTGAAACTTAATT
TTAAATGTATTTACAAAACAGGAACTCAGTAAATGGCT

>Sequence 1474

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGA1 TCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGGCTT
TATTTGGGTTTTTCAATTTATACAAAAGCTGGGTCTCTCCTTGATCCCAGTG
TTTTGGTGGTCTTTTGTGC

>Sequence 1475

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGGCATTTAACCTCAAGGTAAGACCCATTCC
AGGACGGCAGAGATCATGTCTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCC
TGACATGTTGCAAACACTCCGTATGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGCCCCA
GTCAGAAAACCTCTGGGAGAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGAC
GGATACATGAGAAGCTTTCTTTGATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGT
GAACTTCCACTTAGAGGTGTCATGCTATGGGGCCTCAGCGTCACCACATC
GTTTGGACGTCTGACCAGTTTCCTGACTTTGAGAGGCTCTTA

>Sequence 1476

AGGTACATATACTACTCTCTTTAGTAACAAGGTTGTAAGTTTCCCAC
AAGGACAAGACTTTTATGTTGAAGCAGTAACTGGGACTTCTAAGGAGTGC
AAAATGTAATAGTTCTTTAATTGGGTAAAGTTACAACATCATCTATGGTTT
TTCTTTTTTTTTTTTTTTAGCGACTCATGAGCAGATATTCGCCCCATATT
ACAGACGGGGGAAAAAAGACTTGCACAAGCTCAAAATGTGCGAGCTGGAA
TTACCATGAAAACCTTGGCATATAGCTATTGTTTGAGGCCATTGTCTTGG
CAGGATTCTTTGGGN

>Sequence 1477

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGTAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGC
AAGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCC
CCACCACCCATGAACTTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCA
GTTTGAACCAGTGGAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTA
TGACCGCAGAAGAACTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGG
AGAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACTACCTCCAAGTGTGTCCAAAAA
GGCACCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTTATCAAAGGTTCTG
GAGAC

>Sequence 1478

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG

Table 3

277/1077

T

>Sequence 1479

TTGTGCTATCACTACTTAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGAG
GTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGTGTCTAGCTCTGTA
GCTCAGGCTGGAATGCCGTGGTGCGGTTATGGCTTACTGAAGCCTTGAAT
TTATGGGCTCGAGTGATCTCGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACA
GGCACATAACCACCGTCTGGCTAATTTTAAAATGTTGTTTTAAAGACAA
GGAGTCAACTTTGTTGCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCTGGGCTCAAGCTG
TCCTCCTACCTTAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACATATGAGAATCACT
GTGCCTGTCCTGTCCTGTCATTCTTTAAACAAAATTTTCATTGAATGCACA
TCTTATTATACAAAGACTATAATTTCTGACCAGTTGCTACTTCACATAG
ATTTAACC

>Sequence 1480

CCGGGCAGGTACCTCCAAGAAGCTTACAGGATGGAACCAGGGAAGGTTTT
GGACACTCCACATCACTCAAAGTTCCACTGGCTCGATCCCTGCAGATTAG
TGAAGAATACTGAGCAGAAACCAATTGTCCACAGCTGCCAGCCTTGGGC
CATCTGGATTACAGAATCATGGACAACACTTAATATTATCCAGGGAAGCC
TCTTGGGCAAAACCATACGAGTTCAACCTCAGCCGTATGAAGTTCAG
GGGAAATGGTGCCTCAGCAACATCAGTGACCTTCCTTTTCTTGCAGAAA
ACTCTGCCTTTCCAAAAATGGCACTTCAAGCAAAACAAGATGGAAAAAAG
GATGTGAGTCATTCATCTCCTGTAGATTTAAAGATACCACAAGTTCGAGG
A

>Sequence 1481

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGACAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1482

AGGTACTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTT
GAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGG
GATTATAGGCATGCGCCACCATGCCCCGGCCGAGGTACAGGGTTGGCGCTC
TGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGGGTCTTGGTTCCCATTCATGCTGCCT
CCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCCTTATTTGAGTGCAAATGT
CCGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTGTGGTGCCGTGGTCATTGT
CGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACGT

>Sequence 1483

AGGTACACTGAAGTAGGAAGGAGGGACAGAAATAGCAAGTCTTAGGAAAT
GCCTGGGTATAAAATAAGGAGAAAAATTACACTTAATAGCATATCATAAT
AACTGCATTTAAAGGTGGGAGGAGAGTCAACATGTAGTAAGTGTTATTTG
ATTTAAGTATTTCTATTGCTAAATTTAAGTGTAGTTAAAATTTTCATAGTT
TACTTTCTTTACATAATGCACTATCCGCATCATTGAAAATTTCTGTGAAT
ATGTTTCTAATAACATTATAATTTTCAATGTGTAGATATTTTCATAATTT
GCATAAACAATGCCATGATATTGAAATCAGTTACTTACAATGCCAAGGGA
C

>Sequence 1484

ATAAGGCAGCCACCGGAAGCACCCGGGCGGCCGCGGAAATGCTGGTGGTC
TGCATCACCACCGGATCAACTTCGACAAATACCACCCAGGCTACTTTGGG
AAAGTTGGTATGAAGCATAACCACTTAAAGAGGAACCAGAGCTTCTGCCC
AACTGTCAACCCTTGACAAATATGTGGAACCTTTGGGTCAGGGGAACAAG
ACACCGGGGTGAATGCCTGCTTAAAAAACCAAGAACCTGGGGGGCTGGCT
CCCCAATCAATTGAATAGTAGGATGCGGAAATCGGGGCCTAACTAACAAA
AAGTTTCTAGGGAAAAAAGGGGAAAAAGACTTCCCAAAGGCCAGGCCTG
GTTCAATTCGGTGGAAAGCGCCCAAAATATCCTTCCAGCCAGGAAAGAAGC
TTGTAGGGAGGAAAGATTATAGGAGTGGTTTGGGGGGGGGCCACTGTGGT
CCCTGGGGGGGGCTTTGGAAAACCCACAATGGGAGGGGGGAAGGTTTCAAT

Table 3

278/1077

TAAAAATGGCTTGAACCTTTTAAAAAAAAG

>Sequence 1485

CGGGCGCTGACTCCTGTGAGACGCAGCCGAGGCGAGCAGAACCCGAGGGG
AAGGGATGCAGACCAGAGCCGAGAGCTACTAAGTTCCTGGCCTCCCCGA
GTGAGTGACTGGCGATGGACGGAGAGCAGGACTTCCCTTCCTGCATTGAG
AATGTGTGTGCAGGTCATTATTCATCAACACATGTCAAGATAAAACATAC
AGAGCTCTTCTTGGAAGGGCTGGGTTTGGTCCATCTCAAATGACACTTTT
GTCACCTCCATAAATTCCAAGATGGAATGTCAGTCCACTGGGGTTGTTAT
AGACGGCTAGGCTAGACTAGGCAGTCCGGGGCGGGGAGGGGAGTTAAGTA
GGTAAGTGTTCTTCCCTTCCACGAGGCTGTCTTGTGAGGTCATTTCTGCC
TGAGTGTGACACAGTCCTCTGTAAATATACCTGTAAGGAACGTTTTCTT
GCAAGATACAACAGGTCTCCGTTTTTTTCCCGATTTCACACAGTGTGTTT
TGAGTGTGAACTCGGTCACAGAAAGGGGCCCCCGCGTACCT

>Sequence 1486

AGGTACACAATAAACACACAATTTTATCTTTCAATTCAAAAATAATGTTT
AATGAAATTAAGAAATGAAAGAAAAACAGTCTGATGAAAGATTACATTTG
ATTATGAAGAAAGTAAATGACCTACTGTCGTTCACTATGACCTATCCGAT
AAAACGGTCTGCTTTTTCTTGTGCTGTTCTTAACTTAGGGTGTATTGCC
TCTTGTTCCTTTTTCTTAAACAATTTTTCTATTTCACTCTATATTCAGTG
TGCTGGAGTTGCAAATTTGTCATGTAGCCATACTGTTCAATTTATTTATTT
ATTTTTTTTTGAGACGGAGTCTCGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGT
GGCTC

>Sequence 1487

AGGTACCTGCGATGTCAGGAAGAGGAACCCACTAGATGACCATCCTTGGG
AAAGAGTCAACCATGCCAGCCAGACACATATAGCCAGCTGCTGGCATTG
GATTCTGCATATAACCTACCATGACAGAGGTTTCTACAGGCCTTTTTCCC
TACTTCCTTATGCAGGAATATTCATCTGGATAATGAAGATCCCCTGTCCT
AAATCTGAGATTTGGCTTGCATTTAAACATGAAATTAACATGTATTTAA
ACTGAAAATCTGCTGCAAACTGTTTCTCTCATCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1488

CCGGGCAGGTACCATTCTGGCCTGCTCTACGTTGCCATTTTTAATCCAAC
TTGTTAATTCTGCCTTTAGACTCTCTTCATATTTCCCTAGCATCCATCTTT
TTAATGACTAATTTATTGTTAAAATGAATGAAGTTTTCTGGGCACAGTTC
CTGGGCCCCGAGGCCAACTTTTCCAAATTTGAAACATGGCATCATACAGCT
GGATGCTTTCTCGAGGTGAAAGGGTAAGATCAGGAGGGAATCCATACCTT
TCAATATGATCTGTTGTTAGTGCAGCACATGGGTGAAAATGATCAAAATG
AATGTCACCATGTTTTATTGAACATACATGCTTCTCTAGATCATTATACC
TCTCTCCATC

>Sequence 1489

CCGGGCAGGTACCATCAAAAGAATATATTCCAAGAAGGTTAGCATCTAAC
TGAAGGAACTTAGGTGTGACACTGAGAGACTTCATAGCAGGAGATGAAA
GCTTTGAAGGAAGGCATTCTGCTAGAGGGGCAGCAAACCTCCAGCCTGAGA
GCCAAGTGCAGTCTGCCACCTGTTTTGGTATGACTGGTGAGGAAAGAAAG
GGGAAAATGATTTTATACTTTTAAATGGAAAAAAAATTAAAAGATACTT
CATAACATGTAAAATTGTATGAAATTCAAATTTCAGTGTGCAGAAGTTAA
GTTTAAGGATTGTTTAGGTATTGGCTGTCTACGGCT

>Sequence 1490

CCGGGCAGGTACAAGCTCAGTTTCTATGATTATGTCCATCAGCTCATCCA
TGAAATCAAGTCCCAGATGGCAGTTCTGCAGAAGTGCCCATCCTCCGTTT
GCCATGGTCTGCTGCAAGAGCTTCCGAGCATGGACTTCTGGCCCTGGCC
CATGGACACATAACGGGTTTCTATTTTTAATCTCTTCCCCAAGGCAATGA
TGGAATCTGGGGGGTCTGAGCCCATAAACGGGAAACAAATAAGGGGCGTC
GGGGAATCAAATTTCTTCCACCTCTTTTTCCAGTCTTAAATAACAATTTCC
GCATATTTTTCTTCCATGGGAGTCCACCAATGGTCCCTGGGCCCCGTTTTA
AACTAATGGGATTCCCCGGGCTTTCAGGAATTCGAAATTCAGCCTATTTG
AATCCCCGGCCACCC

Table 3

279/1077

>Sequence 1491

AGGTACCTGCGGTAGTAGCCTGGCTTTGCTCTGACGGCGATCTCGCGGCC
CGAGAGCCTTTTATAGACAGCTCCTTCAGTGTCTCTGTTTCCAAACCGCA
ACCGAGAAGAGACAGACGGAGAGAAAAGAGAGTTACTTTTCCAGGTTGCTTT
TCCCGGGGATGTGAAGGATACAGAAATGACTGTGAATCAACCCATATCAT
CAAGGAGCTGATAATCTAGTGGAAGAGTTAGACGTGTGCATACTTCACTA
TGATATGAGGCAGTCTCTGAGCTTATATTCTCTGTGGAAGATGTGACATA
TCCAGGCGGAACATCATGATGCAGGGAAACACATGTCACAGAATGTCGTT
CCACCCGGGACGAGGGTGTTCCTCGAGGACGAGGAGGACATGGAGCCAGAC
CCTCAGCACCATCCTTTAGGCCCAAAATCTGAGGCTGGTTTACCCTTAA
CAGCCTCCTGTGCAG

>Sequence 1492

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTGCCCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCATGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1493

CCGGGCAGGACGTTTAAACGTGCGCCCCGGCGCGCGCTCCGGGAGGTTGCC
CGTAGGCCGCTAACTGGTGGTTCCAGTCCCCGCGGACTCGGCCTCTTTC
TTCTGCGGCCACCAGATCGCGGGATATCGGAGACTTCGAACAATCCGCTG
GAGTCCTTTACAGTTTAAAAACAGAGGAC

>Sequence 1494

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATGAACAAATATTTA
TTTATCTTTTATAACAAGTAAGGCATTGTTGCTTAAAGGAAGACAAACAA
ACTTAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTTCATTTGTTTCGGCACAATG
CTTTTGGCATAATTGGAGATGTGACAGCAAACCTTCCAGGACATTCAGTC
TTCGGCGGCAGCACTTAGGGCAGATGACTGGCCGCTCAAATTCTCTATCT
TGTTTCAGGACAGTGGAAAAGCTTATAGATGAGGCCAAAGCACCAGGTAG
GTGGAAGGTTCTTGTATCGGTTTCGAACCCCGACAGCGCGCCAACAGACAA
CACGAGGCAGTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAATGAGCGCCTGGGTACAG
GCGTGCTGAGGCTGAAAATGGCATTAGCCCCCGGGTACCTGCCCCG

>Sequence 1495

AGGTACGCGGGGGGCCCTTTCTGTGACCGAGTTCACACTCAGAACACACG
TGTTGAAATCGGGAAAAAAACGGAGACCTGTTGTATCTTGCAAGGAAAAC
GTTCTTACAGGTATATTTACAGAGGACTGTGTGCGCACTCAGGCAGAAAT
GACCTCAACAAGACAGCCTCGTGGAAGGAAGAACTTACCTACTTAACT
CCCCTCCCCGCCCCGACTGCCTAGTCTAGCCTAGCCGTCTATAACAACC
CCAGTGGACTGACATTCCATCTTGAATTTATGGAGGTGACAAAAGTGAC
ATTTGAGATGGACCAAACCCAGCCCTTTCAAGAAGAGCTCTGTATGTTTT
ATCTTGACATGTGTTGATGAATAATGACCTGCACACACATTCTGAATGCA
GGAAGGGAAGTCCTGCTCTCCGTCC

>Sequence 1496

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTTAAGGTGGTGTAATATTTCCCATAAAGCTTTTGCG
GGAAACTCCTGGCGCCAAATCGGAAGTTTGTTGCATGACCTTGCGAATTT
TTAGGTTTTTGGTACAAGGGATAGACTTGTAGCTTATTTTTTTTTTAAATA
AAAACCTGGATTACATGTACGACATGTCTGTTAGGATTCCTCTTCATGGAT
TGAATTTTAAGCAACGATCTCTGTGCTTACTTTTTTACGAGAAGCACAAAC
AGTTTCTAAAGTTGAGGGGTTTAAATGGGGGTACACTTGCGGCACGCCTT
CTAAGAAACCTAAGTTGGGATCCCCCCCCGCGGTGCTTGCT

>Sequence 1497

AGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGGGGGTGGGAATTAT
TACAATACACATCATAGACAAATGAAAATAGTTAATTATTTTACTTTGTA

Table 3

280/1077

TGAGAGAGAAGATTTATCCCATATAAGATTCATTTCAAGATGTGTCCCAA
CATAGGTTGTTTGAAGACTTTAAGATTTACAAAAATATTTTTGCGTGTCT
ACAGCAAAGATGGCGAAGGACTAAGCTATAATAAGTGATAATGGAGGGCC
CCTTAGTAGAAAAGACTTGCACTCAATTCTCAACAAATTTAATTTATCAA
GTTCTTAGGCTATGAACCATATTTCCCCTACCACTAAAGTGAGAAAACT
ATGTTAACTAGTAGGGTTAACCACATTAATTAATCAACCTGTGTAAAGT
GACTCTCATATAATAGTGTCTATGATGTGGTCCACTAAATTTTCTGTAAA
ATTTTTCAAGTTCTTTAAGTCACCGTATCAGTGATGCCTTACTACCATAGA
ACATAAATAATGTTGGCTCTTTTTGCGTAAGTAATCTATGAGGTGTCTAT
TCAGGTAATACAGAAAGGCTTCTTGTATCTAAATATTCTATGCACTGCTA
CATGCTATACAGCATTGCCATTATTTCTTCTTTAAAATAATATATTGAAA
GGTCCTGTAAAAATAAGTATGCATTATGTAGCATAAACCAAACATAAATT
CAGGATAAAATAATGGGGTAATTTAGTTGAAACAGAGAACAGAGGTAATA
ATTCCTTACCTTTATTA AAAAATTCAAACCACTTAGGTTG

>Sequence 1498

AGGTACCTCTTTTTCTATGCTGAAAAGTTATGTAAAAAATCCCTAAGCTT
TGTTGGATAGTCTGTCATCACCCAGTTGCTCCCAAATCAAAGCTCTTT
TGTATTCTTGTTCTTCATTTAATACCCAAATATACACTTGAATGCCTCGA
GCAGTTAGGTGGTCAAACAAAGCTTTCCTCATTAGTAAGAGATCAGAAAG
CCAGATGAGAACTTTTGACTTCTGGACATGGTGTGTGGTTCTTTTAGCT
TCAGTATAATAGAAGGCATTGGGATTTCAAAAAACTGTTCTCGAATGGGC
ACAAAGGGCAAGAGGCCAGTGAAGAAAAGGCCAAGAATGAGCAGGACACG
TTGTAAACTGAAGAGTATAGGAATATCTGAATTCTTTTCGTAGCACTTT
CTACAATTTG

>Sequence 1499

AGGTACACGCCGCCACGCCGGGCTAATTTTTTGTATTTTATAGTAGAAATG
GGGTTTCACCGTGTTGTCAATGCTGGTCTCGAACTCCTGAGCTCAGGCAA
TCCGCCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCTACC
GCACCCGGCCTGCATATATTTTTTAAACATTTATTTTAGCGTTACCAAAT
TGTCTTGAAGCATTCATTTAAAAACACAAAAACTCACTGCAGCTGTCTGA
ACACTTTTCTACTTCACCAAAGAGTGCCGAACAAGTTAAAATGAATCTGT
TTTTAAACACTTCTCCTA

>Sequence 1500

CCGGGCAGGTACTGGGAGAGTGAACGACCACATTAAGAACTGGGCAATGA
CCAGCCTGGGCAACATGGTGAGACCCTATCTTTACAAAAACAACAGTAAA
AAAAAATGAGCCAGGTATGGGGGCACAACTTGTATTTCTAGCTACTCTG
GAGGCTGAAGCAGGAGAATTGCTTCACTCANGAGGTGGAAGTTGTAGTG
AGCCAAGATCATGCCACTGCACTCCAGTCTGGGCGACAGAGTGGGACCCT
GTCTCAATGAAATAAAATAAGATAAACATGAGAACAATAGAAAACTGAAG
GACAACAAAAGGAGGTAAGGAGATAAGGGGGTAGAGGCTGAAAAACTTCC
TACTGAGGACTATGTTCCACTGAGGACTACTGAGGACTATGTTCAATACT
AGTATTGACAATATCAATAGAAGCCTTAGCATCACACAATAGACCCTTGT
AACCTACACATGTACTCAAGATATACTTGATATATGTAGTTATTGGAAGA
AGGGCTTTAACACATGCTTCTCAAGTGAAAGAATGGAAAAGACAGACAAA
AGGAAAGAAGGAAGGAAAGGATGGAAGGACATATTAGAAATAGCAGGGTC
ATGTCTTTATAACAATCTACTTGAGAATTGTAACCTTGAAAAAGGAAGAA
GGAAGGAGTTTGGCAGTCACCAAAGGAAAAGTCCTTCGGCGTTTAAACTA
GTGGACCCCCGGCTGCAGAATTCATTTCAGCTATCATACCGCAACTGAG
GGGGGCCGGTCCCAGTTT

>Sequence 1501

GGTCTGGACCATCTCTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGC
CGAGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCT
GGTCCCATTATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCT
CCTTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGG
TGTGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGA
CGT

Table 3

281/1077

>Sequence 1502

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGGAGTCT
CACTATGTTGCCTAGGCTAGTCTCGAATTCCCCAGCTCAAGCGATCCTCC
TGCCTCAGCCTCCTGAGCAGCTGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCC
AGCCCTTAAACTATTTTGGATTAGGTTTCTATTACTTGCAGCCAAAAGTT
CTGAATTAACAAAGGGCCTCACCTGGCTCTTCCTTGGTATATATTACTA
TGGGGATGGGATGACCGAGGTCCCATAGAAATCTCAACTGATCCATTCTT
CCCATCTATTTTCCAGGTCTCATGAAAAGTTGCCATTTTCCCTCCTCAA
TTT

>Sequence 1503

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCTGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1504

AGGTACCCACAGCATTGGCTGTTCTTCATAGGAGACTCAGAGAAGACTTC
ATAGGAGACTCATTATTGTTTACTGGACATCAGGTGCTATATTGTATAGC
ATTCACATTCCACAGGTGAGGAAACAGGCTCAGAGGAATAAGTGGCATGC
CAAGATCATTGAGTATATCAGTAGCAGAATAGGATTCAGACTNTGTTAGG
CCTAACTCCAAAGCCCTGGCTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAATCTTACTCTGT
CACCGGGCTGGAGTGCAAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGCAATCTCTGCC
TCCTGGGTTCAAGTGATTCCCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACT
ACAGGCATGCACCACCACGCCAGCTAATTTTTGTATTTTGTAGTAGAAGG
GAGGTTTACCCGGGTGGCCAGGATGGTCTCAATCTCTTGACCTTGTGAT
CTGCCTGCCTCGGCCTC

>Sequence 1505

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATCATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGTT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGAGGAAAAGAAG

>Sequence 1506

TGCCGTCGACTCTATTCTGTAAGGCGAATGAGCTTACCGCGGAGGCGGCC
GCCCCGGCAGGTACTGTGTTCTCACCGTCGCGGAGGTTTGTGGATATTGG
ATAAAGCTTCACTTTGATGGGTATTCTGATTGCTATGACTTCTGGGTGAA
TGCAGACGCTCTGGATATCCACCCAGTTGGGTGGTGTGAGAAAACCGGCC
ACAAACTTCAATCCTCCAAAAGGGTATAAAGAAGAAGAATTCAATTGGCA
GACCTATCTTAAGACATGTAAAGCTCAAGCTGCTCCTAAGTCATTATTTG
AAAATCAGAATATAACAGGTGCATCCCAGTCGCGGCTTTTCGAGGTTGGT
AATGAAGTCTTTGAGGCAGTTACGACAAAAAAGGAATTCCTTCATTTCAT
TCTGTGGTTGCTAACGGGTAAACCAGATATTGGTGCGACAAATCGTTTTTC

>Sequence 1507

TACTGTGGGGCGCAGCTGTGTTTAAAGGAATTGGTCCAACCTCCGCGGGGG
AGAAGGCGGGNNTTTGCGGTTATGGGCGGCGTCTTTCCGCTGTCCTCTGTT
TAATGAACTTCGCTATCGCCTCGGACAGTATCGGGTTGTGGGCGGGGCGG
GTTTCAAAGATTACTCCAAAAGAGGGTGAATTACGGGTAAATATCACAAAA
ATCAGGGGGAGTAACCGCAGGGAAAGAAACACTGTGGAGCCTAAATAGGC
CACTTAAAAGGCCCATGAACACGGTATAAAAGGGGCCCCGTTTGCTTGGGC
GGTTTTTCATAAGGAGTCGCGCGCTCTCTGTGCGGGGAATTATAAAAGAAA
TGTCGTCGTATATCTAAGTGTGTGCGAAAACCGAACAGGCCTCTTAATAA
TCCCT

Table 3

282/1077

>Sequence 1508

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1509

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGTAGAATA
TTGATTGTCCTATATCCCATTTTCTTGAAGAGATTCTGGCTTCTAATATA
TGTTCTTAAAAAAAATTTATCGTCTAGTAGTGATGTCTTCATGTTTCAC
CCAGCTGTCTCATAGGCATGACTAAGCATCTATTCATCACCTGGCTCTG
GATGCCTCCTCTCTTTACCATTGTTGGGAAAGGCATTTGCTGATTCCTTTG
ATATACCTGAAGTATTGATGCTAGAGAAATCACTTCCAATATAAACAGCA
TCGTTTGCAGATCTTCACTTCTGTGCTGCCTCAAATTATGGTCAGTGAG
CGAAAGGAAA

>Sequence 1510

CCGGGCAGGTACTAACTAAGCCGTCAACTACCAGCAAGCAGAATGAAAA
ACAGGGACAGATCAGCATCCAATTAGTATGTCTAAGTTTTTAAACAGGAA
AAGGGTTGAGGGGAATCAGTAAACTGGAACTCATACTTCACAATTTTG
CAAATCTTACTGATTAAAAGGACGGAAATTGTGTGCTTTATCAAATCTTG
CTGTGAAGTGCACAGTTTCATTTTGTGAGGTCCTGTATAACAATTCGTCC
TGGGCTGGCCCACTTTTCAAATGCAATGTTGAAAAATCTTGGGAGAATT
CAAAGCAATCATTATTTTCAAGGCAATGCAAAGGGTCATTTACTTAAGTGA
TTGCCCTTTAAACAAAGGTTTCCAAAAAAGCCTCAATAGGAGTATACTT
TCAAACCTTCAATTAACCTTTCAACAATTATGGGTGTAACCTCAGGGCC
CGCTTCTTAGGAACTAGGTGGGATTCCCCCCCCGGTGCCTGGCAAGGAAA
TTCCGAATATTCAAAGGCTTTTATTCGTATAACCCGTTCGAACC

>Sequence 1511

CCGGGCAGGTACACGTATAAGCCACCACACCCAGCCCTTAACATGCTTTC
GTAGCTTTCCATTACCCTTAGAATCAAGACTCTATTGAGGCAAATGCACC
ATGACTTGCCTCAAGCCCAGCACTTTCCTATTCTTGCCAGGCCTCCAGCT
TTTCCTGAGCCCTCGCCTCTCCCTCACCTCCCTCCAGCTACATAAGCCTT
CTTTCAGTTCCTCATCTTTCCCTTTTAGTGATCTTATGGAATCAAATATT
TATTTGCTTATTTTTTCAATGTCTGTCTCTACTAGCTAAAGGCAGTGGAA
AGTTTGTTCACACAGCTTACCTAGCATTGACAGAGCCTCTGGTATGTC
GCAGGCACTTAAATAAAATAAATAAATACTGATGAAAAAGCTCCTTTTCCC
CAAGTCCTCTCTCTTCATCTAAAATGGACCCTTGGCGGCTGAGAGGCTGG
AGCACGCAGAGCAGGCTGGTTAGACTGTCCCTGGAGGCTTGCTCTTGCCA
CTCAGCAGCTATAGGAAGTTCTNCAGGGCCCATCACCTNCCTATCGCCTC
ATCTGAAAAGGGGCAATATTAACCAATATCTTNCCTACCACGCTACCCAC
CGNACAAGTTTAATAAGAAGAAGGTAAGTACCT

>Sequence 1512

AGGTACTTTTTTTTTTAATTTTAATTTTAGTAGCCTGTCTTTATTGAATC
CTAGTTGTCTTTCCTTAATGCCTCTTCACATTTGAACCACTGTCAACCTT
CTCAGACATAAATTTTAGCCACTCCCCTTCCCCACAAAAGAATCTAAGA
AAAGATACACTTGCTGTCTGTTTTTGTAGTTTACATATTCAGTTGACTA
CAGCTTACCGTTTTTCAACTTCTGAGAAATTAGTTCTTAATTTTGGAAAA
TGAGTAATTCAGTTAATACATCTCTAACTTTTTTTTTATGGAAATTTTC
TGACATACCAAAGCAGAATAAGGCCAGGGGCGGTGGCTCACACCTGTAA
TCTCAGCACTTTAGGAGGCCAGGCGAATCACGTGAGGCCAGGAGTTAGAG
ACCAGCCTGGCCAACATGGTAAAA

>Sequence 1513

TTAAACATGTGTCACTGGGCAGGCGGTGCCTCTAATACTGGTGATGCTAG

Table 3

283/1077

AGGTGATGTTTTTGGTAAACAGGCGGGGTAAAGATTTGCCGAGTTCCTTTT
ACTTTTTTTTAACCTTTCCTTATGAGGCATGCCTGTGTTTGGGTGACAGG
TGAGGGGTAAATTAATGAACTTGGTTGGGTGAATTGGTAGAATATTTGG
GGCCTGTTTAATTGTCAGTTTCAGGGTTTTTAAATCTGACCGCAAGGCTT
TATTGCGGGAGGAGGAATTGTTTTTTCATGTTTACTTTATAACCTAACAAT
TTAGTTTTCCTTTCTATTAGGGGTGAATAGGAATTGGGTTCCTCAATTGGTG
TTTGTGAAGGGAGGTTTTCAAATTTTTTTTGGTTTTGGGGGATTTTTTTT
TAGGGTTAAGTGGGGTTTTGTTTGTAGCCTTTTGATACCCCTTTTGTT
CCTAAAACCGGT

>Sequence 1514

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCTGACCTGTGGTTCATTTATTCCCAGTTAG
GTGAAGAGGCACTCTCAGGGGAAAGAAAATACAGTGGTCTAGTCCAATGC
TGCTGTAGCCTGATAACTGGACTTCAAGTTTTTCATTCAGGATGCTCTTAT
TGACCAAAAACCTAATTGTCAAGTCCACAATCTCAACAAGGGGACTGTTTT
GGAGAAGTCTTACTTGAAGGGATCTATTAAGATGGGAGTTCTTGGCTTGT
GCTGACCCAGGTTTTTGGGAGATTTTACTTTTATAATTATACTCCTAACAC
CTATTTATTTATTACTTTTCTTCTCAATTCTTCTTAGTTAATCAACTTAT
TATTAATTTCTATATTTATATTTAATGTTATATACTCTTAATTTATTAGC
TTTTTAAATATTTTCGGCTTATATTTTCTTCTTTTATTCATTCTTTATTA
AAGAG

>Sequence 1515

AGATGCTGACCGGCGGCGTGGGCATCGGCTTCTGGGTGTGGGACGAGTGG
AACAACTGAACGTAGCGAACATCATCATCGCCATCGTCGTCATCGGCGT
GGTGGGGCTGCTGCTCGAACAGGCGCTGGTGGCGCTGGCGCGGGCGCTGA
CGCACGAACAAGTGGCTAACTGATTAAGGAGCGCGATCATGGAAGACCTT
CAAACCAGGTTTCATCGACATCACCGGCGTGGAGATGGCGTTTCATACGAA
GAAGGGCGTGTTCAGGCACTGCAGGGGGTTCGACCTGGCGGTGCGCAAGG
GGGAGTTCATTACGCTGATCGGGCACTCGGGGTGCGGCAAGTCGACCTTG
CTGAACCTGATTGCTGGCTTGTGAAACCGACGGCGGGCGTGTGTTGTG
TGCC

>Sequence 1516

AGGTACCAGTGGCCAGAGGACCTGCTCAAACCTGACCTTATTCTGCTGCT
CACTGTGAGTACTGAGGAGAGGTTGCAGAGGCTGCAGGGCCGGGGCATGG
AGAAGACCAGGAAAGAAGCAGAACTTGAGGCCAACAGTGTGTTTCGTCAA
AAGGTAGAAATGTCCTACCAGCGGATGGAGAATCCTGGCTGCCATGTGGT
TGATGCCAGCCCCTCCAGAGAAAAGGTCCTGCAGACGGTATTAAGCCTAA
TCCAGAATAGTTCTAGTGAACCGTAGTTACTCTGGCCAGGTGCCACGTCT
AACTAGATTAGATGTTGTGTGAAACATCTACATGCACCATTTGGTTATGCG
GTGTTCCCAAATTTCTGTTCTACAAGCATGTTGTGTGGCAGAAAACCTGGA
AACCAGGCATCTTAATT

>Sequence 1517

CCGGCAGGTACGCGGGTATTTCTACTGGATTTTGCTTTCACTGGTGTTT
AGAAAATAAACTTGATTTCTCTAGGAGCACTCCTTTGGTTAGAGGGATGC
AAGAAGGAGAGGTGAAGGTGGCGTGTGGTGGCTCATGCCTGTATCCACAC
TTTGGGGAGGCCGAGGCAGGCGGATCACTTGAGGCCAGCAGTTTGAGACC
AGCCTGGCCAACATGATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATT
AGCTGGGCATGGTGGCAGGCACCTGTAATCCCAGTTACTTGGGAGGCTGA
GGCAGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGA
TTGTGCCACTGCACTTCAGCCTGGGCGACAGAGTGACTCTGTCAAAAAGG
AAAGGCAAAAACCGGACCCTGGAGCTCTGTGGGCCCTGATTGCAGGCCCC
TCCCTGTGTGATGAGGGATGAGTCAGCTTGGGGAGCCACTTGGCCAGCCT
GCATGCCTGGTCATCAGGAGGTTGAGAAAAGCCTTGAAAGTTGTGAAGCA
CTGAGCAGATAACAAGTGTGTTGTTAATTTTGTAGAAATAACTTTCCCATTT
GGCCTTATCTTCAAGTTGGTATTGGTGCTTCACGCAAACTGAAGTCCGTT
TCTTATTGTGACTTTGACAATGCAAAGGCAAAATAGGAAGAGGCCCTCCC
ACCCCACTATTCCACCCCTGGTGACCCATTTAATGGTAACCATTGCACGT

Table 3

284/1077

ACCTCGGGCGGTCTTA

>Sequence 1518

ATTGGCGTTTGCGCCTCACCTGGCCCGGCTTTTCCAGGTCCGGGAAAACC
TTGTTTCGTGGCCAGTCTTGCAATTTAATGGAAATCGGGCCAACCGCCGCG
TGGTGAGTAGTGCGGGTTTTGGCGTAATTTGGGGGCGGCTTCTTCCCGCC
TTTCCTTCGGCTTCACCTGAACCTCGGCTTGCCGTCTTCGTGTTTCGTTTC
GGGCTTGCGGGCGGAGGCGTGTATTCAGTCTTTTACTTCAAAGGCCGG

>Sequence 1519

CGAACGTGACCGCTATTAGTATATCGGCGAATGAGTTCACCGGGGGCGGC
GCCGGCAGGTGCGCGGCAGGTAGGTTTTAGACTCCTATGCTTTAATTTTA
TGTAATTTCTTGTCTCTTAAATAACCATAATAAAACAACAGTTTTGATA
TAGGACAGTAAAGAGCCCTTTGATATACTACTGGTTTTGAATGTGTATAG
AGACCTCATATATACTCTTCAGCCATTAAGAAATTGTAGTAATATTTTGC
TCCCAAATTGTGGAGTCTGTAAATTTTCTCAATAACATCATCTTTATGAA
AATCCACAGAGGCCAGGGATGGAGTAGGAACAGAACTAAGTTTCAAAGGC
AAATGGTGATCTGGGCTTGAGGAAGTAACAGTGAGGTCAGAGGGAAGAAG
GGAAGGAGAGAGGGATGGCCAGCAGACCCAAGTGCAGAGTTCAGAGGGGT
AGGGAACAAAGGGAGACATGGGGAAAGACTGGATGTGGCCACAGCAGCAG
TGTAAGTGCAGGCCGAGTCGCACCA

>Sequence 1520

ACGCACCAGGTACATCAGACAAGGAAGTCCCACGGCACTGAGAGCTGAAT
TGTGGGCTCTCATTATGAATATTTACAGCCAACCTGAGGATGTCTTGTAT
TATGAGCAGCTCAAGACCAATGTGATCTACATGACCTTTGGGGACAGTCT
AATCTATAAAGATGTGAAGTTGACAGCAAGCAATGATGATTATTATTTG
TATTTGAAGATTATTTATATCAGGTATTACTTTGGTTTTCCCGGGATACA
TCTGTGTTGAGTCACTTTGCATTCAACAAGTGCCTCGCCACCAAAATCAT
ACATAAGATGAAAATAAGACTGGAAGAATATGCTGTCTTTTACCCACCA
AATGGTGTTATCCCTTTTCATGGATTTTCAATGTATGTTGCACCCACTTG
ATTTTTATACCATGAACCTTCCAAATTGGATTAGATATTTCCGGGAGAAGT
ATGTACATTTTTTTTTTAACTACAATTAAATATTTCTGAATATTCAGGG
AATAGATCACTATTGTATCTTTGTTGAAATATTTTTTAAATCTAAAATGA
CCAATCTTTTTTATAGGAATAAAAATAAGGGTTATTTGCTTTAGATATG
GGATATATCATTAGTAAAAATTTTCGTGGAAATTTACTCAACAAATTGCT
CTTGATTATTAAGGTATTAATAATTTACTTATACTTAAGTTGAAAATTATA
TTGGCTTGTAATCTGTGCAATCACTTATCTTGTCTGTAAGTACGCAAAG
AAATTAATTTTATTTATGCTACTAAATTTATTAATCTAAGGGAAATAGT
ATTTTATAAATAATTGCATATACATTATATTATAGACTAAATGGCTTTAA
GTCAG

>Sequence 1521

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGAGACTGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCG
GGAGGCGGAGGTTGCAGTAAGTGGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTG
GGCGACACAGTGGGAGTCTGTCTCAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGCTACTG
AGAAGGAGCCACCATTTTGCTTTAAAATAGTGGGTTTTTTTCTTTTTTAA
TGAACACTGGAGCTGAGGATGCAGATTACATGAGTTATTTAATAAGTTGA
TTCAAGAGAGAGAGGGTATATTAGAAATGGTAAGATGATTTGGTGGGCAA
AAATGCTTTCTATAATTTGAATATGGGTTTAATTTAATTATTAAGTATAG
AC

>Sequence 1522

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGTATTAAAATGTTCTTTTCAGTTAGGGCCAAA
GGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGT
CTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCCTGACATGTTGCAAACACTC
CGTATGGAAGTCTTGAAGGTCCTCCTGCCCCAGTCAGAGAACCTCTGGGA
GAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTT
CTTTGATGGATTTCGATGTCAGGATCTCCATGTGAACTTCCACTTAGAGGT
GTCATGCTATGGCTCTCTCTGTTGAAAACCTGTGTGGTGGATG
GCACCAGTCCTGTTGAATGGTGCAAACGTCCCCTGCACAAAAGCACTATT

Table 3

285/1077

AT

>Sequence 1523

AGGTACGACAATGGAAAGTTTTTAAACAAGCAAATGTCACTATCAAATTC
CTGTTTTAGAAAGATAATTCTGAGAAGGCACATCCTGAGACAGCCTGGGG
CCAAGATGCTGTGGCGTAAACAGATCGCTGAGCGATGATAAGGTCCTGAA
TCCAAAGGGCAATTTGTTGAAAACAAAATTTAAAAGGGACACATTTAAGA
AAGCTTTTCCCCAAAGTAGAAATGCCTGGGGTGACCATATTTAGAATTAA
AGTACGATGTAAGGGAAACAAGAAGAAAACATAAGATGATTTCCACAAGT
TTTGATTTCTTTGGACCAGGAGGTGTTAGATGGACAAAAGTCATTAACT
TGAAGAAAGGTTGAATGATTAGGAAAAAAAAGAAGCTATGTTTTGGTCC
AGAAAAATTGTGACAACCCTCTTTAGTTTTTGAACCCTGCTTGAAATAC
TTGAAGGTAATAGTTTGGGAG

>Sequence 1524

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTGCTATAAACCCAAAGAGAAACTTCCAGTC
GAGGCCAAGTTGCCATGGGTTCAAACAAGCTCAAGAGCTAGAAGAAGGAG
CTGCTGTGTCAGAGGAGCCCTCGTTCATCCCAGAGGCCTGGTTCGGCCTG
GCACAGGTCACCTGTGGGTGTGGGGGACCCAGGGGGGCGAAATAGGTCA
AGGTGGCCAGGGTGGCTCCTGTCTTCTCTCAGTCCGTGGCTGACCTGCC
TATTGACGAGTGTGAAGGGGCCCAAGCCCAGCATCCCAGCGTGCCCTGTT
TATTGCAGGGCCCATGCCAGCGGGGGGAAATTCCCTGAGTTCAAACCCAG
GAACGAGACCAGATGGGGCTCTTTTGGGTGGGCCCTGCAGGAATTTCCGA
CGAAGCCTGTAATTGACTGGGGGAGTT

>Sequence 1525

TAATACCTTAACGGTATTATAATTAATATTGTATCATTTATACGATCATT
AATTTGATCTTTAATGTAATTATAATTATTTGTGTGTCTGGAAATTTAAT
TTTATAATTTATTTTTACGTTGCGTATCTCTAGATATGGTTTATGGAATA
ATATATATTTAATACGTGTGGCTTCACGAGTACCTGACTGATTCTAACCA
ACCTTTTTTTTGGGCTTCTATTTTCGACCGCGATGATGTGGCTCTGGAAGG
CGTGAGCCACTTCTTCCGCGAACTGGCCGAGGAGAAGCGCGAGGGCTACG
AGCGTCTCCTGAAGATGCAAAACCAGC

>Sequence 1526

CCGGGCAGGTACATAATTGTTCAAAGCAGTTTTATTACAACAAAAATCC
GTATACAACAAAAAGCTTCAACCAACAATGGTGAATGGTTAAAAAATATT
ATGGTGCATACATCCATGAAATCCTAGTTAGCTGTAAAAAAGGAATGAAA
TATTGACATACACAATAATCTGGATGGATCTCAAGAGTGTTGTGCTAAGT
AAAAAGTGTCTCCAAAGGTCATGAATGGTTTATTTCAATTTACACAGAATT
TCAGAAATGACAAATTTATTGAAATGGAGAACTAATTTATGGTTGCCCTG
GGTGAGGACACCACTGGACTGGAAGCAGAGGGATGGCTGAGCCCACGAGG
TTAGTGTGAGGGAGATCCTCACAGTAGTGCAACAGTTCTGCACTTTGACT
GCGTTGATGGTGATAGGAACCCATATTTAAGATGAAATAACACAGCCCCA
TGTGCACACACTGTACCT

>Sequence 1527

AGGTACAGGCCCTCATGTTCTCTGGACACAGTATGGATGGTGAATGTTCT
CGTGGTGTGAGACAGAATGGAGTCAAGGAGAAACCAAGTATAGGCACAGG
GTGGGTGAGACTTTGTTTCCGCTAAGAAGGTCATGCTGGAGCCCTCCATC
ACCTTAACCACCTTCCCAACTGGCAACACCAGACTCCAATTTGATTTCAA
CAGGATCAGGACCATACTTCACATCCAGGAAGATGGGGTCGCTCCTCTGG
CTCAGAAGGGCATCTCGAGCTTCACATTGGTAAGTCCCTGAGTCCTCCCG
CTGGACAATGAGAATGGTGAGGATCTTGCCATCCTTGGACAGCTGCATGC
GCTCATGGAACACAATGGAGAGGTTGTTGGAAACCCAGTGGATGGTAAT

>Sequence 1528

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCGCGACGTTTCGGTTCGCTGTGTGTGTCGCCG
GCTCCTTGAGGGTCCATGTGATTTTTACGCCAGTGCTGCTGAACTGTGCA
GGGTAGGGAGCTGGCACAGTCCGATTAATTGTCCTTGGGTGAGGTGTCT
CGTCGGACCCTTTGGGGCGTACATGAAAAATTAAGGCAGAGGTCACTGAA
ATTATTTCTAATAACCAATTCCAAAATAGTGACTCTTGGACAATAGTGCAA

Table 3

286/1077

TTATATGGAATTATGGCTGGTTATAAGCCTGTAGCTATTCAGACATATCC
TATACTTGGTGAAAAAATCACCCAAGATACTGTACCT

>Sequence 1529

CCGGGCAGGTACAAAAGAAATGAGTATCCTAGAAATTGATTATAATATTG
ATGTCTCAAATTTTATGTAAGTTACACATAAATATAAAATCCCAAAAACA
TGCACCTACCAAAACAGGTGGAGAAAAGAGTGTTTTCAACAAATGATGCT
GGAACAACCTGCACATCCATATGCAATAAAAGGAAGCTGGACACAGACTTT
ACCCTCTTTTAAAAAAAACCTGACCCAAAAATGGAACACAGACCTAAATGT
AAAATGCAAACTATGAACTCCTAGAAGATAACACAGGAGAGAATCTAA
GGGACCTTGAGTTTGGCAATGACTTTTTAGATACAACACCAAAGACACAA
TCCATGAAAGAAATAAGAAGTAACCTGGACCTCACCTATTAGAATGGCCA
AAACCCAGAGCACTAACACCAGCATATGCTGAGGAGGATGTGGAGCAACA
GGAGCTCCCATTCACTGCAGGTGGGAATGCAAAATGGCACAGGCACTTCA
GAAAGACAGCCTGGCGGTTTCTTACAAAAGCTAAACATACTCTTACCATA
TGATCAAGCAATTGCAACCTTTGTTGATTTACCAAAGGAGTTGAAAAC
TACGTTACACTAAAACCTGTACCT

>Sequence 1530

CTCCTTTCACGGTAAAGTGAGAACTGTGGTCTGGGTGTGCTCAGCGGGCA
CAGGCCTGTGGTTTTGCTCCCCAGTGCCCTGCCTCTCACAGACCTGCTTG
CTTAGACATCCCCCACCAGGAGGCTGAGGCTGATTCCAGGTGACCCT
TTGGGATGCTTGGAAGCGCTCGCGGTGATTTAAACAGAATTAACCAGCAG
AAACAATCCTTTGCGGAGGTGCAAAAGGGCAGCGAGGAAAAGGCTAGAGC
ACACCTCAGATTGGACCCAGATGACTAGGACCTGCCAGCCGCAGCAGAGG
GATTGGGATACAACAGAGACCTAAGAAGCATCAGTACCTGCCCCG

>Sequence 1531

AGGTACTTTCGTGCTGCCGCCGGGGAGTGACAAAGAGCATGCGGGTGGGG
CGGGCACTACTGGCATCTGGGTGGGCACTCCAAGGCTTGGCATAGCTATG
ATCCAGAAAAACCAGGTCCAGCTCCCGTTCATGCACTGAAAGCTGGAAGA
GCAGCGAGGTGCCCATGCCTTGAGCTGAAGTCTGGAAGTCCCTCTCCCCA
CCCCGGTGGGCCATGTCAGTGGAGGGGCAGAAAGTCAGAGCATGGGTATC
TGCATGCTAGTCACCCGCGGTCTTA

>Sequence 1532

AGGTACTTCCATCCCCTCATCTGTGGTAGTAGTGAAGGCTAGGTGAGTAA
GCGTGGGCTGTTCTACCCACCAGAAGTCCAGGAGCTGTTGTATACCTCAT
TTCTAACTCGTGACCGAGTGACTTGCTTTAACTTTCTCGAAATCCTACAG
AGTTGCCAAAGTCTGCCCCCTCCCTTCTCAGTCATTGTTAAACTCTGGCCT
ATAGCATCATGGGACCTGTAGCCTAGGGTGGGACCCCCTAAAGCCTCTGA
ATGTCGCTGCTTAAAAGCTACTGCAAACTGAGGGCAAATTGCAATCTTCT
ATTCCTTTTTGTTGCAAGGGGTCTTCACAGGTCTTTTAACATCTGCTTTC
CCTGCCACCCTGCCTTTAGGGGGGCTGGCCAGCTATCCACACCCTAACC
ACCCTGTGTTTTTGAACAGCTGGCCACACCTTAACTTCTG

>Sequence 1533

CCGGCAGGTACGCGGGCGCACGCACATACACAGGATTTACACATTCAGAG
TAGAAAATCTCAACGTTAAGCAGTGACCATTTCTTGGTAATCACATCTAT
GTTTATTTTACAGCAAAGCAATAAAAAAATTTGATGTTTTTGTACAAGCAT
TTCAAAATCAATCAATTTGACCAGGAGAAAAACCATTCTGACCAAACAAG
GATTCTGAGTCTTTAATTTGATGGTAGCTCTGTCATGTGTGTTAGATAAT
TAATGTTAACAACACAGGTTTCTAGGCTATCAAGTCTTTTGGAACGCTGA
AGTGATCCACTTTTTATTCTGTTACCCTCCCTCCCTCTATGCTGCCTGTA
TGATTTTGAATCCAGTCCTTTCTTCGGAGCATCTGGCATAAATCTCCAT
CAGACATGAAGAAGAAGGGGCGAATTCTATGGTCTGCATGGGAACAGCCT
GACAGCTGCCTGTTTAAATCCCTTGACAATGCAAAAATTTCTTCAAGGAGG
GAATCTCACTTAACATGCAAAACAGAGAGGCCCAACACATTTGGTCCCGTT
CCATATTAGTGATATTAATTAGAATGGTATAAACTGCATTTTTTTTTTC
TGGAAAAGCAGTTCAAATGATAGAAAATGAATTTTCTTATGTCGGCTTTT
AGATTTACATAGTACCTT

Table 3

287/1077

>Sequence 1534

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1535

ACTGCCTAGACGACTACTATCGGGTGAATTGGGGCTAATCGGAGCTCGCA
CGGCGGTGGCGGCCGTCTCCTCAGAGGACGGAAAGACGATGCCGGCCTCA
CGCTTCACCGCCACGGCCGCCGCTAGAGTAGCACTCGTCGACCCGAACA
GTCACCGTCTCTCATTCCCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1536

CCGGGCAGGTACGTATCAATTCATGGCTAAGGTGAACAGCTCGGAAGTAT
GTTAAGCTGCAGAAAACAACCAGCTTCAATATTAGAATATAGCACTGACA
ATCTACTTAGACACATAAGCATTAAATAGTTGCCTATCACTGTTGATGGAA
TGTTAGGCTTACTCTTAATTTTTCTACATATAGAAGACAATGTGGACACT
TTATTA AAAACCATCTTACAGATAAGTTTCCCTGGTCTGCCTGTTGGTTGT
TTCTCATGCTTATATAGCTATATTTCAATTA AAAAATCA AAAAATCAATAACA
AAGGCCTATGTGCCAGCTGTAGGGAATGAGTGAGTGGCTAGGGGTGTGAG
GATAGCTCAGAGACTATTTCAAACAACAGGAAACCTTCAACTTCCCTGGT
GCTCTTTAAATAATAGAAAAGTTAATAGGAAAAAATCCAGTGGCGCAAGA
TTTGTAGAATAATTTTGACATTTCCCGAACCAGCCATCTGCAGAAGTGAA
TTTGGATGTGACCCT

>Sequence 1537

AGGTACTTGACTCTTCCCCTTAAGTTTGATTCCATTTCCCTAACATTATCC
TTGCCTCTTGCTTCTCAGCAACTAGTCTTCTAAATTAGAACTTACACACA
ATGACCAGATATGACCCTGCAACAGAGCATGCCCTTCTGCATTGAGCATG
CAATCATGTATCACAGGTATAAGACCCCTTGAACAGACATGGTTTTGGTG
ATTCTGTGTAGGACTTATTGCTTTTACCCAAGAAGATGATCAGGCATCCT
AAGTAGATCAAAAAGTTTTCTGGAGCTCTTGAATGTGTATAGGCAAGAAA
GATTCAGCAACCTGTTGCCTTATATGAGGCAAACCTATCTTCTCATATTTT
CTTTTGAATTCAGGATTTCAAGGTTGGGGAAGGAAGGTCTGGGCGCGGTGG
CTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAAGCCCAGGCGGGCGGATCACG
AGGTCAAGAGATCGAGACCATTCCGGCTAAAACGGTGAAACCCCGTCTGT
ACTAAAAATACAAAACATTAAGCCCGGCGTAATGGCCGGCGCCTGTACTT
CCAGCTTCTCGGGAGGCTTACGCAAGATAATGGCCTGAACCCTGGAGGCG
GGGCTTGCAATGAGACCAGATCCCGGCACTGCACTTTAACCTGGGCCAAA
GAAGTAAGACTCCGTTTAAAAAACAAAAAAAAGTCCCTTGCTGGGCCGG
CGG

>Sequence 1538

AGGTACTTTCGTGCTGCCGCCGGGGAGTGACAAAGAGCATGCGGGTGGGG
CGGGCACTACTGGCATCTGGGTGGGCACTCCAAGGCTTGGCATAGCTATG
ATCCAGAAAAACCAGGTCCAGCTCCCGTTCATGCACTGAAAGCTGGAAGA
GCAGCGAGGTGCCCATGCGTCGAGCTGAAGTCTGGAAGTCCCTCTCCCA
CCCCGGTGGGCCATGTCAGTGGAGGGGCAGAAAGTCAGAGCATGGGTATC
TGCATGCTAGTCACCCGCGGTCTTA

>Sequence 1539

CCCCGCCAGTGTTCTGGGGCTGACAGAGAT

>Sequence 1540

CCGGGCAGGTACGCTGGCATTATTCTGACTGTTTCAAGTCAGAGCAAAT
ACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCTGAGTTTGAGCCGATCCTATTT
GGCACTGCAGACAGTGAGAAGTGGATGTTTGAGGACAGATGGGAGGTGCA
AAGTGGAGACAAGTATTGGTTCTTTCTTCCACTATGAGACTAGCAGGGCC
CAGTTCTCTTAGCTATTGTCTCTATTTTGTAGATTAGGAAATTTCAAGTT
TAGAGAAGTTGAGTTAACTCACCGAAGGTCTCGGGGCTTGGTGGGAAGAG
GGACGGAAAATTAAATTCAGGTCTGTGTGTCTCCACCACCATGTTC

Table 3

288/1077

>Sequence 1541

CCGGGCAGGTACGCGGGAGAGCTACAGGTTAGATATTAACAGAATCTTAC
TCTAGAGTAAAATCACTAGTAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAA
AAAGAAAATGCCAAAGCATTTAAATAATCCTATCACGTAAACTGACAACA
AAAAATGGTATCTGGATTTCATGTAGCAGCATTTAAAATTCAGTTGTGGCC
AGGTGTGTGGCTCACCCCTGTAATCTGAATGCTTTGGCAGGTTGAGGCAG
GAGGATTGCTTGAGCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGTGA
GACCCTGTCTCTATTTTTTAAAAAATAAAGGCCAGGTGCGGTGGCTGACGC
CTGTAATCCCAGCACATTGGGAAGCCAAGGTGGGCAGATCACGAGGCCAG
GAGTTCGAGATCAGCCTGACCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAA
ACACAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCACGTGCCAGCTACTCAGGAGGCC
GAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCGGGGAAGCAGAGGTTGCAATGAGCTGA
GATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTGCGTCTCA
AGACATAG

>Sequence 1542

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAAAAGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGTT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGA

>Sequence 1543

AGGTACTTTTATTCTTTAAGAATATAGTCTTTAGCCAGGTGCAGTGGTGT
GTGCCTGTGGTCTCAGCTATTTGAGAGGCTGAGGTGAGAGGATCACTTGA
GTTCAAGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGCAGGTCCCTGGCTCAA
AAAAAAAAAAGGTTCCCATTTCAAATTTAACTTCATTTTTTTTAAAAATGTC
ATTGATTTACCAAAGTGAAATAGAATTTGGCCTTTTCTTAGGAGGCTTAA
ATCTACAGGAGGGTGAAAAGTTGACCCTTGGGAAAATTCATTATTACTTC
TAATCCCCCTATGGTTTACGACAAGATTTTAGAAAAAACCTGGAGTGTTT
ATTGGACACCTGNNACTTTAGTTTCGACCCCTCCAGGCTAAGGGCAAACCC
CAGGGGAACCTACAAACTTGTGCAAATTCCCCAAACCTCCCTGGGGGCTT
AGGGGCATTTTTTTCTAACCTTTTTTTTTTTTGCATTTGGGTCCTTCTTTAA
AGAAGGGCAAATTGAAATTACCTAAATTTCCCT

>Sequence 1544

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCCGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGAATTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGAGGGGACT

>Sequence 1545

AGGTACCGATACCCACATGCAGGCTTCAATCCTAACTTTTGAGATGATA
CTTGCCACAAAGTAAAATGGGTGCTTGCAGTTGTCCCTTCTTCATGCT
GGGACAAGATAAGTCTTGATCAGGGATAGGGGTGGTTTCGGGGAAAAATT
TAACTTGTAATTTTGCATTTTATTAAAGCCAGGCCTTAAATGTTAACTT
GAAGGGCCTTAATTATGTTGGGAACCCCCAGGAATTAAGGAGGCCAGTAA
AAAGGGTGTGCAGGCCCCCTGTTTCCAAAGGCCCCAAACAGGAAAGGACCA
AAAATGTCCCTTAAAGCCCTAATCCCAAGTTAGGGCATTTACAAAAAAGG
AAAACCTGGGGTTGCTTCTTATTAACGGTTTGGCATCATTACCTGGTTGG
AATGGCAACCTCCCCTTTCAAACCATTAAATTATCGGTATGGCTTAATTT
TAGATCATCATAGCTTAAGGGCCTGCCAGTTTATAAAAAAAAAGGGAC
CAACCCAGCAAATTGGGCTTTTTTCGACCCGGAATTGGCCACATTAA

Table 3

289/1077

AACTTTC

>Sequence 1546

AGGTACTTTTTTTTAAATTTAATTTTAGTAGCCTGTCTTTATTGAATC
CTAGTTGTCTTTCCTTAATGCCTCTTCACATTTGAACCACTGTCAACCTT
CTCAGACATAAATTTTAGCCACTCCCCTTCCCCACAAAAGAATCTAAGAA
AAGATACACTTGCTGTCTGTTTTTGTAGTTTACATATTCAGTTGACTAC
AGCTTACCGTTTTTCAACTTCTGAGAAATTAGTTCTTAATTTTGGAAAAT
GTAGTAATTCAGTTAATACATCTCTAACTTTTTTTTTATGGAAATTTTCT
GACATACCAAAAGCAGAATAAGGCCAGGGGCGGTGGCTCACACCTGTAAT
CTCAGCACTTTAGGAGGCCAGGCGAATCACGTGAGGCCAGGAGTTAGAGA
CCAGCCTGGCCAACATGGTAAAACCGGTCTCTACTTAAAATACAAAATTA
GAGAGCATGGTGGCTCAGGCCCATGATCCCAGCTACCCGGGAGGCTGAGA
CACGAGAATTGCTTGAACCTAGGAGGCAGAGTCTTGCCTGGCAGAACAG
ACTCAGGGGAAAAAAAAGAATTTAGTGTTTCATGCTAAAAAGATATCCTG
GACATATTAATTACATGGAGAAACCTAGCAGACATCACCTTAACCAAGTG
GTCAAAGTTAACATCACTAGTAATAATAGGACATNCAATATTACAAACCT
GCTGATATGATGCAATGAGAACACTTCTGTGGTGTCTGGCCAAGGGATA
AACTTGGGTAAATCATGAGAAAGAAATCANAAAGCCCAAAATGGGTCCTG
CCCGGCG

>Sequence 1547

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGTATTAAAATGTTCTTTCAGTTAGGGCCAAA
GGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGT
CTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCCTGACATGTTGCAAACACTC
CGTATGGAAGTCTTGAAGGGCCTTCTGGCCAAGTCAGAAAACCTTTGGGA
GAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTT
CTTTGATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGTGAACTTCCACTTAGAGGT
GTCATGCTATGGGGCCTCAGCGTCACCACATCGTTTGGACGTCTGACCAG
TTTCCTGACTTTGAGAGTCTCTTACTTTAAACATGAGGGATCAGCCCTAG
AAAGGAAAGGAAAGACACACGCAAGAGTCTGCCTCTGACTCC

>Sequence 1548

CCGGGCAGGTACCAGCGGGGCTGTCCTCTAACAGCGACGGCTGCACGCTGG
GCACGCTGGGCACGCTGGCGGGATGCACGGGCCTTTGTCCTGCTGCCTCT
GAGGTAGCAGAGTCGGCACAGGGTGGACTGAGGGGCGTCTCGCTTTTCTG
TCCACCCTCTGAGACAGCAGGGACAGGTTTCAATTTGGCTTCTCCAGGTGCA
GCAGCTTGAGTTTGCTCTTTGGCCCTGATGCTCCAGTCTGGTTCTTAATC
TTCTTCTCATAGTCCAGGAGTTGGCCCAGAAAATTGAAGTTTGGAGATAT
AGTAGGTCTTTTTTCTTTCACAAATCTGTAAGCTTCATCTAAAGACATGT
CCATCCTCTTCATGATGTAGGCGATAGCGATGGTGGCGGAGCGGGAGATC
CCAGCTAAACAGTGCCTAGAACAT

>Sequence 1549

AGGTACGCGGGAAAGAGATGAAAAACAGAGAAGAATCTTAAAATCAGTCA
GGAGGACAAATCATCTTTAAAAGATAAATTAACAGTTGACTTCCCCATAC
CAACAGAAGGTGTTAGACTAATAGTGTTAATGTCTTGAAATAAAATCATT
ACCAACCTAGAATTTTCATATCCAATCCAAATATTCCTCAACATAAAAGGT
AATAAACTTACCTGTATATTATGTTAAAATTATAATCCACGTAACAAGAA
GAATTAATTCAACAGACTTTAGAACATGGTGTGTTTACTATACGTTCTTA
GCAGGATATACTCTAAGGATGAAATGGAAGTCCAAAGACCTCTTAAAATT
TATTCAGTGGCATGATTGTTAGTAATAATATTGGTATTTTATATTGGAAT
TATTGTATGCATACTTATGATAAATAA

>Sequence 1550

AAATCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG

Table 3

290/1077

TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGATAATGGGTACCT

>Sequence 1551

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCANACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCCT
CACTG

>Sequence 1552

AGGTCCCTTCCTAACTGGTCTCCTTGCCTCTGTTCTTACTCTATTTTCA
CACAGCAGTCGGAGTGATTTTTACTTATTCTCCTGTTCCAGTGGATTCTC
ATTACACTAAGAAGTAAATCCAACTTTATCTGCATGTCAGCGAATTGTT
TATTTTTATTTTATTTTATTTTAAAATAGAGATGGGATCTTGCTATGTT
GCTCAGGGGTCTTGAATTCCTAGGCTGAAGCAATCCACCCATCTCAGCCT
TTATTTATTTTATTAATTTTCTTTATCTGTCATAATCTGTTTGAGTG
CTAAAAAATAAATAAAATAAAAAAATTTGGCCGGACACGGAGGCTCACG
CTTGTAATCCCAGAACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGGATCACCTGAGGT
CAGGAGTTCGAGACCAG

>Sequence 1553

AGGTACCTATTTACTGGTTTATATCCCCATTGCTTCCTCCTTCAAACCTCT
ATACCATGGTTCACAAAATCCTGCATTCCATTATTCCCAAATTAATCCAT
ATTATTCTTTGCCTCTTCAAAGAACATTTCTTTACCAACTCTTAACAGCT
GAAACTAGATTTTCCCCAAGCCCTGGGCTTTCCTTGTGCCTTGTGGGTGA
TGGTTCCTTACAGCACTTGCCCACTGCCTGGGGCAGATACTGCGTTCATC
AGGACTGCATTTTGGCCAGAGAGGAGTGAAAAAAGAAAAAAGAGCTTAG
GGTTTGGACAAGGACATCCCTGCAACAATACATGATGTACCTGCCCCG

>Sequence 1554

CCGGGCAGGTACAATTATAACTGTTTTTGTATATTGGGTATTTTTTTCAG
AAGTAGGCCAGTAGCTCTAACAGGAGCCTCTTAGCCTGAATTCATCCAA
GTAGTGCAGTGTTGCACTAGTTGTCCCTCGGGACATGCTCCCCAATACGT
AACTCACTTGCAGGTTGCAACTGGACACTTACTGGTAGTCAGAAATAGCT
ATTGCATGGAGCTTAAAATGAACTTGATCTTCGTGAAAGATGAGTCTGCA
GCTAAGAGACTTTACTGTATATCATAGTGTTTTTTTTGTTTTGTTTTGTT
TTTGTTTTTGTGACGGAGTCTCACTCTTTCACCCAGGCTGGAGTGCAATG
GCGAGATCTTGACTCACTGCAACCTCCGCCCCCTAGGTTCAAGCAATTCT
TCTGTCTCACCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGG

>Sequence 1555

AGGTACACACACCTATGGTGCCACAGGTCCAGCTAGGAATAAATGCACA
AAGAGCTCCACCATCTGAGATTACCACTCAACTTTTAAAGACAAATTCTT
ATTTTCATCCCTCCAAAGATAAACATCACATGGAAAAATGTTTCACATCAA
TTCTTTATTATGCCAGTGAAGGATGCCTTTCTTCAGGAGATGCAACATGG
AGAAAGTTTTAAAGGCAGGCAGTGAAGAGAAGGACAAGACGTCTCAACCC
AGCTCCTTAGATGGAGAATAAGTCTGCCCATCCCCACACACACATGCAGT
GGGAATGCCAGCCGCTGCCTGTTCTCGGTATAATCTCACCTGTGCTTCA
AGCCTGATTATTAACAACCTTAGCTCAGATCATGAGGCCGAGCCTAATTT
TCCGACGTTGCACTCCAGGTCACTTG

>Sequence 1556

CCGGGCAGGTACCCGGCTGTGCGGTATCGGGGGGAATACAAGGACAATGC
CCTGCTGGCTCAGCTAATCCAGGACAAGCTCGATGCCTATAAAGCTGATG
ATCCAACAATGGGGGAGGGCCAGACAAGGGGCACGCTGCCAGGCTCCTG
AATCCTGGATTCGAGGGCTTTGAACCCCCAGCTTCCCCCTGGGGCCTCCA
TGGAATGACTTTTCAGGCTATGAGTTATGATCTGCTGCCTATCGAAAT
GAATGTATACAAGGTATGAGAACCCAGCGGGCATCGGGGGAGGGGCACGGG

Table 3

291/1077

GTGAAGGGAGGGTGCTCCTGGGAACGAGGACGAACGAACCTTGTGGGATT
AGGCACCTGCCGTTCAACAAGGCACCATTCGCAAGAAGGGTGGTCCCCAA
GGGAAGGTCCACCCCCGGGTCCTTCTG

>Sequence 1557

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATGGCTTTCATTCTTAATAAAAGCCTGA
CCTAATTAATAAACCTGGTTTGGGCGGTTTTGAACTAGTGGGTCCCCCGG
CTGCAAGAA

>Sequence 1558

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGGCTGGCTTTAATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGG
GCCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTTT
GTTTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCC
CTCACTGGGTACCCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTG
TTTTTCTTCTAGCATAGACCACTCTCTGAAATCACCTTGGTCTCCCAG

>Sequence 1559

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1560

AGGTACACAGAAAGGGAGGTGTCAACAAAAGAAGATAAGCCCATACAGTG
CACACCTCAGAAAGCCAAGCCAATGCGGGCAGCTGCTGACCTGGGGAGGG
AGAAGATCCTCAGGCCACCAGTAGAAAAATGGAAGAGACAGGATGACAAA
GACTTAAGAGAAAAACGTTGTTTTATTTGTGGAAGAGAAGGGCACATTAA
AAAGGAATGCCACAGTTTAAAGGCTCTTCAGGTAGCCTTTCCAGTAAAT
ATATGACTCAGGGAAAAGCCTCAGCGAAGAGGACCCAGCAGGAATCATGA
GGGAAGGAAAATGCAGCACTCTAAATGGCCACTCAGGCGTTCCTATTCAC
TCGGAAAATTAGGTTTATTTACAGGACACAGCAGTGTAGATCAGGCTTC
AACTTAACATTTAAGGGAAATGTCAGATTTTTTTT

>Sequence 1561

AGGTACCTCCCCGTGGAGCTCACACCCTTTTAGAGGAGATACAATAAAAG
CCAGGATGGGGCAGAGCAGTGGGGAAGAAGGGGAGGTAATGTTGAACCAC
CTGCCCATGGTTACAGAGGCAGCAGGCCTGGGACTCCCGACGCTTCCCTC
CTGCCTTATACCTGATCTAAGAAGGCCCTGCTGGGCACACAGTAGATGCT
CAGCAAATGTTTCGGTTGAAGGGCTGGAGCCTCACAAAACCCTACTGATGC
AAACAGGCTCAGCGAGGCTGAGTGACTTGCCCAAGATCCTAAGAGGTGGT
GGAGGAATCGCCTTTCACAAAAAAGAACAAGCGCTTCGGAGCCGCGCCCC
CCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1562

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA

Table 3

292/1077

CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1563

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATACAAAAAA
GGCTTGTATATTGCCACTTGTGGTGCCACAGGGGCTTGTTTTAGGGATAA
GTGTAAGAAAAAGGCTGGCTCTATTTGNGTCTGGTAAGGGGAGAAGAGCT
TTAGAGGCAGAAAGCCCCCTTATTTTACTTTTTTGGCAGAGGGGGGGCNCC
TTTTCCAAAAAGATTCGCCGTGGGGGCCTTCAAAAAAGGGGCCTCCTTTA
AATTCCGGTGGCTTTGGAGAAGGTGAAGCCCCTTTTCGAAAGGAGAATTA
CCTTCGGCCCCCAAGCCCCAAGACTCTTTTCTGGGGGCCCCAACCCCCAGA
CTCCTTGTGTTGGGAAGAGCTTTGGGTTTCCAGGGGTGGGGTTCCACCCCC
AATATCTTTGCCTTTGGAATAATAGGCCTTTTCCACCTTTTTCGCTTCCA
ATTTTTAAGGGAAGAGCTTTGAAGAGTTCTTCTCCATGGGGAAAAGTTTC
CCACCAAGTATGAATTGGGGGGGTGGTTTCCCCCTTTGGCCGGGGGGGCA
AGATAAAACTCCCCCAGGGTGGCCCATTTGTGAAACCTAATCCCCCCT

>Sequence 1564

AGGTACTGTTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTTAAAGTTCATTTCTCCAC
CCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGTATTAGG
GCCAAGCIGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCCTGIGAC
TCATGCGTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAGCCATAA
CATTTGCAGGATTTGGAAATTCCACCTCAAGCTCCAATCCCAGGGTGTTG
ATTCTGGCTAACCATGTTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGACTCACT
TTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGAACACTT
TTGTATCAGTTTAGGTCCTGCCAATAATTGCTATCCATTTAAGCACTTGA
TTTTTTACATATTTACCAGCAATTTCCAAGGCTTTAATGG

>Sequence 1565

AGGTACCTAACAAAGGGCACTGTCCAAACCGAGCTGGTGCCACACAACCTC
CCTCAGGTGTGCACCACGGGCAGTTCACCCACAGCCCCTTGCAATGCGTGT
GGACATGCCCACGTGACGTGCCAACGTGCCCATGTGCCGATTCCAGACAC
CGGCCTGCCGGCGGCCCCCCCCACCTACACCCCGGGCCACTGTTTCCGTCA
CGCTAATCCTATCACCTGGGGATGAAGAGATCATACAGTGTGCACCCCTT
GAAACCAGCTTCTTCACTCGCCATCATGCTGCCGAGATCACCCAGGGTGT
GGCAGGGACCCAGCGTTCATGCCTGTTGCTGAGGAGGACACCGAGGGGG

>Sequence 1566

CCGGGCAGGTACACAAAACCAGGACTGTCTGAGTGTAAGCCTGCCGTCT
TTCATAAGTTACACTGGGGCTGAGTGATTGCCCTGCCACTCAGGTGTCT
TTGCTGTGGAGGAATTAACGGGTCTGAAGACTGAAGCTGGGAAGAAGCAG
CAGGGAAGACTGATCTGAGCTTTCAGGGAAAAGAGTGAAGTTGGACTTTA
AGGTTTTTATATTGTCAAGACAATTTACAAACACAGGAAGAGAAAGAATG
ACAAAGAGGAGAACTCCTAGCTGGAAAGAAGAGAAAAAAAATTGGATGC
AAGTGACTGCATTTATATATCTTGAGAATTTAAATAATCAGCAACAGTTA
GAGGTGCAAATGCAACAGAAGCTAAAAGAACTTAGTATCTGGAATAGTT
GACAAGATAAAACCCCAAATCTGAGAGCTGCAATCAAAGAGCCATCTTC
TCTACTAAATTGAATTAGCTCAGTTATATAGCGCTTCTCAACAATAATA
GTCCCTTTTGTAATCTGGCTGGGGAAAAGTTTCCTTC

>Sequence 1567

CCGGGCAGGTACATATGCATTGAGCACCTGTGTGCCAGTCAGCCGAGCTA
TCACATTGCACAATTCTAAGAAGCACCATTATGTCTCATCATATTTCTA
TGCTCTGGGAGTTGCCTTTCACATAGAATATGTGTGATTGTTATCCCTAG
AATTGTGCAGTGAGGCAATTGGCTAGGTGCTGTGCTGCTTTTTCTTTCTT
TCTTTTTTTTTTAAGAGACGGAGTCTTGCTGTGTTGCCAGTCTGGAGTG
CAGTGGTGGCATGATCTTGCCTCACTGTAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAA
GCTGTTCTCATGCCCCATTCTCCCTTGTAGCTGGGATTACAGGCTTACAC
CATCGCACTTGGCAAATTTGTGTATTTTAGTAGAGACAGGAATTCAAGA

Table 3

293/1077

CAGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGA

>Sequence 1568

GGAATGACCAAATAGAAACCTTACGGCGAATTGTAGCTCCACCCCGGTGG
CGGCCGACGTACATTTCCCTGCTGAGGGATTTCAGGACAAGTGTCTCCA
CACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTC
ACCAACTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGATCTC
CTGCAATTTGGACCCCAACCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCC
TGAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATC
CATGTGACAGAAATGGAGCCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAG
CACCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCC
AGGACAAAGCCCAGCCAGGCACCAACCAATTACCAGAGGAACAAAGGGAAT
ATTGAGGATGCTCTCAACCAACTTTTCCGA

>Sequence 1569

CCGGGCTGGTACCGCAAACCCAGTCAATGAAGGGAGCATGCTGGGAAAAT
CAGAGTGATGAATTGTGAGAGCAGCAGATGAATCAAATACTGGTGACCTA
CCTCTGTGTTTCCAGGTGTGGATATGGTCAAAAGCCAAGTTCATCAATAG
GAAATTCCTAATGCAGGAACTTTACCAGCGCTTTCTAGATGGAGATCACG
GCCCTGTGGCTCGAGATGACGACCCTTTCTGGGATCCTGTGAGGTCGTC
CGCTTGGGCTCAGCTCACATCTGGCTCCAGTCGCTGGCCTACTGCATGAA
GCTGACACTGGAGCTGGGCGACTGGGATGTTCTTTCTTTGACTGTGTCT
CTCCCCATTACAGAAGGCTGCACCGAGCTGAGCTGCTCTCAGCTGGGCCT
CATGGTCAC

>Sequence 1570

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCA
ATCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACT
AGGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGG
TAGTTCATACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTA
TATTTGGTTTTTATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGT
TTTGGTGGTCTTTTGTGCATTCAAGAAAG

>Sequence 1571

AGGTACTATGGCTTATTTCTGACAGAATGAAACTTTTGTATCAAAGGAGC
TTCAGCTAAAGTTGAATGTTTTTCTTTCTCAGTTTTTATGGCCTTATTAA
ACATGTTTAGCTAGCCAAAGCTTCCTCCTCCTCACCATGCTCAGTGTTAG
CATGGTGGTGAGGCTATAAAGAGGCACCAAGGAGCCTGCACTTCC
CCCATGGGATTTAAAAAAGAACCAATTTGGGCCATGCTTGGTGCATCTAG
CATAATCTTGGGACAAATCCACATGATTCAGGTCAAAGTTTTGGAGTTAA
TTCTCCCATTATTATTGCTCCTTTCCAAAGCCTTAATGTGAAATTCAGT
CAGGGTCTGGCCATGGTGGCAGGTGTCCCTACACTCTTTCATTCAGAGAA
GGAGCA

>Sequence 1572

CCGGGCAGGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACT
CAGATCTGTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAGAAAGATCCTCCCTTA
CTTCCACAAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGT
AATTATAGAAACAACAGGAACCAAACTCATTAAATGTTGAGCTACAAACC
AGAGGGAAGCTTCTTTCTCAAAACAGGGCTCAGGCCTAGAAAAATCTAGT
TTTCTGAAATCGCTAGCCAGCAACAGCACTGAGATGGCCATCCCAGAAAC
AAGGCC

>Sequence 1573

GGCAAAGGAGAAAGAAGATCCAGGCCCTCATGGTGCTGGGAACCCTCAGT
GGCAGGCAGGCAGGCGGCAGGCAGAGCGCGCTCTCCGGGCGGTCTGAAGG
ACCGCGGGAATGTCCCCGCGTACCT

>Sequence 1574

AGGTACCTGCGGTAGTAGCCTGGCTTTGCTCTGACGGCGATCTCGCGGCC

Table 3

294/1077

CGAGAGCCTTTTATAGACAGCTCCTTCAGCGTCTCTGTTTCCAAACCGCA
ACCGAGAAGAGACAGACGGAGAAAAGAGAGTTACTTTTCCAGGTTGCTTT
TCCCGGGGATGTGAAGGATACAGAAATGACTGTGAATCAACCCATATCAT
CGAGGAGCTGATAATCTAGTGGAAGAGTTAGACGTGTGCATACTTCGCTA
TGATATGAGGCAGACTCTGAGCTTATATTCTCTGAGGGAGAAGCGACATA
TTACAGGCGGAGCATTITGGTGCTGGGAAACACATGTGACAGAATGNCG

>Sequence 1575

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCT
GGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCTAATTTTTTATATTTTTTA
GTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGATGGTCTCGATCTTCTGAC
ATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTG
AGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTTCAGGTGCTGGTTCCATGGCTCTTCCT
GAGCCGAAAATAAGGAAACTCCATAGACCTTGTCCTACTGGAACCTCGTTCC
CATCTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGT

>Sequence 1576

AACATGATGAAACCCCGTATCTACTAAAAATACAAACATTAGCTGGGTGT
GGTGGCATGTGGCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGACAA
TCGCTTGAACCCGGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATGGCAACTAC
TGGCACCTGCAACCCTGAGCAACAGAGTGAAACTCCATCTCAAAAAAAAAA
AAAAATTCTAAGTGTTTATGCACCTACTAACAAATATCTGAAACAAATCC
TGGTATAACCCGTAAATAACAATTCTTATGGTATAGCACAAAATTTGCA
ATTTATTAGCCAGCGAATCTTCAACACCTTTTCTCATTAACTTAATGGC
AACAAAGTAGACAGTTAAATTCTGTTGAGCGACATGG

>Sequence 1577

CCGGGCAGGTACGACCTGTCTCAGGAACGGTGCCATGTGTGTGACTAGGA
CTGCAAAGCAGCTTGTGTTTCGTGGGGGAAATGACAGGCACAGGAAGGAAA
AGCTGAGAACACTGAAACGGTTCCTAATCGTGCAAGTGGGGAAAGGAGGGC
GACTGCCGCGCAGAGTGGCACGTTGGCTGGAAGAGGGGATTGATCAGCAG
TGCTGGCAGGAACAGCATAGGCTTGTCGTGTGATCTAACAGAAGAGGCAG
CAATCTGGAGGCGCCCCAGATCAGAGAAGAGACATCAAGCCCCAGGAGAA
ATGGATTTCTTTCTCCCCACCCATCAGCTGGGTAGGAAGCCCGAAGGAG
CCTTTCATGGAACATGGAAGGGGCTCCTTTGACGCAGAGGGGATGAACT
GGAAGCAAGATGCTGGCT

>Sequence 1578

ACGTGCCCCGGGGCGGGACAGGCCAGGCCTCACAACCAAGAGCCCCGGGAA
GAGCTGCATGCACACGGCTGGAGAGAGGCTCTGCACCCGAGCACAGTCTG
CTGCGACTCCTCATAGACCCGGAAAATGATTAGAAGGCAGAGGTGAGTT
TCTGAGGGTGGCTGTGCACAAAATTCAGAGTCAGGAATCAGCATCTTTCA
AATTCAAGCACTTCCAGTTAGGAGAGACAATGAAGAAAGAAAAGGGACCA
TTCCCAACAGCAACAAAAAATTGTAAATTTCTAGGAGCAAACGGCGGGCAC
ATCTATACCTGTTATAGAGGGTCTGAGGCCTGACTGAGGACCACAGACCA
TCAACAAGCCCGGTCTGTCTGGGCGTAACGAGGTGCCGTCCCTTGTGCT
GGCCGGCTGCCACAGCGGGGCCAATTTAAAG

>Sequence 1579

CCGGGCAGGTACATAATTGGAGATGAATAATGATTCTCTTAGATAAAGAA
ACTTGTCCACCCACCTCTACCACAAATGAAAATCCTTTTTTCTTATAGAAC
TTTTTGGCCAAGCAAAGGCTCATGATATCTGTAATATCTGTGATAGAGAA
GCAGTGAGGATAGTTCTTATTCCACAGTCCAGCATGAAATTCTAGAATGA
TGATTGGCCTTTTCTGTTCACCTTCTCTTGGAGGGAAGGAGGAATG
TGAATAATTGAAAAACGAGTTACAACTCAAACAAAACACATATGAATTTG
GCTTTGCTCTGTGGTGAATCCCACTCGATAGTGCCCTCCACTCTTTT
CTGTCTATCCTTAACTCAAACCTCTGTCTAGTTGACCAAGACCCAAGTGG
GAGGAGGATCCAG

>Sequence 1580

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG

Table 3

295/1077

TCAGCTGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGTACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGAGGGGACTCAGC

>Sequence 1581

CCGGGCAGGTACTTTGCCTCCCAAATTCACCTTTTGTGCAAAACATGCACA
TAACACACAAATATGAATATATGAAGTATTAATTTGCTCATCTTCTGGCT
CCTTTCCCGCAAAAGCCCTTTTATTTAGGAAACCACATATTTTACTCAT
TCCTTTCTGACCATAACGTTAGCTAGAAGCTTAGAACAGCTTCTAGTCAC
ACCTTCAAACCTTCGGGTACACTGTCAAACCTCAGTGGTTTATCATTTT
ACAGCAGCACACTGCTCTTCCTGCCCCAGACTAAAATGAAGGATGTCTGG
AAAAACCCCTAGCATGCAGGGAAGATGGTCTGAATCACTTCACTGGGAGG
ACTAACCTCACCCATACAAGTTGCCATCTCCTTTTTTATTTGTTCTAAAG
CCTAACTTTTATCCCACTGCATGACACTTAACTTCC

>Sequence 1582

AGGTACTGTTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTTAAAGTTCATTTCTCCAC
CCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGTATTAGG
GCCAAGCTGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCCTGTGAC
TCATGCCTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAGCCATAA
CATTTGCAGGATTTGGAAATTCCACCTCAAGCTCCAATCCCAGGGTGTTG
ATTCTGGCTAACCATGTTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGACTCACT
TTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGAACACTT
TTGTATCAGTTTAGGTCCTGCCAATAATTGCTATCCATTTAAGCACTTGA
TTTTTTACATATTTACCAGCAATT

>Sequence 1583

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCGGCGGGCTCCGAAGCGCTTGTCTTTT
TTGTGAAAGGCGATTCCCTCCACCACCTCTTAGGATCTTGGGCAAGTCACT
CAGCCTCGCTGAGCCTGTTTGCATCAGTAGGGTTTTGTGAGGCTCCAGCC
CTTCAACAGAACATTTGCTGAGCATCTACTGTGTGCCAGCAGGGCCTTC
TTAGATCAGGTATAAGGCAGGAGGGAAGCGTCGGGAGTCCCAGGCCTGCT
GCCTCTGTAACCATGGGCAGGTGGTTCAACATTACCTCCCCTTCTTCCCC
ACTGCTCTGCCCCATCCTGGCTTTTATTGTATCTCCTCTAAAAGGG

>Sequence 1584

AAACCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGGTAATGGGTACCTT

>Sequence 1585

AGGTACAGCCTTTCTCACATGGTAGTCTAAGGGCTCCTGTAATCCAAGCA
CTTTGGGAGGCCAAGGCGGGTGGAACCTTGAGCTCAGGAGTTCAAGACC
AGCCTGGGTAAACATAGTGAGACCCCTTCTCTGTTGGCAGTAATCCCTCT
ACACAGCAGGTGCTCTGGCAGCTCTCTGGAGACGAGGAAGGAGAACTTAG
GAAGATGGTCTTGGCTTACACACCACCTTGCTGCCAGGGCTCTTGCAAAG
ACAGGCTTCACCAACCACAGCCACAGTTGGCCCGTCCCCAGGGGCTGC
ACACTAGCCTTATGGAAAGTTCCTCGAGTTCCCTGTGCGTCAGCTTCTGC
CTGGACGCTGGCTACTGTTGTGGCTCTGTGAACAGGCACACAGGGTTTC
CTCCGGGTGTGGGATGGGGCTGCCCGGGATGGGGGTGGGGATGCTGGAG
CAGTGGGAGATGTCCCCTGCCTATCTCCCCCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1586

GCTCTCCGATGCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG

Table 3

296/1077

TTGTTCGC

>Sequence 1587

AGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGTTCCCGGCCTAAGCGTGTTT
TAAAATTATATACTGAAGCCCCTATGGAGACATAGAATATGGCCATTGTC
ACAGCAAGCTCCCAAATGCACCTGCCAGTCACATCTTGCCTTTACTCCC
CTGGAGGCTACCACTCTTCTGATATTATTATTTTCACTATAGACTAAT
TTCAACTGTTCTGGGACTTCACGCAAGCAGAATCATAAACTCTCAGAAAA
CTGAACCTCTCCTCTCTGGCTTCTTCCACTCAGCTCAAAGTTTCTGAGATT
CACCCGTGCTGCTGTGTGTGTCCACAGTCCGTTTCAATTTTCACTGCGGGGC
AGG

>Sequence 1588

AGGTACCTGCCACCACACCCAGCTAATTTTTGTATGTTTAGTAGAGACAG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAGCTCCTGACCTCAAGTGAT
CCACCTGCCTCCGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCA
AGGAGTAATTATTATTAAGGTAACCAGCAGCAGTCAGTTTATAGATAA
AGGACCTATACTCATTCTCAGCACCTTGCCCAAAGTAGGCATTCAAACCTC
AAGTGTAGCCAAGGTCTGCACTAGATACTAGGAAACAACAACGTGACTG
TACCTGCCCCG

>Sequence 1589

GTCGCCTACCTGCCTTCCA

>Sequence 1590

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAGAAAGTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACCTAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1591

CCGGGCAGGTACTGTATTCTTCACTGTTACACACTTAGAGTTAAAGACAG
TTTCATTGAAGAGTGTTGTTGATGAGGGAGTAAAAAATATTTATTGAATT
TCAACCTGTGACTACACAACCTTTAATCTGTATGATGAAATGGGAAGTATG
TATAAAACACTTCTGCTGTGAACCTTTGTTTTTTTTTCTTGATATTAAAT
GGGTGAAGACAAAACAAGGATTTATTTGCCTTTGCGGGCCTTGATTTTCC
TAAGATGGAACCTCAACTCTTTGGCCTTTAGCACATAGCCATCTGCTCGG
CCACACTGTACAGGCCTTGAAGCGATTACGCAAGAAGCTTGCCCTGCTG
GAACTGCTCCTTCAGGAGACTGCTGATTTTGGCATTCTTTTCTTTTCAT
CCCCGCGTACCTTGGCCGCTTTATAACTAGTG

>Sequence 1592

AGGTACTGTTTTCTGATCTTACTGTTTAATTCGAATCAGATAAGAGAAA
AATAAAGACCCTGACTATCTCCATCTCTATCATTTAGGTTTAACTGCGTA
AGAAACAACCTGCAAAACCAGTGGCTAAAAACAATAAAGAATTATTAGGTA
ATGATGTGGGTTGGAAATTTTCTGTTGATCTGCTGGACCTTGCTTTGCTG
CTGTTGCCTTGACTCACTTGTGCAGCGCCACTCTGCTTGGAACCTTCCCTG
ATAAGCTAGCAGATGGCTTGGGCATTCATGAAACTGAGCCATGAGTATCC
AAATGCAATGAGAAAGGACN

>Sequence 1593

CCGGGCAGGTACATATTGCTATGTTGGATGATTTGGAGCATGCAGAGGCA
GATACAGTAGTAGAATCAGCTTTCTGCCTCCATCTTTTACTCCGCTCCCT
GTCGCTCTTTAACTCAGCAGTTTTTCTCTCTCAGTCTCCCAACTTGTGTG
AGTGTTTTATATTCTACATAAATTGAGGGTGGAGGGCAACTTCTGGTTGT
GTTGAATGAGGAGATTGGCAGAATTGACAAAAGCAAAATGAAACAATCTC
AGCATTCTGGAAAACTGAGCAGGGGCATACAACAATCTGAGAAGTATTT
ATGCCTGTAACTGCTGAATTTAGGGTGAGAACAGTGAGACTGTATGGCAT
TTGGCCTGGAGCTATTCCTATGCCCTCTCCCATCTGTTTGGTAAAGAGGT

Table 3

297/1077

TCTG

>Sequence 1594

AGGTACGCGGGGTTTCGAGAGAGAGGAGAGGGCCAGGGCAGACACTCTAGG
AGAAAACTTGAGTGGTATAAGTGGAGTTTTAATTTTTATTCTGTGAATG
TAGTGAATAATACATGCAAATTAGAAACGTGAAAGTAAAATGGAAGTAAA
ACTTTCCATTTGGAAGCCTGTTGGATGTTGAGCAGGTCTGCCAGGAGTTA
GAAGACCATTCCGGAAGAGCTGACTCCAGCCTGTCCATGCACGGCTACAA
TGTTTAGGATTGGGAGGAGACAGCTCTGGAAGCAGAGCGTCACTCGAGTT
TTAACGCAAAGACTGAAGGGAGAGGAGGAAGCCAAGCGGGCTCTTTTGGA
TGCGAGGCATAACTACTTATTTGCAATTGTGGCTTCCTGTTTGGACCTGA
ACAAAACCGAAGTGGAGGATGCCATTCTTGAAGGGAATCAGATTGAAAGA
ATTGATCAACTTTTTGCTGTTGGAGGTCTCCGACACCTCATGTTTTACTA
TCAAGATGTGGAGGAAGCAGAAACAGGACAACCTTGGCTCTCTAGGAGGGG
TAAATCTTGTCTTCTGGAAAGATTAAAAAACCTAAGGTGTTTCGTGACCGAG
GGAAACGATGTGGCTCTTACTGGGGTATGTGTGTTCTTCATCAGGACTGA
CCCTTCCAAAGCCATCACCCCTGACAACATCCACCAAGAGGTGAGTTTTA
ACATGTTAAATGCGGCAGATGGAGGCCTGCTCAACAGTGTGAGACGTTTG
CTTGTCGACATCTTCATTTCTGCTTTCAGAAGCCACAACCATGGCTGGGG
CCAAGCTGAGGGCCTTTAT

>Sequence 1595

AGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAGGTATTA
TCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCAGGTGA
AAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATTAGGCAC
AGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAATCCATG
AGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTAGGGTCT
CATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGTAGTTCA
CTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTATATTTGG
T

>Sequence 1596

AGGTACTCAGGCTTGCAACATAATGGCCATTTTTCCCCCTTTGGTTCCTG
GTGCTAATTAAACACAGCACAACCCAATACTCTAAAAGTGATTTCAAATA
TAAGGGAGGAAGGCTATTAGAAGTGGGCAAGCCTCAGGGACTTTAGTCTG
ATGCTTCCGTTTTGCAAATTGAAGCCCAGAGAGGTAAAGTGACCAGCCCA
AAGTCACTCAGCCAACCTCATGGCAGAACAGGACTATCATCCACTCCCAAT
CCAGTGCTCTTTCTTTTCACTTCACAGTGAATCCCCAACTCATTTGTCAT
TCACAAAATCATTTACAGAAAGAGTATGGGTACAGCTGCAAGGATAAG
AGATCTCTGTTATTAAATACACAGCACATCATCACTCTCACATTTACAGAA
ACTGTA

>Sequence 1597

AGGTACCTCGGTGAGGAGGCACAGATTTTGCCTCCTGTTGACCAGCCTGG
TTTCATACCGAAAAGACATTGAAGGACTGCAGAAATGTATGGGTGCACCG
GGCCGAGGGAAGGGTGGCTGAGTGAGAGGCGTATAAAATGGGGCTGTGTG
CATGCAGGCCCATGTTTCAGCCTCAGCCCACGCCAGGTGAAAGGATCAGC
AATGCTCTGTTGCCATCGTGCTGGGACGACACCAGCTCTATTGCCACCGA
TGAGTAGCTGAGGTGAGTGTGCACAGAGTTTGAAATTAAGTTAATAGACT
TTACAGCAGCTGGCCTG

>Sequence 1598

CCGGGCAGGTACTAGGTAACATTGTTTCGACTATGTGTGTTGTATTAATA
ATATGTATCTCATGTTATCCAGACTGGTGACTGGACATGGTTGAAAGAGT
TTTATCAAAGACTCATTGATCAGAAGTGGCAGAGGAAGAAAAAGAGCAA
GAGCACTGGTATCAAAAGGCAATTCTTTCCAAGTTTTTATATTACAGTAT
CAATGGTGATGGAGCCGCTCAGCCTGTCTCATCCACCGCAGAACAGCAGG
AATCGTCCAGTTCAGATCAGACAAATGATTCGGAAGGGGCTTCATGGCCT
GCTCCCTTCGAAATGCCTTCTTTAGTTTCTGAAGATCCCAGTGCTTTTCA
TCAGGGGAAGTGAGCCTCTTGAACCCTTATACATAGTGGGGCCTGTGGCC
TTAGCG

Table 3

298/1077

>Sequence 1599

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTTGTTATTTTTTTAAATTAATTATGATTCATTTTGCAATTT
CTTTGTGATCTTTTCATTATTAAATATAATCATAGTTTTGTCTTTTCTTT
TGTATTTAATATGTTTTTAATTTTTTGTATTATTATGTTTAATTATTAAG
GAATTTATTTATTATATAGTATTTAATTTTATTTTTTTTTTTATTAATTTA
ATTTATA

>Sequence 1600

AGGTACTCCCAAAATTTCCATGAAATAACATAATGCTCAATGGCTTGAC
ATTGAAACAATATGTAGGAAGCATGTGTTCCAATGGGATATTGATTATAG
GCTCAACTAAAGATAACAGAATCTGCTGTAGCTATTTTAAGAAGAAAAAC
ATTTAAGACATATAATTAATGGCTTAGAGAATCACTGGGGAGGGCTGAA
TACATCTAAGTTGAGCCTTCAGAAATAGTTCCCAAGCAACACCACAGAAA
TGGGCTGCTGGAGGAACTGCTGCCTCTTCTGGGATCAGGAAGCTACCTGC
CACCTTGGGTCCTGCCAGTTTCG

>Sequence 1601

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTC

>Sequence 1602

GCTCTCCGATGCCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTCGC

>Sequence 1603

CCGGGCAGGTACGCGGGGCATTTTGTAGAGAAACAAGCGGAGTTAACCGA
AGAGGGGGTTCGAGGAGAGCCGGAGTCGGGGACCCAGGAGTTTCCTGTGTC
CAGCGCTGCCGGAGCCGCCTGAGGTGCCATGTTTCAGAACAGAGTAAGAC
CCCTGGTAAAGGAAGAACTGAAGATATTTTTTTCAGAATACCAAATTAT
AACTCTTATTTACAAAAGAAAGGCATTTAACCCTGCCTTTTGGAGGTGGA
CTTAAAGGGGGAAATAAATGGGTGATTTTTTTCGACCGGTGCTTCGGGCC
GTCTCTTAGAACTTAGTGGGATTCCCCCGGGGCCTGGCAGGGAATTTT
CGAATTATTCAAAGCTTTAATTCGATTACCCCGTCCGACCCTTTCGAGGG
GGGGGGGGCCTCGGTTACCCCAAGCCTTTTTTGTCTTCCCCTTTTTAAGT
GAAGGGGGTTTAAATTTTGGCGCCGCCTTTGGGCCGTTAT

>Sequence 1604

AGGTACGCGGGATGTTATTTATTACTTCTGATAAATAGGCTTGCTTCATC
TGAATGCAAAGTAATATATAACCTGGAATTTTTAAAGTTTTTTTTTGT
TGGCACGAGAGTATCACAGGAATTCAAAGGTTTAACTGCGTAAGAAACA
ACTGCAAAACCCGTGGCTAAAAACAATTAAGAATTATTAGGTTAATGAT
GTGGGGTTGGAAAATTTTTCTGGGAATCTGCTTGGACCTTTTGCCTTTGC
TGCTTGTTGGCCTTTGACCTCAACTTTGTGCCAAGCGCCACCTCTTGCT
TTGGGAAACTTTTCCCCTGATTTAGCCTAAGCATAATTGGGCTTTGGGGC
CATTTCAAGTGGAAAACCTTGAATCTCAATGAAGTTATTCCCAAAAAGCCAT
ATTGAAGTAAAAGGGAACATTTTTACCCAAATTGAAGTCAAATTTCACTT
TGTCCCCAAAGCCCTTTCTTTTCTTGTTCACCAATTG

>Sequence 1605

AGGTACGCGGGGAATTCTAGAGGCGGCGGAGGGTGGCGAGGAGCTCTCG

Table 3

299/1077

CTTTCTCTCGCTCCCTCCCTCTCCGACTCCGTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCCCCTCCCTCTCTTTCCCTCTGTTCCATTTTTTCCCCCTCTAAATC
CTCCCTGCCCTGCGCGCCTGGACACAGATTTAGGAAGCGAATTCGCTCAC
GTTTTAGGACAAGGAAGAGAGAGAGGACGCGGAGAAGAGCCCAGCAAGAT
TTGGATTGAAACCGAGACACCCTCCGGAGGCTCGGAGCAGAGGAAGGAGG
AGGAGGGCGGCGAACGGAAGCCAG

>Sequence 1606

GCCGGGGACCTCCCAGTCTGCGGCCATGAACGCGAGCAGCGAGGGCGAGA
GCTTCGCGGGCTCGGTGCAAATTCAGGTGGCACAACGGTGCTGGTGGAG
CTGACTCCCGACATCCATATCTGCGGCATCTGCAAGCAGCAGTTTAACAA
CCTGGATGCCTTTGTAGCTCACAAGCAAAGTGGCTGCCAGCTGACAGGCA
CATCCGCAGCAGCCCCCAGCACGGTCCAGTTTGTATCGGAGGAAACAGTG
CCTGCCACCCAGACTCAGACCACCACCAGAACCATCACCTCGGAGACCCA
GACAATCACAGATGGAGCCTCACTCTGTTGCAGTGGGCCGAGATTGTGTC
ACTGCACT

>Sequence 1607

GCGGCGGACGAGGTACATATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCT
GCAGCTCAGGGGAGAGCTGGGTAAAGAACCGGCAAGGCAGTAATCATCTG
CATTTAGATGGCGAGTAAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCCAGCAAG
AATAAATCAAACCATGAGAAACACATACATTTAAGACTAAGGAGATGTGG
TCAGGCGCGGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGG
CGGGTGGATCACTTGAGGTGAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGGCAACCTAG
TGAAATGCCGTCTCTGCTAAAAATAAAAACTTAAGTGGGTGTGGTGGTG
CCTTGCCTATAGTCCCAACTGCTTGCGAGGCTGACGCCCAATAATCGCTT
GAACCCTCCACGGGGAAGCTGGATTTTGCAT

>Sequence 1608

CCGGGCTGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCCC
CACCACCCATGAACCTTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG
TTTGAACCAGTGGAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGAAGTATAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACCTCAACTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTAGCAAAGGTTCTGG
AGACAGGCATCCTTCTTCCAAAGGAATGCCCTTCCTCATGCTGAGAAGA
AATCAAGACCCAGCATGGCCAATGAGAAACACCTCGCTTTGTCTT

>Sequence 1609

CCGGCAGGTACTNNNTAANAAATGTTTATTCTTGTGTAATGAACAAATA
TTTATTTATCTTTTATAACAAGTAAGGCAATGTTGCTTAAAGGAAGACAA
ACAAACATAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTTCATCTGTTCGGCAAT
GCTTTTGTCTAATGGAGATGTGACAGCAAACCTTTCCAGGACATTTCAGTC
TTCGGCGGCAGCACTTAAGGCAGATGACTGGCCGCTCAGATTCTCTATCT
TGTTTCAGGACAGTGGAAGGCTTATAGATGAGGCCAAAGCACCAGGTAG
GTGGAAGGTTCTTGTATCGGTTTGAACCCCGACAGCGCGCCAACAGACAA
CACGAGGGCATTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAATGAGCGCCTGGGTGCA
GGCGTGCTGAGGCTGAAAATGGCATCAGCCCCCGCGTACCT

>Sequence 1610

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGAAATAT
TTGCTTTTAAACATTTGATTTTCATCAATCTTTGGATGATTTGACTTTAT
TGTCATATCTAGTAAATTTGCCAAAATATTTTTTTTATTCCTTGCTCCT
TTTATCCAACTAAAACTGGGCAGGTAGAATTTTCTGTTTTCTTAAACAG
GAAGGAGGCAAAGCTGGTTTCACCTTGTCGTCTAACTGTAAGCACATAAA
GGAAATATTGGTCCAAAATATTGCTTGAGCAAAGTTCTATAAATTCATTA
GACTCAAGAAATTAATTCAAGAACTAGAAGATGTAGTGAAAAAAAATA
GTATTT

>Sequence 1611

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC

Table 3

300/1077

AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGAA
CTTAAGTCTAAAAATTTTGTAAATTGGAAATACTTTATTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATTATCAACCTAATTCCTACTGGCT
CATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCCTCTGATCGTGATGTCCTTCCCCAG
TTGGGGCTTTATTTAGGTAATACCCTGCTGGAATACCCTTGCCAAGCTTT
TTACACATTTTCTCTTGCCATAACAACCTATTCTTTTGTTTACTGAAAT
TATTAATTTCCATGGTTCAATTTGGTTTAATCTTTTCATAACTAAGCCTG
GGGAAGTTTCCCTG

>Sequence 1612

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTTGGAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTAC
CTGCCCCG

>Sequence 1613

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAAGCTTGGAAGGCAATTCGGTTAACAGAAGCGCCCAACCC
TGTACCTTGGGCCGCTCTTAGAAACTAGGTGGAATCCCCCGGGGGCTGCA
TGGAATTTTGAATATCAAAAGCTTATTGATTACCAGTCGACTCTTTAGG
GGGGGGGTCCTCGGTTACACTCAGCTTTTTTGGTTTCCCCTTTTAAGTTG
GAGGGGTTATATTTGCCGGCAGCTTTGGGCGTTAAATCAATTGGGTCATT
AGCCTGGATTTTCCCTGGTGTGGAATAATTTGTTTTATTTCCGGCTTACA
ACAAATTTTCTACCACTAAACATTTACGTAGTCCCGGGGAT

>Sequence 1614

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGGCCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1615

GTATCACTACTTAGGGCGAATGAGCTCCACGGGTGGCGGCGAGTACAGAC
TGGGGTTGTTAACATAGNTNTNCCATTGGGGTTTGNCCCCCTTGCAGCCCC
TTCATGGNNTGGGGGTGCCCTGGTTTTTGGCCCTCCCCAGGATAAGCAAAA
TGGTAACACTGGTGGCCTGGCTGGAAGGAACCTGAGCATGGCCCGTCATT
GGTTACTGGATTACCTTCCAACTACCTTATAGGTCTACCTTTGGAAGGT
AAAGGAGGGGTTAGTCAAGCCCAAACCCAAAAAAAAGGTGGGGGCG

>Sequence 1616

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1617

CCGGGCAGGTACGTCTGACACAGACAATAAAAACTGCACAAGCCAGAATG
CAAACTTCAGTGAGTGGCGGAAGGAACATTTCTGCATTTGACAAGAAAC
ATAAGCTTTTTTTTTCTTTTTTTAAATGGCGGAACAAAAGGTAAAAAA
CAGAAAAGCAACAAGAACAAGCAGACCCTTACATTTGACAAAGCGCACT

Table 3

301/1077

TCACTTGGCTCCATGATCTATTTCTTAGAAAGACTAAACAAAAGTCAAGT
CCTACGGTGTGCGGAGGGGTCAGAGGGTTTCACCCTGTAAACGTCCGGCCC
TTTTGGTCCCCCTTGGGGCAGCATCCCTTTCCCAGGTGTGTGCTGGAC

>Sequence 1618

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACG
GGAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGC
GACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATT
CTACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGTAGAAGGGGAACTC
AACCAGATGCCGAATTCCCCCATAACAGCTGGACAGGTTTCCCAATTTTCC
AGGAATCAGCTTGGTTCAGGGAGCAATCCCGGG

>Sequence 1619

CCGGGCAGGTACTGCATCAGCTAGAATAATGGAGCATATATAGCATCACA
AAGCGTGATTGCAACACAGCATCTAAAGATGAGGCTCAAGGATGTGATAC
CGTGTCTACCACAGATGAATGAGTAGTGCCCATGACAGCAAAATAACATA
CCTGGGAAGTCCAGACTAATATCTGATAAAGGATACTGCTGTCATTACTA
AGCATATTGAATTTGGCTGAACGCTGACATATGAGTGGAAAACGACCATG
AAATGTCATCCACCAATCCTGGATCTGGGGAGCTCTGGAGGTGGAGAGAG
AACTTTTAAGATGCATTAATGTTATGTAAGCAACATACGATGGTATCTGG
AACTTAACAGGAGTCCATAATTGCTGCCAGAATTATTAGCATAGAATTCTG
GTTTTAAACATTGACTAAATTGAATGGGCGAGGTGGGGGAGGCATGGCGC
CAGTTAAATAGCCAGGAGAGGCTGGACTGGGGACAGAAAAGTGTGCTTGA
CTGCACAAGAAATCAGAGATAATGGTACCT

>Sequence 1620

CCGGGCAGGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACT
CAGATCTGTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAGAAAGATCCTCCCTTA
CTTCCACAAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGT
AATTATAGAAACAACAGGAACCAAACTCATTAAATGTTGAGCTACAAACC
AGAGGGAAGCTTCTTTCTCAAAACAGGGCTCAGGCCTAGAAAAATCTAGT
TTTCTGAAATCGCTAGCCAGCAACAGCACTGAGATGGCCATCCCAGAAAC
AAGGCCAACACAGAAGCACCCATAAAGGCTGCTGGAGGTTGGGACAAAGA
GATCC

>Sequence 1621

CCGGGCAGGTACATAATTGGAGATGAATAATGATTCTCTTAGATAAAGAA
ACTTGTCCACCCACCTCTACCACAAATGAAAATCCTTTTTCTTATAGGAC
TTTTTGGCCAAGCAAAGGCTCATGATATCTGTAATATCTGTGATAGAAAA
GCAATAAAGGTTAGTTTTCTTATTCTACAAGTCCGAGCATAAAATATCTA
TAAATGCATGATTTGGTCCTTTTTCTCGTTCAACTTATAAACTCTACTTT
GGAGTGGTAAGGTAGGTAAATGTTGAATACAGTTGTAAAAAATCTGAGTT
TACAATCCTCAATAACAAATAACAACATTATGTAATTTTGGACTTTTTGCT
TCTGTTGTGTTGAATTCACCAACAATCTTCGGATTAGTTGCCCACTCTCA
ACTTCTTTTTTTCTGGTCATATTCCCTTTAACCTTCAAAACGCTTCATTG
TTCTAGGTTTGTACCCAAAGAACCCACAATCCTGTGGAAGGGAAGGGATT
CTCAAGGGAAAG

>Sequence 1622

AGGTACACCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACT
TGCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTT
AAAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCCAGGTCTGCAA
CAACTTTGATTTGGGACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTAC
ACACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGT
CCTTAGTTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACC
TACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTTCAATTCCTTTATAATATGCTG
AGCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1623

Table 3

302/1077

AGGTACAAGCCAGGTTTCCTTCTCAGCTCAGGAGAGGGACTTCTTCCTGC
GGATCTTGGGCTTCTTCACCGGTCGCAGATAAGGGTTATCGATGATGTTC
TCCTCCCCATTCCGGCTACCCGACAAGGAGGGGTTCTGCTGCAGGACAGA
GGTGTCTCCTTCTCGGCTCCAGAATCCTCCATGCTGATATGAAGAGCAA
GGTTCTCTGTGTCTGTCTGATCATCCTGCTCCGAGGAATCTGTCTCTTCC
ATTTGTTGCATCTGCAGTTCAGACGGAAGAAGAGCTGTCATGTACGGGAT
TGGTGAAAGGTCTGGCACCCTTCAATGGAAATGTGCCTGACGTTTCATCT
TTGAAAAAGACTTCTGAGGTCTCACCCTGGTCTTGGGCCCATGAAAACCG
TTTAAGAGGCCCCCTCTCCCATTG

>Sequence 1624

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCT

>Sequence 1625

GGAATGCCATAGTAAGCGCAATNGAGTTCACGCGAAAGGCCGCCGCCGG
GCAGGTACTGGTTGTGCTAGCTGGATTATTAGGCAAGAAAGTTATATAAC
AAGAAATAAAAGATTGGGAGGCTGAGGCGGTTGATCACCTGAGGCTAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATAGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAT
ACAAAAATTAGCCAGGCATGAAGGCACCGTGCTGTAGTCCCAGCTTCTT
GGAGGCTGGGCAGGAGAATCCCTTGAACCTGGGAGGTGGAGGTTGTGGTG
AGCCAAGATTGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAAGACCAAGACTC
CATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAGAAAAGTACCT

>Sequence 1626

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1627

TCATGGTGTGCGCCTGTAATCCCAGCTACCAAAGAGATCACTGGACCCGG
GAAGCAGAGTTTCAGGACCGAAGACGCCACCGACCAACCTGGTGCAGACG
AGAGAACTCATTCAANNAATAAAAAAAAAAAAAACCCCTGGCCGTTTAAA
CTAGGGGGCCCCCGGCTGAAGAATTCATTTAACTTTTGTTCCCCCCACC
TAGGGGGGGGGCCCGGTCCCCATTTTTTCCCTTAAGGAGGGTAAT

>Sequence 1628

CCGGGCAGGTACTAACTAAGCCGTCAACTACCAGCAAGCAGAATGAAAA
ACAGGGACAGATCAGCATCCAATTAGTATGTCTAAGTTTTTAAACAGGAA
AAGGGTTGAGGGGAATCAGTAAACTGGAACTCATACTTCACATTTTGC
AATCTCACTGATAAAAGGAGGAAATGTGTGTTTATCAAACCTTGCTGTGAG
TGCACAGTTCATTTGGAGTCCTGTAAACAATCGCCTGGCTGCCCACTTTC
AAATGCATGTGAAAATCTTGGAGATTGAGAGCATCATATTCAGCAAGCAA
GGTCATTCTAGTGATGCCCTTAACAAGTTTCAAAAGCTCATAGAGATCTT
CAACC

>Sequence 1629

CCGGGCAGGTACCCGGGTATCCTGTCTTACGGTGTTTATTCGTGGTTATC
TATTGACAGTGAATAACTTGAACAAGTATTTCTTGAAGATTTGCATTTTA
TTTTTCTAAAAAGCATGGTTCCGACCGGGCGCGGTGGCTCACGCCTGTAA
TACCGGCACTTTGGAAGGCCGAGGCGGGCAGATCACAAGGCCAGGAGACC
GAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATAA
AAATTAGACTGGGCGCGGTGGTCGCATGGCCTGTTAATCCCAGACTCCTC
GGGAGGCTTGACGTCAGGACGAATCTGCTTGAGACCAGGGAGACCGGGAG
GTTTGGAAGGGGAGCCAAAGATCGAGGCCT

Table 3

303/1077

>Sequence 1630

CCGGGCAGGTACAAGATGAGACAGAATTAGAGGATGAAAATCAAGAAGGC
ATGACTGTGCACAGTTCTGTTACAGCAATAACCTCAACTCTATGCCAGC
TGCTGAAAAGGGTAAAGACACATTAATAATCAGCTTATGATGATACAGAAA
ATGACCTAAAAGGAGCAGCTATTCATATCTCAAAAGGAATGCTCCACGAA
GAAAAGCCTGGAGAGCAGATTTTGGGAAGGTGGCTCAGAGAGTGAATCTGC
ACAGAAAGCTGCAGGGAATCAAATGAATGACAGAAAGATTCAACAGGAAT
CCCTGGGTAGTGCACCACTCATGGGAGATGACCACCCTAACGCATCCAGA
GACAGTGTGGAGGGAGACGCTTTGGTAAATGGGGCCAACTGCACACGCT
TTCAGTGGAGCATCAACGCGAGGAATTGAAAGAGGAATTAGTTCTTAAAA
CTCAAAACCAACCTAGATTCTCCTCTCCAGATGAGATTGATTTGCCCAGA
GAACTGGAAGACGAGGTTCCCATTTCTGGGAAGAAATCTTCCCTGGCAACA
AGAAAGAGATGTGGCTGCCACAGCCAGTAAGCAAATGAGTGAGAAGATAA
GGCTCTCTGAGGGAGAAGCCAAAGAGGACTCCTTGGATGAAGAGTTTTT
CATCACAAGGCAATGCANGGCACAGAAGTAGGACAGACAGACCAAACCTGA
CAGCACAAGAAGACCAGCTTTCCTTTTTTAAAGTGAAAGGATGATTATTC
CTCTGAAGAACTTCTAGAGGATGAAAAACGCTTAAAATGCAAAACGGTCT
AAAAAAAAAAACCCTGGGAATCA

>Sequence 1631

AGGTACTTAGAATTTTGTGGCCAGATCATTTTGTGGAAAATGGGAAAAT
CTGTGAAAATGGAACCTCACAGTGAGTTAATGCAGAAAAAGGGGAAATATG
CCCAACTTATCCAGAAGATGCACAAGGAAGCCACTTCGGACATGTTGCAG
GACACAGCAAAGATAGGCAGAGAAGCCAAAGGTAGAAAAGTCAGGGCTTC
TGGCCACCTCCCTGGGAAGAAGTCTCTCAACGGAAAATGTCTGTTGCCGG
AAGCATTCCAGCTCACAACAAGGAGGGAGGGAGAAATGGAAGAAAGGGCT
NCTCTTGANNGTGGAGGGGTCTTNNACCACCACTTANNCATCCAANNNG
CAGCTGGGGAGGGTTTTACATGGGTTCTCTTTGCAATAAATTTTTTCCTT
CCTTTTGGTGGGTGGGCTGAATTCGGTNNCTTCTTAAAACCGATTCTTTC
CAGGCTTTTCTGGGTTGGGCTTGGAGCCTTACCTGGGTTTGGGGAGGCAG

>Sequence 1632

ATTTTCTTCTAACACCGACATTGCTGCAGAAGAATCTGCGGCGGTCTTTA
GTTGGATCCAAGTCTCAAATGTGCCTGGCTCTCGTCCGGGATGCTCCTGA
ACAGCTGGTCCTGGAAATTGGGAACCTGTCAGCTGTCTGGGGAATTCAGC
ATCTGGCTGAGTCCCCTCTCCCTCATCCCCACTGCAGCGAGGCAAGCAGG
AGGTAGAATTTATTCTTCCACCGCTACCAAATAACTGCAGCTTACTGCTC
CGCGTCGCAAGTCAAGATGTGGCTCCTTCATTCACACACATCTCTTGAGC
GCTTCCCGTGTGCCAGGTGCTATAGGGCACACAACAGTGTGGGGATTACA

>Sequence 1633

CCGGGCAGGTACCATCTTTTACAAATCATGCTTCTTCTTCTGCACTCATT
CTACTTTGATCCAACCTGAACCGTTCATAGGCAGGTCCGGGTTTTATCATC
CCCATTACACATAAGAAAACCTGAGGCCTGGAGGCTGGGCGCAGTGGCTC
ACGCCTTGCAATCCCAACACTTTGGGAGGCCAAGGAGGGCGGATCATAAG
GTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC
TAAAAATACAAAAAATTAGCCGGGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCCA
GCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATAGCATGAACCTGGGAGGCGGAG
CTTGCAGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAG
CGAGACTCCATCAGCTGCCAAG

>Sequence 1634

AGGTACACATAGTGACATTGCAAAGGGAGACTTTGGGGTTCGGGCGGATAT
CTTAGGATCAACTCTGGCTAGGTCGCAGAAGACAGGACTTGTTCCACAG
ACACCAGAAGGTGGAAGTTTTGTCTTCCCTGATAACTTGCTCTTCGGTAT
CTTGGTTTGGTTCACTGGGTGTTTAATGAGAATGTCTTACCAACGTGCTA
TGTCGTCGTTTCATCCTGACAACATTAAACATCAGTATAGAAAATACTGGA
AAGAACAAAAGAAAAAAGAACCAGGGAGGTGATCTTGCCACCCCCAATT
CTTTTCAGTAACATCCTTGT

>Sequence 1635

Table 3

304/1077

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAATTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1636

CCGGGCAGGTACTCTTCAAATTGGTAAATTTTATTTGTCTAGTAAATTAT
ATCTCTGTAAGTCCTATTTTAAATAAACTGTAAAGAAACCTATTAAGTT
GGTAACAGCGATTAGCTTTGAATAGTGAAATTATGGTCGATTTCTTTACT
TTTCTAACCTTCTTCTTGCATTTTTTCCCAAATGCCAGAGAAATGGCAA
TTTTATTTTTTTCATAAGAACAGAACTTTTACCAATTTACCAAAGGGGTG
AAAAACACCAATTTTTCCAATTGAAAAAAACAAAAATTAGTCCCTTTTGG
TAATTTTTCTTAAGGTAAATCCCAAACCTTTTACCAAGGGGGAATTGTTGA
AAGTGAACCCTTCTTTTCAAAGTGAAGTATACTTGTCTATAAACCAACTTG
GCTTCAAATGTAAAAATAAAAAAGTAGGGTATTACCAAATCAAATATTA
TGTAAGTAAACCATTTTCCCAAGCCCTTCAATGGGTGTTTAGGGAAAGTA
AAATCAAATTATTCTGTTGAAAAAAATGG

>Sequence 1637

GAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGAGGTACGCGGGGGAGCCAGCGATGGGTC
CACCTTGCCTTTGTTGTTGTTGTTGATTTGTTTCTTGTGTTTGGTGACTG
AGTGAAGGGACTTGACCCTGGTTCTCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTG
CGGTGATCAGGGAAGCTGCCTGGACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACC
CCATTCTCTCGCCCCCTCTTGAGAATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTCA
GCCTGCAGTCAGACCACAGTCTGGCTCGGGCTGGGGCTGGGGGTGGCAGA
AAGGGGGTCTGACGCAGCCCCTGCTCCCCCGAGTCTTCTCAGTCTTCTG
GGGGAGAAATGACCGACCATACATTAAGAGAAATTCTTGCTTTAAGGGG
AAGGAAATGCCTCCAAAGACACCGGCCCTCTTAAACATAGGGGGGACCC
CC

>Sequence 1638

CCGGGCAGGTACGCGGGGATATAGACAGAGTTGAGATCAGGAAATAGCTG
TTTGGTGTGTTCTTGGGGTTGTCTTCTTACAGTTCAGGAGACCCTTCCTAA
AGCCGGTCTTTTCTCACTTCCAGTCATTCCTGTATTCCATCAACCACACA
ATCTGCTTGCGGTTGGATAGCATTGAAGCCAAATTGCAAGCCCTGGAGGC
TACTGGTTAATGCTGGGAAGAGGGGCGGGAGGTGAGCAGGAACATGCAGT
TCAAACCTATCCAGGGTACCATGGATGCCGGCTCAGTTCTCATGACACTC
CATACTGCTTCACTTTTGCCATGGCTACCCATACGCCACTGTTGCTTCCG
CAGCCGCTTACATCTTTGGGATCCCCTCGTCTGTACGTCTACTATATCAT
GCTTATGTATACCTTCCACCTTTATTGTGTGCCCGTAACCCCTGTTTAA
CTCATCTTATAGGGCATACTACACGCTATATCTAGTATTTGTATATCGTC
TAGCTACTACAATCTATTCTGTAACCGTTTTTACTCTTTTGTACTACGGC
CCCCGAAACATATCCTCCTCGTCT

>Sequence 1639

CCGGGCAGGTACCAGCAGGGCAGGGACAGAGTTGGGAGTCTACAGCCGTC
CTTGAATTTGTCCTCCTAGCGATGAGGAGGTTTCCTTGATGAAAGCCACT
CTATGACTCTGGCGGGTGAGCATAGTCACCTGCTCGCCTGCAGATGGGTC
TCTGGGAAGCCGCTGAAGCCTGGAGAAGTCCACAGCCCATGCCTTCTGGA
GACCCAGAGCTGAGTGGGGAGGACAGGACGAGATATGCCACACTCATGTT
GCCAAGGAATAGCTAGAGAGCACTGTATGGGGAGTGAGGGCCAGCGCTG
GAGTCCGCAGCTCATCAGC

>Sequence 1640

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCCC
CACCACCCATGAACCTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG

Table 3

305/1077

TTTGAACCAGTGGAAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGAACTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAACTACCTCCAAGTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAACTTAGCAAAGGTTCTGG
AGAC

>Sequence 1641

AGGTACTTCGGGGAAAGATTGCATTTGAACAGAGGAGTGTCTAGAAACAG
ACATCTGTTGTTTTGGCAGCAGCATTTCCTGTCTTTGATAACCAGA
TCCAGGGGCTCCAGGGAACTAAGTCTCCCTAGGCTCCAGGGAGGCAG
TGCCTCAAGCCTCACACCCCGCTGGCAACAGAAACCGCTTGATGGATGTG
TGCACGACCCCTAAGAACTAATGAGCTACATCGAGTCTTCAGCAAAGACT
TCCAGGACAAAGATGACAAGCTTCTCCACCTATACTTGGGGAAAGAGAAT
CAGGCTAGCACCCACTTTACAGCCACAAGGAGAGAAGTTTTGAGAACTCA
GT

>Sequence 1642

AGGTACAGGGCTGGGTCCTGGGGACAAAGCAGTGGGCAAGGCAGAGTGCC
ATGTTATAGCTGGCGCAACAGCCAAGGGCAGCAGATGACTGGGAGAACAA
GGTGATTTAGAGAGTGGTCTATGCTAGGAAGAAAAACAGGTTTGTCT
TAGGAGTGAGGGTTACTTTAGATAGGGTGACCAAGTGGGGCTTCTTGGAG
ACGGTGGCGTTTGAAGTGAAGCTTAATGCCAAGAAACAACCCCATAGC
AAGACCTGGGCACAGAGGGACCTACAAAGGCAACGGCCAGTGCCAGGGA
CTGAGCTTGGGAGCTGAGGAAATAAAAGCCAGCCCTTCCCCAGCTGTCCA
TTGCTTGATCTCATGCTTTTTTCTCTCCACTTGAGCCAGCCTGAGATAGC
TTTCGCCN

>Sequence 1643

ACAGAAACATGTGTCAGTGATGACTCAGGGGGCTACCGCTTTATTGAAAC
GGGGAATCTAGGTGTTTGGCAACTTTAGAAACCGGTCCTTTTGTTGCCTC
TCACATGGACTTAAGTATTTCTCTTCAGCTTCAGTCACTTTTGCCTTTC
TTATGGGTTGCCCAATAAAAGCTGTGGGCAGGCCGGGAAACCCAGTGAT
TGTCATGAAACCCCCAGCCTTACAGCCCAGGGGAATCCTTTTCTGAGACC
CGGGGGGCCAGCACATTCCAATAACCCCTGGGCCCCCCCCGCCGTACCCTT
CGGCCCCGAGGGTACAATTTTTGGGGTTACCCCGAAAAGCCTTTTTGCTTG
GGGAAAGACCGGGAAAAACAAAGCCTTGAATTGGATGCCCCCTAAAAGGA
AACTTCCGTACCCCTTCTGCGCCACCTGGGAAAAACAACAAGCCCTTGGT
CAAGAAGCCTTCAATTCGAATATTCAAGTCAATTCGGAACCATGAATAAT
CTGGCCCATTCCTGGGAAGGCTGGTTATTGGCCCGGCATTCACCC

>Sequence 1644

AGGTCAACACCGTGCCCAGCTAATTTTTTCTATTTTTTGCAGAGATGAGG
CCTCACCATGTCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGAATCACAGGCATGA
ACCACCACACCCAGCCCTACTGTATTTTAGAACTTTGTTCTTGAAAAGCN
AGTCAAGTTCCTGTAAAGTGCATAATATATTCTCATTTTCAATGAGAAC
GAAGATGGTTTGTAAAAGCTATTTTAAAGTGTCCCTATTTGCCAGTAAT
TCCTCTTCTAGAAATCTATGAGAATAATTCANAATATAGCCCANACACA
NAGGCATTAAGTGTTTCAGCAAAACACTGAGAATCTAAATAACCAATATAA
AGAGATTGGTTAGGCCGTGCAGCGTGCTCACGCCTGTAATCCCGGCACTT
TAGGAGGCCGAGGCGGGCAGATTACCTGAGGTCAGGAGCTTGAGACCAGT
CTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTAGTAAAAATACAAAATTAGCC
AGGCGTGATGGCATGTGCCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCA
GGAGAACTGCTTGAACCCAAGAGGTGGAGGTTGCAATGAGCCGAGATCAC
GCTATTGTACCTGCCCCG

>Sequence 1645

AGGTACATAGTGTTTATAATATTGTAATAATATATTTTACCTGTGGTATG
TGGGCATGTTTACTGCCACTGGCCTAGAGGAGACACGGACCTGGAGACCG
TTTTAATGGGGGTTTTTGCCTCTGTGCCTGTTCAAGAGACTTGCAAGGCT
AGGTAGAGGGCCTTTGGGATGTTAAGGTGACTGCAGCTGATGCCAAGATG
GACTCTGCAATGGGCATACCTGGGGGCTCGTTCCCTGTCCCCAGAGGAAG

Table 3

306/1077

CCCCCTCTCCTTCTCCATGGGCATGACTCTCCTTCGAGGCCACCACGTTT
ATCTCACAATGATGTGTTTTGCTTGACTTTCCTTTGCGCTGTCTCGTGG

>Sequence 1646

CCGGGCAGGTACAGGAGTCTGGAGTTGGCACCCGTAATCTACAGAGGGAG
GCCCATCAGGACTTCGGTCTTGATCTCAGTGGGCTCCATCCTCGTCCCTA
ACCAGCCTCATATAGGCAGCAGGGCTGCAGTGGCAGTGATGTTTATGGAA
GGACCCATTATTCCCAAACACATCTTTGGGGAATTACCTTACCGTTAGAG
AAATGGGACTTCTAGGTGTCTGGAATTGGAACATGGGGAATTTGAGAGCA
TAGACGATCTCTGCCTCTGACCTCCCCCTTTTCTGGGGAAATGTGTTCTT
GGTCCTCAGCCTGCTGGTGCAGCCCCTCCCAGGAATCCCTGCCAGTGTG

>Sequence 1647

AGGTACGCGGGGGCCCCCTTTCTGTGACCGAGTTCACACTCAGAACACACG
TGTTGAAATCGGGAAAAAACGGAGACCTGTTGTATCTTGCAAGGAAAAC
GTTCCCTTACAGGTATATTTACAGAGGACTGTGTCTGCACTCAGGCAGAAAT
GACCTCAACAAGACAGCCTCGTGGAAGGAAGAACACTTACCTACTTAAC
CCCCCCCCCGCCCCGGACTGCCTAGTCTAGCCTAGCCGTCTATAACAACC
CCAGTGGACTGACATTCCATCTTGGAATTTATGGAGGTGACAAAAGTGTC
ATTTGAGATGGACCAAACCCAGCCCTTTCAAGAAGAGCTCTTGATGTTTT
ATCTTGACATGTGTTTGATGAATAATGACCTGCACACCCATTTTAAATGC
AAGAAAGGAAGTCCTGCTCTTCG

>Sequence 1648

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACCACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGTAGGGGCACTCA
GCCAGATGCTGAATTCCCCAGACAGCTGACAGGTTCCCAATTTCCAAGAC
CAG

>Sequence 1649

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACTGAGTCTCACTCCAGC
CTGGGTGACAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAATGGAAGTTGTGGTCACAATGCCAGGCTTCTTTGTTATAGTGGCACG
CTGGGTACTTGCCACACACAGATCACTCCTCCCAGGGCTGCTGGCACAC
ACTGATTGTGGGGAGTTCAAGAGGCCTTTTCCCTTGAGGGTGTGGCTGT
CCCCCTTTCAGGCGTGTGGCGTCATTCATGGAGGAAGTGCTGGCTCTACG
TAACACACGCACAGTGGCACTAGGACCTGCGTGCCTGGCCCTCAGTGGGT
AGGGCGGTGCTGCCTAAGCACACAGAAACGCTTACGGGCCCAAGTGCCT
ACTAAGCTGCCTTCCTCTTCCCCGCTGTCAGTCTGTGTCTCCACGTGCT
TATTCCCTGTGGAGAGAACAGATGTGGTGTGTTGAATACCTTGTGCCTTAT
GAACAAAGTGGGCCCTTGTAAGAAGGGCGGGAAAAGAGCCGACCAAAATG
GGCGGCCTTCAAACCCTAAAAAAAACCCACCCGGCCCAAAAAAATACCAA
AAAATGGGCCACCAAGTTGGGCTCCCTTCAAATTAATTCTTTAAAAAAA
AGCCGGGGAAAAAAAACCTATGTGGTTTTTACCTTTTATTAGGATAAAG
AGGGAAACCCCTTCTCTTAAAAAATTTTAAAGTTTTATAAAATTCCTGT
ACCGACGGGCCCTATTAAAAAATATGGAATACACCGGCGTCGAGAAAATT
ATAATATTACCTATTGAAACCT

>Sequence 1650

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1651

TTTGCTCAACAATTATCCAATGTCTACTTTACAATACTTTCGCTGTTCTG

Table 3

307/1077

TTTTAAGCTTTTTGTGAAAATCAGCCTTGCCATCCTCAGTCATTTCTACA
TAGTGAAAGGCAACCGCAAGGAAGCGGCAAGGATAGCAGCTGAATTTTAT
GGAGTAACCCAAGGACAAGGTTCTTGGGCAGATCGATCACCCTACATGA
AGCAGCAAGTCAAGGTCGCCTTCTTGCTCTGAGAACATTATTATCACAGG
GTTATAATGTAAATGCAGTAACCTTAGACCATGTCACCCCATTGACAGAA
GCCTGCCTTGGAGATCACGTGGCATGTGCCAGAACTCTGCTG

>Sequence 1652

CCGGGCAGGTACAAAAACATCAGGACCCTGTAGGAGCATCTCTCTGATGG
CCCGATGAGCTTCTCCTCTTTTCTAATCCAGCATCTCTTAGATTTGTAAA
GGAAGCCAGTGTCTGCAGAGCTGAATATGCAATGTCACAGCAGAGGTCTA
ATGGACCCACCACCTAACACACTCCTGCCTCTTTTCCGTGGCACTTCTGT
CTCACTTTGAATAAACTGCCTCAAACTGAAACCCGGAAAAACCTGACAA
CACTGTATATACAACTGGCCTGGTAGGTTACAAAAGAAGTTCACAACAGA
GGCAACCTGGTGCCACGGAGGTCTGGATGCTGATCGAGAGCAAGCAGAGG
CGTGCGCGGGGGAGGAAAGAGTGTGAATACGCTCATGAGCCTTAATACAA
GAAGCTTTACGGGAGGCTGGTGAAATTCTGGAAACCACTGAGACAACCTGT
CTGTAAATTGTCATCTG

>Sequence 1653

GCCCGATCGCTACTAAAGTCGATTAGAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGCCC
GGGCAGATACAAAATAATCTTTTGTGTTTTGTTCCTTCAAGATTCTCTTT
TACTCTTTTTGTTCCTTATGCCATCACTCCACCACAACCATACTACAGAC
TTCGCAACTGCTGTCTCAGCCTTTGAAACACCTAAACTTCAACATGCTTT
GATTTCCGCCTATTACGCTAATTGATATTTTACAGGAACGAACAAACGAA
AAGGAATGTATGCACCACCTCCAGTTTCTTTATTCATTACCACCTGCCAG
GTGCCTTTTAGAGCAGTATCCCTGCCTGTCACGGGGCTTCTTGTATTGAG
CTTACCTACCTAGCTATGTTTTTTTTTCTTTTACCCTCTGATGTCGTCAT
ATGTTCTTAGCTTCTGGCCTCTTCGCATTTTTCTTGTGTTCTATAACTGTT
TTGAATGTGCCCCGAGCATTTTATATTTTATATGGGTAGTCCCGCCCCGT
GAATAAGTTGGATTTTGTGTTATCTACTCCTAAGGGGTTTTGTGTATTTT
GGTTCCTCTCC

>Sequence 1654

AGGTACTGTTGTTGACTCGCATAATGCGAGAGATGTTGCGGAAACGAGCC
AAGGAGCCGTAGGATCCCAGCATGTCTGCGGCAATCACCCTCCGCCCTC
GAACTTAACGCCGAGGACTGAGGTCCCGGTCACCATGGGGTTCTGGGTCC
GCGTGATTGGACCTCTGTAAAGTGCAGACGCCGGATCCATGAAGGAATCG
GGAGTGGATGGAATGCGGTAAAACTGTCCTGGGGCCGGACCCCCCGCCCA
AAGTCCGGACCGCGACCCCAAAAACGCTTCCATCTTAGTCACGGTAGCAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 1655

TCTCTACTACTTCTTCATAATAATACATCTCTATTTACTTTTCCTCTAAA
CTATTTTATTTAATAATTATCTATTATCTTTTCTTTTTTAATATTTTATC
TAATCTTTTATTTATATTCTTTATTTTTAGTGCCCCCTCATCAACT

>Sequence 1656

CTAAGATGTATGAGCACATAAACTTCTTCCCCTACCTAATGTTAAATCTT
TTCTATGGTGGCTGTGCTCAGAAGCTACCTGCTCCTGCCTATCCCCAAAG
CCCTGCTTCACCAAAAAGAGAAATACCAGATTAGCTACCTGCACCATCCC
AGCAACCTGTCCCTTCTCCCCTCACTCCTCACCCCTTTTCCCAGACCCTG
GTCTCTCTTTTCAGCACCCAGGAGACCAGTGTCCCTGGGCCATTCTGCCC
TGTCTTCCAGGACAGTAGTCTTGGCAGAGGCAGAAGAAGGGTCAGATGGC
AGAGCTGCTGGGCTGGGCTCCCAAGCTGTGTCCTAGTTTTCCAGGGTA
AGCTGTCAAGAGTTGCCTCATTGCAGTCCCCATTTCCCTCTCCCTAAATC
CCTTTTCTGAGTCTGAAGAAATGGCATTGCCAGCCTCAGGAAAT

>Sequence 1657

TGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATTTTTAGTAGAGACG
GGGTTTCACTGTGTTAACCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATC
CGCCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCAC

Table 3

308/1077

GCCCGGCCCAAAAGCATTACTGTTAAGGCTGCCTCATTTTTTCAGCTTTG
TTGTAGTTGAGATTCTGATGTTACCTAACAAAGTCCCTGACAAAACAGA
CTTCCTTCAATCCAGGTCATAATTTGAAACGTTATACAATAATGAGATTT
AAGTGATGAATGGAAAGAAAAGAAGGAGACTGAAAAGATATCAGAAATTT
CTATTTGTTTTTAGATTGAGAAAAATATAATTACAGGCCAACATGGGTCT
GACAGAAAGGAAGGACGTCAGCAGTTACTTGAATGTAACCCCTTCCCAGC
ATTTCCAAAGACCTGCAATGTGCTCATTGTGATCCAAGGGCCTTGTTACC
TAGTTTCTAGGTGATCTACAGAATTGAAACAACCCAGCACAACTTTATTT
CTTGAGAAGATGAACCCTTAACCTATGAAGTGCCCAAAGGAAGCTTTAACT
GCTCACTTACCATTGCCTCCGGTTTTCAATGCCACAATCATTCAAGATAA
ATAAAACCTGTGAGAAAAACAAACAGGTGGGCAAGCAAAGCCGCAGTGAT
CATACTTTCAGTTACCAATGGACCAGGGTGCTTTCTTTTTAAGAAGTGGT
CATTGGATTTGGTTTTTAGAAACAAAAAGCGCCCGTTTATGAAAGAAGAT

>Sequence 1658

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGAT
GGGACTTCCTACGTTGCTCAGGCTCGTCTTGAACCTCCTGAGTTCAAGTGA
TCCACCCACCTTGGCCTTTCAAAGTGCTGAGATTACAGGTGTGAGCCACC
ACACCTGGCCAAAATAATAAAAAATTTAATTCAGGTAAAAAAAAAAAAAA
AAGGAAAAGTGTAATGTGTTTCATCCAACAAAGCCTTTCTTTCACACATA
TGAAATATAAATAGATCCATTTAAATACGATATCCAGTTGAACCAGCCCT
GAAGGGCTTTCTGAATTGGACATGTTCTGTGCTACCAGTGGGGCTTCCT
GGAAGCTGGCCCAAAGCTGGTCCTTGTCACGCAGAGGATCTGAAAGCAC
CCTGTG

>Sequence 1659

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGGATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGCACC
T

>Sequence 1660

AGGTACGGGTTGCCCCTGGCTTGGCACTGCAGGGACGTGGTCTCGTGTTT
AATCTTGTCATTTTGCAAGGTGTCTTGGTGGGTCATGTGGTCTTTCGGT
CAATGTTTGGGTACCATGCTGGTGGTAACCCAGCCATGTTGTTGAGTCAG
GACCACCCCATACATCACTCCGTAGTGGCAACAAGTTGTGTTGTCAAGAA
GGGAGGCGGTTCTTAAATCTTTTTCCCAGGGGGCCAGGGGGGTTGGGTAG
GGGGATTTAAAAGGTTTCATGGGGTGGACCCGACTTCAACACAAGGGAAC
CCGGCAGGCTTGTGTACGGCCTTAACCTGTTTTCTTGGTGGCCAAGGAAA
CTTCTGCTCGGTTCCAACCCTTCGGAGTAAGTTGGGCAACCTGGCAGGAA
AAGAAAGGCCTGGCCGTTCCGGTTCGGTCCATCTTCTTTCGGGGTTAGGC
AATTTTTTAAGCCTGGAAAAGTTTTGGAGGCCTTGGGGCTTGGGCCCCC
CGGGGGGGCCCCGCGGGGGCCCCGGCCTTTCTTATTAACCTTAAGGTT
GGG

>Sequence 1661

CCGGGCAGGTACAATAGCGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACCTCCT
GGGTTCAAGCAGTTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACAG
GCACATGCCATCACGCCTGGCTAATTTTTGTATTTTACTAGAGACGGGG
TTTCACCATGTTGGCAAACCTGGTCTCAAGCTCCTGACCTCAGGTAATCTG
CCCGCCTCGGCCTCCTAAAGTGCCGGGATTACAGGCGTGAGCACGCTGCA
CGGCCTAACCAATCTCTTTATATTGGTTATTTAGATTCTCAGTGTTTTGC
TGAACACTTAATGCCTTTGTGTTTTGGGCTATATTTGAATTATTCTCAT
AGATTTCTAGAAGAGGAATTACTGGGCTAATAGGGGCACTTAAAAATAGC
TTTTACAAACCATCTTCTGTTCTCATTGAAAATGAGAATT

>Sequence 1662

GCCCCATCGACGCAACTCTATTATCGGGCGAATGGGAACTGCAGCTCCAC
CGCGGGGGCCGGCGCGACAGGCCATCAGATCTGATTTCTTGTGCAGTCAAG
CACACTTTTCTGTCCCCATTCCAGCCTCTCCTGGCCATTTAACTGGCGCC

Table 3

309/1077

ATGCCTCCCCACCTCGCCCATTCAATTTAGTCAATGTTTAAAACCGAAT
TCTATGCTAATAATTCTGACAGGCAATTATGGACTCCTGTTAAGTTCCAG
ATACCATCCTATGTTGCTTACCTAACATTAATGCATTTTAAAAGTTCTAA
CTCCAACCCCAAAGCTCCCCATATCCAGGGCTGCTTGGATGACCATTTC
TGGTCCATTTCCACTCAGCTGTCAGCCATCACCCAAATTCAAGATGCTTA
GAAAAGACCTCCGGATGTTTTCTTAGATATTAGCT

>Sequence 1663

TATACACCGGATGCACACGTCTCACTATAGGGCGTACTCCACGCTCTCCG
GCGGCCGANGTACGCGGGGAGAGCAAAGACAGTTGCTTACATGATGCAGA
GCTTATCTACTGTAGAGCTGGGAAGCAGAAGGATTTGTAGTTTCTTTT
AAGTGATTCCTTCCTTTTCCCTTTTCATTTTCTACTGTGGGTGTTATTATC
CTGACAATTTGTCATACATTTCTGTCTTTAAAAAATAACTGTATACTAA
GCAAACTCAGGTCTTAAAAATAAATATGAATTTAGATTCCATACATCGA
TTAATTGAGGAAACACAGATCTTCCAGATGCAACAATCATCAATTAAGTC
ACGCGGCGACATGGTGGCCCCTGCCTCACCCCCAGGGATACCTGTAATA
CCTGCTTCCCCTTCATGGGCTACAATCTCATGCTGCTCACAATTTCTGT
GCTCACTCATATAACACCAACAAATGGGATATTTGTGAAGAACTTCGCCT
GCGGGAGCTTGAAAAAGTCAAAGCCAGAGCTGCTCAGATGGAAAAGACCA
TGCGGTGGTGGTCCGACTGCACTGCCAACTGGAGAGAAAAATGGAGTAAA
ATTCGAGCTGAAAAGAACAGTGCCAGGGAGGAAGGAAGACAACCTCCAAAT
AAAACCTTAGAGATGGCGATGAAAGAATTGAATACCCGGCCCCG

>Sequence 1664

AGGTACAAACAAAGCAAAAAGTAGGAATCATGATCTTAATATTGGACAAA
TTAGAATACAAGCCAAAAAGCAATAACCGTTAGATAAAGAAGAATTCTTC
ATAATGATGAAATAGAAACATTCATAGAATAGAAATTACAGGAGAAACGG
ACAGTCACTTAAAGTTTAAAACTTTAAGACAACTTTAATTGACCTATTT
GAGTCCACAAAAAGCCAAGAAGTATCTGAAATGGTGGGATAAATCTTCTT
GTCCTTAAACTTTTGTGGGTGCGGTGTGTAGGAAGATTGGAGTGCTACTAT
GCTGGCTACACGGGCTGATGGTGCAGGACTTACAGATCGCTAAGTTTTAT
ACGACAAGTCAGTTAGGTCAGAAGGGTGCTGTGCCTGACACCACCTGTGG
GGGATCTCATCATTTGAAAATTCACAGCCATGAAGATTTGAACT

>Sequence 1665

AGGTACGCGGGGTTGGTATTAAAATGTTCTTTCAGTTAGGGCCAAAGGGC
ATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGTCTGT
CTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCCTGACATGTTGCAAACACTCCGTA
TGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGCCCCAGTCAGAAAACCTCTGGGAGAAC
GTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTTCTTTG
ATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGTGAACCTTCACTTAGAGGTGTCAT
GCGTATGGGGCCT

>Sequence 1666

AGGTACAAGAGAAATTAAGATAAATCTGTCATCATGTTGGGCAATTTCAA
CACCTTTCTCAAGTGGTAAGTCAAGCAGCACAAAACTCAGCAAGGTCA
AGATTTGAATAATGTTAACAGTAGAGCTTTATCTACTGAATAAATGTAAA
ATCCCCATCCAATAATTAGTCCACTTTCTTCCAAAATGCATGTGGAAGA
TGCATAAACTTGATTATGCACTAAGCAAGTGTTAACAATTTTCAAAA
ATGCATTGTAAAAATTACATTATCTAACCACAATGCAATTAAGTCAGGTG
TCTATAATAAAAAAGGATTAAAAGACAAAAACACACACCACTTCCAAATAC
TGTATAGAAAACACACTTTCAATGATGAAAATTATAATGGAAATTAAGA
CACTCTGATAATGAAAACATGATGAATTAACCTGTCATATGT

>Sequence 1667

CCGGGCAGGTACCAGCACTTTTCAAACCTACTTATATATAACAATTCACCA
GGAATCTTGTTAAATTCAAATTCTGGGTGGGGGTTGGGGGAAGCAAGAG
TCTGCATTTCTAACAACCTCATCTGTGACGCAGATGCTGACAGTCAGCAG
CTCACTCTTTTAAAGTAGCAAAGTTCTAGTCCGCCCTAGAAAATGATGGAA
AGTGGTAGCAACCCTCAGAAGAAAGCAGAATTTATCCTCAGACAATTAGG
CTAATGAGGAATCTAGAGATTATCAACTACTGGTTTAGAAACAACCTGCTT

Table 3

310/1077

CTTTTATGATTTTCATTATTTTTTTTATTTTTAAAGAAGAAAGTCAACGAAA
TCACCTGATCTCAGGTTTTGCTAGTCAATATATTAATACTATTAACCTGA
AACTGTAATACATATCCCCCAATATGGCCTTTCCCACATCAAGAACTAT
TTATTAATACAAATACCCCCAAATATCTCCAGTATAGATTCAATCTGAAC
ATACACTCTTAAAA

>Sequence 1668

CCGGGCAGGTACGAACTGGAGGGCTTGTGTGTTAGCTTCTGAATTGGTCA
ATTGGTAGGTCGGTTAGTTGGGTTTCGTTGTCCCTTTGTGTTGTATTCAGT
AAAGGGGGATGAGGTATTTCTGTGCCTGCCNTGTTCTGCTTCAAGGGCAG
TTGGCAGAATTCAACCNCTTGTGGGGAAATANCNCGGATTGGGAACCAC
GGGATAGTGGAAGGTGTTTTATCAACAACCTGGGCTTTAACCCCCCTGGA
TTTTTAATTTCCAAGTGGGGTTTTTTGGTTTTTTTCAATTTCTGGGAAAC
CAATTAACATTCAAAATTGGGGCGGAACAAGAACCTTGGTTTTCCGGCG
CCCCAACCCCTCCCGGTGGAAAGGTTAAAATTCAATTGGCACCCCGGTGG
TTGGAAATTAAGGTTATTCCAAAGGGCAGGGGAAATCTGGCCTTTTCCA
TTTTGGTTATTTGGGAAGGCCAAATGGGAACCCCAAGTTCGGGTGGTAG
GACCTTTCAATTTTTCTTTGGAACCAATTTTTTCTAAGGAATTCCCTTT
AAAAGGAAAATTTTCTTATAAGGAAACCAAACTTTAATCCTTAAGGTAA
AGGGCCT

>Sequence 1669

GAATTAACATTTTTGANTCANCACNGTTTTTGCCACAACGGCGCCGCGG
CAGGACTTTTTCTAAAGGAGTTATCAAACAGNGTGATTAACAACCGCAGG
GGANNAANGAGGGGGGGAGTTGGGACACNGAAGGAGGGAAGCAAAGCCGG
AAGCGGGGAAGGCACCGGAAGAAAACCCNCCCGCCGGNGGCCAAACCCC
ACCGACCACCCAGGGCAGAACACCACACGGCGGAAAAAAGGCCCCCAACA
CCCCCCCCCGGCGGGAACGACGCACCAANACCCGCCCCGGCCGGAAGGG
GAAGACAACGGGGCGCCCAAAGCCCGGCGAAAGGGGAAGACACGCCGC
GCAACGACAGGCGAAGGGCCCACCACCCCGCGAAAGGCGAAGGCCCCACC
CAGGGCCCCAAAAGGGGGGCCGAAAAGGAGGGGGCCACGGCGCACCGACC
CCAACAAAGAACCCCC

>Sequence 1670

CCGGGCAGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACT
GAGTGTCTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTG
CAGAAGAGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAATTTGCTGGTAAAT
ATGTAAAAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAA
ACTGATACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAGCCCAAGAATGCC
AGATTCCCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGT
TAGCCAGAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAT
CCTGCAAATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCC
TAACGC

>Sequence 1671

AGGTACAGATGGGGGTTTACCCTTGTGGGCCAGGCTGGTCTTGATTTCCT
GACCTCAGATGATCCACCCGCCTCAGCCTCTCAAAGTGTTGAGATTACAG
GCTTGAGCCATTGCGCCAGCCCTACCTTTGTTTTCTTAATAGTAGGAAAA
ATATGCCTTTAT

>Sequence 1672

CCGGGCAGGTACCCTTTTGCACGCACCACCCATCTCTGAATGAAGAACCA
AAGATTGTCAGAGTTTTGATGTCCCACCAGGCGAAGAGCAACACTTTTCA
CTGACAATCAGGACAGAGCAGATGGATATAGAATAACAATCTGGAATCCA
AGGACTGAGATGCATTGACAGCAAGACAAGTAACGTCAAATAACAACCTGA
AAAGAGAAGCTAGGGTAGACCTATTAAAAGAGAGAGCCAGCAAACAGGAC
CAAAATGCTGGATGAGGAGTCTAAAAAGAACAGAAGAAACAAAAAAGATC
AGGAGTTACTAAAATTTGACTGTCAGTTTTACAATGGAGACAGACAATTT
AAAGAAGGAAGCAGTTTTTCTGAGTGTGGCATTACTTGTGCACGTTGAGT
GTCATATATATAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGAGTG

>Sequence 1673

Table 3

311/1077

AGGTACACATAGTGACATTGCAAAGGGAGACTTTGGGGTCGGGCGGATAT
CTTAGGATCAACTCTGGCTAGGTTCGACAGAGGACTTGTTCCCACAG
ACACCAGAAGGTGGAAGTTTTGTCTTCCTGATAACTTGCTCTTCGGTATC
TTGGTTTGGTTCACCTGGGTGTTAATGAGAATGTCTTACCAACGTGCTAT
GTCGTCGTTTCATCCTGACAACATTAACATCAGTATAGAAAATACTGGAA
AGAACAAAAGAAAAAAGAACCAGGGAGGTGATCTTGCCACCCCAATTC
TTTTCAGTAACATCCTTGTTAGCACATCTTCGCCTTGGCGATTGTAACT
CCAACTGAATTCTTAGGTTGTTGGCAGCCTGGTAAAGTGGAAAGAGCAG
TGGCCTGGAAGTCAGGAACCTTGCATCCAGTCTTAGCTCTTCAGAGGAGC
TGTGCATGATCAATT

>Sequence 1674

CCGGGCAGGTACAATCATTGAATAAATAATGCTCAGTCATCTGACTGCA
AGTCTTCATTACACATGAGCTATAGAAAATAGTCACTGACAGATCAAGTT
TAGTAGCTTCAAAACAAATTACGCAGAACGATTTCTATAGAATCCTTCAA
GTGGTTTCTTCAGAGGTGATCTGAATTTTCATCTTACCGGGCATTGCACAA
TTTTCTTTTTTCATTTAGTGGGCATTTCTCTTGGGTCAATATTCATTTA
TGTCTTTCTAATTCAGCAAATAAAGGCTCAGATCCAAAATGGCTTTGCTG
TTTGTCTAGCATGTTAACAGAGCAATAATTACCCGCGTACGCGGGCATTG
ATTTCTTCCTGGGGGCCTCTCTCAAGGATGAGGTTTTGAAGATTATGCCA
GTGCAGAAGCAGACCCGTGCCGGCCAGCGCACCAAGGTTCAAGGCATTTGT
TGCG

>Sequence 1675

CCGGGCAGGTACAAATTCGTGGCCAGTGGAGAGCCCGGCCTGGCAGCACC
CCTCAGGCTTCGCCGCTGCCTTGTGTGCATCCCAAGCAATCTTTGTCAGC
ATCCCCATGGCCACAAAACCTTCAGCAACTACATATTTGATGGTGGATTT
TGTAACCAAGACCAGAGCCTTCCGTTTACCATTATGGACTTTATCTTGT
AATATGGGCTGATTCATTACAGACTTTTAGAGATCTTCTGGGGTTTTGATT
TTGCCCTTCAATGTATTAGTATTCCACTCATTCTCTGTGTACCTTCTTT
TTCTTTTTGAAAATTAGAATTACGTATTTCCCATCTCTGTGGCTCGGTTA
TTTTTCATAATTCCTAGAGATCATCCAAAAGATTTCCCAATCACCTCCAC
AAATTCCTTCCATTTTCTTTACTATGAAAATATTCTCATACCATCTCCTC
ATAGGTTTGATTTGTTCTTTTTGATTTGAAAAATGTTAGTTCTGAAGGCC
GAGAAGTTCAACATCAAGGTGCCACCGGATTCGGTGCCTGGTGAAGGGCCC
TCTGCTTCATACAGGGCACCTTCTTGCTGCATTCTCACATGGTGGAAAGA
GGAAGGGGCCCCGCGTACCT

>Sequence 1676

CCGGGCAGGTACAAAATAACCTTTTGTTTTTGTTCCCTTCAAGATTCTCT
TTTACTCTTTTTGTTCCCTTATGCCATCACTCCACCACAACCATACAG
ACTTCGCAACTGCTGTCTCAGCCTTTGAAACACCTAACTTCAACATGCT
GAGATTACGCCTATTACGCTAATGAATTTCTACAGGAACGAACAAACGAA
AAGGAAGTAATGCACCACCTCCTGTTTCTCAGCCATCACCACCTGCCAGG
TGCTTCCCAGAGCAGTTCCCTGCTGCCACGGGGCTCCTGCAGGAGCTCCT
CCCTGCTAGGCATGTCCTCAACCCCTAGTCATCAAGTCTAGCTCAGCCTC
TGCATTTACAGCTCAACGTCTAATTTCCCAGCGTAGATTCCAGGCAGCCGC
CCTGTGTCATGTGCTCTTAACATCCTCTGCTTTTCTATCTCATCTTCCTT
CTTGACAAGTTCAAAGTCATGAGGACTGGATAGAGCTCCATCAAAGCAGG
GAATGTTGATTCTATACACTGGAGCTGAGTGGGCAGTCTGGCACAGAGCA
AGTGGCCAGGAGGATTACCGAATGCATGAACCTTAATTTTCTATTCTTT
ATTCCTGTCATTTCTGTACCT

>Sequence 1677

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT

Table 3

312/1077

ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1678

AAATCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTTGGTAA
AGGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCAATTAGAATTCTTT
GGTTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGGT
TTAAGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1679

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1680

TGTTGCGTCTACACTACTACTAGTATATGGCAGAATTGCAGCTCGCACCG
GGGCGGCGGGCCGACCGGGCAGGTACAGGGTCGGCGCTCTGTTACCCGATT
GCTTTCAGCTGTGTCTGGTTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATA
AGTATACGGCAGCACCTCCTTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAG
AGGTAGATGATTCTTGGTGTGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCAT
GGTAACATGTCATCCGACGTCGGCCGTCCACAAATGTCTGCAGCTACGAT
GGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAGAGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGGA
GTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGACAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGG
CTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTGGCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCAT
GAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGAAGGGCTGGCTTTTATTTCTCAAC
TCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGGCCGTT

>Sequence 1681

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGGGGAGGGGACTCAG
CCAGATGCTGAATT

>Sequence 1682

CCGGGCAGGTACGCGGGCATTATTTCTGCCTGTTTCAAGTCAGAGCAAAT
ACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCCTGAGTTTGAGCCGATCCTATTT
GGCACTGCAGACAGTGAGAAGTGGATGTTTGAGGACAGATGGGAGGTGCA
AAGTGGAGACAAGTATTGGTGCCACCTTCCACTATGAGACTAGCAGGGCC
CAGTTCTCTTAGCTATTGTCTCTTATTTTGTAGATTAGGAAATTTCAAGT
TTAGAGAAGTTGAGTTAACTTACCGAAGGGTCTAGGGGCTTGGGTGAGAA
GAGAGACCGAAAAATTAATTCAGAGTCTGTGTGTCTCCACCACCATGTT

>Sequence 1683

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAAGGAGTCTCGCTCTGTCACCCAAGC
TGGAGTGCAGTGGCACAATCTTGGCTCACTGCAAGCTCTGCCTCCCTCCC
GGGTTACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCGGAGTAGCTGGAACCTACAG
GCGCCCGCCACCACACCCAGGTTAATTTTTTTTTTTGAATTTTTAAGAGAG
ACGGGGTTTCACTGTGTTAGCCAGGATAGTCTCGATCTCCTGACCTCGTG
ATCCACCCGCCTCTGCCTCCCAAAGTGCTGGAATTACAGGCGTGAGCCAC
CGCGCCAGCCTCAAGTGTCTATTTTGATGTTCACTTTTTTCATTAT
AAGGAAGTAAATTACTTAGCACAAGAGAAAACTTTTTTTTTTTTGCAAT
CTAAAGA

Table 3

313/1077

>Sequence 1684

GGTACGCGGGATTTTGGGTTATATCTCTCTTACTACTTATTTCTCACTCG
CTTCAAATGTTGGGTGGGGAAGAAGGGTGCTATTTGTTGAGCCCCCGAA
AGACCTCCTAATAGAGGGTCTCCACTTCTCCAGAGAGATTGCCACCCATT
TCCTCACTTACTTGTTCCTCTTTGATACCTNGTTGTTCTATAGGTCTT
TTCGCCTGTTGGTGTGTTTGAATGTAGAGGGAAGGACTTTCCTTCCAAG
AAAGAGTAGAAGACAGCATCACGCAATGCAACGCTGCAACAAATAGAGAA
AAGACAAACACATCAGGAACACATTGTGAAGATCTTAGGGAGCTGTGGAT
GCAATGAAGCCTAGATAAACTGAGATATGAGAGATAAAGCGATAAAGAGG
CAGAGACCCACCAGGCATTGAGTAAACATCTAGGAGAAACTCGGCTGAG
GAACAAGAATAGTAAACCGTGA

>Sequence 1685

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCGCGACGTTTCGGTTCGCTGTGTGTGTCGCCG
GCTCCTTGAGGGTCCATGTGATTTTTACGCCAGTGCTGCTGAAGTGTGCA
GGGTAGGGAGCTGGCACAGTCCGATTAATTGTCCTTGGGTCGAGGTGTCT
CGTCGGACCCCTTTGGGGCTTAGTGGAGAATTAAGGCAGAGTCACTGTAAT
TATTTCTAATAACCAATTCCAAAATAGTGACTCTTGGACAATAGTGCAATT
ATATGGAATTATGGCTGGTTATAAGCCTGTAGCTATTCAGACATATCCTA
TACTTGGTGAAAAAATCACCCAAGATACACTGTACCT

>Sequence 1686

AGGTACCTCCCCGTGGAACCTCACACCCTTTTAGAGGAGATACAATAAAAAG
CCAGGATGGGGCAGAGCAGTGGGGAAGAAGGGGAGGTAATGTTGAACCAC
CTGCCCATGGTTACAGAGGCAGCAGGCCTGGGACTCCCGACGCTTCCCTC
CTGCCTTATACCTGATCTAAGAAGGCCCTGCTGGGCACACAGTAGATGCT
CAGCAAATGTTTCGGTTGAAGGGCTGGAGCCTCACAAAACCCCTACTGATGC
AAACAGGCTCAGCGAGGCTGAGTGACTTGCCCAAGATCCTAAGAGGTGGT
GGAGGAATCGCCTTTCACAAAAAAGAACAAGCGCTTCGGAGCCGCC

>Sequence 1687

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCCT
CACTGGTCACCCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTGTT
TTTTCTTCTAGCATAGACCACTCTCTGAAATCACCTTGTTCTCCAGTC
ATCTGCTGCCCTTGGCTGTTGCGCCAGCTATAACATGGCACTCTGCCTTG
CCCACTGCTTTGTCCCCAGGACCCAGCCCTGTACCTGCCCCG

>Sequence 1688

AGGTACTTACTGTGCCTCTTCCATGTGATTTGGAAGGTGAGGAGACAGGA
ATGGTCCACAGAGGGAGAGAGTGCCAGGCCAAGTCCTCTCATAGCCACCC
GCCCCCTCCACAGAAGGGGACAGCAAGAGAAGAGAGAGGCATGGTGAGGT
TCCTTTTGCAAATAACCCAAAATATTTCCAGGATTCAAGACCAGCCCATG
GTTTTAGGCCTCTGCTGTTTATTCTCTGAGTTCTCAGAAATGCAAAAAGT
GTAGTTTAGCCCCAGAGGCCTCAAGAAAAAGATTGGGGTGCCCCCAAATG
TGTCAAATACAGAGGGAAACACACAGAGCTTAGGGAAAGGGCAACTGAGA
ATGACAAGACTGATAGGAATTGCTTGGCAGCTGAAGCCACATCTCTGGGG
CAGAGGAGCAGACCTGGGAACACCTGAGGTGGCACCTGGCAGTGGAGGGC
T

>Sequence 1689

AGGTACCTGAACTGTCATCATTCCTACTGTGTTTGATAGTGACCAGTAGG
ACAAAGCCACGTGCCGACTTCCTGGCTGCTTCACCTTTGCATAGCTGGGT
TGCACTGCGAACCTCATTCTGACTGTGAACTAAGCAAGCTTTGAGGAGG
CAGGAGATTCCCGGGGGTCCCTGTGACATATTGCATTAAGATCGTGGCAC
TTGCTTTTTTGTCTTTCACATCGGCTGTCTTGCAAGGAGCTTGACATTTC

Table 3

314/1077

CAAATTCCATTGCTCTGTTTGGGGAAGACTTAGGACAGCACTCCAGGAAA
CAGATGACAATTTACAGACAGTTGTCTCAGTGGTTTCCAGAATCTCACCA
GCCTCCCGTATAGCTTCTTGTATTGAGGCTCATGAGCGTATTCACACTCT
TTCCTTCCCCGCGCACGCCTTTGCTTGCTCT

>Sequence 1690

AGGTACAGGGCTGGGTCCTGGGGACAAAGCAGTGGGCAAGGCAGAGTGCC
ATGTTATAGCTGGCGCAACAGCCAAGGGCAGCAGATGACTGGGAGAACAA
GGTGATTTTCAGAGAGTGGTCTATGCTAGGAAGAAAAAACAGGTTTGTCT
TAGGAGTGAGGGTTACTTTAGATAGGGTGACCAGTGGAGGGCTTTTTGGA
AACGGGGGCGTTGGACCTGAAACCTTATTGCCAGAAACCAACCCCCATAG
CAGGACCTGGGCACAGAGGGACCTACAAAGGCAACGGCCCATGGCCAGGG
CCTTGACTTGGGAGCTGAAGAAATAAAAGCCAGCCCTTTCCAGCTGGTC
ATTGCTTGATCTCATGCTTTTTTCTCTTCACTTGAGCCCGCCTGAGATAA
GTTTTGCCACTAGCCCTGGAGAAGGCG

>Sequence 1691

ATGTACTGTCAGACAGACAATAATAAAATAACAACAGAGATTTTTTTCT
TATAGAAATTTTCAGCCGAGTTATTTGAACCAATTCTCCCCATGAAAACGA
CCAAAGCTCTAATTTAAATATTCTAAATGTCTCCTTAACAGTGTCAAATA
GCTGACAAAATTGTAGGAACTCCCAGGCCAAAGCCTATGGTGAGGGGAA
ACAGAGAAACAAGAGGAGAGGAGAAGCTGCTTCTGCCCCGGCGTCCTTTGC
CAAGCCAGGCAAGCCTGGCCTTCAGTTTTAGCAGCTTTGAGGGGCCAGAA
GTTAAGGCCCAAGTGCTGACCAAAGGAGGGAAGTCTAGCAGGATACCTTCT
CCACATAAGCTGGGATTCCAGAGG

>Sequence 1692

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATGAACAAAT
ATTTATTTATCTTTTATAACAAGTAAGGCAATGTTGCTTAAAGGAAGACA
AACAAACATAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTCATCTGTTCGGCA
CAATGCTTTTGTCTAATGGAGATGTGACAGCAAACCTTTCCAGGACATTC
AGTCTTCGGCGGCAGCACTTAGGGCAGATGACTGGCCGCTTATAGATGAG
GCCAAAGCACCAGGTAGGTGGAAGGTTCTTGTATCGGTTCTGAACCCCGAC
AGCGCGCCAACAGACAACACGAGGCAGTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAA
TGAGCGCCTGGGTG

>Sequence 1693

CCGGGCAGGTACAATAATAAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACT
GAGTGTCTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTG
CAGAAGAGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAAATTGCTGGTAAAT
ATGTAAAAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAA
ACTGATACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCC
AGATTCCCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGT
TAGCCAGAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAAT
CCTGCAAATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCC
T

>Sequence 1694

AGGTACATGTCCTCCCTGAGGTGGGCGGAATAGGGCACAGCCACAAGCCC
GATGCCACGGGAGGGAGAGGCCTCAGCCGCCTGGAAGTGGCAGCCCTGGT
TCTGGGTTGCCTCATCCCTCTCATCCTGTCAGTAGGACACCAGCATTA
TGTTCAAGGTCCAGCCTTGGTCCAGGGCCGTTTGCCATCCAGTGAGAACA
GCCGGCACGTGACAGCTACTCACTTACTCAGTCTCTTGTCTCACCTTGCG
CATCTCTACATGTATTCCTAGAGTCCAGAGGGGAGGTGAGGTAAAACCT
GAGTAATGGAAAAGCTTTTAGAGTATAAACACATTTACGTTGCAGTTAGC
TATAGACATCCCATTTGTGTTATCTTTTAAAAGGCCCTTGACATCTTGCGT
TTTAATATTTCTCTTAACCCTATTCTCAGGGAAGATGGAATTTAATTGTA
AGGAAAAGAGGAGAACTTCATACTACAATGAAATAGTGATTATGAAAAT
ACAGTGGTCCTGTAATTAAAGCTATGCTCTTTCTTCTTAGTCTAGGGGCT
CTGCTACTTTATCCATTGATTTTTAACATGGTTCCCAACCATGTAAGGATT
GGTGCTTTAACATTTATGCCACATGCGTGGATGGAAGGTAATACACCCAC

Table 3

315/1077

TAACTTAAAAGCCTAAAGTGATTCTAGGTAAACCGGGGATTAGGGTCACG
AAAATTGAAAGCATGACACATTGGGAAGCTTTCCTTTTTACTTCAAAGAA
AATATCATTGGAAAGGGATGTTTAGAGGGATTAAACCCGCTCCTTTGGC
ACCTTGCCTTTTTGAT

>Sequence 1695

AGGTACATTTAGCAAACAATAAAATTGATACCTCAATTATATTTTATATT
CAGTTGTTGGACAGAACAACCTGGCCACAGCCCTCACCAGGCTCACAGC
TCAGGACACTGCCTGCCCTCCTTGCTCTAGATTTTCGGACCATCAGCCGA
CCAAAGAATTGTGATATGGCAGAGCATGAGAAAATTAGCTGGCCCAATCT
CAGCACTTAGAATGATGGGAAAATAAGCCAAAGAATTGTGAGAGTAGAAC
TAAAAGTGCACAAGACAGCACTGGAGATGGAAAGGCCATAGCAATTATAG
ACAAACCACAATGATAAAGGAACAGAAGAAGCCATGTGGAAGGG

>Sequence 1696

CCGGGCAGGTACCCAAATTAATAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAACTTGTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGTT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGA

>Sequence 1697

CCGGGCAGGTACCTAACCATAACCCTCTTTGGACTGCAGAAAACCTGATGGC
AACATCTCGGGGAGTGGCTGCCCACCAAAGAGGACCCTGAGAAAGAAAAG
AGCATAACCTGGGAAATGGGCTACATGGGGGCAAGGGACATGGTGAGCGG
GCAAAGTTGAGATGGTGGGTTTCCTTGAGTGGAATGGTCTTTCAAACTA
ACAACATACTGTGTAGTTGTCTAACATGCTGATGGAGGAACACTGCTGGG
CCCTGAAATCCTAGCTTTGAATCCATTTTTTCCCTTTTAGTATTGGGAGT
AGGAGGGAAGAAAATGACCCCTATGGTTTTTCCCCCACCACACAAGGT
CACCCGTCATTTATGGGCTTTTCATAATCAAGGTATTCCGGGTTTCCCCT
TTTGCCCG

>Sequence 1698

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTCAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTTG
TTCCTTCTCTCTTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTCAGGGTTTCTTGGTTCTAGGGCCTTCATTCTTCCCACCC
TGGTAATTGAGTTTTCTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCTTTAGCTG
CTCTAAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCT
CTGGGGGACAAGGGCAAGACGCCAGCTTGCTGATCCCTTTGATGCCTT
CTTTCCAGTTTGTCTAAGGGCTCCAGCGATCTGAGAGTTGGTAAGAAATC
TTTGGGACTACTGGCATCTACAGATAGATGTCAGAGCTGTTGGCC

>Sequence 1699

AGGTACATCATCTCTCTGGACCAGGATTCTGTGGTGAAGCTGGAGAATTG
GACAGATGCATCACGGGTGGATGGCGTTGTTTTAGAAAAAGTGCATGAGG
ATGAGTTCCGCTATCGAATGTACCAGACTCAGGTCTCAGACGCAGGGCTG
TACCGCTGCATGGAGACAGCCTGGTCTCCTGTCAGGGGCAGCCTTTGGCG
AGAAGCAGCAACCAGTCTCTCCAATCCTATTGAGATAGACTTCCAAACCT
CAGGTCCTATATTTAATGCTTCTGTGCATTCAGACACACCATCAGTAATT
CGGGGAGATCTGATCAAATTGTTCTGTATCATCACTGTCGAGGGAGCAGC
ACTGGATCCACATGTCATGGCCTTTGATGTGTCTGCTGGTTTGCGGTGCACT
CTTTTGGCCTGGACAAGGCTCCTGTGCTCCTG

>Sequence 1700

CCGGGCAGGTACCCGAGAGACCCGGCGGTGGGGAAGTCACTTCCTCCCGA
AGACGCTGTTTTCTAGCAACCGCCCTCCGCCTCTGTTATTAGCCCCTCCT
CCTCGCTCGGTCCAGGACCGGCTCTGCGGGCGCCGCCAGGCCAGACCAA

Table 3

316/1077

GCTACTATCAGAAGTTGAATTCTAATAATTAGCTATTTTATAAAGGTAAC
GAGAAAAAATACACTATGTCTGATGAAGTTTTTAGCACCACCTTTGGCATA
TACAAAGAGTCCAAAAGTTACCAAAAGAACTACTTTCCAGGATGAGCTAA
TAAGAGCAATTACAGCTCGCTCAGCCAGACAAAGGAGTTCTGAATACTCA
GATGACTTTGACAGTGATGAGATTGTTTCTTTAGGTGATTTTTCTGACAC
TTCAGCGGATGAAAATTCAGTTAATAAAAAAATGAATGACTTTCATATAT
CAGATGATGAAGAAAAGAATCCTTCAAAACTATGGTTTTTGAACCAAT
AAATCAAACGGTAACATAACCAAGATGAGCCAGTGTGTGCCATCAAAAA
ATGAAGAGGAAATGGCACCTGATGGGTGTGAAGACATTGGTTGTAAAACC
TTTCTCTGAATCCCCGAAGGGGAAGATGCGTAGAAGAATGTGGGTTCCTT

>Sequence 1701

CCGGGCAGGTACTNNNTTTTTNNNNNTTTTGTCACTACCTCCCCGGGTC
GGGAAGTGGGTAATTTGCGCGCCTGCTGCCTTCCTTGGATGTGGTAGCCG
TTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATCGAACCCTGATTCCTCCCGTCACCCGTG
GTCACCATGGTAGGCACGGCGACTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGACG
TTCGAATGGGTCGTCGCCGCCCCCGCGTCAAGAATGGGNTTTNNTAAAGG
AATTTAGAGATGAATATGTTATAAATTGATTTTATTAAGGAATTTTTTTG
TTTATTTTTATATTAGATTATTAATTATAATTATTAGGTGTTATTTT
ATTAATTAGAAATTTTTGATTAGTTTTTATAAAAAAATTAGTATATGTAT
TTATTATATATATAAAATAAAATTGTTTATTATGTTAATATTAGTAATT
TTGTTTTGTATT

>Sequence 1702

CTATTGGGGATGGAGCTCACGGGTGGCGGCGAGGTACCTCTAGGCAGATT
CTGAAAGATTATCTTACAATTCCTGTTAGCTGTTCTGAAGGAACCTGGGGT
TGTGAGATTTAAAAAATTATTA AAAAGCAAATGAATAACAGTAATGAAAA
ACAACTCATGTAGCTAGGTTTAGTAGTTTGCATTAATTGAAAGAAAAGA
GGGTGAACAAGCATTAAACAAGCAGAAACCACCCTCAGCAGTCATCTGT
AAGAACACAGTGATTTTAAAATGGCCAAATAAAAGTGGGGACCTGGAAGA
GTGATTACTCATCTCTGTGCCCATGACCCTCANGGCATAAGAAGTCTGC
ACACCTGTCTGAACATCANACATGGTTGGTCGATGGAAT

>Sequence 1703

AGGTACGCGGGGAGCCGGAGACCAGCCTACAGCCGCCTGCATCTGTATCC
AGCGCCAGGTCCCGCCAGTCCCAGCTGCGCGCGCCCCCAGTCCCGCACC
CGTTCGGCCCAGGCTAAGTTAGCCCTCACCATGGCCGGTTCAATAGGGAG
GGCAACCATAGTGGCATCAAATTACCCTGCCGGTTTCGGAATTTAACTT
TCAATCTTTCTGGCTTGGCCGGGATTGCTGTCCTTGCCATTGGACTATGG
CTCCGATTCGACTCTCAGACCAAGAGCATCTTCGAGCAAGAACTAATAA
TAATAATTCCAGCTTCTACACAGGTGAGGGGACGGGGGAAGGCTTCAATG
AATTCAGACCCTGGGCTCCAACAAAGTTTCCTGGCAACTTTTGGGAGGGC
CCCC

>Sequence 1704

AGGTACCACTGTAAACAGTAATATGGAAATGCCACAAATACTCTTCAGTAG
GGGATTGGTTAAATGTCACTTTCCTTATAAAATAAAATTATACAATTGTT
TTAAAAAACAACACATACCTCCTTATATATTAATAGAGAATGATCTCAGG
GTAAATTGTTGCAAAAAAAGCAAAGTATAAAACAGTGTGGGCCAGGCACG
GTGGCTCACGCCTGTAATCTTAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGAT
CACCTGAGGTGCGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAACATAGGGAACTTG
GTCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCACATGCCTGTA
ATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTCGGGAG
ATGGAGGTTGTGGT

>Sequence 1705

GGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGAAGGCCAAGGCGG
GCGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACAGTGAAA
CCCTGTCTCTACTAAAAATACAATAATAGTGTATTGCACATTTTTAACT
GAAAGTAAATTTAAAATGTGCTTCTCAAAAAAATAAGTATTTGAAATGA
TGGATTAGCTTGATGTAATTACTTCATATTGTTTCATAAATCAGAACATCA

Table 3

317/1077

CTCTACTCTATAAATATATGCAATTATAAATTGTCAATTTAAAATAAAAT
AAAAAATAAAAAAATTGTAATAATTGTTACTAACATGAGTTACAGCTGTCAA
TCATACTAGTCTATAACATTTTTTAGCTATGTGGTACCT

>Sequence 1706

CCGGGCAGGTACACAATATGAGGGGGATCAACTCCTCTCTCTTTGCCAAT
AGCACATTGGGAACAATGTGTGGCAGGCAGCGTCCCAGCATTAACATAAC
GCTTTTTTCACTGTCTGCAATACGAGACACCTCGTATCCTAAACGACTAT
CTGCTGACATTCGACAAAAAGAGAGTAGTGCTTGGTGGGAATGCAGGAGAC
AATTTCTATTAGGTTTATCAAAATGAACTGTCTTTTTACTTGATAGAGA
AGAAGGTGGCATTCTTCTCTTCTCTCCTGGGGAATGAATTTGGGGAAT
TCTCTTTAGGAATAGTGGGAATCAGCTTCATCTGATATTGAAAGATGGATG
TCTGTGTTTTTTCCCTTGTCTGAACTATTTACATCTGGATGCTGTCCACT
GTCCTCAGAGTC

>Sequence 1707

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGTTCCGGCAGTGAGTA
TCCCAGTCCATGCTTCTGGGTCACTGGGGAACGCAGCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTTCC
TTTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGTAATTAAGACCCGG
TATTCCTGCAGCTTCTTCTTGGCGGGAAATACATACTCCCCCTTCTTTGC
GTCCCAGTTGCAGCAGGGCTTGATGTCCTCAGGTACCT

>Sequence 1708

CCGGGCAGGTACATCCAAAATCATTTCAGCATATAACCTGTAAAGACTGC
ATCATCCCAGCTACTTTCCTGCTGACTTCCACTTGGGTTTACTCAATGGG
TGACACTCACAGGACATAAGAGATTAGAAAGAGGGATAAGGTTTTTTATA
TATCTGCTCCCTCCTTACTTAAAGCCATGGTTTTAGCAGAGGC

>Sequence 1709

AGGTACTTCTGGGTAAACTGGAGAAGAGCTTCAACTCTGTTCACCTGCTT
GCAGGTGGGTTTGCTGAGTTCTCTCGTTGTTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTCTTCCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCACAATGGGATTGGTTATGT
GTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAAGCCTGACTTTATCCCCGAGTCTC
ATTTCTGCGTGTGCCTGTGAATGACAGCTTTTGTGAAAAAAATTTTGCC
GAGGTTGGACAAATCATTAGATTTTCAATTGATAAAGCAAAAACCCCCAATG
GATGTGTTTTAGTGCAGTGTATCTG

>Sequence 1710

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTAGGCATCT
TCAACTTGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCATAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTTAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTCATTCAACTTCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCC
TTGGCAACAGCCCTTGCACCCCC

>Sequence 1711

CCGGGCAGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACT
TAGCCAGGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGC
AATTTGTGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCTT
AAAGAGTAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAA
TAGAGCACAGTCCCATTGTTTGAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTA
TGTGCCAGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGT
GTGTGCCAGGCTGAGCTGGGCAAGGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCA
TGCAGCTAAAAGCCTGGAACTAAAGGATTTTCATGTAGTAAACTATCTTC

Table 3

318/1077

CAACCCCTGTAG

>Sequence 1712

CCGGGCAGGTACGCGGGATTCTATTCCTGTAGTGCTTTGTCATTTACATC
TTTGTATTTGATTCTCCCAACACATANTTTGACCATTTGGTTAGGAGAGC
ANCCGGATTGTNNTTTTTGTTCATTTTCATTNAGGAAAAGGCTTGACATTT
GAAAGAGAGAAACNNCTTGTTTGATGTACTTCTCTTAGGTATCAAGGCA
AGTGGGGTATCCAAGCCACTGCTTCTGCCAACATCCTCAGTGGCAGTGAC
CTTACCATGGATACCTGTGTGCATGCTTTCTTGGGCCTGATTCTTTGGTA
TATATTAGTCATTTCTCTGTGAGATTTTATAAAGTCATGTTTCTTTTAGA
GACCTTC

>Sequence 1713

CCGGGCAGGTATTTGTTTACTTCTGTGTATTTTTTTTTTTTACATAAATG
GAATTGCACTATATAGTTCTGTAGCTCAGTTTTTAAAATTTGGTATTAAA
ATGTTCTTTCAGTTAGGGCCAAAGGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCA
TTCCAGGACGGCAGAGATCATGTCTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTT
TGCCTGACATGTTGCAAACACTCCGTATGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGC
CCCAGTCAGAAAACCTCTGGGAGAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCT
CGACGGATACATGAGAAGCTT

>Sequence 1714

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTTGT
TTCTTGGCATTAAAGGACTTAGTTGAAACGCCACCGTCTTCAAGAAGCCCT
CACTGGTCACCCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTGTT
TTTTTTTCTAGCATAGACCACTCTCTGAAA

>Sequence 1715

CCGGGCAGGTACCCAGCAAGAGGTTTGCAAAGAGGAGTTATTCAGTGAAG
ACGGGGTTTCACCATCTTGGCTAGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCGTG
ATCCACCCGCCTGGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACATGCGTGAGCCAC
CGGGCCCAGCCTTAAAAGCATCAAAAATTGGACTAAGACCATCACTTTGA
ACTGTCAGTGAGGTTGGCTGGAACACACAAAACCTCCTACAGGTCAGCTCT
ATTGCAGAAAGAGAAATCAGAAATTCATTACTCCTTGAGAGCTTACCAAG
AACTTCCATTTTTTTTAACTTGGTGCAAGAGAGCTTCTCTTGCTGAAAGG
GTTCAAGGTGTGAATTCTGGAAATTCGAAGCCCCAATGTTTTTCCCCAAT
CATTCATAGCCCATGTTGAAGCTTGTGAGACCTCCCAAGTCAAACAGGAA
TAGTACAAGGATTTTAGGAATTACTTGTGCTTCTGGTTATGAAAAGCCTG
G

>Sequence 1716

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1717

AGGTACTTGACTTTTCCCCTTAAGTTTGATTCCATTTCTAACATTATCC
TTCCCTCTTCTCCTCAGCAACTAGTCTTCTAAATTAGAACTTAAACACA
ATGACCAGATATGACCCTGCAACAGAGCATGCCCTTCTGCATTGAGCATG
CAATCATGTATCACAGGTATAAGACCCCTTGAACAGACATGGTTTTGGTG
ATTCTGTGTAGGACTTATTGCTTTTACCCAAGAAGATGATCAGGCATCCT
AAGTAGATCAAAAAGTTTTCTGGAGCTCTTGAATGTGTATAGGCAAGAAA
GATTAAGCAACCTGTTGCCTTATATGAGGCAAACTATCTTCTCATATTTT
CTTTCGAATTCAGGATTTCAAGGTTGGGGAAGGAAGGCCGGGCGCGGTGG
CTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGGATCACG

Table 3

319/1077

AGGTCAGGAGATCGAGACCATCCCGGCTAAAACGGTGAAACCCCGTCTCT
ACTAAAAATACAAAAAATTAGCCCGGCGTAGTGGCGGGCGCCTGTAATCC
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCANGAGAATGGCGTGAACCCCGGAGGCGG
AGCTTGCAGTGAGCCGAGAATCCGGCACTGAACTCCAGGCCTGGCGACAG
AGCGAGACTTCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCTGGCC

>Sequence 1718

CCGGGCAGGTACATAGTTTGATGATTCTCTCATCCTGCTTCTGGCTAGTA
GGCCCCTTTAGATGAGTTGCTATTTTTCACTATCCACAGAGTCAAGGTCA
AATCTCATGGCTGTGAATTTTAAATGATGAGATCCCCACAGGTGGTGTCTG
GGCAAAGCACCCCTCTAACTTACTGACTTGTAGTATAAACTTAGCAAGC
TGTAAGTCCTGCACCATGAGCCCCTGAAGCCAGCATCGTAGCACTCCAAT
CTTCTACACACCGACCCACAAAAGTTTAAGGACAAGAAGATTTATCCCA
CCATTTTCAGATACTTCTTGGCTTTTTGTGGACTGAAATAGGTCAATTAAA
GTTTGTCTTAAAGTTTTAACTTTAAGTGACTGTCCGTTTCTCCTGTAAT
TTCTATTTTATGAATGTTTCTATTTTATCATTATGAAGAATTC

>Sequence 1719

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGTCTGCCAGTGACCT
TCAGGCATGGGCTCTGATGGAAGCCTGGTGGTGATAAGGTCATCCACAGA
TCTCATTATGCTGTGAGCTACAGCCGACGTGATTATAAAATTCTGAGGTG
GAATTCCTTGAGAGACAGGAGGGGCTGAGCCAAAACCTTTTAATGGGGGT
TGTGTCTGCAAGGGAGTGCCTTGCCCGTCCAGACAGGGCTCTTTGGCGAG
GCATTAAGTCAGGTACATCCTGAGCTTGTCTGATTAAAATGTTCCCTGGTG
ATTGAACCAAGAAATCTGCCCTGTTGCTTTGGGTAAAGGGGAAGAGGCCT
ACCCCCGTAGGAGTCTTTGAAAACACAAGTACATTGGTAAAGCTTAGGGT
ATACCCTGACCGCTTAGGCAACTTCTCAACATTTCTGTGAAATGAGGGG
AGTTTCTTCAACTTGAGCCCTAATTTCTTTTTAAGGGGAAAATGTTTTTT
CATTTCG

>Sequence 1720

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1721

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGACAGAGTCTTGCTCTGTCACCCA
GGCTGGAGTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCATGCACACCAGCCTGGGTGA
TAGAGCGAGACTCCATCTCCAAAAAAAAAACAAGAGAGAGAGAATAGG
GGAAGACTAAGCAGGAAGGCTGTGTCTCCCTTCCCCACACTGTATTCCAA
CCAGACAGCTCCCTTCTATTTTATATGTTGGGCTAGTATGAAAAACAATT
CTGCTAGGAAAAAAAAAATTTTTTAGAAGTTTGAAAGCTAGTGATTTGA
CCCAAGTTCCTCATTTTACAGCTGGGGAACTAAGGCCTAGAGAGAGGCA
AGTGATATTTGTTTCATGGCAGGGCTGGGCTTGAAATCCTGCTTTTCTGG
GTCTGTC

>Sequence 1722

CCGGGCAGGTACCAACTGAAGCAGCACAATATTCTGGCATCTGTTGGAGA
AGATGAAGAGGGCATCAACCCCTTGGTTAAGATCTGGAACCTGGAGAAGA
GAGATGGTGGCAATCCACTCTGCACTCGAATCTTCCCTGCTATTCCAGGA
ACAGAGCCAACTGTTGTATCTTGTGTTGACTGTCCATGAAAATCTCAACTT
TATGGCCATTGGTTTCACAGATGGCAGTGTTACATTGAACAAAGGAGACA
TCACCCGGGACCGGCATAGCAAGACCCAGATTTTGCACAAGGGCAACTAT
CCTGTAACCTGGATTGGCCTTTCGCCAAGCAGGAAAGACCACTCACTTGTT
TGTT

>Sequence 1723

Table 3

320/1077

AGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAGGTATTA
TCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCAGGTTGA
AAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATTAGGCAC
AGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAATCCATG
AGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTAGGGTCT
CATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGTAGTTCA
CTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTATATTTGG
TTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTTTTCTTGATCCCAGTGGTTTGGTG
GGCTTTTGGGC

>Sequence 1724

CCGGGCAGGTACGCGGGAGGAATGCCATGTTGATCCAAGGTGCCGTTTCC
CTAAACCTGTGTGTTTGTGGGGCGCTCATGAGGCCCTCTCTCCTGGTAA
AAACCCAAACGACCCAGGAGAGAAAGATGTGCGTGGCCTGCCAGCGCACT
CCACAGAATCTGTGAAGTCAACTGGACAGCAGGGAAGAACAGAAGAGAAG
GATGGTGGGCTCGGGAACGAGGAGACCCTCTGCGACCTGCAAGCCCAGGA
GTGCCCCGATCAGGCCGGGCACAGGAAGAACATGTGTGCCCTCCGGATTC
TGAAGACTGTCAGC

>Sequence 1725

AGGTACGTATTACCAAAGAAACCAAAAACCTGCCTTTGACTAAGGGGGGTG
TTGAAAGAGAACTTAACCTTATTAGGAAACCCTGACAAAATGATGGAAGA
CTATTGCCTTATTTTGCCTATTTGTGAATCATCTTACACTGCATTTTTT
TATGAATGCTTTATTCAAAGGCAGTTCGCTTTACGGTGAAAAAGCCTTC
CAAGATTCAAAGCAGATTCCCTCTGGTCTTATATTATATCCTTCTTAAAA
CCAGAGTTCTTAAGTAACAGTATATTGAATGGCATCACAAAACATTTTCA
TCCTTAATGGATTCTTTAACAAGTGGTTAAAAAAGTGTCCAATCAGCC
GGGCGCAGTGGCTTACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCCAAGGCG
GGTCAAATACCTGAGGTCATGAGTTCTCAAC

>Sequence 1726

CCGGGCAGGTACCATTTTAGCAAACAACAACAACAACAGAACTGGA
TTTCTTTTTTGGTTTAAACTCCATTTGATTGTCTGTATCAATGATCACAGG
AAATGATTAAATGTCGTGCATTTAATGTAATTTGGGTATGAAGCTCATT
TGGGTATGCTCTTCACTTTTCTCTGTAAAATTACAACATGCAGTATGCA
CTTTCCACGACAGAATTGTTTATGTGTTATTATGGCGTCTTTGCAGACT
TGTAACCTTATCCTAGAACCTCAGTGGTATGACCCGCTAGCATGCATACT
TCATGGGTCTGTCATTATAGGGCCTTTCAAATATCACCTATC

>Sequence 1727

AGGTACTTTGTTAACCTGGGTCCCTGAATGAGAGGACATAGAGAATACAG
CCAATCTGAAAAAATCTGACCCTTTTAGGCTGGGCACGGTGGCTCACGCC
AGTAATCCCAGCACTCTGAGAGGCCAAGGTAGGTGGATCACTTGACGTCA
GGAATTTGAGACCAGCCTGGCCAACACGGGAAAACCCCATCTCTACTAGC
ATTACAAAATATACAGTGGTGCATGGTGGGATGACACCTGTGAATCCCAA
CTACTCGTCAAGACTTGAGGGCACGAAAAGCGCNAAGATCCATGGGAGGC
GGAAGGAGGTTGCTAATGAAGCCAAGATAGGGCCTATTGGAGTGAGATCA
AGGACGAAAAAAGC

>Sequence 1728

AGGTACGCATTTCTAAGAATCCAGTAGACTCCTTCAGACACTGCTCGGA
TAACTGATAGACAGATAAAAAATACAGAGATTACCAAATAGTCTGTAA
ACTCCATGAAGAAAGAACCGACAACCATTTTATTCCCTGATGTTATCCCC
AGTGGGAAATGCATAACCTTGGCGTGTAACACTGACAAGTTATGGAACAG
AACATATTTTAATAATCTGCTATATCAAATTGTAAGAGAGTATCAAAAAA
TCATAGCTATTTTAATAATTAATAACAGGCAAATGGGTGTCCCCATAAGA
TCTATTCTTTTTTTTTTTTATTGAGATGGAGTCTTGCTCTTTGACCCAGAC
TTGAGTGCAGTGGTACAAGGTAGTGGGTTCGCTGCCTGCCCCACCCCAA
TGCCACACGCCGT

>Sequence 1729

CCGGGCAGGTACCAGCGGGCTGTCCTCTAACAGCGACGGCTGCACGCTGG

Table 3

321/1077

GCACGCTGGGCACGCTGGCGGGATGCACGGGCCTTTGTCCTGCTGCCTCT
GAGGTAGCAGAGTCGGCACAGGGTGGACTGAGGGGCGTCTCGCTTTTCTG
TCCACCCTCTGAGACAGCAGGGACAGGTTCAATTTGGCTTCTCCAGGTGCA
GCAGCTTGAGTTTGCTCTTTGGCCCTGATGCTCCAGTCTGGTTCTTAATC
TTCTTCTCATAGTCCAGGAGTTGGCCCAGAAAATTGAAGTTTGGAGATAT
AGTAGGTCTTTTTTCTTTACAAATCTGTAAGCTTCATCTAAAGACATGT
CCATCCTCTTCATGATGTAGGCGATAGCGATGGTGGCGGAGCGGGAGATC
CCAGCTAA

>Sequence 1730

AGGTAATAAGAGCTGGTCCAGGCTCAGCCCCAAGTGTGCCAGCTGCTTCT
TAGACGTGGCTCCATTTACTCCTCACCGCAGACCTTCCTACAGTTCCGTG
GGTGGGAAGTGCTCAGTGGGTCTCCTCGCTGGGCTGAATCAGGGGGGCGC
GGAGCTGCGTTGCTTCTGGAGGCTCCAGAGGAGGATGGGTTTCTGTTCTG
GACTGTTGGTGGACTTCACTTCCTTGGAGCTGTGGGACTGAGATCCCCCT
TCCTGGCTGGCTGTCTCAGCCAGGGGCTCTCTGCAGCCTGCACATGACC
TCCGCTCAGGGCCAGCGTCGGGGCATGGAATTCTGTTACGTTG

>Sequence 1731

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCCC
CACCACCCATGAACCTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG
TTTGAACCAGTGGAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGAACTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACTACCTCCAACCTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTTAGCAAAGGTTCTGG
AGACAGGCATCCTTCTTCCAAAGGAATGCCCTTCCTCATGCTGAGAAGA
AATCAAGACCCAGCATGGCCAATGAGAAACACCT

>Sequence 1732

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTC

>Sequence 1733

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1734

AGGTACGAGTTTCGTGGCAGCGCCTCCGCTCTGCTAGCCCGGGGCCCCGGG
TCGGCCTAACGTCACCTGGCTCGGCTGACTCAGATGACCCGGTTTCTAGT
GACGAAGCAAAAAGTGGGGCTTTTTCCCTTTTCTAGTCTGAAGCTCTCAGG
AGGAAAGAAAAAAAAGTCTGTATTCTCCAGTCTCCCGGGGTTGAACTT
TGGGTCAGGAATCAGGAGGGAGGAAGCAAAGAGCAGGAGGGGCGCGAGAC
TGGGCCGCAGCCCGCGCTCGGAAGGTGGCGTGTACCTGCCCG

>Sequence 1735

AGGTACATATCAGAGGCATTATTGCCACAGTGAAACACAGGAAATGACAG
ACACTTTCGGTGAGAAGACAATGACTTAGAAAAGCAGAGCAGAGTGGGGA
CAGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACGTGGTGAA
ACCCTGTCTTAACATAATAACAGAAAATTAGCTGGGCATTGTGGCGGGC
ACCTGTAATCCCAGCTGCTCGGGAGACTGAGACAGGAGAATTGCTTGAAC

Table 3

322/1077

CCGGGAGGCTGAGGTTGCAGTGAGCCGAGACTGTGCCACTGCACTCCAGC
CTGGGTGACACAGTAAGACTCCGTCCCACAAAAAAATAATAGACTAAAG
GTTCTGCCCCG

>Sequence 1736

AGGTACACTGCTGCTGATAGCACCAAAGGAGGCTTCTTTCTCTCAAGCC
AATCCTTGATGTATCTTCGGACAATCTGTCCAATGATGAGAGGAACCACA
ACAGTCATAAAAAGCTGAGAAAAAATAGATGTGAAAGGCACAGAAGAAGA
TGAACCAAGAAAAAGCAGCAGGAGCAGGGGTGTTATAACGATGCCCAAAA
AACTTCCAAAGGCTGAATTAAATATTGCAGCTGCCTCATTTCACCAACT
GCCTTGGTTAAAATCACTGCAGAAGACACAGGCGGAGGCATGCAACCTAC
TGTCTGCAAACCTTTTAAAAGCCATTCGTTGATGGGTGTGATTGATN

>Sequence 1737

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1738

GGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGAAGGCCAAGGCGG
GCGGATCACAAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACAGTGAAA
CCCTGTCTCTACTAAAAATACAATAATAGTGTATTGCACATTTTAAACT
GAAAGTAAATTTAAAATGTGCTTCTCACAAAAAATAAGTATTTGAAATGA
TGGATTAGCTTGATGTAATTACTTCATATTGTTTCATAAATCAGAACATCA
CTCTACTCTATAAATATATGCCAATTATAAATTGTCAATTTAAAATAAAA
TTAAAAAATAAAAAATTGTAATAATTGTTACTAACATGAGTTACAGCTGTC
AATCATACTAGTCTATAAC

>Sequence 1739

AGGTACGTGGGGGAGCCAGCGATGGGTCCACCTTGCCTTTGTTGTTGTTG
TTGTTTTTTGTTTCTTGTGTTTGGTGACTGAGTGAAGGGACTTGACCCTGGT
TCTCCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTGCGGTGATCAGGGAAGCTGCCTG
GACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACCCCATCTCTCGCCCCTCTTGAG
AATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTCAGCCTGCAGTCAGACCACAGTCT
GTCTCGGGCTGGTGCTGGGGGTGGCAGAAAGGGGGTCTTGACGCAGCCCC
TGCTCCCCCGAGTCTCTCAG

>Sequence 1740

AGGTACGCGGGACCCGGAAGCCTGAGCATCGCATCACCAAACACTGCCTT
TATTCCTATCCATAACCCAGGTAGTTTCCCAGGCTCTCCTGTTGCTACCA
CGGACCCCATCACAAAATCTGCATCCCAAGTGGTAGGACTCAATCAAATG
GTGCCTCAAATTGAGGGAAACACAGGGACAGTCCCTCAGCCTACCAATGT
GAAGGTAGTTCTTCCAGCAGCTGGCCTCTCAGCTGCTCAGCCACCAGCTT
CCTACCCCTTACCAGGCTCTCCCCTTGCTGCCGGCGTGTTACCCAGCCAG
AACTCCAGTGTGCTCAGCACAGCAGCAACTTCTCCCCAGCCAGCGAGCCC
AAGTATCAGCCAGGCCCAAGCCACTGTTCCCTTCCTGCAGTTCCTAACCAC
ACCCCAAGCCCTG

>Sequence 1741

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTT

>Sequence 1742

GAGCTACCGGGGGCGGCGAAACCGCTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATA
AAGGAATGAAAGCAATTAGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGC
TGTTCCACTTAGAAACATAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGA

Table 3

323/1077

CATCAATAGTAGGATGGCTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATTTACAC
ATTAAGCTTTGCAGCAACTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGG
AATTTTAGTTTGGTAAAGGATAACTGTGGTTATTTTTTAAATAAAATGAT
TCATTAGAATTCTTTGGTTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTT
TCAGAAAGAAAAGTTTAAGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1743

AGGTACTGATTGCTCACTGAAAGACTCAGCACCCCCAATGGTGCGCGGAA
GCCAGGCGGGCGATTACAATCCAATTACCTATTGTCTGACTCAGCCCACAC
AAGCTTTTCTCCTCCTCTTGCAGGGCATGGGGCCAGGCTCCACTCCCAAA
TGAGACTGGCCCCCTCCACGGTTCAGGGTAACAGAAGGGCCTGTAGGCCC
TGGTGAAGTGAATCCAGCACAGGCCTCCCCTGTAAACACAACAGGACTGAG
CAGAACCAAACTTCTTCCAAGTACTCTGCTCCCTGCCCTCACCATCT
CAAAGTCTGATTCCTCACTCCTTCGAGGTTTCTCTCAGCTTTTGGAC
CTGG

>Sequence 1744

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACATTTGAAACAAATTTA
TTGATATAGTTTTTTTAAGTTAAGTTTACATCTAACATTTAAAATGATA
GAACTAGGTATAGCTGGAAACAATGCCTGTTTATTTTCTTACACAGAGAA
TGAATTCTTTCTTCCCTTAAAACAGTGTGGGTAAATGTTCCAGAAAAGTA
ATTACAGGCCAGTTAGTAAATATACCCTGAGATAGTAGAATGCCAGATAG
CAACAGCTATATGCCTGCCACTACTGGTTAATCAGCTACAGAACAGACTG
ATTTTTTGAAGTAAATATGGCATAGGGACTCCATTAAGGACAGAAATCTGCA
TCTTA

>Sequence 1745

GCTCTCCGATGCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTCTGCTCATCCTATGACGCGAAAGTAACCGAGACTATCAGGATCCGGA
GACGGAAATGTCCGAAGGCCGCACTACCT

>Sequence 1746

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGGGAGGGGACTCACC
CAGATGCTGTATTCCCCAGACAGCTGACATGTTCCCAATTACCACGACCA
GCTGTTCAAGAACATCCCGGACGAGAGCCAGGCACATTTGA

>Sequence 1747

ATTTTCTTCTAACACCGACATTGCTGCAGAAGAATCTGCGGCGGTCTTTA
GTTGGATCCAAGTCTCAAATGTGCCTGGCCCTCGTCCGGGATGCTCCTGA
ACAGCTGGTCCTGGAAATTGGGAACCTGTCAGCTGTCTGGGGAATTCAGC
ATCTGGCTGAGTCCCCTCTCCCTCATCCCCACTGCAGCGAGGCAAGCAGG
AGGTAGAATTTATTCTTCCACCGCTACCAAATAACTGCAGCTTACTGCTC
CGCGTCGCAAGTCAAGATGTGGCTCCTTCATTACACACATCTCTTGAGC
GCTTCCCGTGTGCCAGGTGCTATAGGGCACACAACAGTGTGGGGATTACA
GCAGCGAGCAGGCAGGTGAGGACTGTGCTGTCATAGTGTTAACTCATCA
GCTGACACAGTCGG

>Sequence 1748

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTCAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTTG
TTCCTTCTCTCTTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTGCAGGGTTTCTGGTTCTAGTGCCTTCATTCTTCCCACCCT
GGTAATTGAGTTTTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCTTTAGCTGC
TCTAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCTC
TGGGGGACAAGGGCAAGACGCCAGCTTGCTGATCCCTTTGATGCCTTC

Table 3

324/1077

TTTC

>Sequence 1749

CCGGGCAGGTACTACATGAGCCAGAATAATTGAGCATTTTAAACACAGAAT
AGTATTTCAAAGAGCTCAAAGATGAAGCCGAGGTTTGATACCTGGCTACC
AGGTGAATGATAGTGCCCTGACAGAAAAGAACATACAGGGAAAATCCAA
GCTAATATCTAAAAAAGATACGGAGGTCTTTTCTAAGCATCTTGAATTT
GGGTGATGGCTGACAGCTGAGTGGAAATGGACCATGAAATGGTCATCCAA
GCAGCCCTGGATCTGGGGAGCTTTGGGGTTGGAGTTAGAACTTTTAAAAT
GCATTAATGTTAGGTAAGCAACATAGGATGGTATCTGGAACCTAACAGGA
GTCCATAATTGCTGTCAGAATTATTAGCATAGAATTCGGTTTTAAACATT
GACTAAATTGAATGGGCGAGGTGGGGGAGGCATGGCGCCAGTTAAATAGC
CAGGAGAGGCTGGACTGGGGACAGAAAAGTGTGCTTGACTGCACAAGAAA
TCAGAGATAATGGTACCT

>Sequence 1750

AGGTACTCTCAGCCATAGCCAGTGCCCGTCCAAGGGCTGCTTTTACTTCA
TTCCTAGGGCCACCTGGGCATCTGTGCCACTCCCTGCAGCAGCCAGGCT
TGCGAGGAACAGGCGGGCCAAGGCAGGGGTGTCCTTGTCTTCTGCATTT
TGGGGTATTGTGGGAAGCAGGAAGGTCCCTAAACCAAAAGCTTAGCCACA
CCTGCAAGTCCTTCTTTGAATCCAGTTTCAGGAACTGGGCCCACCAGATG
TAAGACTCGTTAGTTTTGTGCAAAATCAGGGGTAAAGCAAAATAACCCAA
CCATAAGTGAACCCTTCACCCAAATCTTCTTGTCTCAGGTAAAGAACGAA
AAGCGGAATAAGGTTGGGTAGGGTTAAGTGACAATTTAAAAAGAGTTTTT
TGGCTTGACCCCTTTGACACTTTTTACTTGGTTTTTGTCCCTTTTCCCT
TCAAGAAGTGCCCCCGAGTTACCCCCCATTTCTTTTTTATTCGTTTTTCT
TTTCCCCAATCCTTCCGAAGGACCTTCCG

>Sequence 1751

GTGCGCGATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGC
CCGGGCAGGTACTGTGGTATTAAACCATGAACCATAAGATCTGGTTTACG
ACAAGAAAAGTGAAGTTCCTGAAAATTGATCATGCACAGCTCTTCTGAAGA
GCTAAGACTGGATGCAAGGTTCTGACTTCCAGGCCACTGCTCTTCCAC
TTTACCAGGCTGCCAACAACCTAAGAATTTAGTTTGGAGTTTACAATT
CGCCAAGGCGAAAGATGTGCTAACAAGGATGTTACTGAAAAGAATTGGGG
GTGGCAAGATCACCTCCCTGGTTCTTTTTTCTTTTGTCTTTCCAGTAT
TTTTCTATACCTGATGGTTTAAATGGTTGTCAGGGATGAACCGACGACATT
AGCACGTTTGGTAAGACATTTCTCATTTAAACACCCAGGTGAAACCATA
ACCAAGGATACTCGAAGAAGCCAAGTTATTCAG

>Sequence 1752

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCCGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1753

CCGGGCAGGTACGCGGTGAGAGAATGCACCCTCGCAGCTCTGCCTGAATA
AACATTACCAAGACTACAAGGTGCCTAGCACTCTGCCAGAATCATGTGAA
TTTCAGAGGAAAATACTCGTTCACACATCTCAAGGAACGCACAGGCTCGT
GAGGGAGCATTCTTGCCAATGCACATGGTAAATGCCCAATCGATGTTTCC
GGAATGTCATAAACTGACAACTACTTCAGGCCTTAACGCAGTAGGATAAG
GATGATAAAGAACTCATTTCAAATTAATAAACAAGTGCAAAAGCCCAT
ACTATAGTAAGTTAGGAGAATCGAATGGCGATACAACATAATCCCTTATG
CA

>Sequence 1754

CCGGGCAGGTACACCGCATAGGAAGGACTCTCTTACTAGATGAGCTAGAT

Table 3

325/1077

ATTCAAGAACTCTTTATGAGATCGTCTCAGACTGGTGACTGGACATGGTT
GAAAGAGTTTTATCAAAGACTCATTGATCAGAAGTGGCAGAGGAAGAAAA
AGAGCAAAGAGCACTGGTATCAAAAGGCAATTCTTTCCAAGTTTTTATAT
TACAGTATCAATGGTGATGGAGCCGCTCAGCCTGTCTCATCCACCGCAGA
ACAGCAGGAATCGTCCAGTTCAGATCAGACAAATGATTCGGAAGGGGCTT
CATGGCCTGCTCCCTTCGAAATGCCTTCTTCAGTTTCTGAAGATCCCAGT
GCTTC

>Sequence 1755

CCGGGCAGGTACCTGATGCGCTCCCCTGAAAACAACCTTGGCCAGAGCAA
CCCAAGATTACCCAAAATTGATGGGGACCTTGTCTTTTGAAGGTCCCGCC
TGGAAGAATATTCCCGGAAACAAAGTGTTAATCAAGCTTGAAAAACAACC
GGTGAATTTCTTCATTTGCCAAATGAGGGTTCGAAGGGTCCCATTTTTCA
TTGAATGGGACGGGCCGTTCTTAAACTTAGTGGAATCCCCCGGGGCTT
GCAAGGAAATTTCTATTTTAAACCTTTATCTGATTACCCGGTCCAAACC
TTTGAAAGGGGGGGGGCCCCCGGTTACCCCAAACCTTTTTGTTTTCCCTT
TTAAATTGAGGGGGTTAATTTGCCCCCCCCCTTTGGGCCTTTAAATTAA
TTGGTTTCTATTTAGCTTTTGTTCCTTATTANNNAAAAAATTGGTTAT
ATTCCTGTTTAACCAAATTTCCCCCACCCAAATTTCCCATCCCCCGGGG
TAACAATAAAAAATTTTCTAAAGAACCAGGGTGGGTGGCATATAATTGG
AAGGATTCTTTTACCTT

>Sequence 1756

CCGGGCAGGTACGCGGGACTTGCTTATGGCTCTAACCCTATCTTCATTT
CCTTCAAGCGTTACGACTGTAACATGCCTCTTTTCTCTACTGTTCTTTAG
AAAACCACATTCTGGCCAGTGGCTCTGTCCGGATTCTAGGTCATGCTTC
TTGAATCGGGGGGTCTACAGATCGCGCCCGTCTTCATCCAGGATGCCGGC
AACTACACCTGCTATGCGGCCAACACAGAGGGCTCCCTGAATGCATCGGC
CACGCTCACTGTGTGGAGTAAGGAGCAGCCCTCGCACGTCCGCCTTCTGT
TAGCCACGGTTTAATCATCACGTCATCGTGTGCTTTGGGGATGTCAGCAT
GCCCTTGGGCTTGCTAATTTAATCAAAAGAGAATGATTATTTTTACAAC
AATTTATAGAAATCTGTTGAGAAATTAATTTTCAATGTCTAAAAGAATA
CCTAGAAAATGTATTACAGAGATNTAATAAGGGTATTGCAGGAGAGACGAA
AGATTGACTTTGGTAAGTCAGTGGAGATATTACACAAAACCTAGCTCAAT
CACAAAATTGATAGGGTGGTTAATTTTATAAGCATTTTATTAGAAAAAAA
ANNNAATANAANNAAGTTCCTT

>Sequence 1757

GGAGAAGGGCCTTCCAACCCTGAGCTCTGTGAGAGGAAATCTCATCAGCA
GCAAACCCTCACATGTGACCTGGAAAAAAGGAGGTATCTTTTAATAGACA
ATGTCTGGATCTTTAGTGAGGGTGATTTAGATATAATATGTCCGTTTACT
TTCAAAAGGGAAAAAGTATGGGTCACTCAGAAATTCCTGCTGTAGCTTAG
ATCATCGATCAAGTTCACAGCGAGTCCGTAAATTTCCAAAATTCAGACAGT
TTCATCTTAGCCAAAACATAGTGTCTGCAGTGTGGGAACGCTGAAGACAG
CCGGCCCAACACCCTGCTCAGGGAATCCCAAAGCCTCCCTGCGATCAGGA
GAAGGAAGCCTAGATTTCTAGGTTAGTGCAGCCCACTAGCAAGAGAATTA
AGTCTCGGTGTCAAGCTCTG

>Sequence 1758

CCGGGCAGGTACAGATTAGTGTGCACAGAGATCTCTGTAGAAAGAGTAGC
TGCCCTTTCTCAGGGCAGATGATGCTTTGAGAACATACTTTGGCCATTAC
CCCCAGCTTTGAGGAAAATGGGCTTTGGATGATTATTTTATGTTTTAGGG
ACCCCAACCTCAGGCAATTCCTACCTCTTCACCTGACCCTGCCCCCACT
TGCCATAAACTTAGCTAAGTTTTGTTTTGTTTTTCAGCGTTAATGTAAA
GGGGCAGCAGTGCCAAAATATAATCAGAGATAAAGCTTAGGTCAAAGTTC
ATAGAGTTCCCATGAACTATATGACTGGCCACACAGGATCTTTTGTATTT
AAGGATTCTGAGATTTTGTCTGAGCAGGATTAGATAAGGCTGTTCTTTAA
ATGTCTGAAATGGAACAGATTTCAAAAAAAAACCCCACAATCTAGGGTGG
GAACAAGGAAGGAAAGATGTGAATAGGCTGATGGGCAAAAAACCAATTTA
CCCATCAGTTCCAGCCTTCTCTCAAGAGAGGCAAAGAAAGGAGATACAGT

Table 3

326/1077

GGAGACATCTGTGAAGTTTTCTCCACTGGAAAACCTGCTACTATCTGTTTT
TATATTTCTGGTAAAATATATGAGGCTTCAGAACTAAAAATTAAAACCTC
TTTGTGTCCCTTGGTCCTGGAACATTAAGTTCCTTTTTTAAGAAACCAAAA
TCAAACCTTACCGAAAGATTTGATGTATGTAATACATATAGCAGCTCTTG
AAGTTATATATCATAGCAATT

>Sequence 1759

AGGTACGCGGGGAGCTCTAGTCCAGGAGGCTGAGACTTCGAGAGGGACTT
AGAGAAGGCAGACGCATCCCGAACTCGCTGGAGGACAAGGCTCAGCTCTT
GCCAGGCCAAATTGAGACATGTCTGACACAAGCGAGAGTGGTGCAGGTCT
AACTCGCTTCCAGGCTGAAGCTTCAGAAAAGGACAGTAGCTCGATGATGC
AGACTCTGTTGACAGTGACCCAGAATGTGGAGGTCCCAGAGACACCGAAG
GCCTCAAAGGCACTGGAGGTCTCAGAGGATGTGAAGGTCTCAAAGCCTC
TGGGGTCTCAAAGGCCACAGAGGTCTCAAAGACCCCAGAGGCTCGGGAGG
CACCTGCCAN

>Sequence 1760

AGGTACTACTCTTTTCCTTATATGATATATGAAGAAACAGAGGCTCAGAG
AAGTTAGGCACTCACTCTGAGTAAAATGCCAGGAGCAGACCCACGTGGTG
AGGAACTGAGGCCTCTTACCAAGAGCCATGGGAGTGAACCTCGTGGTGGA
ATTCTTTTTGCCCCCAAGTCAAAACCTTAAAAATTAAATTGATTGCCCCAA
TTCCAACCATTCTTAATCCCAATTTTTTTTGTAAAGAAAGAACCTCTGAAAA
ACAGTAAACCCATCTTCGGGGTGAAGGCTCACCTCCCATGGGGTGTTC
TTGAACATTTTCAGTCCAACCTTGTTGTTGAACAATTAAATTAAAATTAT
GTTCTGACTTGTTTTTAAAGTTCCACTTATGGTTGGTTTGGAAATATAAA
TTTTAATTTAACCACCAGGTTAACCAGGAATAAACCTTAAATAATACCTT
TTGTTCCACCACCAATTTTAACCTAAAGACCGGGATAGAAGTCCCTGGGA
AACTTCAAAAACCTATAGGCTTTAATTCTTGGGC

>Sequence 1761

CCGGGCAGGTACAAACTCGGGCCTCACTTTTTTTCTGGGACAGCTGTTTG
CCCTGTGTTACAGAATGCATGTGAGGACTAGATATTTAAACATATGATGC
CTGGCCACAGAGAAGGTATTTGTAATTGGATTCTCCTGGACAGCCCAGCC
TCTGAAGTTCTAGAATTAGGTGCCTCCTTTGCCCAAAGGCTATCAGCTAT
TGGAGGGGAGGGTGGCAGTATGTCCCTCACTGGGTAGCTGTGAACACTAA
CTGACTTCACCAGTGTAAGTGCCTGGCACAGGGCCTGGCACAGAGGAAG
CCAGAGTCAATGTTGTCTAGTATCACTTTGGAAGGAGAATAAGTCTATGA
AATGCATTAAACTCAGCAGGGAAAGTCCTAAGGAGTAGTTTCTCCAGGGG
CCACAGAAGACCCT

>Sequence 1762

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCTGGGAGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCCCTCCTTTGTTCTGCTTCCTGCTTCCCTTCT
TTTTAGCCCGTTGTGGTCCCAGGGGGAAGAGGGANTTGGGTGTTTCCGGT
GAGCCACAATGGGCCCATGGTCAACAGTCCAGCCAGCCCTTTCTGGGCAG
TTTTCTTGAAGGGACCAGCAAAGTTTTTGAACAGGATGATATTTACCCC
CCAGGCTTGGNNGGCTTAGGAGCAGTAGGAAACCAGTTTGGTTTTGTTGT
TGCCTGCCCCATTTTGGACAGTTATTCCCTTAATTCCCTGGACCCCCACT
TGTGAAGCCATTTAAACAGTCCCCCAAATAACATTAATCTTTCTAGGACA
GTTT

>Sequence 1763

AGGTACTACTGCTGTCCCACATGCTCTCCAGGATCCTGAAGAAAACCTTCT
GTCAATGGCTCCATCCATTTCTGGCTCCTTTTTGTGAAAACAGGGTGAC
TATCCATTAGTCAACACCCATTGGGAGGCTGAGGCAGCAGAATCGCTTGA
ACCCGGGCAGCGGAGATTGCAGTGAGCAGAGATTGCACCATTGAACTCCA
GCCTGGGCGATGAGTGAAATTCATCTCTTCCAGGGTGGTGCCTCCTTTC
CTTCCCTGCTGGTTTCTTGGCACAAGGATTCTGGAAGACTCAGGCTGTTT
CTCGTTCCATACAAAATGGCTGACCAAGTCCATTACTGGGAGCTCTGCCC
ATCCAGAAGTTTTCTCTCGCTCGGAATACAGCCACTGAAGGAGGTAAAA

Table 3

327/1077

GA

>Sequence 1764

GCGGCATCTTGCGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTG
TGAGGGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGC
AGGAAAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATTT
GAAATGAAGTCACAAAGTGAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGA
AAATCTTGATGGCTTCACAAGACATGCAACAAACAAAATGGAATACTGTG
ATGACATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACCACGGGGCAGAGGGT
CAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCATTT
CATATTTCTAACCCTCAAAACAAAGCTGTTGTAATATCTGATCTCTACGG

>Sequence 1765

CCGGGCAGGTACCCCCCGAATGGCCTTGTGCCTCCAAAAGCCTCACGCTG
CAACTTTGCTGCTCCTGTCTGTTGCCAGAGAGGCCTCACACAGGCCTCA
GAAATGTTTCTTGTACACAAAGCTTTTGGTAGCCGATTCCAAGCGAGGG
ATTTAATCCTTACATTTTTGCCCATTTGGCTCCAAGGAAGGCTTATTAGA
CCTGTTTTTTTGTGTTGTTGTTTTTTTTTCTTAAAAACAAAATGAATGA
ATGAATGAAAAGAGAAGCAATGGTGAGCCCTCTCCTGCTGGGGCGCCCTG
GGTGGGCCTTGCCCGTCTGCAGCAGAGAAATCAGTCAGCAGCGAAGAGC
T

>Sequence 1766

GGCATTTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATTTCCATTTCA
GCAAGATGTGTGGCCCTCAGATGGGTAAAAGTCAGCAGCCCTTTTCTTAA
TTTTCTCAACCCTATGTATTCAATCAGGGTCCCTTCCCCAACCAATGGCA
GAAATCTTTTCCCTGGGTCTTTCCCTTTGGGGCTTGCCAACCCCACACCA
AAAATCCTTCCCCCCTTTTGGTTTTTTTTCTTGAATTCCCCAACCTTTTT
TTTGGGGTAAACTTTGGACCTATTTTACTTTTCTTGGTCCCCCCCCGCGG
TTTACCCTTTGGCCCCCGGGGCCCCGGTCT

>Sequence 1767

CCGGGCAGGTACATAAGATTTATAGATTTGATGATTGATGATAGATAGAT
GATATAGTTACATAATAGCTAAACTAGATAACCGATGCACAACAGAGAAA
TAACAGATGATATACATAGATAATAAATGATCGGTATTCATAGATAAGAG
ATAGATTAGCTGGGTGCAGTGGCTCACGCCTGTCATCCCAGCATTTTGGG
AGGCCAAGGCAGGCGGATCATGAGTTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCC
AACATGGTGCAATCTTGTCTCTACTAAAGATACAAAAAATTAGCTGGACA
TGGTAGTGTGCACCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAAGCTGAGGCAGGAGA
AGCGCTTCAACCAGGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCACAGCAT
TGGGCTCCAGCCTTGGAGACAGGGCAAGACTCCATCTCACTTGATAAGGT
CACGTTGAGTCCCAGTGCATCTCGTAATACCT

>Sequence 1768

CCGGGCAGGTACTTTTGGTGATTCTAAGGTGGATCCAGGGTTGAGAACCA
CTACTGTAATTTTATCTGGTCATTGCCACCAACTTGACTGAATCCTCTCT
CTTCCCCACCCCAATCTATTTTAAACAGCCTGTGTCTTCCAAGGCTAT
AGTTTCCAAGTTTTTCGAATTTCTGTCTATATTTCTTCCAAAGTAGATTT
GGGGAAGGAGGCAGAAACCCTGGTAATTTACCATGTTGGCAGGAACTAGA
ATTCTCCCTCATGTTGTTTGTCTTCACAGGAGGTCTCAGCATGAAACAGC
AGCAGTGGTGTGGGATGACTGCCAAAATGGGCACCGTGTTGTCAGGGGTC
TTCACCATCATGGCCGTAGACATGTATCTCATCTTTGAACAGAAACACCT
AAGGAATGGCAGTTGC

>Sequence 1769

CCGGCAGGTACCACTTGGGATTCCTGGGGTGTATTGATATGCGGAGCCAG
CAGGGCTGGCGATACTTTACCAGCCTCTTTCTGACTCTGTCTCCATGTC
CCAAGGCCACAGAGGGGACGAGGCAGAGAGCAGACCGGGGGGCACTGGCCC
TCAGAGGAACTTTTGGCTGCATTG

>Sequence 1770

Table 3

328/1077

CCGGGCAGGTACTCATTACTCCTTTGAGGGAGGTCTGAGGGGTGTTGTCA
CCTGTGCCTCTTGTGTCCAGCTAAGAACCGGGCGCCGCGAGAGGTCTGGG
AGGGCCTGAGCCCAGGGGAAGTCCATTCTGAGTCAGCATGCCAGGGC
TGCTAATGAAATCCAGATGTTAGACAGAAAACAATCATCGCCCCACCCA
TCTGGCAGCTCGGGTTTCTTGGAGATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GTACCT

>Sequence 1771

CCGGGCAGGTACAGAGCTACTGTCTTCATCTTTTATTGAGAGCCAAACCA
GGTCTTATCTAAATGACAAAAAATATTACAGCTAACAAAAGCAAAAGTGG
TGCTTTTATCAAGGAAACCAATATTTAAAGGTTAATTTAGATAGATATAT
AACCGGAAAGACATTTATTAGCATGCTGAAAATAACACTGATGACACTCA
GAATACACCTGGTCTCTTACTTTATTTAACAGAGAACCATGGCATCCAGG
TAACCAGTTCCAACCTTTTCCTACCATTGATTTTATGGTTTTCTAAACAAT
TATCTTTTTCCCTAAGTGGGCTAGAAACTCTTTCATTTGAAAGACCTGAG
TTTAATGGCACCTATAAATAGGCTCATATAAAATGTAGTAAATTGCAAC
AAATACATTGGCACCAAGGAAGTAAGCTCTGGAGTTAGATGTGAACATA
ATAATATTGCTGTCACCAAAAAGGGGGGAGAACTCTACTGGCAGAAAATGT
CCCTTAGCATCCTTTGAGATGTACTCNNNNNTNNNNNNNTTTTTTTTGGAG
ACAGAGTCTTGCTCTGTTGCCAGGGCGGAGTGCAGTGGCATGATCTCGG
GTTACCACAACTCCGCCTTCTGGGTTCAAATGATTCTTCTGCCTCAACC
TCTCCCCGCGTACCTT

>Sequence 1772

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATGGGTTTTTG
CCGTGTTATCCAGGCTGGTCTACAAGCTCAAGAAGATCCACCTCCCTCC
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGACATGAGCCACTGCACTCAGCCAAT
TTTCACGAAGGTTTAATTTTAGTTAGGAAAAAATGAAATCACAAGGAAGC
AAAAAATAAAGAAGGTAATTACATTTTGTGAAATGTGGTTAATGGAACA
ATGGAGATATAAGAGGTGGAGAAAATCAAGATATAGTTAAAGAAATGACA
AGGTTCACTAATAGGTTCAATGGGACGAGTGAAAGAGGGTTAATGGAAG

>Sequence 1773

GCGTTGCGGCGCGCGCGGTCCATCGCATGGCGCAGGCGGTTCGCGCAGCAG
GCGCCGTTTCAGGAGGCCCGTCAGCTGGTCGCGCTGGAAGCCGTCGGCGC
CGTCCAGCGGCGCGCGCGGTCCGTCAGCGGCGCGGCCAGGGCCCTGGCG
ACTT

>Sequence 1774

TTGTTTTTCTCCACATCATAGCCGGCGGCAGCCAACGCTTTTTTCAGAGC
AGCCAGAGAACTCCGCTACGCTCTTTAGAGGCGGCCACAGCCTTGGTGA
TGAGCTCTGACACCGGGGGACCGGACGCCTTACGAGGCGTACCTGCCCGG
GCGGGCGGTTTTAA

>Sequence 1775

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTGGGGGAGAGACAAG
GTCACCCTATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTCTGAGCTCAAGGGATC
CCCCTGCCTCAGCCTCCCAAAACGTTGGGATTACAGGCTGAGTCACCATG
CCTGGCTTAAATTAACCTTTTAGGTTCAATAAATCCCAATAAAAATCCCAG
CAGACTTTTTTTTTTGTGGAAATTGACACGTAGATTCTAAAATTTAAAT
GGAAATGAAAGGACTAAAAAGAACAAAAGACAAACTTGAAAAATAGGAAT
TTGGAGGACTTCAGTTACCAAAATATCAAGGTATTACAAAGCTACGGTTAT
TTAAAAAGTAAAAGCAACAGCATGGTATTGGTGCAAGCATAAAAAAATAG
AGAAAGAAAAACAGTTTTTATACCCCGCGTACCT

>Sequence 1776

ATGAGAAGAAGAAGGGGCCCAAAGTCACCGTCAAGGTGTATTTTGACCTA
CGAATTGGAGATGAAGATGTAGGCCGGGTGATCTTTGGTCTCTTCGGAAA
GACTGTTCCAAAAACAGTGGATAATTTTGTGGCCTTAGCTACAGGAGAGA
AAGGATTTGGCTACAAAAACAGCAAATTCCATCGTGTAATCAAGGACTTC
ATGATCCAGGGCGGAGACTTCACCAGGGGAGATGGCACAGGAGGAAAGAG
CATCTACGGTGAGCGCTTCCCCGATGAGAACTTCAAACCTGAAGCACTACG

Table 3

329/1077

GGCCTGGCTGGGTGAGCATGGCCAACGCAGGCAAAGACACCAACGGCCCC
CAGTTCTTCATCACGACAGTCAAGACAGCCTGGCTAGATGGCAAGCATGT
GGTGTGGCAAAGTTCTAGAGGGCATGGAGGTGGTGCGGAAGGTGGAGA
GCACCAAGACAGGCAGCCGGGATAAACCCCTGAAGGATGTGATCATCGCA
GACTGCGGCAAGATCGAAGTGGAGAAGCCCTTTGCCATCGCCAAGGAGTA
GGGCACAGGGACATCTTTCTTTGAGTGACCGTCTGTGCAAGCCCTGTAGT
CCGCCACAGGGCTCTGAACTGCACTGGCCCCGGTGCTGGCATCTGGTGGA
GCGGACCCACTTCCCTTACATTCCACAGGCCCATGGACTCACTTTTGTAA
CAAACCTTCTACCAACACTTGCCAATAAAAAAAAAAATGGGGTTTTTTTTTT
TTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1777

AGGTACCAGTGCGAATCATCGGGCTATCCAGGTCCGAGATCCTAGTCTCC
TGTCGGCTCTGAGGAGGATGGATCCTTCTGCGGATACATGGGACCTCTTC
TCACCTTTAATATCATTATGGATAAACAGGTTTTACATTTATTTGGGGCT
TTGCTGTTAGCATTTAGCCCTTTGGATTTGTGTCCAGATTTGTCATCAA
GACCGCAGGGCAAAGAACTTAACAGGAAAAAATCTTGTTTCCAAAAAGC
AGCCTCAAGGAATTTGTATGACCAAAATGGTTTATGGTCTTCCCTTTAA
GAAGAAAGAACATTTTTTTGTGGTCTGGAAGGGGAAAAAATTTTTTTTT
GGGTTCCCAAAAAATGGGAAACCAGTCAAAAAGGGACTCCTCTCAAACAT
ATTTTTTTTTTGAAAACAAATTAAACACACCCTTGTGAACATTTCTTGGG
TGGGCCATTTTTATTTATTTTCTAAGAAAATATTTTATCCCTCCCGGGT
ATT

>Sequence 1778

CCGGGCAGGTACATTAGAATAACCTTTTCAAAAATATGCAATTTCTGTCC
TTGAAGCCTAGGGAGTGGGATGCAGCCACATTAAGACTCATGATTAAGCA
CCTTATTGTGTTAATCATGATATAAAGAGCCTTGTATAACACCAAAAGCC
GTAGATCGCGCCCACTGCACTTTTAGCACTGTGGTGACAAGAAGTGCGGA
TTTCCTGTCCCGCTCGCCGCCCAAAAAAAAAAAGGGAGGAAGGGTCTAACC
CCTGTCAAGGAGGGTGTGATGAAGAGAAGACTAGGTGGGCTTTGGAATTC
TTTTGTGGGTGGCCACATTGTGGTAATTTGTTGGGGCCCCACAGGTGTT
CTGGGTGAAAAGGATAGAGTGAGGGCAGGGGAGGGCCCTTTTTCTTTCA
TCATATGGGGGGGTGAAGTGGTTGGGGGTGCCTA

>Sequence 1779

CCGGGCAGGACTTTATAGTTTAGGCTGGACATTGGAAAAAAAAAAAAAGCCA
GAACAACATGTAATAGATAATATGATTGGCTGCACACTTCCAGACTGATG
AATGATGAATGTGATGGACTATTGTATGGAGCACATCTTCAGCAAGAGGG
GGAAATACTCATCATTTTTGGCCAGCAGTTGTTTGATCACCAACATCAT
GCCAGAATACTCAGCAAACCTTCTTAGCTCTTGAGAAGTCAAAGTCCGGG
GGAATTTATTCCTGGCAATTTTAATTGGACCCCTTATGTGAGAGCAGCGG
CTACCCAGCTGGGGTGGTGGAGCGAACCCGTCAGTGGACATGCAGTG
GCAGAGCTCCTGGTAATCACCCTACAGTCAAGCTGCAGTCTCTGTCACC
ACG

>Sequence 1780

AGGTACAAAAGAAATGGCTCTCACTTCCTGGATTGGCACCAGACATCCTA
CCAGCTGCAATTACATCATTTTTTATCTATCTTCTGCTTTTACTTTGTGT
AGGGTAGGGATGGGGACTTACAAATGGGCCAAAGACACTTCAACCTCAA
ACCAAGAGAAATCCCTGCTTGCAGAGATACAAAGAAAGTAACTCTCCCT
CTTATGAAAAGCAACCAGGAACCTACTCCAGTTATGAGGGCCACTGATG
GTGTGGGAGAGCTATCAAGAAGATTCTTCATAGACGTGGTGCAAAGACAG
TGAGAACCCGGGAAATCACATTCATGGGACACTTGCTCTTACCGTCATCA
CCCTCTATTCTATCTCAACTTTGGCCCCATCAAATCTAATGATAAACAAA
AGAAGGTAATTACATGTAGAAAATCAAAGTGAATGGGAATGTGGTGGTGT
GAACATCCCGCGTACCTGCCCC

>Sequence 1781

CACCCGCCGGTGGGCGGGCCCGAGGTAACGCCGGGGGGTTTCCTTTAAAA
AGAAGGTTAAGAAGCAAACGGTGCCTTTAGGGGAAGCCAGAAGAAAGAAG

Table 3

330/1077

GGAAGAAAAGGCCAGCCATTCTTTGCCCTGGGAATGAAGGCCAGGGTGG
AACAACAAGAAAAGAAGAAAAGCCCCCACTTATTCCTCAAATTTAAAAT
CCTTTTTACAAACCTTCTTCTTTGGCAAAGGGGTTTCCCCCTTGGGTTTG
GTGGAAAAAAATTACCATTGGAAGAATTAAAAATTCAATGGAAAGGGCCA
CACTTTATTCAATTCCCCTTCCCCTTTCCTTGGCTTATGGCCAACAAAA
GTATTTTTCCCTTGGGGGGCCTTTGGGAACCNCTGGTNNTTTTCAAACCA
ATGGAGGAAAGGGGCCCTTTAATTTTTGGAACCTTNTTTATTTGGCCTTAG
GAAAAGGAAATGGAAGGGGCCTTTTTCTTTGGGGGAAATTAAGGGGCCTC
ACCAAGAAAAAGTTTTCCCCTTGGGTTTGGAAACTCCGGCCGGAACCTTA
TTCGGAAAGGCCCCCACTTTCCCCCTTTAGGGGGCACCACAAGGTGGGT
GGCCCTCCACCTTTTTCCCCGGGCTTGGGTCCAAAAATTGGGCCCAATT
CCTTATTTCGAAAGGTTGTGGGTTTCCCCAAAGGTGGGTTTTCCTTGTGA
ATATTTTGGGGGGTTC

>Sequence 1782

AGGTACGCGGGATCACTCAATTTCTCTGAGGACACAGATAGGATGGGGTG
TCTGTGTTATTTGTGGGATACAGAGATGAAAGAGGGGTGGGATCCCACT
GAGAGAGTGGAGAGTGACATGTGCTGGACACTGTCCATGAAGCACTGAGC
AGAAGCTGGAGGCACAACGCACCAGACACTCACAGCAAGGATGGAGCTGA
AAACATAACCCACTCTGTCCTGGAGGCACTGGGAAGCCTAGAGAAGGCTG
TGAGCCAAGGAGGGAGGGTCTTCCTTTGGCATGGGATGGGGATGAAGTAA
GGAGAGGGACTGGACCCCCTGGAAGCTGATTCATATGGGGGGAGGTGTA
TTGAAGTCCTCCAGACAACCCTCAGATTTGATGATTTC

>Sequence 1783

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGCTCCAGCAGCGAGTA
TCCCAGTCCATGCTTCTGGGTCAGGGGAGAACGCACCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACCAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTCCC
TTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGCAATTAAGACCCGG
TATTCCTGCAGCTTCTTCTTGGCGGGAAATACATACTCCCCCTTCTTTGC
GTCCCAGTTGCAGCAGGGCTTGATGTCCTCAAGTACCTCGGGCG

>Sequence 1784

CAACAATGACACCACTTTATAAAAAGAATGAGACGACCAATAATTCTTTA
CCAAACAGTGTTAAGACATATATAAGACCTTTTAATTAATAAAATGATGA
AGTAGANACATACACGTAGGCGTTGGAACAATTATAGGAGCGCATTGGAG
CTCTACCGCGGAGGCGGCCCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACG
CCCCACCATGCCCATCTCATTTTTTGTATTTTATGATAGAGACAGGGTTTT
ACACATCGTTTGGACCAAGGATAGACTCTATGATACTCATTGAACCCTCA
TCGAATACCGTCCACCATCTATGGGCCATCCCAAAGGTGGCTGGGAAAC
CAACAAGCCGTGAAGCCCACCCACACCCTTGGGCACCATCAAATTGTATT
TCCTACTTTTAAGAGAGAAGAAGTAGGAAAAAATCCTAAATGCAGGTAAGT
GACTCTACAAACAATTATAATTTCTTAAATTGTTACAAACTTCTTTATGA
ACCCTTTTAAGTCCCACAAAAGTGGGAAAAACAAAAAATTGTGCAAATTT
TTTGCCACATTAAATAATAAAGCGCTTGTAATTGAAAAGCCAATTAACGA
AACAAAATTGGAAGAACAGGGAAAGAACAGAGTGCCAACAATTTTCTG
AGGGTAAAAAAAAGGGTCCAAAATAAAAAATGTTTGGAAAGGAACCTCTT
ATTAAAAGACCCTTACTTAATTGCGCTCAGGCCTTATTAATATTATCTTT
GGGGGTGGGGGTGAAAAGAAG

>Sequence 1785

ATCCTGACTACCAGGATCCATGAGCTTAAACAGGCCAAAATGAGCACAGT
CATGGATACCGTTGGCCGGAGGCTTCGGGACTCCCTGGGCCGAAGTGTGG
ACCTGGGGCTGACAGGCAACCATGGAGTTGTGCACCCCACTCTTGCGGAC
AGTGCCAACAAGTTTGAGGAGAACACCTACTGCTT

>Sequence 1786

AGGTACATAGTCTTCAAGTTTCAAAAATCTCTTCCTATAATTTGATTCCA
AATGCTTAGCAAAATCAAAGTCACAGTCTCAAATTTGAATGTATGTCCCC

Table 3

331/1077

AGCGTCATTCTAGTATCACATTTTATACTAATCAGAAAATCAAAAGCCA
CACTAAGTAATGTAAAGAGAGAGGAATTAATACCAGGACTTGGTTACACG
GTATTGTCAAGCTGAAGGAGGAAAAATGGAATGCTGAGCTCACACACAGA
TAAATGTCTGCAGGAAGCAACTCACCTGCTAAGTCTGTTGGCACAGAAGG
GAACAGGTGGGCTTTATGAAACAAAAGAGCACAGAGGAGGGCGCTGTGAT
GCTGGAGCTTAACTTACATAGCTGGTGCTTATCTCTTGGAGGGAGAGTT
TTTTCTGCTGATGCTGAAAAA

>Sequence 1787

AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTAGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTTCATATTC
TATGTACCT

>Sequence 1788

CCGGGCAGGTACGGGGGACCTCCTTCAGTGGCTGTATTCCGAGCGAGAGG
AAAACCTTCTGGATGGGCAGAGCTCCCAGTAATGGACTTGGTCAGCCATTT
TGTATGGAACGAGAAACAGCCTGAGACTACTACTGCTATTCAGTCTTCCA
GAATCCTTGTGCCAAGAAACCAGCAGGGAAGGAAAGGAGGCACCACCCTG
GAAGAGATGGAATTTCACTCATCGCCCAGGCTGGAGTTCAATGGTGCAAT
CTCTGCTCACTGCAATCTCCGCTGCCCCGGGTCAAGCGATTCTGCTGCCT
CAGCCTCCCAAGAGCCAGGAAATGGATGGAGCCATTGACAGAAGTTTTCT
TCAGGATCCTGGAGAGCATGTGGGACAGCAGTAA

>Sequence 1789

GGGCTGGCGCGGTGCATCGTGGGCACTGTAGTTTCCGCCGCGTTTATGGC
CGCGTTAAGTCTGAGTGCCGCTTTGAGTTGTTGAATGAAGTGAACCTTCAT
TTGTCAGCGTTCGGTACCT

>Sequence 1790

AGGTACGCCAAAGGATCCGATTTGCATAGCGGAGCTCCAGCTGTTGTGGG
AAGAGAGGACCAGCCGGCAACTTTTATCCAGCTCTAAACTTTATTTCTC
CCAGAAGACACTCCCCAGGGCAGAAATAGCGACCATGGCGAGGATGAAGT
CATTGCTGTTTCCGAAAAGGTGATTGTGAAGCTTGAAGACCTGGTCAAGT
GGGTACGCGGGATACCAAGTTTATATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
TACCTGCCCCG

>Sequence 1791

CCGGGCAGGTACGTTTGCTCATACACGCACATCCAAAAGCCTGTGCCTCA
TTCCTGGCCATGGGTGAGGACTTGGTCTGTACGGCTGATGAGGACTCCC
ACAACCGGCCAAGTTATGTCTTATTATACACCCCCAGAAAGAGAGAAAGC
TGCCTTCTGGAGGACTGATTCCACATGCTATATTCAGCTGAGTTGATTTC
TGTGTCTATTTCAACCCATAACCTGAAGAATGATCACCTTATTCCTTATT
CATTAATTTTCTTGATTAATAGGGAAACTTGGGAATAGCTATAAAGTAAA
ACTTGGGTGGAACCTGGGGCCCTGGCATCACACAAGTGTGATTAGGATGG
TCAAGGTCATCAGGAGT

>Sequence 1792

CCGGGCAGGTACTGCTTAAAAGGCATGTATAACTAAGTCATATCAAACT
AAAATGACAAATGGGTTATTTTCAACAGAACTTTGAAAGGAAAAAGAA
AACAAACAAGAACTTTAGGATATTCTTTTTGAAGGCAACTGCATGATGCT
AGATTGTGTCCACGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATTTT
TAAATACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATTTT
TGAATTGTCATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAAATG
ACAGAAGTAATCGCTTCCACATCACTTTTGTTTTTCTATTTACATATACA
AACACATTTTTCTCTTGTCACAATAGTATCTGAAACATTAAGAGGTGCTC
ATAAATN

>Sequence 1793

Table 3

332/1077

AGGTACCATTCTCTAACTCCGTGTGTGATGAAAACGCCTCCTTTTCTGAC
CTTCAAAGTCCCCTGTAGAGACCATGCATGCTCTAAGCCTTAGGGAGTGA
GACCAACACCCATCCCCTGCCAGCCAACAGTGGCCGGGGCTTGTCTTATG
TTTCCATCTGTTTTCTTTTCGTGGCATTCAATTTTCATTTTTTTCCTTTTCA
TTTTTCATGTTATTTTCATTATTGGCAAAGAAAATCAAAATGTTTATAGCC
AAATAACAAATGTGCCATGTAAAAGTAAGTCTGGACTTAAGAGTTTAAAA
TTTTTAAACATCAGTTTCCAAGTTTATATCATATTAATACATTTTCAGTGG
ATAATTTATTTAAAAAAAATACTATGCCTTAATATCCCTTATTTGCAATA
TTCAGTATCAAATTAGAGCATTTTGA

>Sequence 1794

AGGTACTTTCACCTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAAGCATC
ATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTACTTAACAG
TTATGTGACCTGGGACAAGTTGAAGCCTAAATGTCCTCATCCATAAAATG
GAACTTAAGTAAACCCTCATAAGGAATGAACGTTAGTGTTGTTGGACAA
CTTGTTTGGACCCAGAAGTGGGGGCAAGTGAAAAAAATTGATGGCACAT
TTCTTGGAATTAATCCTTTATAGTTCTTCTAATGGGTGGGGGAAGAATC
TTGAAAAAGCCCGTTTTTCTTTTCCCACCTTCCCCATTTTTTGGTGGT
TATGGTATTCTTGCCCTCCCACCTGATTCTTGCCACAGGGTGAAAGGGGA
AAGTTGGGTTTGGGTAAACCTCTTCTTGGGGCACCTCAAGGGATTCTTCT
TACCACTTTGGGGTAGC

>Sequence 1795

AGGTACACCTGAAGCCGGCCCTGATTTTTCATAATTCTCACTCAGGTTATT
CATGGCCATTAAGGCTTTTTCCTTAATGTGTGGATCAGTTTGTGATCA
TGTTTGCAATAATTGGGAGGCCTCCCAATTTGCGGATTGTCTCTTGATTG
CATGAATAATTGGCATTGTTGCTCAGAGTGAGCAAAGCTACCTGTTGGAT
GAAAGGATCATCAGATTTCTGAAGCAAGGCAAGGACCTTCCTGAGATCGC
GGACACCCAGAATCTCATCAATTTTCATAAGGAAAGGGGCGCTTCTGCATG
GCAACGGGTCTTCTTCCCCTCCCTCTGCGCTGGGTCTCGGGCTCAGAGTC
TGAATCTGACTCTGTGTCAGTCCACCCGGACTCCCCTTCCTCAGAATCAG
GGACCTCTGCCAGGAAAGCCTGTCCGCCATTAGCAGAGGCTGCAGCAGCT
GCTGCAGCCCCATCTCCAGGACGGAAGCCCATCCCCAGTTCGTCTACTTC
AACTTTGCT

>Sequence 1796

CCGGGCAGGTACTTTTTTATTTTCAGATCCATATAATTGAACTATTTTGTC
TAGTTTTTCTACCTTTCTTCTCCACACTTCTGCTAAAGGGATCCTTCTA
AAACCCAAGTATAATGACCCCGCGTACTTCTTGCCCTTGTAAGATTTCCT
GAGGTTTTCTTTTTGGAGTCTGGGTAAATAACATGTGAGAACACGGGCAA
TGGATTTTCGGACGACTCGGATCTTATAGAGCTTTGGAGGCCGACCGTC
CTGTCACTTTTGGGCGACGCGCATCTGGTGACAGACTCCACCTTTCAGGG
TCGTCCCAACTGGTTTCAGCAGCTTCCTTACTTTTTTTTTTCCCCGCGAA
AGATTCTTCTAGGCCTTTGAATCTTTGGCCCCATTTGTTGGCACAAAAGC
TCGGACAAACGCCCCGGGCTGGACCGTTCCTTCGTGTTACACTTTGGTCC
GGTTTTAAGAACT

>Sequence 1797

GGCATTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTTTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGATGTGTGGCCTCAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTCTGTATCATCAGGTCCTTCCCACCATGCAGATCTTCCTGGTCTCCCT
CGGCTGCAGCCACACAAATCTCCCCTCTGTTTTTCTGATGCCAGCTTCTC
GGCACTTGCTATTTCTCCCCGCGTACCT

>Sequence 1798

CCGGGCAGGTACGCGGGGGTCTCTTAAAAGGCAGTGTGGGAAGACACTT
GACAGAGTGTTTTGAGAAAGAAGTGGTGGGACGTCAGTGTCTGTGGAAAA
TTTCAAGGAAAACGAAGGATCATTGAGTATGAACAGTGTGGTCAGAATT
TGAGTACACTCTTGATTGTTTTCAAGTGAGCTTTTAATTGGTAGGGAAAA

Table 3

333/1077

AATCTGTTCAATTTCTCAGTGATTCAATTAATTTGTTTACAAGCTCACAAG
AAATTGTTTCTTAACAGGTGATTCTGCAGGCCATTCAATTGATTTATTTT
TTGGGTTGTTTACTTGGCTTACTTTCCTTGGGGGAATCCGGATTTTGAAT
GTTGGGCTGGGTTTTTTTGGCCCCCCTTTTGTCTTGCCAAAAAGTGGGT
TTTAATTAAAGGGTATTCCCTTTCTACACACTCAACTCCCGCACCCCTTG
CAACCAAAAAAGGAGTGTAAGTAAAG

>Sequence 1799

AGGTACCATGGACTTCAAAGATTGGGAACAGGTGGGAATTGCCTTAAAAC
AAGTTTGTAAAGGAAGGAAAATTTATCCCCCTAACAGCCTGGTCAAACCTGG
GCTATAGTTAAAGCAGCCTCGGAACCGTTTCAATCGGAAAATGAGGCTTA
TCCTCCAGCAGAAAGAATTTCTGCAGAGGAAGGTGGTGATGCTGCTGAAG
GAGGAGAGGATAGTGAAGAAGATTTTGAGGAAAATACAGACAAACCTGGA
GATGAGTTAATTTCTTTTGAGGAGCACGTGGGACCTTCAGCTGCTCCTAA
AATAGAGAAGCCATATATGCCAAGATGTTTAAAACAAAGAAGGGCCTTGA
GGAGCAGTCGGCTCCTTATTGGGATCATCCGGAGTGGCCGTCTCCAATTA
AAGCAATGTAGCTTGGATCCTTGTAGGTTTGAA

>Sequence 1800

AAGCCACTGCAATGACGCCGGCATTGGCGGCGCCGAAGAAAGCCTGCTCG
ACCGGATCGGTGAGGGTGGTGCCGCGCGCTGATCGAGAAGTTGATCACGTG
GACGCCGTCAGCGACGGCCTTCTCGATGGCCGCCACGCTGTCGCCAACGT
AGCAGCTGTTGCGC

>Sequence 1801

CCGGGCAGGTACGCGGGATCAAAATGTTAAGTCAAATCTGTAATACTTTG
GCTAAAATTCATAAAGTAAGCCCTAGAGAAAATACTTGACCACCAAATTT
TTGCCCAACTATCATCACCTCCCTTCCCCCGCCTCTGTTCTTGCCTTTTG
ACATCTACATGGAAGACAAGTTCTTTACAGCAAATGGTAAGAGGCAGGTG
ACCTGGTGTGTTTGCTGTGTTGTAGTTCAATTGCCTGTGGCTTGGGACTCC
TTTTTTAATGGAGAGACTAGCTGTGCAGGTGTGTGTTGGATAGGGATAAA
GTGCTCACCCCTGCCCTCTCTACAGTAGTTGGTGGTAGATTTCTCTCTCA
TTTTGCCTCATAATCACTTTCGAGTGCATGTATTTACCTAAGGGCTGTAG
CTCTGTGGGATGCTACCAGCATATTGGACTGACAGAAATTGATTACCTTG
CCTCTCCAACCTACGTACCT

>Sequence 1802

CCGGGCAGGTACAAACTCGGGCCTCACTTTTTTTCTGGGACAGCTGTTTG
CCCTGTGTTACAGAATGCATGTGAGGACTAGATATTTAAACATATGATGC
CTGGCCACAGAGAAGGTATTTGTAATTGGATTCTTCTGGACCAGCCCCAA
CCTTTGAAGTTCTAGAATTAGGTGCCCCCTTTGCCCAAAGGCTATCAGCT
ATTGGAGGGGAGGGTGGCAGTATGTCCCTCACTGGGTAGCCTGTGAACAC
TAACTGACTTCACCAGTGTAAGTGCCTGGCACAGGGCCCTGGCACAATA
AGAAGCCCTAGTCAAATGGTTGTTCTAATTTCACTTTTGTTAAGGTTGAA
TAGCTTTTATAAATGCATTTATTCTTCATCATGGGAAGGTCCTAAAGGAT
TTGTTTTTCTTTGGGGTTTTT

>Sequence 1803

AGGTACGCGGGGGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCTTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAAGTGCCTCCTTGGAGATATTTAA
ACATAAATATATACAGAGAGGGTGAAGATGGAGGAGTGCTTTTTACAGTT
CACAGTTGGCTTTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGCTGTGTTGCCAGGC
TGGAGTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTTCCCGGGC
TCAATCGATCCCCACCTCAGCCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCA
CACCACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCA
CCATGTTGTCCAGGCTGGTCTTGAAGTCTTGGGCTCAATTGGTCCTAGCA
CCTCAACCTCCT

>Sequence 1804

AGGTACGCGGGGGAGCCCACAGGTTTCCCAGTCGAGTCTGAGGCTGTGAT
GGGAGGATGGTGCTGAGACCTTTGGAACAGGCATTGGAAGGACTGCCGTG
GCCACACAAGGAAGCCAGGTATGTGATGACATCAACCGACGCCTGGCAAC

Table 3

334/1077

TGCTGCAGGGACAGTGGGCTGGAGGAAAGTTGTCAATACCTGTAAAGAAG
AGAATGGCTTTACTGGTGCAAGAGCTTTCAGGCCACCGGTGGGACGCAGC
AGATGACATCCACCGTTCCCTCATGGTTGACCATGTGACTGAGGTCAGTC
CAGTGGATGGTAGGAGTTAAAAGAATTAATTGCCTAAAAGAGGGATCCTG
TTTTCAGAGGAAGCCAGCCAATGAAAAAGAAATCTGGACCCACAGCTTGA
G

>Sequence 1805

AGGTACGCGGGTGACTACCAGCATCCATACTAATCTGGGAGATCCAGGGA
TGTGCCTTGTTATGGAGGGGACTGTGACTCCTTTAAGACCTAGACCATCA
CTTGGGAGATTTGTTTTGGTCTCTGGGTGGATTGTGGATGGTAGACAGAT
CACAGGCCAGCATGACCTGGCTTTGGCCTTGCTGGTTATAGAATTTCTAT
TCTGCAGAGCTAAGAGTGCAAAGTAGGACCAACATTACCAAGAGGACAGA
AGCTATCTGGGGATCCTGGCTGGCAGTGCTCAACTTACAGCTCAAGCCTG
TGATAACAGGAGAGGTGGAGTGTGTTTTGTGCTTCATTGTGCATGTGTTT
CAAGCAGAACTAGACTTGAGGGCTTAAATAGAAAACATCTTAAACAATC
CA

>Sequence 1806

CCGGGCAGGTACCTGCAGGCCTCCTACACCTACCTCTCTCTGGGCTTCTA
TTTCGACCGCGATGATGTGGCTCTGGAAGGCGTGAGCCACTTCTTCCGCG
AACTGGCCGAGGAGAAGCGCGAGGGCTACGAGCGTCTCCTGAAGATGCAA
AACCAG

>Sequence 1807

AGGTACGCGGGGCTTGGGAAGATGGCGGCTGTGTGCGGTGTATGCTCCACC
AGTTGGAGGCTTCTCTTTTGATAACTGCCGCAGGAATGCCGTCTTGGAAG
CCGATTTTGCAAAGAGGGGGATACAAGCTTCCAAAGGTCCGGAAAAGTGGC
ACGACCATCGCTTGGGGGGGCCTATAAGGATGGCATAGTTCTTGAGCAG
ATACAAGAGCAACTGAAGGGATGGTTGTTGCTGACAAGAACTGTTCAAAA
ATACACTTCATATCTCCTAATATTTATTGTTGAGGTGCTGGGACAGCTGC
AGACACAGACATGACAACCCATCTCATTTTTTCCAACCTGGAGCTCCACT
CCCTCTCCACTGACCGGTTTCCCAAGATTGTGACAGCCAATCGGATGCTG
AAACAGATGCTTTTTCAGGTA

>Sequence 1808

AGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCAGTATAACAGCTCTT
TATTTCTGTGAGTTCTACTAGGAAATCATCAAATCTGAGGGTTGTCTGGA
GGACTTCAATACACCTCCCCCATAGTGAATCAGCTTCCAGGGGGTCCAG
TCCCTCTCCTTACTTCATCCCCATCCCATGCCAAAGGAAGACCCTCCCTC
CTTGGCTCACAGCCTTCTCTAGGCTTCCCAGTGCCTCCAGGACAGAGTGG
GTTATGTTTTTCAGCTCCATCCTTGCTGTGAGTGTCTGGTGCGTTGTGCCT
CCAGCTTCTGCTCAATGCTTCATGGACAGTGTCCAGCACATGTCACTCTC
CACTCTTTCAGTGTGGATCCCACCCCTCTTTCATCTCTGTATCCCACAAA
TAACACAGACACCCCATCCTATCTGTGTCCTCAGAGAAATTGAGTGATAT
GTCTCCAGGCATGGCCAGTATTTCCCAAGGACACAGAGAGGACAAAAATTA
CCCCATTTAAGAAACACTCTGGGCTACACCTGTGTCTGCTGAATTCTTTT
TCCTAACAACCCTGGACCCTAAACCCTAAGGCCAAGGGTTCCTAAAAGT
GGGGGGGCTTTATCTTGCCCTGTCATTTCCAGGGTCCAAGTTTCTCACTA
AGGGGTTTATAGGGGGGGCCAGGGGTGGGCCCCATGGGTTCCCCCGGTTT
TCCCCGGGGGGGCTTTTTAAATATGGGTTCCCCGGGGCCGGGATTTATTT
TAACTTTTTTTACCCCGCCC

>Sequence 1809

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCGGAGGTGCGTCTGTGGTGTGACACCTG
TGTCTCAGCTCTGTCTTCCTCGGGCTGGCTCCTGCGGATCCTTCCTGGGC
CAGAACCGTGCTCTAGGCCACCTCCCCCAAGCCACCAAGCCCCCGCGGT
GGGCCAGCCTTGGCCCAGTGTACGCAGGACAGAAATGACCAACAGATAA
CTGAGGACAATGGACCTGCCTGGGCATAGACTTCCTTAAGGTAAGTCCAT
TTTAAACCAACGATTTCTCGATGACATTATTTCTCCGTCGATGTTGGCAG
AAATGCCAGCATTGGGAAGGTAAACTAAAGAGAGGTAGGGAAGTTGTTCA

Table 3

335/1077

AGTTAGGCCTTTGTGATGAAATCACCAAGGTTTTGGG

>Sequence 1810

CCGGGCAGGTACTTTCAATAAAGAGACCAATATTATTTATAAAAGTAGCT
AAATAAATAAAAGTTTCTGAAATTTATAGCCAAAAGCATACGTTCAAAAA
ATAACATTTCTTCCTGATTAGAAGAGCCCGCGTACTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTGGAGGGTTTAATGTTTCATGACTGGTAACAGATTAG
TTTCTAGGGGATCCTTGGAGAACCTGTTCTGACTTTAGAAGCACTTCCTG
TGGACAATGGAGGGCCCTGCCTTATCTTTCTTAGGCTTGCTTATCCACAT
CTGCTGGTAGGTGGATAGAGAGGCCAGGATTGAGCCCCCGTTTCCAGACT
GTGTTACAAAGCCAAATGATTAATATATGTTTTTGTGATGTCTTTAGTG
ACATTTTTGTTCTTTTCCATCTTATCA

>Sequence 1811

CCGGGCAGGTACGCGGGCCCCAGACATCAACCAAAAAGTGTATCTATCCT
ATTTGGTGCTTAGTTCATTATTACACATCTAGGGAAGGAACAGTAAAATT
GTAATGCTCATGGTTTAAGCATAGCATATTCTCAGTGTAGGAAGAAAAAA
GAACAAGTGTGCATTTGTTTTGGCACAGGACCTTTTGAAGGTAAAGAGC
ATACCATGGGCTTCTTATTTTTCTTTATCTTGAAACATATTTTCTTACAG
CATTGTGAGTTACCAGATATTATGCACCTTTATTATGCCCTCATTATTTA
TTATATAAATACACATGTTTACTATTTTATCTAATTTTACCTTTAATTTC
TTTATAACACTCTAAACCAATTTATAGACATTTTATAATATTACTTTTT
TAC

>Sequence 1812

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAAAAGATGGG
GTTTCTCCATGTTGGTCAGGGTGGTCTTGAACCTCCAACCTAAGGTGATC
CGCCCGCCTCACCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCAT
GCCTGGCTTAAAGAGATAAATAATTAAGGGATCCTTAAAAGAAATGGAAC
AGTTTGTAAGAAAGATAAATTTCAAACCTTTTGCTAGGAGGGGAAACTAT
TAGGGCTACATACTCTATAATTCTAGAACCATTTCCTTCAAATGCTTCT
GGGTGACCTTTTCAAATTAAATTTTAAAAAATACAGTAAAAGATAGCAGT
GTCAGTTGTTTGTGGGTGAAAATATAAACCCAACACTGGATATAATACAG
ATCAAAAAATTTTAT

>Sequence 1813

AGGTACGCGGGGAAGAACAATGTGAACTATCAAACCAGCAGGACCTATTA
CTATAAATGAGAGGGAGGAAGGACCAAGGATGCTTCTTATGTAAGTGCCT
TCTATTCCTGGGTGACTGGTTGCACAGTCTCCTTAGAGAATCCCGGAACA
GAGAGAATATATACCTTCCACTGGAAGAATCTCAAACAGCGCTGCTTACT
CAGGATCAGTGGCACCAGCCAACCTCAACTTTGGGACAAACCCAGCCAAGT
GACCAGGACACTTTAGTGCAAAGAGCTGAGCACATTCCATCAGGGAAACC
AACTCCAATGTGCGCCCATTTGTAACCAGGTTATCAAAAGACCATTTCTAA
TGGCACTGGGGGAAATCTTGGTACCCCAAAAAAATTCAACTGCGCTCACT
GCAAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
GAG

>Sequence 1814

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGGGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAAGTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTTCTGCTTCCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCCGTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACAGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGTATCCTAATTCCTGACCCACTGTGAGCATTAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTTAAAGAAACCTCTGCCAGAT
TACTG

>Sequence 1815

TGATCACTACTATGGTCAATTGAAGCTAATCGCGGTGGCGGCCGGCCGGC
AGGTACTACTGCTGTCCACATGCTCTCCATGATCCTGAAGAAAAGTTCT
GTCAATGGCTCCATCCATTTCTGGCTCTTGGGAGGCTGAGGCAGCAGAA

Table 3

336/1077

TCGCTTGAACCCGGGCAGCGGAGATTGCAGTGAGCAGAGATGACCATTGA
ACTCCAGCCTGGGCGATGAGTGAAATTCCATCTCAGGCTGTTTCTCGTTC
CATACAAAATGGCTGACCAAGTCCATTACTGGGAGCTCTGCCCATCCAGA
AGTTTTCTCTCGCTCGGAATACAGCCACTGAAGGAGGTAAAAGATATCT
ACAAGTAGAAGTTTGATATTATTA

>Sequence 1816

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATTTTTTTTTTTCTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTAGCCACACTGGTTTTTGTAAAGACCTCATCAGT
CCTGGGTGCTTGCCCTCAATTCCTCCATAGCTATGTTAGCATATTTAATA
TCTTTTGCTATTAATCCTTAAGTAACTAGTTAATCCTTAAAGGGCTAGTTAATC
CTTAAGTCCCTTCATTTTGTGCATTATCTTCCAGTATTCTCCTTCTC
TTTTTTTACTTCTTCCCTGCTACCCATGTGCTCTTGGTGGGTAGTTACCA
ACATATACAGAATCTGCTTCCCTTGCAGCATTTCAATTGCATAAAGACT
GGATGGCA

>Sequence 1817

CCGGGCAGGTACTTTTTTTGGATACAATTTTCATAGAAAACAGCAAACAAC
AGTTTTATAGGAAAATCTACTGCTCTCCACACTTCTTTGTATTTAGAAGA
GTCTTGATGCTTCTAATCAGGCACCCAGAATTCCCCAAATACTGACAAAT
CAAGCGTAGTCTATGAGGATCTGGCTCTTGTCCCCACAGTCAGTCCTCAT
GGGGCGGTGGGCAGGGATCATGAGGTTTACTCCCCCTCTGATATCAGGAG
AAATGTCACAGACTTTGGGGGAAGGGAGCAAGGATCACTTGGTAAACCGG
GGCTCTCAAGTGGACCTTGTTAGTGGAAACGACTCTCAAGTCACCCAGGG
GCAAGGACGGTTCCCTGCTGGCCTCCGGCCTGCTTGGCCTGGGTACCTG
AACACTCACGCTGTCCTGG

>Sequence 1818

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAGACAAGGTCA
CCCTATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCTGAGCTCAAGGGATCCCCC
AGCCTCAGCCTCCCAAAACGTTGGGATTACAGGCATGAGTCACCATGCCT
GGCTTAAATTAAGTTTGTAGGTTCAATAAATCCCAATAAAAATCCCAGCAG
ACTTTTTTTTTTTGTGGAAATTGACACGTAGATTCTAAAATTTAAATGGA
AATGAAAGGACTAAAAAGAACAAAAGACAAACTTGAAAAATAGGAATTTG
GAGGACTTCAGTTACCAAATATCAGGGTATTACAAAGCTACGGTTATTTA
AAAAGTAAAAGCAACAGCATGGTATTGGTGCAAGCATAAAAAATAGAGA
AAGAAAAACAGTTTTATACCCCGCGTACCT

>Sequence 1819

AATATTGGCCAGGTCTTCGTCGGCGAAACGCGGTGGGGCGACGGCGGGCGG
CAACCGGCTCCTGCAGCGGCGGACGGTGGCCGGTCAGGGCCGAATGGCAT
AGCAGGGCCAGTTCATTCAGATCGGCGGGAATACGCGCGACAGGCAGCC
TTGCGCACGCAGGGTGCGGATAGTGGCGCTGGAGCAAAAGCGGTACAGCA
CAACGACCGCAGCCACGCCGCTTGCTCGCGCGCGGCGGCAATGGCCGGC
ATCACCCGTTTCATCGAGTTCGGACTGCTCGATCACCAGCACGTCGGCGCC
TGTATCACGCGGTAAGTCTGCGCCATCGCAAGGCCAGCGCTGTGGCCGC
GCACATCCAGTCCAAGGGCGCTCTGCCCCATGGCGGCAACT

>Sequence 1820

GTCATTAGCTTGTTTTCTTGGGGTGAAAAATGGTTATTCCGGCTTCACA
AATTTCCACCACCAACATTACCAAACCCCGGGAGGCACTAAAGGTGGTAT
AAGACCTTGGGGGGTGCCCTAAAATGAAATGGAAACCTAACCTTAACATA
TTAAATTGGGCGTTTTGCGCTCTACACTGGCCG

>Sequence 1821

AGGTACCATGGACTTCAAAGATTGGGAACAGGTGGGAATTGCCTTAAAAC
AAGTTTGTAAGGAAGGAAAATTTATCCCCCTAACAGCCTGGTCAAACCTGG
GCTATAGTTAAAGCAGCCTCGGAACCGTTTCAATCGGAAAATGAGGCTTA
TCCTCCAGCAGAAAGAATTTCTGCAGAGGAAGGTGGTGTGCTGCTGAAG
GAGGAGAGGATAGTGAAGAGGATTTTGAGGAAAATACAGACAAACCTGGA
GATGAGTTAATTTCTTTTGAGGAGCACGTGGGACCTTCAGCTGCTCCTAA
AATAGAGAAGCCATATATGCCAAGATGTTTAAACAAAGAAGGGCCTT

Table 3

337/1077

>Sequence 1822

CCGGCAGGTACTATAAGCTCCTACCTAGAAGACATAATACTGAATACCGA
AGCGAATACTGCAGAAGAACAAGCCAGGGCAGAAATAGAGAAGATGGCTG
AGAAAATCAATGACATTGCTTATGAAATGGAAAGCCGCCGAACCTATCTT
CAGTCAGAGGAGATTGGGTTGCTGAGTTGGTTTATTAGTTTTCTGGATNN
CCCAGTAGGTGCAAAAANNATACTTTGTCAAAGAAAAANAGTGGAGGGAACG
CNNACAGCGGAAGACATGATTCTGTGGGCAGCCCATGCAGATGCATCGCA
CAGTTACCACGGAAAGGGCATGGTTCAAAAAGAAATTATACTGAGGGGAG
AGCAAGGATGAGGGGCTCAAATGCNNTGCCATGGNNTACTTGAGAAAAG
ANNACTCAAAATGAAGAACCCAACAGCTAAGATTGGTGATTTTTNTGG
TAAAAGAAGCTTGTACNAGTTCAAAAATATGTGGCAAGGGAGGGCGTAAG
GGGCTTTGGTTCACCACTGTAGACATGCCAGTGGCCATTTGCAGGGGGCAT
ACCAAGGGTAGTGTCCGTGCCGCAAGAAGTAAACCAAGCAAGCTTTGGGG
GAAGCTGGGGAAGGTGGGTCCGCCCATTTAAGGGTCAAGGTTTCTTTCCT
TTATCTTGAGCCCAAGCAAGGAACCTCCCCCCTGGAAGCCGCGGCGCTT
TCATCCCGGCTTGCTTGGTAGGAATTCCCAAAGAAGGAAAGCGGGAGACC
TTGAAGTTCCCTTTAAGCCGGCTTGAGGACCCTTGGAATTGGTTTGGGGG
TGAGGCCCCAAGGGGCGGGAGGCGCAAACCCCGTGCGTTTGGTTTCCAA
GAAAAATGTGGTAATAAGCCGGGTACCTTTGGGCCCCGTTTAGAAACTAA
GGGGAACCCCCCGGCTTTGAGGAAATTCGATATTAAAGCTTATTGAACCC
CGTCGAACCTTGAGGGGGGGGGGCCCGGGACCCCAATTT

>Sequence 1823

AGGTACACATTTGACTTACTGCACAGTATATTGATCATTTTAATGGGAAA
CTTTAGCTTTCTACTTTTTATTGTTTTTCACTTTCTATGCCATTAT
TTTTGTATTCTTTTCTTAGTGTGAGCTCTAAAATCAATGTTCTTGAAAA
AGAAATTATTTTGCAGAAGTTGGGGAATCATGTTTGTGTAATATGTATAA
AATAGAAACATAGGCTGGGCGCGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCTACACT
TTGGGAGGCTGAGGCAGGTGGATCACCTGAGGTCCAGAGTTTGAGACCAG
TCTGGCCAACATGATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAACATTGG
CTGGGATTACAGGTGTGAGCCGCAGCGCCCGGCCAAAAAAAGGAATTTT
A

>Sequence 1824

AGGTACTTTGGGAGGCGGAGACGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAG
ACCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAAAATAAA
AAATAAAAAATAAAAAACATTTCTGGGCATGGCGGCGGAGGCCTGCAGTCC
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAATTCGGGAGGCGG
AAGTTGCGGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGGCAG
AGCCAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGCCA
CTCCAGGCTCACTGCATCAGGATTTGCACTGCAACAGCATGCCAGGGCA
CAGTCATGTTTGAGAAATACGGAGGACCTCTGAAGTGCTTGATTCTGTGA
ACTCACACTGCTGTAAGCAGACTTGT

>Sequence 1825

CCGGCCAGGTACACAATAGGATATGGGGATATACAATGAGGAATCAAACA
GAGAAGTAGCTCTGCTCTCAGAGAATTTATATTTTAGGGGGGAGAAGACAC
AAAATAATTAAAATTAATAAATAAAACATATAGTGCGTTATATGGGGGGA
GAGTCTTTATAAGGGCAAAATTAAGGCATAAAACGGGAAAAAGGGGCAG
TGGTGATGGTAATGAAATGCTGGTTGAGATTATTCAATTTTTAAATAAAA
GTCCATTTTTAGGAAAATGGGCTTCACCTGAAAAACTGTGCACCATTTTG
TATCCAAAATTATCCTAAAAATTCCGCTAGGGTTTAAAAGACCATACTTG
GCAATGTTCTCGGTGAAGCAATGTAAAAGGGCCTCCATTAAAAGGAGGGG
CAAATTTAAAATGTCCACAAAGGCCCACTTTAAAAGGCCTGGAAAAACC
AATAGACTTTTCCAACAATGAGATTGGCAACTAAAAAAAATTACAAA
ATATTGCCTTTTACATGTTCCCAAAACATTGTAACATAGCCAAT

>Sequence 1826

AGGTACGCCAAAGGATCCGATTTGCATAGCGGAGCTCCAGCTGTTGTGGG
AAGAGAGGACCAGCCGGCAACTTTTATCCAGCTCTAACTTTATTTTCCTC

Table 3

338/1077

CCAGAAGACACTCCCCAGGGCCAGAAATAGCGACCATGGCGAGGATGAAG
TCATTGCTGTTTCCGAAAAGGTGATTGTGAAGCTTGAAGACCTGGTCAAG
TGGGTACGCGGGATACCAAGTTTATATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AGTACCTGCCCCG

>Sequence 1827

AGGTACTGGGGTGAGATGATCTGAAGGGTGTTCCTCAATGAGAATGACACA
AATACCAAGGACTGGAGAAGCCCTTGGAACAATTGATAAAGCTTCCCACA
TTTTTTTTTTTTGAGATGGAGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGATGCAA
TCGCATGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGAATCAAGGAATT
CTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCTCCCACCACACC
TGGCTAATTTAGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGTCAG
GCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCTGCTTCCGCCTCCCA
AAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCTGGTCAATTTCCCACA
TTTTCTTAAGATTAATGTTTGGCCTACAAAAGCTCAACCCAAAGCTATCT
TATCAAGCTGGTATGGAATCTTTATTTCAGCAAGGTGATATCCCCAATAT
GTAATTCAACCTTTTGTATTATCCCATAAATTAGTACCTGCCGGTTNNGGN
GTTCCCCGCCATTCTAGACCTTCGGATCTCGCGGATTGGGGTACTTCGT
GTCAATCCTTTACATGCTGTAGCCTCTGGGGAAGGCCCGTTTTTCAGCCA
TTATTCCCTTAATCGGGGGTTATTCGCGCCATTCGGAATACTGCGGAAC
TTGTGTCAATTGGTAATTATTTGCGTTCCTGTTCACTTAGTTTCACCC
GGGTCAATTAGGTAATCCCGTCGTCCTCTGGATAAACCATCTAATTCTGT
TACTTCAATCTTCCTTCGCATCGCGTAACTTATGCG

>Sequence 1828

CACCCACATTATACTTTAATTTTCTTACTCATCCACGCATACCTTACTAT
TTTCGAGATATTCCGGTTTTCTCTTTCTTCATCCTACACCGTCATATTTT
CTCTTTCGGACNCNTNCTTTNTAACAAGCCTC

>Sequence 1829

CCGGGCAGGTACAGAGCAGAGAAAGCCTTAAACAGCAATAAAATGCAGAT
GCTGTTGTCCCTGAAAAAATCACTTTCTTTCTAGAACAGTCAAGGCTTAT
TTCACCTCAGCCCCCTGGTTGTATGATACTAATACGCTCTGATACTCCAGG
GAAGCAACCAGTGAAGTACTGAGATTTGAGGATTAATAATCAAAGCACAATGAAC
TATCATTTGGCTGCCCCAGGCCCACTAAATCCAGACAGCAAAGTGTTCTC
ACCATTCTGAGACACCTTCGGCTACACATTTCTCCAGCCAAAACCTAGG
AAGATGTCCGGCTGACAGATGCGCCTGTTACATGATTGAGAGAAGACAGT
T

>Sequence 1830

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCACTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAAG
TTTCACCATGTTGCCCAGGCTGAATCTTGAGCCTCCCTGAGCCTTAAGTG
ATCTGCCCAACCCTTGAGACTCCCCAAAAACGCCTGGGAATTAATAGGCG
TAAAACCATCCATGCCCTGGGCCTTAAATAAACCTTCTAGAGTCCAAA
CATCTTCTTTATTCACGTGAGAGCCTTTCTGGAGAAAACTTCCATCCAC
CGTGGGGTGCCTCTTCTTTTCGCTGAATGTGGTTTGTGGCCCCCAAATA
GCCTTTGTTTCCTCAAACAAGAATAGACTTTAATTTGGCTAATGGAATAT
AATAATACTTCAAAAGAAGCCTGCCTATTAATGTATTTACAATAACATTC

>Sequence 1831

AGGTACTTCTCTATTTTTTTTTTTTCAATTTCTGGCATTAAAAATGAAG
AAAAAGGAAAAAATTCAGGACAATTGACCCTTTGACCAAAATGCTAAGA
TGAAAATATAGACAATAGAAAGAAATCCCCAAATGATCAAGCTGTGAGAA
TTACCAAAGAAGGACTAAATAACAGCAATGATTGATGTTAATATTAACAA
GAAGATAGACAAAAAATGCATAAAAGATTGGATAATTCTGTCAGAGAATT
GGAATTTTAAAAAATCAAATAAAAAATTTTAGAAGTTAAAAACATAGTAAC
TAAAGTTAAAAACAAATGGGTTTTATAGCATAATTGACATGCACCAACGG
TTAGTGAATTGGAAGACAGGTAGTTAAAAAATTCAAATATATCCAAA
TGAACACGACTGATAATTTTAGGATAAACAGGTACCCTACTT

Table 3

339/1077

>Sequence 1832

AGGTACTTTGGGAGGCCGAGACGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAG
ACCATCCTGGCTAACACGGCGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAAAATAAA
AAATAAAAAATAAAAAACATTTCTGGGCATGGCGGCGGAGGCCTGCAGTCC
CAGCTACTCTGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAATTCGGGAGGCGG
AAGTTGCGGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGGCAA
AGCCAGACTCTGTCTCAAAAAAAAATATGAACAGAAAAAAGAAAAAGCCA
CTCCAGGCTCACTGCATCAGGATTTGCACTGCAACAGCATGCCAGGGCA
CAGTCATGTTTGAGAAATACGGAGGACCTCTGAAGTGCTTGATTCTGTGA
ACTCACACTGCTGTAAGCAGACTTGT

>Sequence 1833

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAATAGGAGATATGTGAGT
CTGTAGACCTAGGTTTTATTATACAAATATGCAGAACAAAATGTGTGTGT
CCATGTGAACTTTAAAAATTGTTATCTGTTTTTAATTGTATGCTCACAT
GCGGTTGTAAGTAATAATACAGGGAGGGTTTTTGAGTATATCTCTTTGTT
TAGCCTTTTTGATGTTGCTAAATGAGTAAAGCTGTTTAAGTATTTAAGTC
CTTATTGATAAGGGAGCCGAGGTATTTCTAAGCATTACTGCATGCCCGCG
TACTTTTTTTT

>Sequence 1834

AGGTACAGTTGCCATGGCTGGGCCCTGTAGACAATTGCTAAGCCTTTCTG
GTGCCACTATCCTTGCCCATATCTTTTCATACTGCCTTCATACCATGGAT
CTGAACTTTTGCAAGAATACCAGGATTAACCCCTGCTTGCCTGGATGTT
TTCCCACTTTCAGCTGCAAACATCTACCTAGACCAGCTCTAACCTTGCAG
GCCTTGGAGAGTCACTGCAAATATGCTGCCTGCAATCTGGCCATCTCATT
GTCTAGACATGACAGCAAAGACATATTGTTTCAATTGCATCTTTGGTTGA
ATTGTTATGCTAACAACCTTTAGTTACTTTACCTCGTATCTTCATCTTG
GTCCTGCCACTTTAACACTTTAAACTCAGTTTTCTCTTTTAGAGTAAA
ATAATAATGGAATCTACCTCCTATGGCTATTTTG

>Sequence 1835

GCGTGGCGTGCCCTGCCCGGGACTATTTTTTATTGTTTTTTTTCTTTTCT
GAGCACACGAGGGTCTCCACATTTGCATCGTGTGCACCCCTACGGCTTGG
TATGTGGCACGTTGGGTAGCCAANTACCTTCGAGNCCTTCTACTTCGACA
CGGCGCCTGTCGTATCGCATCTTCGCTANGCGGCGTACTAGAAGGAAGAT
ATTTCTCGTTCTCCCAATCTGCTTTTCAAGTGGCCTCCCCCACC AATAGG
TTAATTCCCTTGGCGTTGTATCCTTTTAACATGTTGGCCTATCGAGCCTT
TTCTTTATCTCCAGCCAAGCCTTGTGTGGGAGCATAGANAATTNTNNTC
TTTATATTTAGACCCTTAATATTNTATATGGTAAATGCCCAAGAGAATTA
GCCGCGGGGCTCTNTTTATTTTACCTTTCNNANCCNAACTTTTGTGGNCC
CCGNCCNACAGCCGCCCGTTTTGTTAAATCTCCTTTCCCAAAACNAATCC
TTTTTTTTTCGGTTGGTGGCCAAACCTTTNTCTACTACAGNNGTGGGGAAA
TTNGCNGCGTTTCCTNACATAGGNGCTACGGTTNGCNGCNAAGACCCCCC
TTTTCGNCCTACCTGGGAATAAGGAATGTGGCACCAGTTGTGTGGTGTG
CAACATCCTTAAACCACAAAATTTGGTNGCTTTCTTTCTGGCGTTTGCGA
NAGGTGGTGAAAAANNAANNTTTAANTTGNNTNNTTNTATTNTTCNNC
CTGTGCCCTTATTCACAACCATTAAACACCATTTGTTNTTTCTATTTNACA
ACACCTTTGTCTGAAATCCCTTCTTTGGAGGGGTGCTTG

>Sequence 1836

CCGGGAAGGACGCGGGGATTCCCAGGAGGCCTCAGACCCCGTCACCTGAG
ATGAGAGCTGGATCCCGGAGAAGCTCAGGTCTGACCCAGCATTGCTGCT
GTAGGAAGGGCTCGTCTAGACTCCAAGGGAGCCGGGTGCGGTGGCTTAAA
CCTTCTTAAATTTTCTATAATTGCTGAGAAAACAAACATGGATCCCTGCT
CTCATACCCAACTTTAATCATGAATATAATGCTTTTTATTGACTTTCTT
ATTTTTAAATAAAACCTAACCTTGCCTAAGTCTTTATTACCTGTCATAGA
TATATTAACAGGGACCCCTTGCCCTCTTCTAAAAAAATACTTCGATATT
TTCCTTTCTGAAGCTGCCAATGAATTCTAATAATATTCCTTTGTTTCAAT
CTAATATTTACCTTTTAACTCTCTGCTGTGAGTGCACTCCGATCCCCCA

Table 3

340/1077

TTTTATTTTTTTTAAATAAAAA

>Sequence 1837

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACGCGGAACCCGGCGCGGCGGGCGGCACGATG
GTCATGGCGTATTTTCGTCGAGAATTTTTGGGGGGAAAAAATAGTGGCTT
TGATGTCCTCTACCATAATATGAAACATGGACAGATATCAACAAAAGAAC
TAGCAGATTTTGTAAGGGAACGAGCTACCATAGAGGAGGCATACTCCAGG
TCAATGACAAAACCTAGCAAAATCTGCAAGCAATTATTCACAACTTGGAAC
ATTTGCACCAGTATGGTGATGTATTCAAAACANTCTACANGAGAAATTAC
GCCAAATTGTCACTTTGGATCATTGTTAGAAAAATTACCAAGAATTAATA
AAAGGAAGTTTCAAC

>Sequence 1838

AGGTACAGCATCCTGGAGTGGTGTCAAGGGAAAGAAACATGCTGCTTCTG
CCACAGACGGACCATGCATGGGAAGAACTATTTGAGAATGGCTCTCCAA
GGGGCTGGTCGGCCTTGTCTGCCCACTCCCTCTACCTTTCTTTGTTCTGT
TTCTTTCTCTTCAGTGTTGGTCCATTTTCCTTTTTTCACTGTTGCGTGTT
AGCACATCATTACTCTTATCTCCATATATTTGGATGTTTCCTGCATTATG
GTGAGCTTCAGTAGGTCTTGGATGAGTTAGTTGTTCTCATTCCAAAATGT
AAATTTCTGGTGTTTAGTAGGTGCTCAGTAAAGCTTGAGAAAGATGAAAG
T

>Sequence 1839

CCGGGCAGGTACTTTAACAAGTAAACTAAGTTGGTTATAATGTGACAAA
AATACAAGCAATAATAATAGCAAAATTATCCAATAGGAACCATGCAGAGA
GTTTTATATTATAACTCATGTCCCCTTTCTGCAATGTTATTAACCTCTA
TCCCCATTTTCCACATCAAGGAAATTAAGTTTGGAGACACAGAGTGACTT
ACCTAAGTCACAGGTCTGGTAGGTGGAGAGTTTCTCTCACTCCAGGGACC
ACAATCTACAAAATAAACTTGCATATTCTACAAAATATTTGTTACCATTG
GAAGTAGGTAGGCAGAGTGTTACTAGCATTAAATTATGGCAGGAATAAAA
AGAAAGGGTGGTGGGCTGGTCTTGCTTCTGCAGTTTAAGGGGGATCCCTG
CGCCGN

>Sequence 1840

AGGTACGCGGGTGACTACCAGCATCCATACTAATCTGGGAGATCCAGGGA
TGTGCCTTGTTATGGAGGGGACTGTGACTCCTTTAAGACCTAGACCATCA
CTTGGGAGATTTGTTTTGGTCTCTGGGTGGATTGTGGATGGTAGACAGAT
CACAGGCCAGCATGACCTGTCTTTGGCCTTGCTGGTTATAGAATCTCTAT
TCTGCAGAGCTAAGAGTGCAAACTAGGACCAACATTACCAAGAGGACAGA
AGCTATCTGGGGATCCTGGCTGGCAGTGCTCAACTTACAGCTCAAGCCTG
TGATAACAGGAGAGGTGGAGTGTGTTTTGTGCTTCATTGTGCATGTGTTT
CAAGCAGAACTAGACTTGAGGGCTTAAATAGAAAACATCTCAAACAATC
CATGAAATGGTAAAT

>Sequence 1841

CCGGGCAGGTACTGGTGCTACACCATGCGCTCGTGGTTCCTGAGGGCACA
ATTCATTTCATTCGTGAAACAGGGCAAATTTGAGATTCAGACCTCCAAGGC
TCCAAGCTACATTGCTTTATTGGAGGCGGCCACTCCGGATGATCCCAATG
AGGAGCCGACTGCTCCTCAAGGCCCTTCTTTGTTTTAAACATCTTGGCAT
ATATGGCTTCTCTATTTTAGGAGCAGCTGAAGGTCCCACGTGCTCCTCAA
AAGAAATTAACCTCATCTCCAGGTTTGTCTGTATTTTCCTCAAAATCTTCT
TCACTATCCTCTCCTCCTTCAGCAGCATCACCACCTTCCTCTGCAGAAAT
TCTTTCTGCTG

>Sequence 1842

CCGGGCAGGTACTGCAATGGGCACTGAAGGAGACTGTGGAGGTCATTTAA
AAATAGTCCCTGAACTCTCCAAAGTGGGATTATAAGTGCAAAAACAGTGC
CCAGGATGAGTAGGAAAGCCACATTACAGATTGAAAGAAGGAAGAAGTTG
CATGCGATCTGGGGACAGGCAAATGTGCAGGGAGTAGGGGACATGGCAAT
GGACTACAGAATTAGGAATTTTGGTAGGTAGGAGTAGGTAGACATGGGAT
AATTGAAGAATTCCAGGTGGAAATAATAAAATATAAAAGAAATGGGAAAG
GAGGCATTTTGAGGGGAGAGTGAGTTGTTTGTCCACAGGGACTGG

Table 3

341/1077

>Sequence 1843

CACGCTGGTTTTGCATCTTCAGGAGACGCTCGTAGCCCTCGCGCTTCTCC
TCGGCCAGTTCGCGGAAGAAGTGGCTCACGCC

>Sequence 1844

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGAGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTCTGCTTCCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCCGTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACAGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGTATCCTAATTCCTGACCCACTGTGAGCATTAAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTCAAAGAAACCTCTGCCAGAT

>Sequence 1845

CCGGGCAGGTACTCATACAATAAGACCCTATACAAGCATTTAAGTAACGA
TGCAATACAATATTTACCAAAGTACGACATGTCCATGTTATATTGCTAA
GCTACAAAAAAGTCATATAATACTCTAAGATTCCCTTTTTAAAA
TAAATATAAACATGGCCCATATACAAAAGAATAGGAAGATAAATATATCA
CTGCATGGTATTATAGATTACTATTTTCTTCTTTTCATTTATGTATATCG
TCTCCATTTTCACAGTGAATATATACCTATTAGTAAGAGAAAATCCAATG
AATATCTTTTTTCTTTTTTTTTGAGATGGAATCTCACTGGCTGCCCAGGC
TGGAGTTGCAGAGCCGTGATCTCAGCTCACTGCAGCCTCCACCTCCCAAG
TTCACGCGATTCTCCTGCCTA

>Sequence 1846

AGGTACATGACTCCAGGAAAGTGATTCTCACCCCTCTGAGCCCCAGTTCC
CCCACCTCTGGCAGGGAGATAATAATACCTAACTCACAAGGTTGTTGAGA
GGGTTGGAAACAAAGCCTGCAGAGAACCTAACACATGATATACGTTTAAAC
AAAGGGCATCCATCTAAGACATTCAACCAGCATCGGCATTTGCAACAAGT
CAACCTTTACTTTTCAGGATTTCAATTTGGGGAAAAATTAAACATTCACCA
GCATATTTTTGTATAGTGTTTAAGAACATGAAGTTAGATTATTCAAACCT
CACCTTATAAGTTCTGTGCATTTTTCTCTTTTATGTCTCTGCTCCCTCA
CTATAAAAGTAGAACAAGAGTGCTTACCTTGCATGGTTGTTGTGCATGTG
AA

>Sequence 1847

CCGGGCAGGTACATTTTGGATTAGAATTGAAGTATCAGTCTGTTGTTTCT
TCATTTCTTCTTTTTCTATGCTCTGTTTACAATTTACAGCTACTCCAGAAG
CTCAGATTTTCCCTATTCCAAGCTATGAGATGTGATGCCACATTTGGAAT
TGCCTTCTTGATATCCCCTTCTGAGAATGCATTGCCTGCTTTTTAACTCA
TTATATTCAAACTAAGTTCATCATCTCTCTCTTACACCAGTTCTGA
CCCTGACTTTGCCATTTTCTTACTAAGTACGCGGGGGTTTTTTTTCTT
GCTGCAGCAACGCGAGTGGGAGCACCAGGATCTGGGGCTCGGGACGAGAC
TGCACGGATTGTTTTAAGAAAATGGCATACAAACCAGACATGGGGGAAAT
CGCCCGCTTC

>Sequence 1848

GCAGGTATTCCTCGACGATCACGCGCCGGCCATGCTTGCGCGCGAACTCG
AAGGCGCGCGCCACGGCGTCAGGGGAGACGCAGTCGACGGTCACGCCCTT
GCCCTGGTTGGCGTCCAGCGGCTTGATCGCCACCGGC

>Sequence 1849

AGGTACTTGAAAAGAAGCCCGGCCTCTGAGCAGTCACTCATTCTGGTAA
AGCCCTCGAAGTCTGCAGACTTCATGGCTGGCAGAAAGTCACAAGTGGT
GTTTTGCTGTGTCAGTGGCCTGGGAGAAAACCAGCAGCTGATGAGGCTGG
AGACCACTACATAAGATGCTATCATCATCCCCGACATGGCGAGTGATACG
AAGCCCAAACCACAGAGGATGCAGAGCAGTGAGAAGCCACCCACAGAGAT
GACCAATCCTTCCAATATTATGACCCCCAGCAGAGCAGCCAGGGTGGTAA
GCACCACGATGAGCAGGAAGAATCCAACAGGAA

>Sequence 1850

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGGGAGGCTTG

Table 3

342/1077

GCAACATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTTCTGCTTCCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCCGTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACCGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGGATTCTAATTCCTGGCCCACTGTGAGCATTAAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTCAAAGAAACCTTTGCCCGAT
TCACTCCAAGAAAAAAGTGTTGGGTGTTGT

>Sequence 1851

CCGGGCAGGTACCTAATAAATATTTTTGGCATATGTGAATGAATGAGTGA
GTGAATAAATAATCAGATTAGTTGATGAAAGATTCTAAGGGAAGATTAGG
TAATGTGATTATAAGAGAAAGATCCTGAAGAATGCTTGGGAATGGATCCT
TACTCATACATGAATTTTGTTCATCAACCTTATATTGTAGGGATCACAG
TTCATTTTGGTAAAAATATTGGGTCCATTTGAAAAATTTATTACAATTTT
TTCCAAAATGGATGTACAATCACTTCCATTTATTACAGGGTGTTCAAAAA
GTTTAGCTCTTTTCATGGACTTATTCAACCAACTGAATTCTTCATCCAT
GGGAAGGTTTTTTAAAGTAATTGGGATATGCTATTAAGCCTCAACATATG
TGCAAGTTCCTAAGATATGTGTCAAGCCGGTGGGATTTGAAAAAAGTGGT
TTCTTG

>Sequence 1852

AGGTACGCGGGGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCTTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAACTGCTTCCTTGGAGATATTTAA
ACATAAATATATACAGAGAGGGTGAAGATGGAGGAGTGCTTTTTACAGTT
CACAGTTGTCTTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGCTGTGTTGCCAGGCT
GGAGTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTTCCCGGGCT
CAATCGATCCCCCACCTCAGCCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCAC
ACCACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCAC
CATGTTGTCCAGGCTGGTCTTGAACCTTGGGCTCAATTGGTCCTAGCAC
CTCAGCCTTCT

>Sequence 1853

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTAAATACTTAGTATATAGACTGGGGCTGGGC
GCGGTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCC
GATCACTTGAGGTCAGGAGTTAGAGACCAGCCTGGCCAACATGGCGAAAC
CCCCGTCTTTACTAAAAATAGAGACACGTCACCTGCCTCCAGCCTGGGTG
ACAGAGTGAGACTCCATCTCAAATAAATAAATACTTAGTGTATGATAAAA
GCTAGAATAAACATACTGTTTTAAGTAGAATTCTGAAACAACCTCAAATT
CATTTAAACATACATCAATTGACAGTTAAGCAAGCTAAGCTTAAGCAAGT
TAACTTGTTTTGCCATTTCTATCAACCTAAGAAATAGGGAATTTTACAAG
ACAGTAAAACTATGTAAAAATATGGAGTTG

>Sequence 1854

AGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCGGGGCTC
AAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGGCACACA
GCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGGTTTCAC
CATGTTGCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCTGCCCCAC
CTTGACTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCATGCCTGGC
CTTAAATCAACTTTAGAGTCAACATCTCTTATCACTGGAGCTTCTGGAGA
AACTCCATCACGTGG

>Sequence 1855

CCGGGCAGGTACTAGATTCCAGTTCCCCCTCTCACAGCTCCCCTAGGTTT
CTGCTCGTAAGATGACAAAGTTGTGACTGTATGCTGACATGATTATTTTA
TTAATGATTGCTGCTCAGCTGAACTGTCAGCTCTGAAAGAACAGTGACAT
GTGGTCTTTCCATTGTATCATCTTCACTGAAAGGAAATAAATAAACAAAT
GAAGAGTTCTAATATATTTGGCTTAAAATCATATTACTTCAGGCCAGGCA
CGGTGGCTCATGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGTGG
ATCGTCTGAGGTCAGAAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACC
CTGTCTCTATTAAAAATACAAAAT

Table 3

343/1077

>Sequence 1856

CCGGGCAGGTACTCTATTTTCAGATTTCTCTCAAAGCTGGGCAGTTGTTAGC
GAGAATGACCAATTTTCGCTTTGCCTTGTCTGATCATCTTCAGAGTCTGCT
TGTACCACTGCGAGGCGACTGTTTATACATGAAAGCATCCATGATGAGGT
TGTAACAGACTTAAAAAGGCCTATGCACAGATCCGAGTTGGGAACCCAT
GGGACCCTAATGTTCTCTATGGGCCACTCCACACCAAGCAGGCAGTGAGC
ATGTTTCTTGGAGCAGTGGAAGAAGCAAAGAAAGAAGGTGGCACAGTGGT
CTATGGGGGCAAGGTTATGGATCGCCCTGGAAATTATGTAGAACCGACAA
TTGTGACAGGTCTTGGCCACGATGCGTCCATTGCACACACAGAGACTTTT
GCTCCGATTCTCTATGTCTTTAAATTCAAGAATGAAGAAGAGGTCTTTGC
ATGGAATAATGAAGTAAACAGGGACTTTCAAGTAGCATCTTTACCAAAG
ATCTGGGCAGAATCTTTCGCTGGCTTGGACCTAAAGGATCAGACTGTGGC
ATTGTAAATGTCAACATTCCAACAAGTGGGGCTGAAATTGGAGGTGCCTT
TGGAGGAGAAAAGCCCACTGGTGGTGGCAGGGAGTCTGGCAGTGATGCCT
GGAAACAGTACCT

>Sequence 1857

CCGGGCAGGTACGGGGGAGGGTAGAGTGAGAAGCACCAGCAGGCAGTAAC
AGCCAACCCTTAGCCATTGCTAAGGGCAGAGAACTGGTGGAGCCTTTCTC
TACTCCCAGGACTTCAGCACCTAAGACAGCTTCAAAACAAACCAGAACAA
GTTATGTTTCTGGGGAGCACGACTGGGTCGAGAGGCACATAAATGGACAC
CATAAATAAGGCCAGCTCCTTGTGCTCCTGACTCTTCTCAGTGCGCTTT
TTTTACAGACTTTGGCATGGCCTTTTTACAGGGCACCTTCTGCTCTCAGG
TTGGGTGACAGAATACCCTTTGAGGGAGCAAATGAACCTGATCAAGTTTC
ATTAAAAGAAGACATTGACATGTTGCAAAATGCATTATCTGAAAATGACA
CACCTATTATGATGTATCCAGAAATG

>Sequence 1858

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACACCACCATGCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTCAACCATGTTTGCCAGGCCTGATCCTTTGACACTCCTGAGCCTCAA
AGTGAATCTGACCCACCTTCGGAACCTCCTCAAAAATTGCTGGGAATTTAT
TAGGGCGNNTAAACCAACCATTGCCCTGGGCCTTTAAAATTCAACCTT
TTAAGAAGTCAAACCATCTTCTTTATCAACTTGGGAGTCTTTCTTGGGAG
GAAAACCTCCCATCCACCGTTGGTTGGCTACTCTTTTTCTTGGATGGTGG
TTGGTGCCCCAAAATTATGCTTTGTTTCTTCATCAAGAATTGACTTTAAT
TTTGGCTAATGAATTATT

>Sequence 1859

AGGTACTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGAGACGGGGTTTCACT
GTGTTAACCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATCCGCCCCGCCTC
GGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCACGCCCCGGCCCA
AAAGCATTTACTGTTAAGGCTGCCTCATTTTTTCAGCTTTGTTGTAGTTGA
GATTCTGATGTTACCTAACAAAGTCCCTGACAAAACAGACTTCCTTCAA
TCCAGGTCATAATTTGAAACGTTATACAATAATGAGATTTAAGTGATGAA
TGGAAGAGAAAAGAAGGAGACTGAAAAGATATCACAAATTTCTATTTGTTT
TTAGATTCAGAAAAATATAATTACAGGCCAACT

>Sequence 1860

AGGTACGCGGGGAGGGTAGAGTGAGAAGCACCAGCAGGCAGTAACAGCCA
ACCCTTGGCCATTGCTAAGGGCAGAGAACTGGTGGAGCCTTTCTCTTACT
CCCAGGACTTCAGCACCTAAGACAGCTCCAAAACATAACCAGAACAGTCAG
CTTCCGGGGAGCACAACTGGGCGAGAGGCACAAAATGGACACCACAAAT
AAGGCCCAGCTCCTTGTGCTCCTGACTCTTCTCAGTGTGCTCTTCTTACA
TACTTCGGCATGGCCTCTTTACAGGGCACCTTCTGCTCTCAGGTTGGGTG
ACAGAATAACCCTTTGAGGGAGCAAATGAACCTGATCAAGTTTCATTAAAA
GAAGACATTGACATGTTGCAAAATGCATTAGCTGAAAATGACACACCCTA
TTATGATGTATCCAGAAATGCCAGGCATG

>Sequence 1861

Table 3

344/1077

GGGACCCGAGCCGAAAAGTTATCGTCAGAATGTCGGGCAAAGACCGAATT
GAAATCTTTCCCTCGCGAATGGCACAGACCATCATGAAGGCTCGTTTAAA
GGGAGCACAGACAGGTCGAAACCTCTGAAGAAAAAATCTGATGCCTTAAC
TCTTCGATTTTCGACAGATCCTAAAGAAGATAATAGAGACTAAAATGTTGA
TGGGCGAAGTGATGAGAGAAGCTGCCTTTTCTAGCTGAAGCCAAGTTC
ACAGCAGGTGACTTCAGCACTACAGTTATCCAAAATGTCAATAAAGCGCA
AGTGAAGATTCGAGCGAAGAAAGATAATGTAGCAGGTGTTACTTTGCCAG
TATTTGAACATTACCATGAAGGAACTGACAGTTATGAACTGACTGGTTTA
GCCAGAGGTGGGGAACAGTTGGCTAAATTAAGAGGAATTATGCCAAAGC
AGTGGAAGTACTGGTGGAACTAGCTTCTCTGCAGACTTCTTTTGTTACTT
TGGATGAAGCTATTAAGATAACCAACAGGCGTGTAATGCCATTGAACAT
GTCATCATTCCCCGGATTGAACGTACCT

>Sequence 1862

CTTTATCGACTACTATAGGGTGACTTGGGGCGACATCGCAGCTGCACCGC
GGTGTACGCGCGATTACACGGAAGGTGGTCTCTTAGCTGGGCCTTAAAGA
TAAGAAAGACTTGTTCAACAAGGAAAAGGATTTTCCAAGGAGTGGGAATG
GCCTAGGTAAAAGTGACAGAGGTGGCTGGGCTACTTGAAGGGAACAGCANG
AAGCTGGTGGGGCTAGAGCTCANGCAGGAGCAAAAGTGAGGAAAAGGGTG
AGCACACGTGGCAGGTGGTGTGGGCCAGCTTCCAGCAGCTTTGGCTGCTA
AGGGGCCGGGACTCTATTCAATTGGGCGGTGGGGATGCTTATAGGTGCCCA
AGAAGTGCAACAATGCTGCCTGTCTGTTTGGGAAGCCTCTGGCCATTACA
ACAACAGCCATGCAGGAAGCTGAAGAGCCAGGTGGCAACATGAAGTGAGG
GTTCAAAAAGTGCCCATGGAGGCATGGAGGAAGACACGTATTCAGCAGAT
G

>Sequence 1863

CCGGGCAGGTACGCGGGTCTGAACAAAATAGATGATTTGATGCAAGAGAT
CACAGAGCAACAGGATATCGCCCAAGAAATCTCAGAAGCATTTTCTCAAC
GGGTTGGCTTTGGTGATGACTTTGATGAGGATGAGTTGATGGCAGAACTT
GAAGAATTGGAACAGGAGGAATTAAATAAGAAGATGACAAATATCCGCCT
TCCAAATGTGCCTTCCTCTTCTCTCCAGCACAGCCAAATAGAAAACCAG
GCATGTCGTCCACTGCACGTCGATCCCGAGCAGCATCTTCCCAGAGGGCA
GAAGAAGAGGATGATGATATCAAACAATTGGCAGCTTGGGCTACCTAAAC
TAAACACATTTTGTATACCTAAATTAATGAGCTATAGATAAAATATAAA
AAATGTTTTTACCAAGTTCAGAAGTTAACAAAGACTCT

>Sequence 1864

CCGGGCAGGTACTCCCAAGGGAACGCTGTCCACCTCTATGAACTTCTGAA
GAAAATGACTGGCAAACCTGAACCCAAGGTTGTTTATTTTGGTGACAGCA
TGCATTCAGATATTTTCCCAGCTCGTCACTATAGTAATTGGGAGACAGTC
CTCATCCTGGAAGAACTCAGAGGGGATGAAGGCACGAGGAGTCAGGGGCC
TGAGGAGTCAGAGCCTCTAGAGAAGAAAGGAAAATATGAGGGACCAAAG
CAAAACCTTTAAATACTTCATCTAAAAAATGGGGCTCTTTTTTTATTGAT
TCAGTTTTTGGGACTGGAAAATACAGAAGACCCCTTGGTTTATACATGGTC
TTGTAAGAGAATCAGTACCT

>Sequence 1865

AGGTACGCGGTGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCTTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAACTGCTTCCTTGGAGATATTAA
ACATAAATATATACAGAGAGGGTGAAGATGGAGGAGGCTTTTTACAGTAC
AGTTGTCTTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGCTGTGTTGCCAGGCTGGA
GTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTTCCCGGGCTCAA
TCGATCCCCCACCTCAGCCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCACACC
ACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCACCAT
GTTGTCCAGGCTGGTCTTGAACCTTGGGCTCAATTGGTCCTAGCACCTC
AGCCTCCTAGGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCGCTGTGTTTCAGCCAAT
ACTTCTTAACGTTTTTACTTTTCACTTTTAAAAATTAACCTTTTTTATGAA
AAAAGTAGAATTTTTTAAAGAGCAGAGAAAAGCACAATGAAGACAGAAAG
ATCACTTGTATATTCTTAATGACCAAAGATGATCTATTTGGGGGTAAATC

Table 3

345/1077

TTTTTTTTTGAGAAGGGAGTTTTGCTTATGGTGGCCAGGCTGGAATGCAA
GGGACCATCTTCGGTTAACGGAACCTCTGGCTTCCAAGGTAAACCATTTT
TCTGGCTCAGCCTTCTGAGAGCTGGGAATCAAGCATGCACAACACCCCCG
GTAATTTGGATTTTAAATGAGACAGGGTTTTTCATGTTGGGGCTGGCTTT
GAACTCAAAACCTAAGGAATTTACTGCCTTGGCTCCAAAGTGCTGGGTTC
AGGGCGGG

>Sequence 1866

GTNTATCACGCCGTATACGACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGG
GGCGGCCGAGGTCCAATTGGTGGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTT
AGAGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGG
AATTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAA
CAGAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCC
ATAGAGGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGT
TTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTG
ATAACAGAGGTCAGTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGG
GATTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATA
GAGACAGGCACTATAA

>Sequence 1867

ACGTACCCGGTGCGCGTTATGGGGAGGCTGCAGGGTTTGCGTGATTGACT
ATACCATTCCATGCTTGTGGGTCACTGGAGAACGCACCAACAGGCCCCAG
CTGTCGAGGGTCTCCTGCCACCACCAGCTGCCCTGCTGGATCACCTGTTT
CCTTTACTTCCATCATCCCTGCTATAGCTACCATACTCTTACGCTTCATG
CAGTGGCCAGCCTCATCGATGAATATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAA
CTGGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGACGGTGGTAATTAAGACCC
CGTATTCCTGCA

>Sequence 1868

CCGGGCAGGTTCGCCGGGCTTTAACCCTTTGCCTTGAAATTTGGAAGGGA
CCTGGAAAAAAAAGGAGGGGGGAAAGACTGCCAAAGAGGAAAAGAAAAGAA
AAGGAAGAAAACATTAGAAAGAAAAAGGAAGGAAAACGGTATAAAGAGAG
ATCAATTACCCACCCTTAAATAGCTAGATTGGGGGGGGAGGGGGGTTGGA
AAATAAAGCTGTGAGGGTGTGCCCCATCACGGCTGCTTTAGAAAGGGTTT
ATTCAATCTATCCCGTTTGGCTTATGGTGTAAAAATGAAAATGGTTTACT
TTATCGCCCTTTTTTTTTTGGAAACCCTTTTGTGGCCCATCAGAGCCCAAG
TTGTAGGTAAGCAAATCTCACATGCGCATTGCTGTAACCCTCCTTAGGGA
AGTAAATTATGGATCTCTAAATGGTCCCATGTAAATCCCGCTTTGCCTTT
TTTCGCCCCCGGTAGGGCCCCCAAGGTGCCCTAAACTTTGG

>Sequence 1869

CCGGGCAGGTACTCGGGGGAGAGAGATGAGGGCAGGGACCACTCTGCAAA
GACGAGCCCAGGGCGCAGCAGCGAGCCCCCTCCTAGTCCTTCTCTTCTCC
GTGGGTGATGATGTGCACCAGGTTCTTGTAGTCCAAGTTGCCAGTCACGT
CAGGGGGGAAGGCGGCGAACATCTGGTCAACCTCCTCCTTGGAAAACCTC
TCCGCCTGCGTGGTCAGCATTTCCCGAACGTAATCAGCCTTCAGCACCCC
TTTGCCTTCAGGGTCAAACACTTTGAATGCGTTGAGAATGGTTTCCTCAG
GGTCCGCTCCCTTAAGTTTCTCCCCAACATTGTGAGGAACACAGTAAAG
TTAATTGGACCCGGAGCCTCCTTGATCATTTTCATCAATTTCTTCATTTTT
CACGTTCACTCGCCCAAGGGCAGCAAAGGTGTCTCTCAGATCGTTCTTGT
CGATGAAGCCATCCCTGTTCTGGTCCATGATAGTGAAGGCCTCCTTAAAT
TCCTGGATTGTTGGTCTGTTTGAACATGGAGAACACGTTGGAGTTGGCGCC
CCCGGCTCTCTTCTTTGCTTTCTTAGGTGCCATGGTGGAAAGGACCCAGC
ACTGCCTCCCGAGAAGAATTNCACACTCCGGCCCCCGCGTACCTT

>Sequence 1870

AGGTACAGTGGCACACACCTGTAGTCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGTG
GGAGGAAGGCTTGAGCCCAGGAGTTTGAGTCCAGGCTGGGCAAGATAGCG
AGACCTCATCTCTAAAAAATAAAATAAAATAAAATAAATAAATAAACA
AGCCTTTTAATAGTCTGGATCATATAGAAGATTAATATTATGATGGATTG
CACATTAATGTCTCAAAGGACACCCCCCGCCAAAATCACCTACTAAAAA

Table 3

346/1077

TCACACTGGGTTTCTAATCTTGGGGTTTAGAAATTTTCTTCTTATGCTTT
AAAAACTCATTTTACTTCCTTTATCCTCTGATTTTTTGGGAAGACAGAGG
GTGCTTCTTCTTGGACTCTTGAGTCCTGGACACTAAATTCCTCCCTCAGT
TCTAGTGCCCAGGCTAAGCAGAGACACTAAATCCCTTACTTCCTCTC

>Sequence 1871

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGCTCCAGCAGTGAGTA
TCCCAGTCCATGCTTCTGGGTGAGTGGGAGAACGCAGCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACCAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTTCC
TTTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGTAATTAAGACCCGG
TATTCCTGC

>Sequence 1872

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTGGTCTTGATCCATGTGGCCCATTAGACTCT
ACATTAATTTTTATTTTCCACTTCTTGAATATACAATGATATATCAAGAT
CGAGTGTTGGAGAGTAATTAGTATTGCTTCTAATTCTAAGGGATACAGAG
GCTGACAGATAACCCCCCTTCTATATCTGAAGTTCATAGCGGCTTTGTCTA
TAGCGTCTTGCTGCTAATGTTGCATAGCAAATGTCTAACAAAATATCCCA
AACTTCCAAACACACTAGGAAAGATTAAAGGCCTTTGTAAGTAGAGTTGC
ATTCTGGGTAAATGAGAAACTGTGAGGCCAATGGCTTTTAAATATGATTG
TGAGATTACTGAGGGTGTGACTTATAGACCGCTGAACGACTTGTCAAGCT
TGAGAATTTTTTCCCATTGACTATTCAAATGTCCAATAT

>Sequence 1873

CCGGGCAGGTACGTTTGCTCATACACGCACATCCAAAAGCCTGTGCCTCA
TTCCTGGCCATGGGTGAGGACTTGGTCTGTCACGGCTGATGAGGACTCCC
ACAACCGGCCAAGTTATGTCTTATTATACACCCCCAGAAAGAGAGAAAGC
TGCCTTCTGGAGGACTGATTCCACATGCTATATTCAGCTGAGTTGATTTC
TGTGTCTATTTCAACCCATAACCTGAAGAATGATCACCTTATTCCTTATT
CATTAAATTTTCTTGATTAATAGGGAACTTGGGAATAGCTATAAAGTAAA
ACTTGGGTGGAACCTGNGGCCCTGGCATCACACAAGTGTGATTAGGATGG
TCAAGGTCATCAGGAGTACCT

>Sequence 1874

AGCGCTATACATATACTACTACTATAGGGTCCAGCGGCCGCCCCGGGCAGG
TACGCGGCGGGTTACATTGAATGTCAATGTTATTTGTTCTGCACGTAAAC
TTTGTTCCTTCTGAAAAAATAACATGTAAGTCATTAAGTTATCTAAAAA
CACAAAAAGTAATTAGTTGAAATTCTAAATTACCAGATGAAATAATGTTT
TATTGCTACATAATCAATGTAGCAATATCATTTGTGAAAAATTCAGTAA
AAGTTTTTGGAGCTGCAATTTAAAGCACAAATTAATTAGCAGTCAAGACAAT
ATGATAAAACTTAGCCAATGAAGGTAAATCATTATGAGACTTTGGTTATGG
CTTTTTTAACTTAGGCCTTAGATTTCTCAAATATGAAATAAATGTTTTT
CTTCATGATATTGAGATTATTTCCAGCTATGTCTTTC

>Sequence 1875

AGGTACCCAAACCCTCCAATCCCCAACGCGGTCTCAAGTTCAGACTGGGC
TCCAGCTTCTGTCCACAGCCACCCCCACATTTTCTTTTTGTATTTGTCTG
CCAACCTTCAGAAGAACTTCCAGATAAGAATTTCTGCCTGCAGCTCCAGTA
TCAAGGATATGGGGCAGCACAGCCACAACACAGAGCTGGTGCTCCTCACA
CGTCCTCTTGGCAATGTCTCGTTGATAATCTCAAGCAGCTCAGGAGGTG
GGGCGTTATCCCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1876

AGGTACCAAGAGGAAGACAGTTGTCCCTGGTTTCAAGCTATCATTCAAAA
CTTTGGGATTACAGGACTCCTCTGAATCAAAAATCATGGAATTCTAGATAC
AGAGGAATACAGATAGGTTATCTAATTCAAATCACTCAATTTACAGATGA
AAAACCTGGATACCTTGAATGAATTCAGTCAACTAAATATGTTTGACTTG
TTAGAAAAACCCAAAAAAAGTTCTTTAATTACAGTCCATATGTTAGTTTT
TCTTCTCCAATGTTTGTCACTTAACTGTATGTGAATCAGTAAGACTA
GCATGTCACAATGATGTAATTTCTTTCTTTAATATGCCGTTGATGTTGAA

Table 3

347/1077

CTTTTTTCTTTCCAGGAAGAGAGTTCTCAACCAAGAAATGTAACTTTT
GTCAACAGCTTCCATATTTGAACTTCTCT

>Sequence 1877

CCGGGCAGGTACTCCAGGAGGCCCGTGTATTTAATGAAACTCCCATCAAC
CCTCGGAAATGTGCCCACATCCTCACCAAGATTCTTTATCTCATAAACCA
GGGGGAGCACCTGGGGACCACGGAAGCGACCGAGGCCTTCTTTGCCATGA
CCAAGCTCTTTCAGTCCAATGATCCCACACTCCGTCGGATGTGCTACTTG
ACCATCAAGGAGATGTCTTACATTGCAGAGGATGTCATCATTGTCACCAG
CAGCCTAACAAAAGGCATGACTGGGAAAGAAGACAACCTACCGGGCC

>Sequence 1878

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTGAGTCTTTCAAGTTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATTTTAAAAACCACTTA
TGATTCCTCTTCTCTAAATTTTTTAAATTCTTCACT

>Sequence 1879

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGGCATTAGCTA
CGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATGTG
GGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCACTTTTTGTTCTCTTT
CTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAAG
CCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCTG
CCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAC

>Sequence 1880

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGCTAG
TCGGCGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGC
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCGAGAATCCGAAGTTCCAGACAAATGCCCAAACCTACATTCC
TGCATGTTTCGAAAGCGTAAATTGCAAAGCACAAATCCAGTTGTAGATTGT
GGCCGGGAGCAGTGGCTCACGCCTT

>Sequence 1881

TGGGTGATATCCCCGCGCTCTTACCCTCACTAAGGGATCAATGCTAGGTC
CCCGGCCCCCCCCCTCAAAGTCCTTCTAGAATTATTTAACGCGGGGGTTT
TAAAAAAGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTA
CCCTTTTTTGAAAGACAAATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCT
ACATTCCCCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTG
CCTCTGTGGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAA
GCTGCATCATTGCATGACTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCA
GCTCCCTTCTGCTGGTGAATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGA
CGGCTGCTCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAG
GAAG

>Sequence 1882

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTCACCCGCCTTTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGCGCGTCTTTTGAATTTTTTAAACTGAAGTTTAATTG
CCTTTGAGTTTGATCATTCACTATTTGGCATTGTATTCTTTTGTTAAT
TATCTGCTCAAGCTCTAATTTCATAATGGAAATTTAATGGATTAACATAT
AACACCCACTATCACCCGCCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1883

Table 3

348/1077

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGCGACGGGGTCTTCCTAT
GTTGCCCAGACTGGTCTTGAACCTCTGGGCTCAAGCGATCCTCCCATGTT
GGTCTCCCAAATGCTGGGATTACANGGCGTGAGCCACCATTGCCCAGNC
CAGATGTAACATATTTTTAAAGTCAGTCCGTAGGGTTGAATTTACCTGTC
ATTTCTAATTTGTGACATTAAAAACATCCTAGATGTGTTTCTTGGCACA
CTTGCTGATCGTTTCCATAAGGTCAGTTCCTAAAAATGGAATCATTGTG
CCAGGGTTTGTACATTTAAATATTGATCCATTTTGCCAGACTGCCATCC
AGCAGGGCTCTAGCAATTTACACATTTAAGGAGGCACTTACCCTCATATG
CCCACCTTGTACTTACATGGCCCTGAGAGTGACAGCCTCCTTAAATTTTG
CATCCTTCCTTCTCCCCATCTTACTCCAAGCCCTGCTAAGGAAATGGCAA
AGTTTCATGTCCACTGGGCTTTGNATTAATTTCTTTGAAAGTGCCTATTC
TTTTTCCCCATCCCGCCTTAATTAATTTAGAAGTACT

>Sequence 1884

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTGAGTCTTTCAAGTTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATTTTAAAAACCACTTA
TGATT

>Sequence 1885

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGGTGGAGTCTTGCTCTGTCACCAGG
CTGGAGTGCAGTGGTGCAATCTTGGCTCACTGCAACCTTCCCCTCCTGGC
TGAGTTAACTTAGGAGAGCTTCCTGGAGAGGGCACCTTTGAAGATAGGAA
GGATTTTCATGAAGTCTTTACTAGGCCACTAGAGTAGAAGCAGTGGGAGAC
TTCCTGGAGAAGAGCTCATGGAAAGAAAAACCTACCGCTGGCCCTTTGGG
AACTGCTTTGGGCCTCTTTAGTCCTAGGCTCACACGCCCTTAGAAACAA
AGTAAGAATAAAGCCAGGGATAATACAGTGAGTGGCCAAGAACACAGACT
CTGGAGCCAGACTACCTGGGTTTGAATCCCAGTTACCAGCCATGTGACTT
TGATCAAGTTGCTTAACCTTTGTGTGCTTCAGTTTCCTCATCTGTAAAAT
AAGGGGATGGTAATTGTGACTTCCCAGAACTATGGTGGAGAGCAAATGGG
TTAAGAGTGTGCCGCTGTAAACTGTAAAGTGCTGGGCTTTCATTGGGAAG
TATTACCTTTTCATTGCTTGAATTGAGACTGGTTGCTGGGGCAGTTTGAAG
AGGGAGTTAAAAGAAATGGAATCATTGTGCAACTTAGGAATCCCTGGGGA
CCTGGCCGAGTTGCAACCCCCAGAGCAATTCCTCAGGCCTGGATGTATGG
CGACCGGACCCTCAGTGTGCCCTGGGGCCCTTGTGACCTGGCCTTTGGG
CCAAGAGACCCCTTTTCCAACACTTCCCTTTGACTTCCAGGCCAAAGAGG
GTTCCGGGAGGGGGAACAGGCCTTTCTGGTCACCCTGGAACCCCAGGTGA
TGTCGGCCAACCTGCCTCG

>Sequence 1886

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAACCTC

>Sequence 1887

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGATGGAGTCTTGGTCTGTGCGCCAGGCTGGA
GTGCAATGGTGCAGTCTCAGCTCACTGAAACCTCTGCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCCTGCCTCAGCCTACCGAGTAGCTGGGATTACAGGGGCCTAC
CACCATGCCTGGCTAATGTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGCTTCACCA
TGTTGGCCATGCTGGTCTCGAAGTGCTGACCTCGTGATCTGTCCGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACTGCTCCCGGCCACA

Table 3

349/1077

ATCTACAACCTGGATTTGTGCTTTGCAATTTACGCTTTCGAACATGCAGGA
ATGTAGTTTGGGCATTTGTCTGGAACCTTCGGATTCTCGGGACTCCAGGGT
GGCCAAGGCGCGGAGGTGACTCAATGACATTGACCGGCCTGGATGCACGT
GGGTTGCTGAGCCGATGCTGGGAAAGGACGGGGTTTGCCCGGTGCAAGCC
GCCGGAACCTACGCACGCCCCCTGTCTCTCTCATTCCTGGGGGCGGCTTTG
GCCGGTGGCCTCCAGCTTAGCTAGCGAGCGGACCAACAGACCGCCACTAG
CCCTTACAGAACCTAT

>Sequence 1888

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGTGAAAAGCAAATTTGAAAGCATCTTA
GTCTGTAAAACTACTTCATGTATAAAAAATAAACATTTGACAGAACTCTC
AGAGCAAAGCTATCTGAGGGATTCTTTAAAGCTTCCAATTTATCAAATTA
CCTTTTTTTTTTTTGGTCGGCAGGGGGAAGTAGTCTCACTCTGTTGCCAG
GGTGGAGTGCAATGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTTTGTCTCCCAG
GTTCAAGTGATTCTCCCACTTCAACCTCCCGAGTATCTGGGACTACTGGC
ATACACCACCACACCCGGCTAATTTTTTTGTATTTTTTAGTAGAGAATAGG
GTTTAAATATGTTGGGCCA

>Sequence 1889

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCACCCAGGGATCGCAGGTGGCCG
AATACTGCAGGTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCTGC
CTTGGCTCCTGCACCCACCACAGTTCGTGTTTCCTTCCTTTTATTCTTT
CCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCACA
AGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAGGTGAGGAATGGTTATAGACCCAG
GGAGCCAAGTCACGGGACCTGAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACC
TCCAATCGCCAGCATCGGGTAGGCCCACACGTGTGGGAGAGGAAAGATAG
AGTTACTGGCCCATCAGCAAGCAGAGCTGGCAGAAGTACCTGTGCAG

>Sequence 1890

TTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAGTCTTGGTCTGTCGCCCAGGCTGGA
GTGCAATGGTGCAGTCTCAGCTCACTGAAACCTCTGCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCCTGCCTCAGCCTACCGAGTAGCTGGGATTACAGGGGCCTAC
CACCATGCCTGGCTAATGTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGCTTCACCA
TGTTGGCCATGCTGGTCTCGAAGTGCTGACCTCGTGATCTGTCCGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACTGCTCCCGGCCACA
ATCTACAACCTGGATTTGTGCTTTGCAATTTACGCTTTCGAACATGCAGGA
ATGTAGTTTGGGCATTTGTCTGGAACCTTCGGATTCTC

>Sequence 1891

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAGGATTGAGAAAAGCCAAGTCC
TCAGCAAATACAACCTAACATAGAGAAGAAACCAATAAATACACACACAA
AAGTCAGATATTAAGCCCACTGCACATTCACTGCCAAGAATGCTCAGGCC
CTGGGTCTAGTAACCAAAACATGGCACTCACTGTGGGCCTTTCACTCTGT
GGGTACAGCCCCAGCTCTGCCATTTCCAGGATCATGCTATTACCAGTGAC
TATCTCCTAAAGGGATTGTGGGGAAAGCCAAAATACAAAAAAAGGGCAA
TAGAGTTCCAAGTCTGTTGCTTTATTCAGCACATAAAGAAACAGCAATAT
TGAAATAGCTCTCCCCAAAGAAAGACTATGAATT

>Sequence 1892

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGGATTACTTATGGAGGTT
TTATTATTTTATTTATTTTGGAGACTGAGTCTTGCTCTGTCATCAGGCT
GGAGTGCAGTGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCAGGTTCAAGCAATTCT
TCTGCCCTAACCCCTCCTAGTAGCTGGGATAACAGGTGTCCCCCACCATG
CCCCAATTAATTTTTGTATTTTTGGTACAGACAGGGTTTCACCATGTTGG
CCAGGATGGTCTCGATCTCGTTGACCTTGTGATCCGCCTGCCTCGGCCTC
CCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCCCCTGGACTACTTATG
GAGGGTTTTAAAAAATCTTTTAAGTCCAGGCCTGAACGTTTAGAGAAGGT
TACAAAGGCGGCCAG

>Sequence 1893

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGATCACAAGGTCAAGAGTTCAA
GACCATCCTGGCTAACATGGTGAAACCCCGTCTCTATAAAAAATACAAAAA

Table 3

350/1077

GTTGGCCGGGCGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCAGTTACTCGGGAGGCT
GAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGGCGGAGCTTGCAGTGATCCGA
GATCACGCCACTGCACGCCATCCTAGGCAACAGAGCGAGACTCCATCTCA
AAAAACAAACAAACAAAAAGTTAAATTCCAGTGATACAGAGACTGCCACT
GGGAATTTTGTAGTTTCTGTTATTCTTTTTTTTCCAAAACCAAGGATAC
CTAAGAAAGAATATTTAAGCAGCCTAAGCCAGGCGTGGTGGCTCACGCCT
GTAATAGCACTTTGGGAGGCGGAGGCTGGCAGATCACTTGAGATCAGGAG
TTGACACCAGCCTGGCCAACATGGCGAAAACCCGTCTATACCAAAAATAC
AAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGTGTAAATCCCAGCTACTCGGGAGACTGAG
GCAGGAGAACCGCTTGAACCTGGGAGGCAAAAGCTGCAATGAGCTGAGAT
TGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACCCTGTCTCANN
ANAANNNNNANCNNNNNNNNNNANNGGCGGGCCGCACCGGGTGGAAGCTCAT
TTGGCCTATAGTGAGCCGTATACCCGCCCTACTTGGCGCGGTTTACAACG
TCGGAAGGGGAAACCTGTGGTTCCCAATAATTGCTTGGGAATATCCCTTT
GCCAGTGGGTAAATAGCAAAAGGCCGCCCATGGCCTTTCAACAATGGCAA

>Sequence 1894

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAACCTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG

>Sequence 1895

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAGGATTGAGAAAAGCCAAGTCC
TGGGAATACAACCTTACATAAAAGAAACCATAATCACACACAAAAGTCAGA
ATTAGCCCACTGCACATTACTGCCAGAATGCTCAGGCCCTGGGTCTAGTA
ACCAAAACATGGCACTCACTGTGGGCCTTTCACTCTGTGGGTACAGCCCC
AGCTCTGCCATTTCCAGGATCATGCTATTACCAGTGACTATCTCCTAAAG
GGATTGTGGGGAAAGGCCAAAATACAAAAAAAAGGGCAATAGAGTTCCAAG
TCTGTTGCTTTATTCAGCACATAAAGAAACAGCAATATTGAAATAGCTCT
TCCCAAAGAAAGACTATGAATTACAT

>Sequence 1896

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGGAAGGGATAGCATGATATTCAT
ATACAGACTTGAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTTCTATAT
AAATAAGCTGTCATATTTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTCTTA
AAAATGTTTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTTAGACTTCCTCTA
TAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATTTAA
AAATACTGTGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTTAGGA
TGAATAAGGGAACTCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTAGAT
GGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACAC

>Sequence 1897

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATAAAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1898

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGTGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1899

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGGCAAGATTTGTCCTTCCTGCGG

Table 3

351/1077

CTGCGAACCCACCGCGGGTTTGCGTATTTCCCTTGATTCCTGGAGGACAG
AGCTGGGATGGACTTGACCCAAGACTCAGGGATGACGAAAGGGAAATAAA
CAGAGTAACGTTTAAGAAAAAAGAAACACAAAAAATAAAAAAACA
ATGGAAAAAATAAAAAAAG

>Sequence 1900

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAGG
CTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAGT
TGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTTA
AATTGTGCTCATAGTGAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTGG
CATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTCT
CAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATAG
TATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATATA
TTTCGGAT

>Sequence 1901

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGAATCAACAGACTCTATATT
TGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAAA
TCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATTC
TAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAAA
CACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAATC
ATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCAA
CAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCTC
AACCTCATTAGTCACCAGACAAATGCAAATTAAGTCAAATGCAATACC
TGTACACACCTCACAGAATGGATAAACTTGAAAGACTGACAAACCAAAC
CAACACAAAGCTGGTCTGAATGTGGAGCAAGGAAGACGCTCGTACTCTCC
TGGTGAGCAAGGTGGAGATGGTAAAAGAGCTGGTGTAACTTTGGAAA
ACTGTTAGTATCTATTAAAGTCAACCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTAC
TTTTGAAGGGGGGCCCCG

>Sequence 1902

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTGCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTCAAGTCTTTCAAGTTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATTTTAAAAACCACTTA
TGATTCCTCTTCTCTAAATTTTTTAAATTCTTCACTTG

>Sequence 1903

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGGAGTTTCACTCCTGTTGCC
AAGGCTGGAGTGCAATGGCGCAATTAGGCTCACTGCAACCTCCTCTTCCC
GGGCTCAAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAG
GTACCCACCACCATGCCCAGCTAATTTTTTTGTATTTTAAATAGAGATGGG
GTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTTAGGTGATC
CACCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCATGGT
ACCCAGCCTTCCTCAGCATTCTGTCTGTCCCCACACACAGGCTCAGCAG
CCAGAGAAAGCCAAGGGCATATAGGCAGGGCAACAACATCTGTGCACCTT
GCGGCTGGCTGCTAGTTTCCTAGAAACATATTCTTAGACATGCCTAAGAA
AAAAAGCACTTGTAGGGTGTTTAAACGCCAGGGTTCCTTGGGTTCCAGGG
ATAAAACCATAGAGTTCCAAACAACATTTGGTCCAAAAAAGAAAAGCACT
TGTTTCTGAGGACACTTAAACGGTGTGGAGAAAATTAGGAAAGGGAAAC
CAGGGGTAAAAATAAAAAGTTTTTTAGAAATAAAGGGGGTTCAAAAAGTT
TTAGGAACTGGCACGAAAAATTTCCAATTTTCGGAAGGAAAAAATGTCTG
GTCTTTT

>Sequence 1904

GTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCCG
TTATTTATTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTGGAGGGGGCATGTG
CACAACTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGGCT

Table 3

352/1077

GACTCATTAACTCGTCATTTATATTAGGTATATATACGTGTTTCATTGTAC
CCTTATCGACTNTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTATTT
GCCTTCGTTTTTTGAGTTCCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAATGCC
TGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTTAAATGAATTACATTGCATTG
GGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAAATT
CTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTTTAAGAAGG

>Sequence 1905

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTTAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTTATAT
ATTTGGATTTTTTCCAATTCATTATTATTATGAATAAG

>Sequence 1906

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTTATCCACCCACATATTTGTAAAACATATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGA
AACATAGCAAGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAATTTT
AAAACATATGCCTCTCAGACCTAACTAGGCCCATAGAAG

>Sequence 1907

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTGTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCTTGCTCCACATTCAGACCNCAGCTTTGTG
TTGGTTTGGTTTGTACGTCTTTCAAGTNTTTATCCCATTTCTGTGAGGGT
GTGTACCAGGTATTGCANTTTTGNAGTTTAATTTGCATTTTGTNCTGGT
GACCTAATGAGGTTGAGACANTTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTC
AAATCTCATTTTCTGTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATT
TAAAAAACCCTTATGATTTCTCTCTCTAAATTTTTTAAATTCTTCAC
TTGTTAAAGGTAGTGTTTTTGTCTACTCATTATCAAAGATGAAAATTTTA
TCTCACCTATCTCTAGAATTCTCTTCTCTACCTCAAAATTTGTGTTAGT
TATAATTATTCCAGATTTTGTCTTAAAATTTTAAGTAATACACTTAACT
TTTGCTTTGTGATCAAATATAGAGTCTGTTGATTCTTCAAAAAAAACTN
ANAAAAAAAG

>Sequence 1908

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTATCTAAAATTAGATACTTAAT
GTATCTTTCAGAAAATCAGATAAAATGCCCTTTGGATGGACCCCTGTCTA
AATGGGCACAGTAAGAAATGTTATATTCAACTTGTAAGAGATTTGGTTTT
ATTAAAATTCATATTTGAACTCCCCAATAAACCAATAATTTATATTCTAT
ATTTTGTACAAAGTTATAATGGTTCCAGCTGGGCGTGATGGCTCACGCCT
GTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGTCACCTGAAGTCAGTG
AGACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCTAGGGCGTGGTGGCAG
GTGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGTTGAGGAGAAGAA

>Sequence 1909

AGTACTTCTATTAATTAATTAACGCTTGTTAAAACCTGTCTTACTTAAACA
AAATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATA
ACTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGG
GGAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTC
AGAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAATAAAA
TCAGAGTTAAATGTAAAAA

>Sequence 1910

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGCAAACTCCCGACAGCC

Table 3

353/1077

GAGCCCCGTTTCGGTGCCTTTTCTTTTTTTTTCTTTAATGGAGTGAAATC
TACTTTGCTCAGGAAGCCTGCAAATCACATTTTCAGGCCAAACGAGGCAG
TATTTTAAAAGGGGTCTCCTGGGGCAGGATTAGGAAGGCTTTCCACTCCA
CTCACGCATTTTCAGTGTAGGCGAATCGTAAAACGGAGGGCAGAACGAAA
ATGAGCGGATCTGGGAGTGCAGGCTGCGCTTCGTCCCCCGCGTTAATTA
ATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1911

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGAGACAAGATCTTGTCCTGTCACCC
AGGCTGGAATACTGGGGTGCAATCATAGCTCACTGCAGCCTCAAACCTTCT
GGGCTCAAGTGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGAATGCAG
GCACATACCACCATACCTGGCTAATTAATAAATAATTTTTTTAATCTCACT
GTATTACTGAAGCTGGTCTGGAACCTCCTGGCCTTGAACGATCATCTCAGC
CTCCCCAAACTCTGGGATTACAGGCATGAACCATTACACCTGGCTTGAAG
AGAAGAGGTTCTTAATATTGAAGAAGTCCATTTATCTGTTTTTGTTTTT
TTCCCCTCATGTATTGGGTTTTTGGGATTGAATCTAAGAGATTGTTGCTT
AACTCAAGACCACAG

>Sequence 1912

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTATATTTGAAAAACAACCGACCTTTTAAT
GGCATAATTCTTGCCAAAATTAATTATGTACATTTTAAAAGGGCAAACAG
GCCCTTCTTAACATTCTTTTGCATTCCCACCAATAAAGGCGAGCCATTTA
TTTTGATATTATAAGTAATTTGGAAACCAAGATAGAACCAGCAGTTTGCC
CAATATATCCTTTTAGAAAATGGTGCCTTGTGTTGGCGCACTGGTTGCAC
AACCCGCCCCCTTTCCCCGCCCTTTAAAATTAATTTCTTAAGAAAGGTCAC
CTTCTCGAAGGGGGGGGGGGGGCCCCCGGGTACTCCCAGAACTTTTTTGTT
TCCCCTTTTAGATGAGGGGGTTTAATATGGCGCCCCCTTGGGTCGTAAATC
AATGGGTCATTATATCTTGTTTTCCCCTGTTGTTAAAAATTTGTATAATC
TCGTATACCCAAATTTCCAATACAAGGAATTCCCCAGGTTCTGGAAATCC
TTAATCATTTATTTATTAA

>Sequence 1913

GAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TGGAGACAGGGTTTTGACATGTTGGTCAGGCTGGTCATGAACTCCTGGCC
TCAAGTGATCCACCTACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGT
GAGCCACCGCGCCCAACCCTGTGTTTATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTT
ATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAACACGTTATTTTATTCCTCACGTTATA
GGAGCAATTTGTATTCATAAACTTGGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGAT
TTAATAACAGCGCAAATGATTTGGGGTCTGTGAATTCAGTTTTATTATT
TGGCTCCTTCCTTTAAGGAGTCAG

>Sequence 1914

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1915

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATTTTCTTTGGTCTTATGCCAAT
ATTTGCAATCAGCTAGTATGATGTTTTCTTATTTTAGTTTATTGCCAGTG
TGATTTAGTGCTTCATTCATCATTAAATTATCTTTATAATTTTGTCCTTGA
ATTTTCCTTGTA AAAAGAGACTGGTCTTACTTTTTTTATAGTCCTTACTA
ACAAGGACACTGTAAGACTTGTGAGTTGGTGTGGACTATGCCATCAGATA
TATCCATCTTGTTATCCCAAAGTTAGATCCAGTTAAGGCCAGCTGTGGGT
AGAAGGTCAAAGTAGATGACGGGCGAAGGATAATTTTTAAAAGGACTTTT
GCTAAAGAAGTAGATGTATCT

>Sequence 1916

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNGGAGAGACAAACATGGGCCACATTTT
TAAGACAAACATGGACCACAACCATGCTGAGAGAAGTTAGAGTGAAGTTT

Table 3

354/1077

ACATGGCTATCTTTCTTAGTATTAAAATTTTACCTGATAAACATCAAACA
TACGACCAACATAGCATATAAAGCAGCTCTACAGATATTTTCCTACTGCC
CAAAATATCATATAATGCACATGTAGGTCACATGTGAGTAGGCAAGAGAT
TCTGGAACACAGAAGCAAGACAACAGGATCACAGCAATTTTCAGTATGCTC
TGCTTGTTATAGGAAATCCCCAGAACATTCTCCAATTACTGAACAAAAAA
AGCAATAAAACTCAGATTTGTCTGCCTGGGGAGAAATAAACAGAAATAGA
AAGTGAATAGCAAAACAAAGCTATCTGGTGAAAAGACATTCTTACTTGGA
AGGAGTTAAGATTTTGCCCTTCCATGGGTGTACTTAATGAGGCAAGCGT
CAAGCGGCCTGACAGCCCGTGGCACACTGTCTACAGCTGATGTCAATGGT
ACACATATAGCCAGGGTGAAGCAACCTAAAATAGGCCCTCCTTGAGCCTT
CTAACTTTTTAGAAAGGGCAGATTACATAGCCAATAAGTTAATGAGTTTT
GAAGGTAAAATTATGCTCAAATTTGAATTGTGCAATATAAAACCTTTTCT
CTTAAATTTGCTCAACTCAACAAAATCTTTGGGCCTTTAATTTTTTATGT
GTAAAATGGGGATCATGAGAGCCTTTCCAAGGGGGTGGTATGAATATAAG
TGAGATGGGT

>Sequence 1917

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGTGGAGTCTTGCTCTGTCACCAGG
CTGGAGTGCAGTGGTGCAATCTTGGCTCACTGCAACCTTCCCCTCCTGGC
TGAGTTAACTTAGGAGAGCTTCTGGAGAGGGCAGGCTTTGAAGATAGGA
AGGATTTTCATGAAGTCTTTACTAGGCCACTAGAGTAGAAGCAGTGGGAGA
CTTCTTGAGAAAGAGCTCATGGAAAGAAAAACCTACCGCTGGCCCTTTGG
GAACTGCTTTGGGCCTCTTTAGTCCTAGGCTCACACGCCCTTAGAAACA
AAGTAAGAATAAAGCCAGGGATAATACAGTGAGTGGCCAAGAACACAGAC
TCTGGAGCCN

>Sequence 1918

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACCTTGGCCTCAAGTGATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCGCCCAACCCTGTGT
TTATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAA
CACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTT
GGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAATACAGCGCAAATGATTTGG
GGTCTGTGAATTCAGTTTTATTTATTTGGCTCCTTCTTTAAGGAGTCAG
GCTAATGC

>Sequence 1919

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATACATATTGTCATGCTATGT
TCTCTAACTTGATATCAACAGCGTATCTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAGGAGAAGGCTGATCTAATATCCTAGGTCTA
ATGGATCCACTAGCAGATATACACGGCTAGGTACACACACTGGGATATCT
AGGTACATGCCCATAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATCGTATTTA
AAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAATACT
ATGGGAGGCTGACGTGGTGAATCACCTGAAGTCGCGAGCTCAAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAAACAGC
CAGGCATGGTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCCGAGGC
AGGAGAATCACTTGAACCCGGGAGGTGGAAGTTGCAATGAGCACCGATAG
TTCCATTGTACTACATCCTGGGGGACAAGAGCAAAATTCTGTGTAAATA
ATCTAATTTTATAACTAAATATGCGCGGTGCGCAACGTGCGGAACCTCAA
TTAGCCCTAACTGAGTTGGGTACGCGCCTTACTCGCGGGAATTA AAAAC
TCTTTGAATGGAAAAACGCTGCATATACCAAAGTAATAAACTGGCATAAA
GCCCTTTTACCCATCGGTGTAATAACCAAAAAGCCCGCCCTTGGGCCTTTC
CACCGTACCATACTGATGGCTCAGGAAATTTAGCTTTAATTTTTTAAAA
TTCGCTTTAAATTTTTGTAATATTTGATTTTACCATAGGCGAAATCCTT

>Sequence 1920

GTTTGATATAACCAGTTCCTTACCCTCTCTACTAGGGAAAAAAGCTGGTT
ACCGCCCCCCTCAGAGACTCTTAGATATATAACGCGGGGGAAAACTGTC
TACTTAAACAAAATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATT
ACTGTTTTATAACTAAGAGACTTGCGACTCTATATACGACTAGGTGTCAT

Table 3

355/1077

TTCAAATGGGGGAAAATGAATTATCCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGG
ATAGCCATTTCAGATAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACC
CCACAATAAATCAGAGTTAAATGTAGGAAAACCAAAAAAATTGATATATTT
AAAAAA

>Sequence 1921

NGTCGATGCTTGCACATCGCCAATAGTATGATACTAGGCGAATTGGAGCT
GCCCCGCGGCGGCGGCCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGTTTTGAA
CCCAGAGGCCCCAACTAGCAGCCTGTCCTCCTCAGTAGCCCCAGCATCC
CTTCATCATTTTGTGCCCCTTCTATGGGCCTAGTTTAGGTCTGAGAGGCA
TAGTTTTTAAAATTTTTATTGTTATTTATTTATTCTAGAGATAAAGGTCTTG
CTATGTTTCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGGCCTCAAGCAATCCTCCTG
CAGCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACCACGTCTGG
TCAGACAGGCATAGTTTTACAAATATGTGGGTGGATAAATGCTGTCCAGT
CTTACTTCATCACTTCTATCAATTGAATGCTTTTGGTTGGAAATAACAGA
AAATCCAACTAAAAGTGACTTAAACAAAGGAAATGTTATTATCTCATGTA
CCAGGAATTCTGGAGGTAGACTGGTTCAAGGGTGGATTAATTAATTCTAG
AAGTACT

>Sequence 1922

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGCGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTGTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTGTCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATA

>Sequence 1923

GGCCTGGATCGACCTGATACTGAGGGTAATCGGAGATAATGGCAAAGTCG
GCCGCTCGNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACCTTAAACATAT
ATTCCTTGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTTCAGCTTCACTTTTTTTC
TGAATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTC
CCCCATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAG
TTATAAAACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATT
TTGTTTAAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1924

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGTGAAAAGCAAATTTGAAAGCATCTTA
GTCTGTAAAACACTTTCATGTATAAAAAATAAACATTTGACAGAACTCTC
AGAGCAAAGCTATCTGAGGGATTCTTTAAAGCTTCCAATTTATCAAATTA
CCTTTTTTTTTTTTGGTCGGCAGGGGGAAGTAGTCTCACTCTGTTGCCAG
GGTGGAGTGCAATGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTTTGTCTCCCAG
GTTCAAGTGATTCTCCCACTTCAACCTCCCGAGTATCTGGGACTACTGGC
ATACACCACCACACCCGGCTAATTTTTTGTATTTTGAAGAATAGGGGG
TTNNCAGCATGTTGGTCAGGCCCA

>Sequence 1925

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGCGTCTCCCTGCCAGGCCTTGGGC
TCTGCAGAGGTGCCCACTGAAAGCTTGTCTGTGCCCTCTACACCTCAGA
GGGGTTCAGAGCCAAGCTCCAGGACCCCTGCTGTCAAAAAGTGTTCCCTG
GGAACAAGTGCAAGGAACAGTCTGCAAGCAAGGGACTGCTTGCCCTGCT
TTCGGACAGCCTTCTGAGAGCCAGTGAAGGCCAGCAGCTGGGCTGAACAC
TACATCATCTCAGAACCACTTGCACAGCCGGTGTGCTCCCCGCCATCG
ACAGGAAAAACGGGCCCTTAGAGGCACAGGCAACTTGCTCGGGGTTAGGT
GCAGCGGGTGGCAGAGTCAGAATGTGAGGACAGTTGGGGCCACTC

>Sequence 1926

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAATTAGTGGCAAACAGA
GAATAAATTCTCTCTCAGTAGTGTGTACTTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCATTTAATAGAGAGAGAGAGTTGAATG
ACGAGGAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATAACCAAAATAAAAT

Table 3

356/1077

TAAAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCTTTTGGGAGCCTGTTT
TCTTTGCCAGATTTTACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCTTCTAAC
AAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTCATCCAG
TGAGCAGGGCTGTAGAATCCAGCGTTTTCCACGTGCAAGTGGTTCAAGTT
CAAAATATTTTTTGATCTCTTGTAC

>Sequence 1927

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTCCCGGACTCAAGCCTGACTAAT
GTTTTTACTTTTTGTGGGGACAGGGGTCTCCCTATGTTGCCCAAGCTGTT
CTCAAACCTCTTGGGCTTAAGCAATCCTCCCACCTTGGCCTCTCAAGGTGC
TAGGATTACAAATATGAACCACTCTGCCCAGCCTCTAAACACTGTTTTAA
ATACAAAGAAATAGTTCTTGTCTTCTGCATGTCATAGCTTTGTAAGTTTAC
CTTTTTCTATTTTATCTAATATTGATGTATACATAGGAGAAAGGGTACTT
CAGAACATGAATTTTAGAGCAATCTACCAAGTCTCATGATTACAATAGTT
GAAAATTTGGAAAAATTGTCTACCCAGAAAAAC

>Sequence 1928

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAATTAGTGGCAAACAGA
GAATAAATTCTCTCTCAGTAGTGTGTACTTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCACTTTAATAGAGAGATGAGAGTCTGAA
ATGACCAGAGGAAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATACCAAAA
TAAAATTAAAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCTTTTGGGAGC
CTGTTTTCTTTGCCAGATTTTACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCT
TCTAACAAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTC
ATCCAATGAGCAGGGGCTGGAGAATCCACCGGTTTCC

>Sequence 1929

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTAGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTTATTTTTTTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACTGTGCCGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGC
GCTGCACTCATTAACCTCGTCATTTATATTAGGCCTATATACGTGTTTATT
GGACCCTTATCGACTTTGCAGGATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTT
ATTTGCCTTCGTTTTTTTGGAGTCCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAA
TGCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTCTAAATGAATTACATTGC
ATTGGGGAC

>Sequence 1930

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGATAATCATATTGGGCATTCATATGTG
CTAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGA
TACCTGTTCCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAG
ACAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATG
CCTAACACAGACAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTT
AGGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAAATCCGGGCATT
GTAGGGAGAAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGC
ATGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGC

>Sequence 1931

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCTTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGTG
TACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGGCCAGG
TCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGACT
CTCCTCTTTCTAACCCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGAA
TGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGGC
ATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGGA
CAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTTATCTAGAAAACA
TTATCTCTGAGCTTTTACCTACATTTCTTGGCCAGACCTGGGTACAGT
GGTCACCTCTAATTGAGAAGATGAGTATTTAGAGGGACACANNTTTTGT
CCCTTCCAAATCAGGGCTGTGTTAGGGAAGAAAAGCGGAATGGGTCCCTG
GGAAGGCAGCTCGCAGTAACTTCACACAGTCTGTTCTTTGTATNCAGCA
CTCAAGCAGGCCTTTCCTCAGACACAGAAAACATAATGGTTTCCAAGCCA

Table 3

357/1077

ACAGGCAGAATCCCATCTTGTTCCCTTCAGGCAGGCTTTTTGGAAGGTGCA
GTGGGGCGCCCTTGGTCTTGTGCCCTTGAAACTAAAAACAGTTTCCTGCC
CACAATCTCAGGACAATGGTGGTTA

>Sequence 1932

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTATTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACCTCGTCATTTATATTAGGTATATATACGTGTTTCATTG
TACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTA
TTTGCCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAAT
GCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATGTTTAAATGAATTACATTGCA
TTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAA
ATTCTTGGGTGAGTTGATAATCAAACATTTTAAAGAAGGTATATTTTGCT
AGCAAAGAAAGAAAAAATATGACAGCTTATTTATATAGAGAACCTATGTA
TTCTGAGATGTTTCTATTGTTAAGGTTGTTTATAATTCATGCTATCCCT
TCCAACGCCTTAATTAATATCAAGAAGTACTTTCGAGGGGGGAGCCCCGA

>Sequence 1933

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATCCTCCCACCACACACACAGCA
GCAGGCGGTGAGGACAGGCCTCATGCAGGGAGACAGGGAGCGGCCAGACA
GCCTGGCACTCCTCTGACTGCTCAGGGCTGGGCCCTGGGACGGGGCTCCC
GCCTCCTGAAGCTGGGGTCTCACCCAGCATCTGAGGATCGCTTCTGCC
AAGCAAACCCACACAAGCTTTGCCTCCTCCGGAATGTCCCTGAAGCAC
ACATGGAGTCAGGGAGAGGGCCAGAGCCAAATCCCTCACAATGACCAACC
ACCAGGGAGGAGGCTCCGCCAGCCCAACAGCAAGACTCCGCCCAGGCAGC
AGGGACACAGTAAGCGTTTCAGGAAGGAAGCAAGGAGCAAGTCCTGTATG
GCTCTGCTCACCAACACGAGATGTCCTGA

>Sequence 1934

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGAGGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTCACCCGCCTCTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGGCGTCTTTGAATTTTTTAACTGAAGTTTAATTGCCT
TTGAGTTTGATCATTCACTATTTGTCATTTGTATTTCTTTTGTTAATTAT
CTGCTCAAGCTCTAATTTTATAATGGAAATTTAATGGATTAACATATAAC
ACCCACTATCACCCGCCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1935

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCACTAGAAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAANCATTTA
AATTGTGCTCATAGTGAAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTGG
CATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTCT
CAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTTGTGACCACATAG
TATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATATA
TTTGGATTTTTTCCAATTCATCATTATTATGAATAATGGTGTATCTCAGT
GGTTATTACTTTGCACTGCATTTCTTATGAAAGTATTGAGTAAAAGGAAG
TAAAGCCCTCTCAGAGTGTTTTGTAGGCTGTCACATTTCACTCCATAATG
TCCTAGTGTTTGTTGCCACCAGTGATATATGAAGGTACCCACTGAAATGT
CACACCTTTTTGGTTTTTTCTTTTTTAAAATAAAAAAATTAAGACATTTA
CCATATAATATTGGTCCTATATATGATTTATTATAATGTAGAATCACAAT
CTTGAGGTCATTAAAATATTGAATTTGGATTCTCTTCAATTTCCCTTCTA
ATGAAAAGCTAAAGTTCGGTAAGAAATTCTTCCTGGAAATTTATGGAATG
AGAAACATACTGGAATTCTGTACTTATGGAACAGAACCAATAAACATTAG
GCAATTATTTAATTCTAAAGTCTCCTCGGGGGGGGGCCGGTCCCCAGTTTT
TGTTCTTAAGGGAGGTTAAAGGCGCGTTGGGAAACAAGGGAAAAGTGGT
CCTGTGGGAAATGGTATCGTTACATTTCAAAAAATTAGGGCGGT

>Sequence 1936

GGAAAGCTAGAGCCATTGTACATCCCACATACTATCAGTAGCTTCGCCCC

Table 3

358/1077

GGGCCCCCCTTGATTTGTCTTCTAGATCTAATTCACGCGGGGTTATAAA
CAAAAAGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCTTCTGTTTCTCTGCTACTACC
CTTTTGGAAAGACAAATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCTAC
ATTCCCCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCC
TCTGTGGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGC
TGCATCATTGCATGACTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGC
TCCCTTCTGCTGGTGAATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACG
GCTGCTCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGA
AGGAGGAAGAGACAG

>Sequence 1937

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA
TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGT

>Sequence 1938

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGACCAGAGAGGCCCCAAACTAG
CAGCCTGTCCTCCTCAGTAGCCCCAGCATCCCTTCATCATTTTGTGCCC
TTCTATGGGCCTAGTTTAGGTCTGAGAGGCATAGTTTAAAATTTTATT
GTTATTTATTTATTCTAGAGATAAGGTCTTGCTATGTTTCCCAGGCTGGT
CTTGAACCTCCTGGCCTCAAGCAATCCTCCTGCAGCAGCCTCCCAAAGTGC
TGGGATTACAGGCATGAGCCACCACGTCTGGTCAGACAGGCATAGTTTAA
CAAATATGTGGGTGGATAAATGCTGTCCAGTCTTACTTCATCACTTCTAT
CAATTGAATGCTTTTGGTTGGAAATAACAGAAAATCCAACTAAAAGTGAC
TTAAACAAAGGAAATGTTATTATCTCATGTACCAGGAATTCTGGAGGTAG
ACTGGTTCAAGGGTGGATTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1939

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATATGCCCACCCATTTTCAGGTT
GAGCCACGGATAAGGAGGGCTTAGCTCATGTCTCCTGTGGGAATTGAGGC
ATCTCAGGAAACAGTATAGAGTTGGTACAGTTAGAATGAGAAGAAGCCTG
GGGAAAGAAACCAAGAGTGAGAAATGCGTGGCTATTTTGACTTAGCTGGA
GCAACCCTCTCATAACAGGCTGGGAAGTGGACCCGCGTTAATTAACGCGG
GGGAAATTGATGAACAAACAAAGGTCATAGTAAAAGACAGACTTTTGGGG
ATAAAAACAGAACTCCAAGTTACTGTATCAACAAATGCAAGTACACCAC
AATCAGTGAGCAGTGTGGTTCATTATCTGGCAATGGCACTCTTCAAATA
GAGCAGGGCATTGAG

>Sequence 1940

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCCCTCTCTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAGTTAGCTA
CGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATGTG
GGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCACTTTTTGTTCTCTTT
CTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAAG
CCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCTG
CCAAACATACACCCTGAATTGTTATGG

>Sequence 1941

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCGCCTGTAATCTCAGCTACTTTG
GAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTAGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTG
AGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAGACAGAATGAGACTCC
ATCTCCAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAGGCTCTA
TTTTGATACTGGGAGCCTAACTGAATGATTCTGGAGAAATTCACAGATG
GGGCTGAGGCTCACCTTCATGACAGCTGTATCAAAGGCCTAAATTTCTAA
GGCTCAGAAATCACTACAATAAGCCTATCAACAGCATGTGATACTCTCCA

Table 3

359/1077

AGCATTTTGC AACCTTAACATTTCCATCCTTTACAGTACTTTGATATCCT
CA

>Sequence 1942

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAAACCTCTGATTTA
TTGCGGGGGTAAAGCATGTTATACGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGA
ATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTGTGAATAATTCATTTTCCCC
CATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTA
TAAACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTG
TTAAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1943

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAATTAGTGGCAAACAGA
GAATAAATTCTCTCTCAGTAGTGTGACTTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCACTTTAATAGAGAGATGAGAGTCTGAA
ATGACCAGAGGAAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATACCAAAA
TAAATTAATAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCTTTTGGGAGC
CTGTTTTCTTTGCCAGATTTACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCT
TCTAACAAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTC
ATCCAATGAGCAGGGCTGTAGAATCCAGCGTTTT

>Sequence 1944

TATGTACCCACTCGCAATAACCCTACTAACTGATGGAACATGAGCACCGG
GCCGCCCTCGAGAAGTCCTTCAAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAA
AATTTATAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTTTGCTACTACCCT
TTTGGGAAAGACAAATCTCCTTCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTTACATTCC
CCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTAAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGT
GGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCAT
CATTGCATGACTCTCCTCTTTCTAACCCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCT
TCTGCTGGTGAATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGC
TCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAG
GAAGAGACAGGACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTCT
ATCTAGAAAACATTATCTCTGAGCTTTTCACCTACATTTCTTTGGCCAGA
CCTGNGTCACGTGGTCACCTCTAATTGAGAAGATGAGTATTTGAGAGGGA
CACATTTTGTTCCTCCCAAATCAGGGCTGTGTTAGGAAGAAAGCGGGA
ATGGGTCTTGGGAAGGCAGCTCGCAGTAACTCCACACAGTCTGTCCCTTT
GCTATCCAGCACTCACGCAGCCCTTTCTTAAACACAGAAAACATCAATG
TCTTCCAAAGCAAACAACCAGAAATCCATCTTGCTACTTNCAGGGCAGGC
TTCTTTGGTAAGTGCAAGTGGNGCCCCCTGAGGCCTGTGACCTTGAACT
AAAGACAAGTATTCTGCCCCGACATACTTAAGA

>Sequence 1945

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACATATATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTGTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACTT

>Sequence 1946

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GGACCTCTTTTTCAACGTGCCCTGCCTCGGTGCCTTTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCTAACCCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAACAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTTTA

>Sequence 1947

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG

Table 3

360/1077

CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCCTTCTACATTCCCCTAAGGGCTG
TGTACCTTTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATTACATTTCTTTCCAGGCAGGAAGAAAAG

>Sequence 1948

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
A

>Sequence 1949

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTCACCCGCCTCTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGGCTGTCTTTGAATTTTTTAACTGAAGTTTAATTGCC
TTTGAGTTTGATCATTCACTATTTGGCATTGTATTCTTTTGTTAATTA
TCTGCTCAAGCTCTAATTTTATAATGGAAATTTAATGGATTAACATATAA
CACCCACTATCACCCGCCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1950

GGCCTCTACGCCCTCGTACGTCNCCTAAGTAATTNTAACTTCGTNCNGGG
CCCCCCTCGAGTGTATTTCTAGAAATAATTCTCGCGGGTTAATTATCAA
CGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTT
TGGAAAGACAAATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCCTTCTACATTCC
CCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGT
GGCAGGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCAT
CATTGCATGACTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCT
TCTGCTGGTGAATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGC
TCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAG
GAAGAGACAGG

>Sequence 1951

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGATCCTCCCACCACACACACAGCA
TCAGGCGGTGAGGACAGGCCTCATGCAGGGAGACAGGGAGCGGCCAGACA
GCCTGGCACTCCTCTGACTGCTCAGGGCTTGGCCCTGGGAACGGGCCTCC
CGCCTCCATGAGGCTGTGGTCCTTACCCAGCATCTTGAGGATCGCTTCT
GCCAAGCAAACCCACACAAGCTTTGCCTCCTCCGGAAATGTCCCTGAAG
CACACATGGAGTCAGGGAGAGGGCCAGAGCCAAATCCCTCACAATGACCA
ACCACCAGGGAGGAGGCTTTCCGCCGCCCAACAACGAGAATTTCCCCCA
TGCAATATGGGGCACCGTTTAGCGGTTTAAAGAAGGGAAAGCCT

>Sequence 1952

AGTTCTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGATTAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGT
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAAGTGGT

>Sequence 1953

Table 3

361/1077

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATCATTTTAAAGATGAGGAA
ACTGGAAGCTCAGGGAGGCTAGGAACTTATCCAAAGCCTCTTAAGAGGC
TATGTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCCAAGAATTTAAATG
GCTTAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGTGT
ATGTTTGGCAGGTAGTCTACACAGGGATTGAGGGACCCAGGCTCCTTCCC
TCTGGGGGCTTTTTCTCCCTCTAGGGCTGGGAGCTCTCCATGCAGATGGG
G

>Sequence 1954

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCAACCTACATGTATATGAAGACA
GTGTTTAATCTCTCTTTGTCATTCTTATTTATGAATGGGGATAGCAACTA
AAACCTCATGAGCTGAGTATTAAGAAGGTTATATGAATTTTCTAATAGC
TCCCTAATAGCATGGTGGCTCACATATGTAAGCCCAACACTTTGGGAGGC
CGAGATGGGTGGACGGCTTCAGCCTAGGAATTAGAGACCCTCATTAAAAA
AAAATTAAGAAACAAAACCAAAAACATATGCTGATCACTTGAGCCCAGA
GTTTGAGACAAGCCTGGGCAACACAGGGAGACCTTCCTCTACAAAAAAA
TACGAAAATTAGTGGTGCATGCCTGTAATCCTAGCTATTCAGGAGACTGA
G

>Sequence 1955

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCTGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTTGGAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGA

>Sequence 1956

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGGCTAG
TCGGCGGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGC
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCGAGAATCCGAAGTTCCAGACAAATGCCCAAACCTACATTCC
TGCATGTTTCGAAAGCGTAAATTGCAAAGCACAAATCCAGTTGTAGATTGT
GGCCGGGAGCAGTGGCTCACGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGA
GGCGGACAGATCACGAAGTCAGCACTTCGAGACCAGCATGGCCAACATGG
TGAAGCCCCATCTCTACTAAAAATACAAACATTAGCCAGGCATGGTGGTA
GGCCCTGTAAATCCCAGCTACTCGGTAGGCTGAGGCAGGAGAATCACTTG
AACCCGGGAGGCAGAGGTTTCAGTGAGCTGAGACTGCACCATTGCACTCC
AGCCTGGGCGACAGACCAAGACTCCTTCTCANAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1957

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAACTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATAATTAAAAA

>Sequence 1958

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTGAGTCTTTCAAGTTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT

Table 3

362/1077

GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAANATTTAAAAACCACTTA
TGATTTCTCTTCTCTAAATTTTTTAAATTCTTCACTTGTTAAAGGTAGT
GTTTTGTCTACTCATTATCAAAGATGAAAATTTTATCTCACCTATCTCT
AGAATTCTCTTCTCTACCTCAAAATNTGTGTTAGTTATAATTATTCCAG
ATTTTGTCTTAAAATTTTAAGTAATACACTTAACTTTTGCTTTGTGATC
AAATATAGAGTCTGTTGATTCTTCAAAAANAAAAANATAAAATTAATATT
AA

>Sequence 1959

AGTACTTCTAGAAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTTATCTAGAA

>Sequence 1960

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATTTAGAGATGAGGAAAC
TGAAGCTCAGGGAGGCTAGGAAACTTATCCAAAGCCTCTTAAGAGGCTAT
GTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCAGAAATTTAAATGGCT
TAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGGTGTATG
TTTGGCAGGTAGTCTACACAGTGATTCAGGGACCCAGGCTCCTTCCCTCT
GGTGGCTTTTTCTCCCTCTAGTGCTGGGAGCTCTCCATGCAGATGGTGGA
TGGAGAAAGAGAAACAAAAGTGGGGGATTTTTATAGGCCAGGCCTGGAAT
TGGCCACATCACTTCCACACACATTCCACTGGCCAGAATGCAGTCACGT
GATCGTAGCTAACTGCAAGGAAGGTTGGAAAATGTAATGTAAGTGCATGC
CTGGGCTAAAGAGAGGAACACGGATCCTGGGGAGTACTCACAGTGTTAGA
TTCCAGTCCAGGTCTTCTGCACACAATGCCCGGGTTAATTAATTCTAGAA
AGACCTTTCAGGGGGGGCCCGGGACCCAGCTTTGGGTCTTTAAGGGAGGG
TATTGCGCGCTGGCGGATCATGGCATAACTGTTCCCGGGGGAAATTGTAT
CCCTTACAATTCCCCCACTTACAACCGAAACATAAGTGTAACCTGGGGG
GCCAAGGGGGGCTCACTCCG

>Sequence 1961

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGTCTCACTCTGTCA
CCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCAGCTCACTGCAGCCTCTGCCT
CCCAGGTTCAAGCGGTTCTCCTGCCTCAGTCTCCCGAGTAGCTGGGATTA
CACCACCACACCTGGCTAATTTTTGTATTTTGGTATAGACGGGTTTTCG
CCATGTTGGCCAGGCTGGTGTCAACTCCTGATCTCAAGTGATCTGCCAGC
CTCGGCCTCCCAAAGTGCTATTACAGGCGTGAGCCACCACGCCTGGCTTA
AGCTGCTTAAATATTCTTTCTTAGGTATCCTTGGTTTTTGGAAAAAAAAG
AATCACAGAAAATAAAAATTCCCAGTGGCAGGCTCTGTATCACTGGAAA
TTAACTTTTTTGTGTTGGTTGGTTTTTGGAGATGGAAGTCTCGCTCTGTTG
CCTAGGATGGCCTGCAATGGGCCTGAACTTGGATCACTGGAAGCTTCCGC
CTCCCGGGTTCAAGCCCTTTTTCTGCCTTAAGCCTCCCGAGTTAACTGG
GATTACAAGGGGCGGGGAAACAAAGCCGGGGAAATTTTTGGTTTTTTTAT
AAAGACGGGGTTTCACCATGTTACCCCGAAGGGCTTGATTTTTGACCCTG
GGAAAACCCCTAATTAATTTTAGAATACTTTTCAGGGGGGGCCCGGGCC
CCACTTTTGGTTCCC

>Sequence 1962

AGTACTTCTAGAAATTAATTAAGGCGGGTGATAGTGGGTGTTATATGTAA
TCCATTAAATTTCCATTATGAAATTAGAGCTTGAGCAGATAATTAACAAA
AGAAATACAAATGACAAATAGTGAATGATCAAACCTCAAAGGCAATTAAAC
TTCAGTTTAAAAAATTCAAAGACGCCGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAA

Table 3

363/1077

TCCCAGCACTTTGGGAGACAGAGGCGGGTGAATCACCTGAGGTCAGGTTG
CTGTGAGCTGAGATCACACCACCACACTCCAGCCTGGGTGACGGAGTAAG
ACTCCATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1963

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCGTCTCCCTGCCAGGCCTTGGGC
TCTGCAGAGGTGCCCACTGAAAGCTTGTCTGTGCCCTCTACACCTCAGA
GGGGTTCAGAGCCAAGCTCCAGGACCCCTGCTGTCAAAAAGTGTTCCCTG
GGAACAAGTGCAGGGAACAGTCCTGCAAGCAAGGGACTGCTTGCCCTGCT
TTCGGACAGCCTTCTGAGAGCCAGTGAAGGCCAGCAGCTGGGCTGAACAC
TACATCATCCTCAGAACCACCCTGCACAGCCGGTGTGCTCCCCGCCATCG
ACAGGAAAAACGGGCCCTTAGAGGCACAGGCAACTTGCTCGGGGTTAGGT
GCAGCGGGTGGCAGAGTCAGAATGTGAGGACAGTTG

>Sequence 1964

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAGTCTCGCTCTTTTGCCCA
GGCTGGAGAGTGCAATGGTGCCATCTCAGCTCACTACATCCCTGATTCAA
GTGATTCTCCTGCCTAAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCACTTGC
CATCATGCCTGGCTAATTTTTGTATTTTTGTAGAGACGGGGTTTCACCAT
GTTGGCCAGTCTGGTCTTGAACCTTGACCTCAGGCGATCCATCCACCTC
GGCTTCCCAAAGTGCTGGAATTATAGGCGTGAGCCACCGCACCCAGCCTT
CTGGGTGTATTTTCTTATGATGTAGAATGAGTGATAAAGCACCATAGGAG
TCACCTAGTGTTGCCTTTTCCATTTTGTAGTTGATAAATGGAGGTCTCAG
TCTCTGTTAATTAGTG

>Sequence 1965

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCACTAGATAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATAT
ATTTGGATTTTTTCCAATTCATCATT

>Sequence 1966

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCCTGGTGCGTGAGATAATAACATTTCCCTTTGTTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTATCCACCCACATATTTGTAAAACATATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGA
AACATAGCAGGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAATTTT
AAAACATATGCCTCTCAGACCTAAACTAGGCCCATAGAAGGGCAAA

>Sequence 1967

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGGATCAACTGTGGTCAGGAGTT
TGAGATCAGCCAGGCCAACCTGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACA
AAAATTAGCTGGGCGTGATGGTGGGCGCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGA
GGCTGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAG
CCGAGATCGCACCATTGCACTCCAGTCTGGGCAACAGAGTGAGATTCCGT
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG

>Sequence 1968

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGAATGAGTGGGTGTTATATGTTAA
TCCATTAAATTTCCATTATGAAATTAGAGCTTGAGCAGATAATTAACAAA
AGAAATACAAATGACAAATAGTGAATGATCAAACCTCAAAGGCAATTAAAC
TTCAGTTTAAAAAATTCAAAGACGCCGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAA
TCCCAGCACTTTGGGAGACAGAGGCGGGTGAATCACCTGAGGTCAGGTTG
CTGTGAGCTGAGATCACACCACCACACTCCAGCCTGTGTGACGGAGTAAG
ACTCCATCTAANATAAAAAACAAAAGATAAAAAATAAAAAAG

>Sequence 1969

Table 3

364/1077

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAATAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTACTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGATGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTTTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGATGAAGAGGAA

>Sequence 1970

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAACCTCATTAGTCACCAGACAAATGCAAATTAAGTCAAAATGCAATAC
CTGTACACACCTCACAGAATGGATAAACTTGAAAGACTGACAAACCAAA
CCAACACAAAGCTGGTCTGAATGTGGAGCAAGGAAGACGCTCGTACTCTC
CTGGTGAGCAAGGTGGAGATGGTAAAAGAGCTGGTGTAACTTTGGAA
AACTGTTAGTATCTATTAAAGTCAACCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTA
CTCTCGAGGGGGGG

>Sequence 1971

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGCTAG
TCGGCGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGC
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCGAGAATCCGAAGTTCCAGACAAATGCCCAAATACATTCC
TGCATGTTGAAAGCGTAAATTGCAAAGCACAAATCCAGTTGGAGATTGT
GGCCGGGAGCAGTGGCTCACGCCTATAATCC

>Sequence 1972

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAGTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAAACAAATGATCTTGGGACAAGTGGATAGCCATTC
AGAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCACATAAAA
TCAGAGTTAAATGTNNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG

>Sequence 1973

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAGCGGTGGACACTGCAGAGT
GGGCATCCAGCCACTGCTACTTCCATGCTGGGATGAGCAGCCAGTGTAGA
ATAAACCTGTGTGCAGTGAAACAGTCAGTGTGCAGTATCCTATGGTGCA
TCTAAACGTATGTACTTGCTGCAAATGCACATCTACAAGGACACTCACGA
CTATTTTCATTCTTGATAACACCTTCTTATGACTTGACAAAGAAAATTCA
AGCTTTTGGCTGAGGGTAGTGGCTCGCACCTGTAATCCCAGCACTTTGAG
AGCCCGAGGTGGGNTGGGTCACCTTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTG
ACCAATATTGTGAAATCCTGTCTTTACTAAAAATATAAAAAATAGCCCGG
CN

>Sequence 1974

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTATT
GGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATGG
CTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCAATTTTCCCCATT
TGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAAA
ACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTTA
AGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1975

Table 3

365/1077

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGCACAGGACTGTACTTTTGGTA
GCGGTGCGGGGGCCGCCCCGGACCTTAACCCTTGATTAAAAAGGGGTAAA
CCTTATTTGGAACAGCCATTGACTGGGCACAGGCCAACACTTTGGAAGCC
GAGAGGCCGAGGCAGGAGGATCGCTTGAGGCCAGGAGTGCCAGACTGCGA
GACTAGCCTGGGTAAACATAGTGAGACCCTCTCTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGCCTGTCACGGTGGCCTGCGCCTGTACCCAGCTACTCGAG
AGGATCGCCTGAGCCCAGTGAAGCTGCAGCGAGCTGTGAGGATGCCACCG
CACTCCGGCCTGGGCTAAAA

>Sequence 1976

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGAGCAGCCCAAGTGTCCAGCCACA
GATGAGCAGTCAAACGCAGGGTGGCCCTCCACACACTGGAAAGTGACGCA
GCCGTGAACAGCAGAGAGGTTTCGGACCCAGGCCACGGCGCGGATGCCCCCT
TGAGGACAGCACACTTCCGGAGACAAGCCGGACGCAAAAGGCCACGCGGT
GTGTGACACCCTCGTGTGAAATGTTTCAGGACAGGCCAATCCAGAGGCAG
GAAGGGAATGCGTGGGTGCCGGGACTGGGGAGGGAATGGGGAGTGATGGC
TGACAGAGACGGGGTTTCCTTCTGGGGTAACAAGAATGTTCTGGAAGCTG
ATAGAGGTGATAGTTGTGCAACTCTGTCAATGTACTATATGCCACTGAAT
TACACACTTTAAAAAGGTGAACCTTGCCGGGTGCGGAGG

>Sequence 1977

GTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTTGTAGAGACAGTGTTTTGCCATGTTGCCC
AGGCTTATCCTGAACTCCTGTACTCAAGAAATTCTCCTGCCTCAGCCCCA
CAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGATCCCACCATGCTCAGCCATTCTTTT
CTAATGGGAGAGTCCGTTGCCCCACCTCCTTTATGAACAGTTCTTCTCAT
TGATGTGAAATGCTACCAAATAATATTTTTTTTCTCTTTGTAATTTCCGA
TTGACCAAATAATTATTTACTGGGATCTTATATAAATAAAGACTCTTAAG
ACTTTAGCTTTTTAGTAAATATTAATAATTACTTTTTTTTGGAGACAAAGTC
TCACTCTGTCACCCTGGCTGGAGTGCAGTGGCACGATCATGGCTCACTGC
AGCCTCCTTCTTGCAAGTTCAAGCAATCCTCACACCTCAGCCACCTGAGT
AGCTGGGAATACAGGTGGGCACCGCTGTGCTCGGCTAATTNNTTAATTTG
GGTAGAGGTGAGGTGTCAGTGTATTGCCTAGGTTGGTCTCAAACCTCCTGG
GCTCAAGCAATCCACCCACCTCAGCCCTAAATTGCTGGTATTATAGGCGT
GAGCCACCGCACCTGGTGTAAATATCGAAATTATTGATAAATATTTACCA
AACTAGAAATGGTTTCTATAGCTTACAGTTACAAAGAAATAGGACTGAA
AACACACCTAATGTAAATGGGACGAATTTTAACTTTATTTATTTGGTGG
CAGTTCTGAGCCCAAGCCTTAGACTTTTTTTTAAATTAGTTATTAACTAA
GTATCACTGAAGAAAAGGGATNATGTGTGGAAGAGTTTATGCCCAATTAA
AACCTTGCGGTAACTTTAAACCTGGTATTTTCCATTCTTTTGCAACCTA
GGCGAGGAGGTCTGCACCAGGGGGAG

>Sequence 1978

AGTACTTCTAGAATTATTTAACGCGGGGCCTTTTTCTGCTGCTTCCCAGCT
CCACATCAACCCAAAAGGGCTTCAGGAAGAGGCAACCAGGAACCCAACAG
GCTTGTCTAGGTGCCTCCATCCCTGGGGCTCTTCATGGACAGCAGCTGC
CAAGGCCATAGCTCTCATACGTGTCCTTCTGCAGGTGTTCAAGAGGGCC
TTTCTTCTCTAGACTGCTCTCAGGTATCCTGATGACATCTCTGCTCAGAA
GAGTGGACTGATGAGAAATTGGATGAGATCAAAAAGCAAGCCCATAGCTG
GAGGAAGACTGAGATGAGATCTTGATTCTCTGGTTCCTGGCTCAGGAGCC
TGCCCTCATACGCACCCACTAGCTGCCCGGGTGGT

>Sequence 1979

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGCCACTGCCAGAACCAGTGA
CGGTGCCGACACCCCTCCGCAAGCGCAAGGCCGACTTCCATAAGTAATTA
GCCAGAGCACCGTCCCGTTCCTGTCAGCACCGAGCCCCAGCCAGGACACC
GGTATTCCCAGCACCATACAAGAACTACTTTTTTCGATGAGGCAACCCAAA
AGCTGCGAGCGGTTCCTGGTGAGGCCGCCACTCACCTGGCCGGCGCAGA
CAAGACTCCGTGCGTCAAGACATAACAGCGCTTCTCAGAACTTTGCTTCT
CCAGCAGAATAATCCTGCGGAAGACTGAGCAGTTCTTGTGAGGGTGAAAC
CATGGCCCATGCATTGGTGACGTTCT

Table 3

366/1077

>Sequence 1980

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCCTGCCTGGAGGGAGCTGCCACC
CTCAGCTGCAGCCCCAGACCTCGCGGTTGCTCTCATCCGTCGTTCCCAGT
GTGGGCAGTGACGCAGCACCACGGTAAGTTCTGTAGAGTGGACGCCACTC
GCTGGCAAAGCCCAGCAGGGCAAGGAATAAGTGTCACTCAGTCTTTATCC
AGAAAAATCCACCAATGTACTTTTAGTGCAGTATTAACAGATGGTAGAAA
ATGGAATTGCCTAGAGGGATTNTAATCTCTTGAGGGATAATTCTGGTACT
TGTACCTGTCTGATGGTCGTGTAAGTCCATGTTAACAAACCTGGGACCAC
AGGAAAGGAGAAGTATGCGAATAACAAACAGGTGGAG

>Sequence 1981

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAA

>Sequence 1982

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGAGACCATGGGGATCCCCAGCATG
ATCCTCCTGGGGCACAGTTTGGGAGGATTCCTGGCCACTTCTTACTCAAT
CAAGTACCCTGATAGAGTTAAACACCTCATCCTGGTGGACCCATGGGGCT
TTCCCCCTCCGACCAACTAACCCCAAGTGAAGATCCGTGCACCCCCAGCCTGG
GTCAAAGCCGTGGCATCTGTCTAGGACGTTCCAATCCATTGGCTGTTCT
TCGAGTAGCTGGGGCCCTGGGGGCCTGGTCTGGTGCAGCGATTCCGGCCGG
ACTTCAAACGCAAGTTTGCAGACTTCTTTGAAGATGATACCATATCAAAA
TATATTTACCACTTCAACGCACAAAATTCCAATGGTGAGACCGCATTCAA
AGCC

>Sequence 1983

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACCTCCTGGCCTCAAGTATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCGCCCAACCCTGTGT
TTATTCCTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAA
CACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTT
GGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAATACAGCGCAAATGATTTGG
GGTCTGTGAATTCAGTTTTATTTATTTGGCTCCTTCCTTTAAGGAGTCAG
GCTAATGCAAGAAAATCCAATAATTAGATCTTTTGGATTTCAAATAACTG
GT

>Sequence 1984

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAA

>Sequence 1985

AGTTCTTCTAGAATAAATTAACGCGGGTTTTTCTGCACTCCAACCTGGG
CAACATAGCAAGACTCCATCTCTAAAACACACACGTGCACACACACACAC
GCACACACATAACAAAATGCTCCCAAGTTTTTATTAGACCCAAATGTTTG
CTGTTTATTACCAAAAAGATAAGATTTTCTTTTAAATAAAAAGAAAAATG
GCTGGGTGCAGTGGCTCACGCTGTAATCCAAGCACTTTGGGAGGCTGAG
GCGGGGCAGGTGAATCACTTGAGGTGAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCA
ACATGGTGAAACCCTGTCTCTGCTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAA
GGCATGCTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAG

Table 3

367/1077

>Sequence 1986

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCGCCTGTAATCTCAGCTACTTTG
GAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTAGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTG
AGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAGACAGAATGAGACTCC
ATCTCCAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGCTCTA
TTTTGATACTGGGAGCCTAAACTGAATGATTCTGGAGAAATTCACAGATG
GGGCTGAGGCTCACCTTCATGACAGCTGTATCAAAGGCCTAAATTTCTAA
GGCTCAGAAATCACTACAATAAGCCTATCAACAGCATGTGATACTCTCCA
AGCATTTTGCAACCTTAACA

>Sequence 1987

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCCTTTATATCAACAGCCTTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCCTTGACAGATATACAGGGCTCCCTACACACACTGGGATA
TCTAGGTACAAGCCCAAAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGTAT
TTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAAT
ACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTCGCGAGCTCAAGAC
CAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTT

>Sequence 1988

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1989

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCCTCCTTCTACATTCCCCTTAGGCCTG
AGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAATAGGAAGGAGGAATAGA

>Sequence 1990

CTTAGGGAGTCGCCCACGCGTCCGGCTTGCTTGCTGCGCTTCTCCTGCAG
CCTGGTAGGCACTGGCTGCTACTTCAGCTTCAGCCTTCGTCGCGACCCCT
ATTTTGGCTCCAGTCTCCGACCCTGCTCCGTCTCTCTACTTGGTTGC
ATCCTCCCTCCTAGTTCCAGATTTGCGCCAGATCCTGCTCCAAATCCGGT
AGCCGCATCCCCAAGCCATGGCTGGTCCCTTCTCCCGTCTGCTGTCTGCC
CGCCCCGGACTCAAGCTCCTGGCTTTGGCTGGAGCTGGGTCTCTCGCCGC
CGGGATTCTGCTCCGTCCGGAATCTGTACGAGCTGCCACCGGTGAACGGA
GGAGACTGTATCCNCCGAGCGCTGAGTACCCAGACCTNCGAAAGCACAAAC
AACTGCA

>Sequence 1991

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGCCTGCTAACATTTAGTCCATCAC
TATCCCTTAAGGGGAGAATAATGCCCATGAGACCTCAGGGGCGGGGTGAC
TACCCAAGATAGCCATCTGAACGTGACACACGGACCCAATTTTCCTGTAA
CCTTAAGGTGGTGTAAAAGGGGCAACCATCTGGTCATTTCTTCGAGTTTT
TTTTATATTTTGTATAACTCCTGTGCACATAATAAAATATGTAAGCCTAT
TTTTCTGCTAATGTGTGTACTATCAGTTTGTTTTATGGACTCACCCCTAA
GGAGAAAAATGTAAATTTACCTACATGTGAAATTTAATTTGGAGCTTGGC
TGCCGTGGACCTATCTAAACTGGGTGGCCTGGGCTCTTCCTTCCCAGAT
AAAACCTCTTTTTTTTTTTCTTTCTGAAGATGGTAAGGGTGGAAG

>Sequence 1992

GGCCAAGATAATGCAGTTGCGTAAACACTCACAAATTAACCTGAAGCTTCG

Table 3

368/1077

TGCCGGGCCCCCCTCGTTATGTACTTCTAGAAATAATTAAATGAATTTA
TATTGGGCATTCATATGTGCTAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTAT
GATGAATATGACAGACAGATACCTGTTCCCAGAGAGTTTATAATGTTGAG
GTAAAGAGCCACATAAAAGACAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTG
GGATCAATGAGGAGGGATGCCTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTG
CATAGAAGAGGTATCATTTAGGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGT
AGGGAGAATTCCGGGCATTGTAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCA
TGTGCAGAGACCTAAAGGCATGAGGGAGGGCAAGTAA

>Sequence 1993

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAATTATTATTTAATGAGAAA
AAAATCCACGTGTATACAACATTTCAAAACAGAAGTTAAATCATTAAATA
GTACTTTTTATTAAATGTTTATAAGGCAGATCTATGAGAATGATAGAAA
ACATGGTGTGTAATTTGATAGCAATATTTTGGAGATTACAGAGTTTTAGT
AATTACCAATTACACAGTTGAAAAGAAGATAGTATATTCCAAGCAGATTC
AAAATATCTAATGATAGATCATGGCTTGAAAATGTCTTTGTACTAATTGA
CAGTGGGAAATGGAGTGTGATGGGATTGGTACGTGGTGCTGGATAGCGAA
AAG

>Sequence 1994

GCCCTGTCTCGATCTATTCTTAGGGCAATTGGAGCTCACCGCGATGGCCG
CCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAAACTTTTA
TTTATTGGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCT
GAATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCC
CCCATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGT
TATAAAACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTT
TGTTTAAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1995

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAAGTTAGCTA
CGATCACGTGACTGGATTTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATGT
GGGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCTCTT
TCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAA
GCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCT
GCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCTAAT
GTGTTAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTACAGC

>Sequence 1996

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGTTTTAAAAAAGAAAAGAAA
GCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACA
AATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTG
TGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCTAACCCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCAT

>Sequence 1997

AGCCATGTGCTCTAAAGAGTTCAGCGGCGTCAAACACCACATGCGCCGTT
TCCCACCTCCCACGTTTCCAGTCTGCGGTAAGGATGGCAACGCATAGCCTG
TACTGCATCCCAGACCCCTAACCCCTTAAAGCAATGATACCGAAGCCGCGC
TGATCGCCGAGATCCGCACGTCCGGTTGGCTATCAGCGACAAACGGCGCT
GGTTCTGCGTGCTCGATCACCGTTACCGCAAATCCGTGCTGTGCCAGCCC
CAGCGCCAGTGCGCCGCCGACCATTCCCTGCGCCGACAATGGCAATTTCCG
TTGGTTGATTTGTCATGGTCAATCATCCTGTTAGCAATATGCTTTAAGTC
TACAGGATTTTTACCCCTAAGGGCTGATAACGCTCATACTGGTCACAACG
GCAGCAAAGCATTACACTATGCGCCCTGCATTCCTGGCTACTATTTGCA
AGAGCAAGTCGATGACCAAAAAACTCCATATTAACCTGGGGCTGTCAG
ATGAACGAGTACGATTGATCGAAGATGGCCGATCTGCTGGATGCCACCCA

Table 3

369/1077

CGGCTATCAACTGACCGACGTGGCGGAAGAAGCGGATGTGCTGCTGCTGA
ACACCTGCTCAATCCGCGAGAAGGCTCAAGAAAAAGTCTTCCATCAGTTG
GGCCGCTGGACACCTGTAN

>Sequence 1998

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGATGGAATCTCACTCTGTCA
CCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGGAAGCTCTGCCT
CCCAGGTTACACCATTTCTCCTGCCTCAGCCTCTCAAGCAGCTGGGACTA
CAGGCGCCAGCCGCCATGCCTGGCTAATTTTTTTTTTGGTATTTTTTAGTAC
AGATGGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCG
TGATCTGCCCACTTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCC
ACCATGCCCCGGCCGATTTACCTTTCAATGGCAATTACTATAAGACAGGA
AAGTTATTTATTTTTATATATTTACCTAATTTTAAGTTACCTTATACAAC
CCTCATTAATAGTCTGTTAGAACTAGAATTTAACTCTATGTGAATATGG
ACCTTATTTAAACAATGTATCCCTAGCACCTAGACAATGCCTAACCTGTC
ACATTAACCTAATATATATTTTTATTTATATTTTTTGTTTAATTATTTTTT
TTGAGACAGACTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGTAGTGGTGCGAT
CCTGGTTTACTTGAATCTN

>Sequence 1999

TTTTACTTTTTTTTTTATTTTGGTTTTATCTTTTTTGAGCTCCCCTCAGACG
CGCTACTACTAATCCGTGACGTATAGGGAACACACGCTGGGTACCGGCC
GCCTCCCTCGAGAGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGT
CTACCTACAGAATTCCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTTAA
GTCACTTTTAGTTGGATTTTCTGTTATTTTCAACCAAAAGCATTCAATTG
ATAGAAGTGATGTAGTAAGACTGTGACAGTTTTTATTCACCCACATATTT
GTTAAACTATGCCTTGTCTGACCAGACTGTTTTGGCTTATGCTTGTTTTT
TCAGTTCTTTTTTTGGTTTTATTGATTATTGTTAGTTTTGTGTTACAGAAT
TATAAAGCTAATTTCTGTGTATCATTATTAAGTGTTTTTTTTGTGGTTTTA
GTTGTGTTGTTTTTTGTTGTTTTTTTT

>Sequence 2000

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTCTCATACACGAAGCACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTAGAATATTGGTGCATTTTTCA
ATAAGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATTTCCAAGGT
TTCATGCATCCTCATATTCACCCACACTTTAAACTATCATTATAGTC
CACCCATGAGATTTGCTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGTTACCC
CTAGAACCCATCTATGCGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGGCTAGGTCATA
TACTCCACCCTTGGAGCAAGGGCAGAGTCAGCTTCTCCGGAACCAGATGG
AGCCCCCTCAAATATCAGGGGC

>Sequence 2001

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAGTTAGCTA
ACGATCACCGTGACCTGCATTTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGA
TGTGGGGCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCT
CTTTCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAA
AAAGCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTA
CCTGCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCT
AATGTGTTAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTAC

>Sequence 2002

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 2003

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAACTGTCTAACTTAAACAA

Table 3

370/1077

AATGTTTTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAACAATAAAT
CAGAGTTAAATGTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 2004

TTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTAGACGGAGTCTCCCTCTGT
CACCCAGACTGGAGTGCAATGGTGTGATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGC
CTCCCGAGTTCAAGTGATTCTCCTGTCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGAT
TACAGGCGCCTGCCATCATGTGCCGGCTAATTTTGGTATTTTATAGTAGAG
ATGTGGTTTCACCATATCGGCCAGGTTGGTCTCAAACCTCCTGACCTCAGG
TGATCAGCCCGCCTCTGCATCCCAAACCTGCTGGGATTACAGGCGTGAGGC
CACCACACCCAGCCCGGATTACCCTTAAGTAGGAGGTACATTCTCTTCCA
TTGAAAAAGAGAGAGAGCAGAGAATAGATGCACAGGCAAGCAGATCTGTA
TCCATTTTGTGTGGGAAGTTGCTTCCTCTCTGATGTTCTCTCTCTCTCT
CTCTCTCTGTCTCTCTCTCTCTCTGTTTTCTCTCTCGTGCTTCAAGTAG
GGAATGATTAGTGAGTGATACTGTTTGCTAAGTAGTAAGAAAATAAAGAA
GGGGAACACAGAAAGAGTGTTTCATAGAAAATGCTGGCAATGTCTAGAG
ACATATTGCTC

>Sequence 2005

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTATTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACCTCGNAATTTATATTAAAGGTATATATACCTTGTTAA
TTGGACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCT
TTATTTGCCTTCGTTTTTTGAGTTCCCTTATTCATCCTAAAACAAAATAT
AATGCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTAAATGAATTACATT
GCATTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAA
GAAATTCTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTAAAGAAGGTATTTTT

>Sequence 2006

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTTTCTCTTAAGGGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAG
GACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTG

>Sequence 2007

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGACTGCTAACAATTAGTCCATCAC
TATCCCCTCAAGTCAAAATAATGCCCATCATACCTCAGGGGGCGGGGTGAC
TACCCAGATAGCCATCTGAACGTGACACACGGACCCAATTTTCTCTGTAA
CCTTAGAGGCGGTGTAAAAGGGGCAACCATCTGGTCATTTCTTCGAGTGT
TTTTTATATTTTGGTAACTCCTGTGCACATAATAAAATATGTAAGCCTAT
TTTTCTGGTAATGTGTGTACTATCAGTTTGATTTATGGACTCACCCCTAA
GGAGAAAAATGTAAATTTACCTACATGTGAAATTTAGTTTGGAGCTTGGC
TGCCGAGGACCTAGCTC

>Sequence 2008

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA

Table 3

371/1077

TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGCAGATAGTTCTGGAGGGCAGC
TAGTGGGGGAGGAAGTGAGAAAAGGAATGATTGTGGAGAAGTAGTCAAGG

>Sequence 2009

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCN

>Sequence 2010

AGATGTTACGCCAGCGCTCATGATCCCTTCTAATTGGAACAAAGCGTGAC
CACGTGTCAATAAATCGAGAGCTCTTATGGATGCAGCCACCCTGAGCCT
TCCCTTGTTATTGTGTAGCCAGAATGCCGCAAACTACCATGCCTAAGCG
AACTGTTGAGAGTACGTTTCGATTTCTGACTGTGTTAGCCTGGAAGTGTC
TTGTCCCAACTCTTGTGTTCTGAGCATTGAACGCCTCGCATGCCAACATG
TATAGTTGAATGCATCAGGTGCGATTAGCGAGCATGATATCATAAACGCA
TCTGAGCATGCTCGTGTGCGGCTATTGGCGTTTGCCTAGATCCGTACGCAA
GGACTTTTCAAGTCTCGGAAGGTTTCTTCAATCTGCATTCGCTTCGAATA
GATATTAACAAGTTGTTTGGGTGTTTGAATGTCAACAGGTAAGTTAGTTG
CTAGAACCCATGGCTCCTTTGCCGACGCTGAGTACATTCTAGGTGACGGG
TGGTGACAATGAGTCCGGGTGAGCGCTGATTCTTTCGGCCTTTAGAGCG
AGATTTATACAATAGAATATGGCATGAGATTGGATTGCTTTTAGTCAGCC
TCTTATAGCCTAAAGTCTTTGAGTGACTCGATGACATCTCATGTAAGTCG
CTGATCGGTTTCCAGTTTCCCGTCTAGGTCTGCATATTGCACTTTGACC
TTTACTTGGCTTAACCAAGTACCAACCCATCTTCTCAACGGACTTATACCA
TGGGAGCTTTAAGCCCTCATTACTTACAATGAGCGGTGGGTGTTACTCGG
AAGAAAGCTTACACCGGCCGGTGCAAATTGGGCTTAGCCTGCTTTGAACA
TGCTCTGAAAGCGGGACGCTTCTTAATAGGAGTACACTACCACGTTTTTG
CACCGAAACTGGCATAACCAAGGGTTTAGCTCCAG

>Sequence 2011

AGTACTTTAGAATAATTAACGCGGGCACCCAGGGATCGCAGGCGGCCGAA
TACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTGTGAGGGCCTGCCT
TGGCTCCTGCACCCACACAGAACGTGATACTGCCTTTATTCTCTCCAC
CCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGACGGGGGTCCACAAGAG
TAATTCTGGAGAGATGGCGTCACGTGAGGAATGCTTAGAGACCCACGGAG
CCAAGTCACGGGACCTCAGCGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACCTCCA
GTCGACAGCATCGGGTAGGCCACACGTGTGGCGGAGGAAGTGAGTGTC
CTGGCCCATCACCAAGCACAGCTGGCAGAGGTACCTGTGCAGGCGAGTCC
AATGCCAGCTCTATAATAAACACGCCTTGCGGTGCTGGAAGAGACTCAN
AGTCCATCCAAGACAGATTCTGTCTTCCCACTAACTGGAAGCTCCTTAA
AGACCGCGATGTGGCAGTTTTGCTATCAGCTATGTGCCAGTGCTTAACA
CATGGCCCGGCTGCCTGAGCACTCAGAAAGACACCTGACGGACAAGGAA
CCAATCAAACAGAGATTGGCCCACTCCACCCCAAGACCTGACAGTCAAA
AGTCATTAAGCACCTGGCAGGCCCACTCTCTGGCCATACCCATGCCT
CAATTTCCCAAGCATGGGGGAACTGAATATTCCAAATATTGCCCAAAC
ACCATGGTTTTCACTCTCTTTGACCCAAAAGTCTTTTTTCGGAAGAAATC
TGACATGCAAACCCAGATCCACCACAGTTTAGACAGGGGGGTTGGAAAG
GAGGCTCAAACCTGGATTCT

>Sequence 2012

TTGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCG
AGATTGTGCCACTGCCCTCCAGCCTGGCAATAGAGCAAGACTACGTCTCA
AAAAACAACAAAAAACAACAAAAAAGTATTTTGACCAGAATGGAAAG
GGTGTGTGTATTCCATTTGGTTTGTGTTTGTAAATAACTTAAAAATAACA
ATTTGATACCAAGTTATTTTTTCAATCAAAAAACATAAAACAAGTTACA

Table 3

372/1077

ATTCCAGAATGCCATGATTTGGCCAACATTGATGACTTGAACATAATGAC
GCAGCCAAGGAGGTAGTTGGTAAAATAAAAATAATTCTGTGCTAGGGAGT
CAAGATCCCTAGGCTAAAGTCCTTGACACTGCTTAT

>Sequence 2013

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAAAGCGGGTTCATACAACAA
CCACTCAGATGTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTG
CATTATTCAGAAGGCTCTTCCCTTCATAGCCCCAAGATAAACGTGAACAA
TTCCCAAGGTTCCATGCATCCTCATCTTCACCCACACTTTAAACTATC
ATAACTAGTTCACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAA
GTGTCCACCCCTTGAACCCATCTCTGTGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGG
CTAGGTCATATACTCCACCCTTGAGAGCAGGGGCAGAGTCAGCTTCTCCAG
AACCAGATGGAGCCCCGCTCAGAAATCACGGGCTATTGGGTCAAGGGAAG
AAAAAAATAAATGCTGCAAGAGGTAACCAATAAAGGTATGTGCTTGATCA
TACGAGGAACATTTGAAGGAATAGTGTCTTAGCTTAAAGATGAATAGAC
ATGAAGAGGACAAGGTAGCTTAAGATTTGAAAGTGGTATTTGGAGGAAGC
GTCAGATTTACTGGGTGTAATTCTAGTACTGATGGTTAAAGGGATGCAGA
TTTTGATTAAATTAAATA

>Sequence 2014

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA
TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGCAGATAGTTCTGGAGGGCAGC
T

>Sequence 2015

TAGTACTTCTAGAATTATATTAACGCGGGTTTGCCTGGAGGGAGCTGCCA
CCCTCAGCTGCAGCCCCAGACCTCGCGGTTGCTCTCATCCGTCGTTCCCA
GTGTGGGCAGTGACGCAGCACACGGTAAGTTCTGTAGAGTGGACGCCAC
TCGCTGGCAAAGCCCAGCAGGGCAAGGAATAAGTGTCACTCAGTCTTTAT
CCAGAAAAATCCACCAATGTACTTTTAGTGCAGTATTAACAGATGGTAGA
AAATGGAATTGCCTAGAGGATTTTAATCTCTGATGGATTATTCTTGTACC
TGTACCTGTCTGATGGTCGTGTAAGTCCATGTTAACAAACCTGGGACCAC
AGGAAAGGAGAACTGATGCGAATACAAAN

>Sequence 2016

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACTCCTGGCCTCAAGTGATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCCCCAACCTGTGTT
TATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAC
ACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTTG
GCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAATACAGCGCAAATGATTTGGG
GTCTGTGAATTCAGTTTTATTTATTTGGCTCCTTCCTTTAAGGAGTCAGG
CTAATGCAAGAAAATCCAATAATTAGATCTTTTGGATTTCAAATAACTGG
AAGAGGAAGTGGTGTATCTAATGGTTTAGGCATAATGCGTGTTTTTTC
CCGTAGGCCTGTGTGTATATGTGTGTGTGTGGTTGNTCTTAACCTGAAGA
ATTAAACACTTGTTTTCCCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 2017

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAAATTTCTCTCTTGTG
CCCAGGCTGGAGTGCAATGGCATGGTCTCAGCTCGTGGTCTCACTGCAAC
CTCTGCCTCCCAGGTTCAAACGATTCTTCTACCTCAGCCTCCCAAGTAGC
TGAGATTACAGGTGCCTGCCATCATGCCCGGCTAATTTTTTGTATTTTA
GTAGAGACAGGATTTTCATCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTTGAC
CTCAGGTGATCCGCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGACA
TGAGCCACTGTGCCCCGTCCTTGTGTTTTATTCTAAAAGATAATTTTAA

Table 3

373/1077

GTTTTCAATTCATATGTTATTAAAATGCCACTAAATACTAGAGCAATATAT
AGCAGGTATGATAGTTTTGCTATTTATTTTATTATGCCAATGGAAAATTA
AAAATTTAATAAGTTTACTTATGTTATTTTCAGTACCAAATAAAAAATGTA
AATTGACTGATTTTGTAACCTATAGTTAAGGATGCATTTCCACTTTTTAAA
ATGAGTACTTTAAAAATAAACAGTGATCATTGAATGAAAAAACATAATA
TTTAAAATTTGTAT

>Sequence 2018

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTCTCATACAAGAAGTACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTGCATTTTTCA
GTAGGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATTCCCAAGGT
TCCATGCATCCTCATCTTCACCCACACTTTAAACTATCATTTCTAGTT
CACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGTCCACCC
CTTGAACCCATCTCTGTGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGGCTAGGTCATA
TACTCCACCCTTGGAGCAGGGGCAGAGTCAGCTTCTTCAGAACCAGATGG
AGCCCCGCTCAAAAAT

>Sequence 2019

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATCATTTTAGAGATGAGGAA
ACTGAACCTCAGGGAGGCTTAGGAACTTATCCAAGCCTCTTAAGAGGC
TATGTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCAGAAATTTAAATG
GCTTAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGTGT
ATGTTTGGCAGGTAGTCTACACAGTGATTCAGGGACCCAGGCTCCTTCCC
TTTGGTGGCTTTTTCTCCCTCTAGGGCTGGGAGCTCTCCATGCAAATGGG
GGATGGCGAAAGACAACCCATTGTGGGGGATTTTAATAGGG

>Sequence 2020

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGTCTCCCAGGGATCGCAGGTGGCC
GAATACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCTG
CCTTGGCTCCTGCACCCACACAGTTCGTGTTTCTCCCTTTATTCTCT
CCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCACA
AGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAGGTGAGGAATGGTTAGAGACCCAG
GGAGCCAAGTCACGGGACCTCAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACC
TCCAGTCGCCAGCATCGGGTAGGCCCACACGTGTGGGGGAGGAAGTGAGT
GTC

>Sequence 2021

AAGTGGGATNANTCCACTAAGGGACATGGGCAGAGTCTCGGCCNCCCCTC
GAGAGTACTTCTTGTATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGTATTG
TACTGGAATCTAACACTGTGAGTACTGCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTT
TAGCCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTCCTTGCAGTTAGC
TACGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATG
TGGGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCTCT
TTCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAA
AGCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACC
TGCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCTAA
TGTGTTAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTACAGCTGTTAGCCCAGTCT
GACTAACATAGCCTCTTAAGAGGCTNTGGATAAGTTTCCTAGCCTCCCTG
AGCTTCAGTTTCCTCATCTTTAAAATGATAATTGGAACCTTTCTGAA
AATGACTGAGCTAATATTTGTAAAGGCTACATATGAACTTTGTAAGCCCT
AGGCACTTTCCGTTTGGAGGGGGCCTTCCTCNNNNNTNAGAAATATNAA
TAATAATAAAA

>Sequence 2022

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCACTTGAATTGTTTTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACTCGTCATTTATATTAGGTATATATACGTGTTTCATTG
TACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTA

Table 3

374/1077

TTTGCCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAAT
GCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTTAAATGAATTACATTGCA
TTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAA
ATTCTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTTAAGAAGGTATATTTGCTA
GCAAAGAAAGAAAAAATATGACAGCTTATTTATATAGAAAACCTATGTAT
TCTGGGATTTTTTTTTGTTTCAAGTCTGTATTATGAATATCATGCTTATC
CTCCCCCGCCTTAATTAATTTTAGAAGTACTCTT

>Sequence 2023

TAGAGTACTTCTAGTATTAATTAAGGCTTTGGAAGGGATAGCATGATATT
CATATACAGACTTGAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTTCTA
TATAAATAAGCTGTCATATTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTC
TAAAAAATGTTTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTTAGACTTCCT
CTATAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATT
TAAAAATACTGTGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTTA
GGATGAATAAGGGAACCTCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTA
GATGGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACACGTATAT
T

>Sequence 2024

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTCATACAAGAAGTACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTGCATTTTTCA
GTAGGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATTCCCAAGGT
TCCATGCATCCTCATCTTCACCCACACTTTAAACTATCATTCTAGTA
CACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGTCCACCC
CTTGAACCCATCTTTGTGGCCAGAAAAAGGAACGATTGGCTAGGCCATAT
ACTCCACCCCTTGAACCAGGGCAAAATAATTTTTTCAAAAAACAAGGGGC
CCCCCCCCAAAAAAAAGGGGCCTTTTGGGGAAAAAGAG

>Sequence 2025

GCCCCATGTAGCAGTGATGCAACAACCTTAGGGAATATTGTAATTTCTGC
CCCCCCTCGAGAGTATTTTTAGAATTAATTTAGGCGGGCTGTTTTTACC
ACTACACTGCAGCCTGGGTGACGGAGTGAGACTCTGTCAAACATAGAAGA
TAAGATGAACACGCACAAGAATGAAAATGGACTGTGCAATACTAAAATTA
ATATGAAAATGTAGAAATTTAAATACCAAAGAAATTTTGAAAAATAACA
AAGCTGGAAACTGGCCTTGCTGACTTTGAGACTTGTAAGCTATAAAAA
TTAAGACAGAGTGATAATAATCTCAAACCTATACAAATAGTTAAATGTGAC
AGAACAGGTAGACCCACATATATATAGATAGCTGATATTGAAGAGACATG
CAAAGTTAATTCATGGGCAAAAAGATAGTCTTTTCAATAAATGGTGTTAA
AATAATGGTTATT

>Sequence 2026

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGAAGGGATAGCATGATATTCAT
ATACAGACTTGAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTTCTATAT
AAATAAGCTGTCATATTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTCTTA
TAAATGTGTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTTAGACTTCCTCTA
TAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATTTAA
AAATACTGCGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTTAGGA
TGAATAAGGGAACCTCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTAGAT
GGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACACGTATATATA
CCT

>Sequence 2027

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCTTTATATCAACAGCCTTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCCTTGCAAGATATACAGGGCTCCCTACACACACTGGGATA
TCTAGGTACAAGCCCAAAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGTAT
TTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAAT
ACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTGCGGAGCTCAAGAC
CAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAAAC

Table 3

375/1077

N

>Sequence 2028

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTATCCACCCACATATTTGTAAAACATATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGA
AACATAGCAAGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAATTTT
AAAATA

>Sequence 2029

NGGAAGAGTGGAAAACGCCNTCTAAAGGGACCTTTGGCTGAAGATTTGCG
CCANCCCTCCAGAGTACTTCTAGTAATAATTAACCTCGGGTAGTGTCTAAG
GGATGTCTTCTATTCTATCTTAGGTGTCTCAAACCGGTAGCAGAGAGCGC
TAATTAATTCTTTAGTCAAAGCTCGGTATTTTCTCTGAGCCAGGCCATAT
GGGACACTGGGAACATTGAGGTGACTCAGACTCTGAACCTCCGTGAGCAG
CTGATGGGGAGGGCCATGCTATTCCAGCCCTTGAGGCTTCTATGACCAGG
TGAACAGAGAGCTGGCATTCTATTGAACACAAGAAAAACGAGCTCTGAG
AGGAGGCTGCATGCACTCAGCCAGGCCAACCAGGACTGGGTCCCGGGCCT
CCTGACTACAGCACAGCGACCTCCTTCTCCTTCAGCCAGCTCCAGAGTAC
CTGGGGCTGGAGCCATGTTCTGGAGCTGGTTTCCCTGGCTTTCCTGTTT
TGTCTCTGGCGCTCANTGAGCTGAAGGAGCTCTAGGCCCTGATGGGCTCT
CTGGGCCTGANGGGAGGGGCCGGGCCAGGCTGAGGAGAAAGGTCTG
AGATCCACTTTTGGCTCCCTGCCTGTGGGTAGGTGGCACATTAATGGAAA
GCACTTTTAGGGCTGGGGGAGGAAGGGATTCTGTCATCAAGAGGAGGCTC
CTTCAGGAACAACGGCTCAAGGAAGTGGGAAGCAGCCCCTGGAACCTGCGC
TGCTTGTCTTTTCTAAGGCCCTGACTTCACCAACTGGGCTAATCTGGAT
TCTTGAAAGTCCCAACAAGAGAGAGATGCTTGTTGACCCCGGTGTGGTGA
AGGGGCACAAAAGGTGGTGTGGGCCTGGACCCTGCACAAACCTTGCTGGA
GGCAGACCCAGATGCCAGAGAG

>Sequence 2030

AGTACTTCTAGAATTAATGTAAGGCGGGTTTTCCAGGGATCGCAGGTGGC
CGAATACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCT
GCCTTGGCTCCTGCACCCACACAGTTTCGTGTTTCCCTCCCTTTATTCTC
TCCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCAC
AAGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAGGTGAGGAATGGTTAGAGACCCA
GGGAGCCAAGTCACGGGACCTCAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGAC
CTCCAGTCGCCAGCATCGGGTAGGCCACACGTGTGGGGGAGGAAGTGAG
TGTCAGTGGCCCATCAGCAAGCAGAGCTGGCAGAGGTACCTGTGCAGGCG
AGTCCAATGCG

>Sequence 2031

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAACTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAACAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNNAAAAAACAAAAAAAGTCACATTAATAAATG

>Sequence 2032

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCTTTATATCAACAGCCTTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAATAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCCTTGCCAGATATACAGGGGCTCCCTACACACACTGNGA
TATCTAGGTACAAGCCCAAAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGT
ATTTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCA
ATACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTGCGGAGCTCAAG
ACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAA

Table 3

376/1077

ACAGCCAGGCATGGTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTAC

>Sequence 2033

GGGGAGTTCTTTCTATTCGGGCAATGTACTGAAAACCGCGGCGGCCGCCC
GGGCAGGTCTAACANGGGTTAAAACCCCCATTGAACCCGGAAAACNGAN
NACGGAAGGGGGCTTTTTGGTGGGTATAAGAGCCAGAACTTGCTACCAGC
CTGAGGAGAAATCAAACACATGGAGAAAGGAAAGCTGACAGCCCAGAGAC
CCACGGGGAAACAGGCCCCGAGTTACTGGATACAGGCAACCCTAAACTG
ACTGTCCCTCTGGACTCTACGTAGTGAGCCAACACATTTCTCATTATTT
TGGATATGTTTTTTTTCAGTTGAAGGCATTCTGATTCAATACAGGAGAAA
CTTTTCTTTGCAAATTACAAAGTGTGATAACTGTTGCTAAAATTAGGAAT
GTGCTTAAAGGGAAATCATGAACACCAAGACAAAAGGCCTGGATGCAACC
AAACACTTCTGTTCAAGTGAATTTTAACACCATAACAACCTGGGGGATTTC
CTAAATTTC

>Sequence 2034

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATGTAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAGGGAAACC
ACATGAATGCAGTGTGTGCGGGAGAGCCTTCTCCAGGAAAGCACAGCTTA
TTCAACATCAGAGAACTGAAGGAGGAGAGAACCCCGTGATTGTGGGGAT
GGGGGAAACTTTCTTGAGGAAATTCGCTTCCTGGCCTTAAGAGACCTACC

>Sequence 2035

CCGGGCAGGTACGCTCCTGTAGTCCCAGCACTCAGGAGGCTGAGGCACAA
GAATCGCTTGAACCCAAGAGATGCAGGTTGCAGTGAGCCGAGACTGTGCC
ACCGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGGGACTCCGTCTTTAAAATAAAA
AAAAAAATAAATAAATAAATAAATGAATAACTGACTTCTGAAGACAGACTG
CTGCTTTCAAACCTTTGGTTCTATCACTTACTAGCTGTATTATCTTGGGCA
AGTTACTGCCCTGCACTTGAGTTTTGCCATCTATAAAGTGGAAACATATA
GTACCT

>Sequence 2036

CCGGCCGGGTACGCGGGCTATTTCTTTGTGTGCGGCTGGACCTCTTATTC
CCTTTCTCTTTGCCTTTCTGTCTCGATCGTAATCTTTCTTTTCTTCTTA
TCTGTCCTCCCTCCTCCATCTTCTTTCTTCTCCTCCTCCTCTTCTCTCC
CCTCTTCTGCTTCTCCTCCTCCTCAGAATAGGACTAAGCTACACAGGTTAT
TGTGGCTTACATTTAAAATTTTTTTGACATATCCTCTTGTTTTTACAAAT
CAGGACATGAGTTTTTTTAAAGTCATGAATCTTTATTATAAAAGGACCTCA
CTTGCGTTTGATCTTCCATAGACACAGAGAGCTTCTGCCCTTTTGTCTAC
AGATAGAAGACGACCAATAGCATACTAGGGGGTAGTATTTCTGGGTGCTC
CATACCCACCCCTTCACAGCCAAGAAAAGGGAAAAACAGTGGACCAGATC
AAATACTTTTAAATTGTTGGCAGGG

>Sequence 2037

CCGGGAGGTACTGCATTTTTTAATTTTTTTAACTGTTTTTATGTTTTCAA
TATTTTCAGTCTGCAGTTGGTTGAATCTGCAGATATGGAACCTAGTGTATA
CAGAGGGCCAACATTCTTTTAACTAATTGTCTCTGCCAACACTTAC
CAAAATTATCCTGAATTCTATTTTTTTGTCTTGTTTTGTTTCGAGATAAG
GCCTCGCTCCATTGCCACCCCTGGAGTGCAGTGGCGCGATCTCAGCTTAC
TGCAAGCTCTGCCTCCCGGGTTCATGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTG
GGTAGCTGGGACTACAGGCACTTGCCACCACACCTGGCTAATTTTTTGTA
TTTTTTAGTAGAGACGGNGTTTCACTGTGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAAC
TGCTGGCCTCAGGTGAGCCGCTGCCTCGGCCTCCAAGTGCTGGGATTG
CAGGCGTGAGCCACCACACTTGGCC

>Sequence 2038

AGGTACGCGGGAGGGAGAGAGTTGAAATGGTTGGCATCCTCCCACTCTGT

Table 3

377/1077

TGCTCCGGCTGTGTCCCCTCGCTCTGTTGTTCCAGCTATGTCCCCTCTGT
TGCTCCAACCTGCAGCTCATTCTGTTAGAGTTCCTCATTTCAGCTGGTCACT
GTGGCCAGAGGGTGTGGCCTGCTCCCTTCCTCAAGTATTCTTAAAGCCA
TGGATTTTTGTGGAGCATTTCCTTCCTGGCTCTCCCTTGAGTTATTTTC
CTTTCTTCGCTATCTTGGGACTCTTCTTTGTGCTTGCGGTCATCGGTTGA
GAGAAGGACTTCTTCTTCCTTGTCTCCTTGGTGTGGCTCGTGGTTGCTC
TTCAACAACCTGGACTGGAGGCTCTTGGTTTTCTTCTTCATCTTCAACAAGT
CAGTCTCTCTCAAGGGTCTTACGTTGCAGCATTCTTACCAGAGGCCATTG
GGCCTGGAGTTCCAGTTCCAGTGTCTGG

>Sequence 2039

AGGTACAGGAGAAAACAGTAAAGCCTCAAAAGGAGGAAATTCGTAAAGAG
TCCTTAAAAACCTTAAATGATTTCCAAAAATTATTTAGGGGACGTTAATT
GGATAAGACCTACTTTAGGAATTCCCACCTAAGCAATGTCTAAACTGTTT
GCTTTGCTGAGATGGGATCCAAATTCATGTAGCAAAAGAACTCTGATGCC
TGCTGCAGCTGAAGAGTTACAAATGATTGAGGAAAAAATTCAAAGTGCTC
AAGTCCGTAGAAGAGATCCTAGTGTTCATTACAGCTCTTAGTGTTCCCT
ACTCTCCATTCTCCTATAGGGGTGATTGTTCAAAATGTTGACTTAGTTAA
ATTGTCCTTTT

>Sequence 2040

GGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCC

>Sequence 2041

AGGTACCTATAGAAATGCCTTCCTCAGGAACCCCGCCATTGTTAAACAAG
AGTGAGCGCCTAGTGGGCAGAAATGTAGTGATTGTGGAACAACCTTTTCC
AAGAAATCAAGCCTTTGTAGTTAATCAGGAATTTGAACAGAGAATAAGCC
TCACAAATGAAGTGAATGTGGCCCCATCAGTAATAAATTATATCTTGTAT
CTTACAGATATTGTATCAGAATAAATCTTCTGATACCAGAAAGGTGGGAA
AATCTTTAGTAGGAATCCTCCAGCCATTATATCCCAGAGAGCTCATTTAG
GGCTGAAACACTGTGGAGGCAGTGGTTGTC

>Sequence 2042

AGGTACATGCACAAAGCTAGGAAAGGCACATCCCCAGAAAAGGAGTGAGT
GTTCCCACACCCTTTACAACAGGCTAATTAGAAAAGATCTCCCTCTGACC
AAGTCTTATACAAAACAACCTGAGAGAAGCAGTTATTTTACCAAACCTAAT
CCAAAAATTACAAGGCCTATGAAAGGAAAGAGAAATATGGCTAAAAAATA
AATAAAGCCCAACCTAGAAAAAGACAGGCAGCTCTCTAAATTACTAGACA
AATATTTATTTATTTATTTATTTAAGACAGGGTCTCACTCTATCGTCCAG
GCTGGAGTGCAGTGGTATAGTGTAGCTCACTGCAGCATCTACTT

>Sequence 2043

CCGGGCAGGTACATTCCTCTCCGCCTAGGAGTAGGATTTTCTGAGAACC
GGACTACTGTGAATGCTGCTGCTCCTCTGGGTCTAGCCACCTAGTGGGGC
TGCCACACTCCAGGTGGTGCTGGGAAATGTCTGCAAGGGATCCAGTGAT
GTGATCTGTCCTCTAGTCTCCTAGCAGCAGATACCAGCACTAGCTCTGGT
GGAGATGTCAGGGGAGTGACGTAGACCCTATAAAGTTCCTTGGTTATAAA
TAACCTTAGTGTGTTGGCTTTCTCAAATGCTGGCTGAAGAAGTAATGAAC
TGGTCACTTGGGCAGACTCAGGACCTCCTGGTTAGCCATGG

>Sequence 2044

CCGGGCAGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTTTCTGACGCGAAC
GTCTCTTCCTCGTGGTTTTTATTGTCAGTATTCACACGAAGTTTAAGTCT
CCTAGTGGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAAACACAAGCA
TACCCTCTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCCCAGGTATTGGTTTG
GGAGTTTTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAGAATTTTTTGC

Table 3

378/1077

CTGTATAATGGCATTAGCTGCAGTCAGAGTATTGTTTTTAGGAACATTT
AGAAAGCTTAAACAATGCTAAATATAATTGGGAGTGGGGAGTAGTTAAAT
TATGCTTTTAAACCAGCCTTGTCTTCTTTTTACAGTAACTTGAAGAGGTT
TAGTAATTTTTTTCACGTTTTGGACCGAGAACCAATTCTGGAACCAACCC
CATGTTTTCCATTATATGTTTACTGGGAGCACTGTAAAAGTTATGTGGA

>Sequence 2045

AGGTACAGTATAATCCCTATTATAAATCCAAGATGGTATTTTTTTCTTGC
AGAAATTGGCAATTAATCTTAAAATTCATATGGAAATACAAGGGACCCAG
AATAGCCAAACTAATTTTAAAAAAGAACAAAGGGACAGGAGGAGAACTCA
TACTTCCTGATTTAAAATTGACTATCACAGGATACTATGTAAACACCAAA
ATATGACTCTGACATAAAAATTATTTCTGGGAAGACAGTTAAAGCAGACA
ATTAACAAGCAGCAGCAAACAGAGAAAAAGCTCTGTCTATCCTTTCCCTT
TTCTTTATTTATATGGGCAGGATATTAATAACTGCTTTATACACGGGGTC
TCTGGACCCTTATTAGCCCAGAGCATTTAACATATCTTACTTCCTTTGTT
TTTTCTCCACATACAGGCAGTCTCTGACTTATGATTTTCTGATTTTGT

>Sequence 2046

AGGTACAAGCAATTCTCCTGCCTTGACCTCCCGTTATGCTGGGACTACAG
GCACACACAACCACACCTGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGACAGGG
TTTTACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCAGGTGATCC
ACCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGAGATTACAGGCATGAGCCACCACA
CCCAATCTAGTTTGACAGTTTTTATATCATTATGAGCACACCACAGATT
AGTTTTGTGCTTTGTTTTTTTACTTATCTTTATAACAATTTTTTTTTTT
TAGTTATAGTATTATAATATCAAGCAGCTTAAATAGCAATAGGGCTAAAT
TTTTTTTTTTAAGGAGTGGAAGAAAGACTTAGTATCAATCTTTTATCAA
TCTTAGTATCAAACCTTGATTAATTCCTGTGAGTTTGCTGTTAGGGATGA
CCTGGAAAAATATTTAATGCCATTATTTATTTATTGGTTGGTAAGAGAT

>Sequence 2047

CCGGGCAGGTACCACCTGAAGACCCTCACACTCAACTTCACCATCTCCAA
TCTCCAGTATTCACCAGATATGGGCAAGGGCTCAGCTACATTCAACTCCA
CCGAGGGGGTCTTTCAGCACCTGCTCAGACCCTTGTTCCAGAAGAGCAGC
ATGGGCCCCCTTCTACTTGGGTTGCCAACTGATCTCCCTCAGGCCTGAGAA
GGATGGGGCAGCCACTGGTGTGGACACCACCTGCACCTACCACCCTGACC
CTGTGGGCCCCGGGCTGGACATACAGCAGCTTACTGGGAGCTGAGTCAG
CTGACCCATGGTGTACCCAACTGGGCTTCTATGTCCTGGACAGGGATAG
CCTCTTCATCAATGGCTTTGCACCCCAGAATTTATCAATCCGGGGCGAGT
ACCT

>Sequence 2048

AGGTACAATGAGGATACTGGAGTCCGGAATCTCTGAGTGCTTCTCTGTGA
TGGACAGAACAATGCCCCGACAAAGATGCTCATGCCCTCCTCCCCAGAAC
CTGTGAATATGTCACGGTGCATGGCAAGGGGGGAATAAAGTTGCCGGTGG
AATTTAGGTTGCTAATAGGCTAACCCTAAGATGGGGAGATTAGCCTCGAT
TATCAGGGTGAGCTTACTGTCATCACAGGGACCCCTATAAGTGAGAGAGG
GAGGCAAGAGAAGTAGTGTGAGAATTAGAGACGAATTTGCAGAAGCTGGC
TTTAAAGATGGAGGAAGAGGCCATGAGCCGAAGGATGCCGGTGGCCCCCTA
GAAACAGGAAAAGGCAAGAAAAAGGTTCTCCTCTAGAGCCTCCTGAGGAG
CACAGCCTTGCCAACTTTGAACTTTGCCAGTAGTTTGAACCTTCTGTCT
TCCAGAACTGTGAGATAATAAATCTGTACCTGCCCCG

>Sequence 2049

CCGGGCAGGTACGCGGGAGCACAGATTTGAGTAGCAATTATCACCAGGGG
AACAAATAACACTGACTCCTATGGTGTGCTTCTTAAAAGACTGTCCTACT
GCTGCAGCCACGTGCTCCACCACTCCTATTGCTTTTACCCTGATGTGATG
AAGCTCTCATGCACAGACACCAGGATCAACAGTGCAGTTGGGCTGACTGC
CCTGATTACCACTGCTGGGGCAGATTCTGTCTTTATTGTCCTGTCTTATA
TTTTGATCATTAAAGACTGTTCTCAGCATTGCTTCCCCGGAAGAAAGGAAG
AAAGCCTTCAGCACATGTATCTCCCATATTGGGGCTGTTGCTGTATTTA
CATTCATTGATCACTCTGTCTTTGTTACGGGTTTGGGAA

Table 3

379/1077

>Sequence 2050

AGGTACCAAGGCCCAATCACCCCAAACAGTGACAGGAACATAATTTTCCTG
TTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGTTCCACA
TCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCACTGCCCT
GAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCCATTTTAAC
AGGAATTTAATATAGCAGAGATAAGCATAATGTTTAGACTCTGCGTGACC
CATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACCTACCAATCGTCGGGGAGCC
AAACAAGCATTTTTGTGGACTGGACCGATTAAACATTTTTTCGCACCTACC
AAAAGGAAATCGGGTTTCCAAATGCCACTTAGGAAAAAGAAAACCACGTT
GGGC

>Sequence 2051

AGGTACAATAGAGAGCATCAATAGCAAACCTTACTCAAGCAAAGAAAGATA
AAGAGTTTGTGGGAATTACCAGTGAGAGAAGAATAAATAAGAATGACAA
GGAGTGAAGAAAGCCTACCAGACTTATTAGATAACATCAAGGGAAAAAAA
TTTCATATTTTTAGAGTTCCAGAAGGCAAAGAGATGACAAAAGGCATAGA
AAATATATTTAACAGGTCGGGTGCGGTGGCTCACACCTGTAATCCTAGCA
CTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAATTTGAGACC
AGCTTGGGCAACATGGCGAAACCCCGTCTCTACCAAAAATACAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGTGGGTGCCTG

>Sequence 2052

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATATAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGCGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAGGGAAACC
ACATGAATGCAGTGTGTGCGGGAGAGCCTTCTCCAGGAAAGCACAGA

>Sequence 2053

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATGTAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGNGAGTTAAATANCCATAGATGTNGTTAANNACCCA
GCAGCCCTAAATCACANGCTCAATNGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGA
GGGGAACCATGAATGCAGNTGT

>Sequence 2054

AGGTATAATGAGGATACTGGAGTCCGGAATCTCTGAGTGCTACTCTGTGA
TGGACAGAACAAATGCCCCGACAAAGATGCTCATGCCCTCCTCCCCAGAAC
CTGTGAATATGTCACGGTGCATGGCAAGGGGGGAATAAAGTTGCCGGTGG
AATTTACGTTGCTAATAAGCTAACCCTAAGATGGCGAGATTAGCCTCGAT
TATCAGGGTGAGCTTACTGTCATCACAGGGACCCCTATAAGTGAGAGAGG
GAGGCAACACAAGTACTGTCAGAATTAGAGACTAATTTGCAGAAGCTGGC
TTTTAAGATGGATGAAGAGGCCATGAGCCGAACGATGCCGGTGGCCTCTA
GACACAGGAAAAGGCAGGAGAAACGTTCTCCTCTAGAGCCTCCTGAGGAG
CACAGCCTTGCCAACACTCTGAACCTTGCCAGTAGTTTGAACCTTCTGTCT
TCCAGAACTGTGAGATAATAAATCTGTACCTGCCCGGGCGGCCCGCCGGG
CATGTACAAAATTGCCACCAAAAACGATGTTGATGTCCAAATTGACCAGG
AGTCCTACCTGCCTGAAGACATATCTGATGGAGGTGACATCTATAATGGA
GATCGTTAAATAAAAGGTTCCCAACCCCTGGAAAGGCCGGCTGATCTTC
TTGCCAGCAGATGATGCCAGAAATCGGGGAGCCTTGGTTTGGTCCAAAG
CCACACGGGAGTTTTTGAACCTTACCCTTCGGGAGGTGGAGCTTGGTTCAA
GCTATCCTGGTGTGATGGGGAACCTATTCATTTTTGAAAAACCCGAATGT
TTGCTGAACCTCCTTATAACGTGCCCATATTGCTTTGATTAAAN

>Sequence 2055

Table 3

380/1077

AGGTACTTGGTGCATTTTTGAAGATTTAATAATTAATTAATAGTTGGTGC
AGGCCAGGCATGGTGGCTAACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCG
AAGTGGGCGGATCACCTGAGGCCAGGAGTTTTAGACCAGCCTGACCAACA
TGGAGAAACGCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAAAATTATCCAGGCGTG
GTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGCTACTCTGGAAGCTGANGCGGGAGAAT
TGCTTGAACCTGTGAAGCGGAGGTTGAGGTGAGCCGAGATCACGCCATTG
CACTTCAGCCCTGGGGCACAGGAGCAAACTTCGTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAGTTGGGGGCAAAAGCTTGAAATAATGGCCTATTGGGATCCCCC
CACCTAAAAAAATTTTTAATGGGTTTAAAAAAAGAAGATTGGGAAAATTT
TTGAAGGGTTTTTTAAGGTT

>Sequence 2056

CCGGGCAGGTACTCTCATGATTAAACATCTTCGTTTCTTTTTCTTTTCC
TTAAAATTAAAAAAATCCCAAAGAGAATAGGGAGCAACAACCAT
AGGATAGGAGTCTCCCTAGGACTAATACTCTGCAGATAACTGACGTGCCT
CAGGAATTGTTTTTATTTTGGTTTGTGTTGTTTGTGTTTTGTTTTTAGA
GACAGGGTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTAGAGTGCAGTAAGATCACAGCT
CACTGCAGCCTCAAACCTCTGGACTCAAGTGATCCTCCCACCTCAGCCTC
CCAAGTAGCTAGGACTACAAGGCAGCTAGGACTACAGGCGCACACCACCA
CATCCAGCTAATTCTTTTTTCATTGAGACGGAGTCTTACTCTGTCGCCAGG
CTGG

>Sequence 2057

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATGTAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCGTTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGATAAACCCAGGCGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCCCCGAGGGAAACC
ACATTAATGCTTTGTGTGCGGGAGAAC

>Sequence 2058

AGGTACTGATGCTTTTTAAGGCATATTATCAACATACAGCCATGACTTGT
CCAGAGAATCTCACCTGACAAAACTCAGAGAAGAAAGAGAAAGAAGATG
AAATGGCTGGTTTTTCAGATGTGTATTCTCATTTTATGGAAGACATGTTGC
CAGAGTAAAGCACAAATATATTCATCTTGAAATGTAATACTGAGAAGATAT
GGAAGTTATGGAAGTTGTGGCCTTCAGAATTGACACTTACGGAGAGACTA
GAACAGCGTGGGTGAGTTGTGAGGGGCAGGAAGCATGTCTTAATGGACTT
AACCAATTTTCGTCAACTATTCACAGTAAAATCTTTCAATGTACCTGCCC
G

>Sequence 2059

CCGGGCAGGTACTTTGTATTACAAGAATAGCTTTTTATTTCAAATATTTC
TTCTCCTTTTTCGTATCCATGTGTTCTTTTATATGCATATTTTATTTTCA
GTAATCCTGTTCTTTGCCATGATTTTAATTTCTATGGTTCTTTTCTTTT
GAAAAATTCAAAAAATTTTAAAAAAGATCTTTTGTCTATAATTGTGCTCAT
AAAAAACTTGATTTTTGTCCCAGTGGGGGAATTTTAATGTACACTTGATT
GAATTTTTTTCATTGAGACTGGTCTTTTATCTTTTTTAAGGGTAAAGGTGG
TTCCAAGGGGGTTTTAAAAAAACCATTAACCTAAGTCCTATTAATTCAAT
AGGGTGTAATTTGGTTATTCCAATTTAATTTAACCTTTTCAACCGAATTT
CCCTTCAATTTGGTTCCCTAAAATTTGGGTTTTTCCTTCAATTAACCTTT
TTTGGTTTTTTACAATTTTTTCCTTCTGGTTTGGGATTTGGATCCTTTTT
TTTAA

>Sequence 2060

AGGTACGCGGGTCTCTACTAAAAATATAAGTTAGCCAGGCCTGGTGGCGG
GTGTCTATAATTCCAGCTACTTGGGAGGCTGTGGCAGGAGAATCGCTTCA
ACCCGGGAGTCAGAGGTTGCAGTGAGCCAGATGATGCCAGTTTACTCCAG
CCTGGGCAATAGAGCGAGGCTCAGTCTAAAAAAAGACAACAACAAGA
TCTCCTTCTCTCTGACCTTTGCTTCCATTGTCCCATTGTACATCTCC

Table 3

381/1077

TTCTCTGTCTCTGAGTCCTTTTTTCTCTTGGAAGGACCTTTGTGATTATA
TTGGGCCCTTCAAAATCATCCCGGATACTTTTCCCATCTCAAATCCATAC
CCTTAATCACATTTTACACGTCCCTTTTCCCATGGGAGAATCGCATGTTT
ACAGGTTCCCTTGAAGGATTCGGATGCCACAAGTTTGGAGG

>Sequence 2061

AGGTACTGGACTACTGGGCTCAAAAGGAGAAGGAGGGCAAGAGAGGTCCA
AATCCAGCTTTTTGGTGGGTGAATGGCCAAGGGGATGAAGTAAAGTGGAG
CTTCAGAGAGATGGGAGACCTAACCCGCCGTGTAGCCAACGTCTTCACAC
AGACCTGTGGCCTACAACAGGGAGACCATCTGGCCTTGATGCTGCCTCGA
GTTCTGAGTGGTGGCTGGTGGCTGTGGGCTGCATGCGAACAGGGATCAT
CTTCATTCCCTGCGACCATCCTGTTGAAGGCCAAAGACATTCTCTATCGAC
TACAGTTGTCTAAAGCCAAGGGCATTGTGACCATAGATGCCCTTGCCTCA
GAGGTGGACTCCATAGCTTCTCAGTGCCCCTCTCTGAAAACCAAGCTCCT
GGT

>Sequence 2062

CCGGGCAGGTACCAGTGTCTGAAGCCTGGGGACTGGCGGCTGCTGGTCAA
GGCCACATTAGTTTATTGTTAAGTGCAAGGTTTCTGGTAACAGAAATAAA
GAATTCAATTGATTCATCATCAAGACCAAATATATTTACTAAAGATCTAC
CTTAAATTCATTTTTTAGCAGGTAGTATGGCATTGTGGTTAAGAATTTAC
ATTTGTGAACATTTACCAGCTGATGACCGAGGTGAGCTTCTGTTTCCTCC
TGCATAAACTTGAGATTATAAAAATCCCCTAGTTGGCTGGGCACAGTGGC
TCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGCATCACGAGG
TCAGGAGATCAAGACCATCCTGGCCAACAGGGTGAAACCCCGTCTTTAC

>Sequence 2063

CCGGGCAGGTACTGTCTGATGACGGGTGAGGGCAGAGTTTTTTATTGAAGC
CTCTCTCACAGTGAGAACACCTGTAAGGCTTTTCACCACTGTGGGTTTTT
CGGTGGGCACTGAAGTGGGAGCTATTGTTGAAGATTTTCCCCACACTGC
ACACTTGTATGGGCTCTCCCCAGTGTGGATGCGCCGGTGAGCACTGAACT
GGGAACCTGCTGTTGAATCTCTTTCCACAGACAATGCACTGGTCAGGCTTT
TCCCCAGTATGGGTCTCTGGTGGACAATAAGGCTGGAACCTCTGGTTGAA
GCTTTTACCACATTGCCACACTGATAGGGCCTCTCCCCTGAGTGAGTTC
ATATGTGGGCAGTGAGGTTGGAGCGCA

>Sequence 2064

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAG

>Sequence 2065

CCGGGCAGGTACTTTGTATTACAAGAATAGCTTTTTTATTCAAATATTTT
TTCTCCTTTTTTCGTATCCATGTGTTCTTTTATATGCATATTTTATTTT
GTAATCCTGTTCTTTGCCATGATTTTCATTTCTTTGATTCTTTCTTTGAA
AAAAATCAAAATTTTAAAAAAGTCCTTTGTTCATATTTGTGCCATAAAAC
TGTTTTTGTCCAAAGGGAATTTATGTCCTGATGATTTTCTTGGCTGTCTT
TTTTTATTAAGTTAAGTGTCAAAGGTGTTTAAACACTACTATATCTTAT
ATCAATGGTTTACATGTAAATCTATTACTTACATATCACGTATTCACCTA
TATTGTTACAAAAAAGATTTCTCTAAATAAACTTTTAATATTATCTATC
ATTAACCTTTTTTAGTTTTGTTCCATTTA

>Sequence 2066

AGGTACCGTATGGAGTCCTCCAGCTGCAGCCCAGCTCACCTCAATGCCA
ACCCACTTGATGCCACCCAAAGTGAGGATGTTGTTCTGCCTGTGTTTGGG
ACCCCCAGGACACCCAGATTCATGGCAGATCCAGAGAGCTGGCCAAACC
CTCCATTGCAGTCAGCCCAGGCACTGCCATAGAGCAGAAGGACATGGTGA
CCTTCTACTACACCACTAAGGACGTCAACATTACCATCCACTGGGTTTCC

Table 3

382/1077

AACAACCTCTCCGTTGTGTTCCATGAGCGCATGCAGCTGTCCAAGGATGG
CAAGATCCTCACCATTCTCATTGTCCAGCGGGAGGACTCGGGGACTTACC
AATGTGAAGCTCGAGATGCCCTTCTGAGCCAGAGGAGCGACCCCATCTTC
CTGGATGTGAAGTATGGTCCTGATCCTGTTGAAATCA

>Sequence 2067

AGGTACTTCTGGGTAAACTGGAGAAGAGCTTCAACTCTGTTCACCTGCTT
GCAGGTGGGTTTGCTGAGTTCTCTCGTTGTTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTCTTCCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCAGAATGGGATTGGTTATGT
GTTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAAGCCTGACTTTATCCCCGAGTCTC
ATTCCTGCGTGTGCCTGTGAATGACAGCTTTTGTGAGAAAATTTT

>Sequence 2068

CCGGGCAGGTACGGGCCACAAAGTATTTCTGAAGCCAGAAGTCTTACAG
AAGTATATGGTTGATCCAGGCAGAATTTGCATTTCTGGTGACAGTGCTGG
TGGAATCTGGCTGCTGCCCTTGGACAACAGTTTACTCAAGATGCCAGCC
TAAAAAATAAGCTCAAACACAAGCTTTAATTTATCCAGTTCTTCAAGCT
TTAGATTTTAACACACCATCTTATCAGCAAAATGTGAACACCCCAATCCT
GCCCCGCTATGTCATGGTGAAGTATTGGGTGGACTACTTCAAAGGCAACT
ATGACTTTGTGCAGGCAATGATCGTTAACAATCACACTTCACTTGA

>Sequence 2069

ACTTCTACACGCGCAACGATGGCTTGCAGAACCAGGCCGTGCTGTACACC
CTGAAGAACCTGTACGACCAGCCGCGCATGCTGCTCGACCCGAACACCCT
GGCGCTTGATGGCACCGTCGCCCTGGCCGGGCCGAGGTCAGCCCCGACGG
CAAGCTGCTGGCCTACAGCATCGCCGCGTCCGGCTCCGACTGGAACGAGA
TCAAGGTGCGCGACATCGACACCGGCAAGGACCTGCCTGACCACATCAAG
TGGGTCAAGTTCTCGAGCACCGCCTGGACCAAGGATGGCAAGGGCTTCTT
CTACAGCCGCTACGACGAGCCGAAAGAAGCGACCAAGCTGGCCGACGTCA
ACTACTTCCAGAAGCTGTACTTCCACCGCATCGGCACGCCGCAAAGCGCC
GACACCCTGGTGTACGACCGCGCCGACCAGAAGGAATGGGGCTTCGGCGG
CCAGACCACCGACGATGGCCGTTACCTGATCATCACCACCACCAAGGGCA
CCGCGCCGAAGAACCGCGTTTCGTACAAGGACCTGTCCAAGCCCGATGCC
AAGGTGGTCGACCTGATCGACAACTTCGACGCCGGCTACGACTTCATCGA
CAATGTTCGGCACCGTGTTCTACTTCAGCACCGACCGCAACGCGCCCAAGA
AGCGCATCGTCGCGATCGACGTCAGCAAGCCGCTTGAAACCAACTTGAAA
AGAGATCGCCGGCGAAACCGNCGACACCCTGGCCGGCGCCGACATCATCA
ACAACCAGCTGGTGCTCGAGTACCTGGAAGATGCCCAAAACGTGTGCGCC
TGTGTCCCTCGAAGCAAACCGGTGCC

>Sequence 2070

AGGTACGCGGGGAACTCAAAACCCCTGGAGAAGCCAGTGCTGAGCTAGGG
AAACCTGAACTATAACTGACAAATTGCTACAGCCTTTTAAATCTCTTTTT
AAGAGATTAAAACTCCAGGGGAACCAAGTCATGGGGTTACCCATCCACA
TTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGAGTCCCCTGTGTACCAAGGCTGGAG
TGAAATGACACGATCTCTGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAG
CAATTCTACTGTCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAGTCCTGCACC
ACCACGCCTGGCTAATTTTTGTATTTTAGTGGAGATGGGGTTTCCCCTT
GTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCGCCTT
GGCCTTCAAAAGT

>Sequence 2071

AGGTACTGAGGCCAGCAGGTAGGACATAGGCCTCTGCATTGCAGGTCTGG
GCTACGCCGTCAGCATCACAGTCACACACGCGGATGGTGAGGGTGCTGGT
GCTGCTAAGTGAGGGAGATCCACTGTCCACAATGAAAATTGGCAGATAGT
AAACTGATTGTTCTGTCTCCGGAAGCCGTTTCTCCTGGTCAGTATTGAG
GCTGTGTTGTCTTTGTTATCTTTCAATGAAAAGTTGTGGTTATTTGTTGC
ATCCGTTGTTAAGCTGAAGTAAACTGGTGTCCATTGGATGGCTCATCTT
TATCCACAGCACTGATTTTCTGGATAACCAAACTGAGATTGAACTGCACT

Table 3

383/1077

TAATTCTTAGAATTGTAAGACGCTTAAACCCGGTTGGGTAAGGTAGGAAA
CAGCCCAATCAGCGTACCTGCCCCGGGCGG

>Sequence 2072

AGGTAAGGAGGATTTCTGTCAACCTCCGGACTTTCCCTGCCTCAAGCA
GCTGGTGGCCTACGTGCAGCTCAACATGCCAGGCTCAGACCTGGAGTGCC
GTGCCACCTTCTCCTGGCCCAGCTGGAGCACTCGGAACCCATTGAGGCA
GAGCCTGAGGCTCTGTCACCAGTGCCAGCTCTAAAACCAACTCCAGAGCT
CGAGCTAGCTCTAACACCAGCTCGAGCACCCAGCCCAGTGCCGGCTCCAG
CCCCGGAGCCAGAGCCAGCTCCAACACCAGCTCCAGGTTCCAGAGCTAGAA
GTAGCTCCAGCACCACTCCGGAGCTCCAGCAGACTCCAGAGCCAGCTGT
G

>Sequence 2073

AGGTAAGGAGGATTTCTGTCAACCTCCGGACTTTCCCTGCCTCAAGCA
TATTTAAGAAAATAATAACAAGCACAAAGTTAGTATTGAAGTATAATATTG
ATCACAAAATAATATTTAATTTACCATGAGCACATTAACAATGAAATGTT
TCTCTTTAAATGCTGTGATTTAGAACTAGATGATGTGGCTTTTTAAATGA
ATAAATAGAATGTTAGAATAAGGTTGGAAGGGCAGATATGACTTCTCCCA
TGAAGAACTACAATACACAGGTGGTTAGGATCATAGGATGCAGACAGTG
AAAAATACTAGGGGAGCCTGGGCACGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGC
TTTT

>Sequence 2074

AGGTAAGGAGGATTTCTGTCAACCTCCGGACTTTCCCTGCCTCAAGCA
GCAGGTGGGTTTGCTGAGTTCTCTCGTTGTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTCTTCCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCAGAATGGGATTGGTTATGT
GTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAAGCCTGACTTTATCCCCGAGTCTC
ATTTCTGCGTGTGCCTGTGAATGGCAGCTTTTGTGAGAAAATTTTGCCG
TGGTTGGACAAATCAGTAGATTTTATTGAGAAAGCAAAAGCCTCCAATGG
ATGTGTTCTAGTGCCTG

>Sequence 2075

AGGTAAGGAGGATTTCTGTCAACCTCCGGACTTTCCCTGCCTCAAGCA
TCTCAGGTGCTTGATCATGGCCGAGTAGTCCCGGGAGCGCTGGTGGCAGA
GCTTACACTCAAAGGGGCTTCTCACCTGTGTGCACCCTATAGTGCGTCTCC
AGCTGATGCTTGAGGCTGAACTTCTTGCCACAGCCATTGCACTCGTAGGG
TTTCTCACCCGTGTGGATGCGTTTGTGGCTCTTGAGTGTGCTCTCATCCC
GGAAGCAGCTGCCACAGAACTCACACTCGTAGGGGTGGTCGCCTGTATGT
GAGCGCAGGTGGCGTTTGAGAGCCGTGTGGCTGGGGAAGGTGCGGTTGCA
CTCA

>Sequence 2076

AGGTACGCGGGGAAGTCTCGGTGGGTTCCCCGCAAAATCAGAGATGGCAT
CTCACTATGTTGCCAGGCTGATCTTGAACCTCCTGACCTCAAGTGATCCT
CTCTCCTTGGCCTCCTAAAGTGCTGGGATTCCAGGTGTGAGCCACTTCAC
CCAGCCACATTTATCCATCTTGTAATAATATTGCTTTGTTTTTGGTGAT
TTCAAACCCACAGGTCCTGACTTCAGGAGCAAGACACTTCAAGTGAGGTG
AGGAGGAGGTTCCAGGACCTGGATACCATCCTTTGCAGGGATGTAATTCA
CCAGAGACCAAGATTTCTAGCCAGAAATTGAGGGCAGCTCAAGGAGAGAC
TACAGACACAGCATCCTACTTACTGGCTATTTCCCAGTTACAAAAGAAAA
TGATCAAGTCCCAGGAATCACTGACCCTGGAGGT

>Sequence 2077

CCACGCACAACTCTATAGTCTACACATATCTGTCTAACATTTGAGTGTCT
CAGACNANTGAGTACATNTACTAATCGTTCTATATATAGTTTGACTTATT
ATGAGTATATGACTCTATATTATCCATCTATCTAATATTATCATCGACTA
TTATTATTATCTCTATCNTCAGGAAGATGAGGGCTTGGAACCACTCTCTA
TAAGGCGAATGGGAGCTTCACCGCGGAGGCGGCCGCGCCATCTTGGGTCATC
GATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCTGCTTGTGAGGGAAGGACATTAGA

Table 3

384/1077

AAAGGAATTGATGTGTTTCCTTAAAGGATGGGCAGGAAAACAGATCCTGTT
GTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATTTGAAATGAAGTCACAAAGT
GAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGAAAATCTTGATGGCTTCAC
AAGACATGCAACAAACAAAAGGGAATACTGTGATGACATGAGGCAGCCAA
GCTGGGGAGGAGATAACACGGGGCAGAGGGTCAGGATTCTGGCCCTGCT
GCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCATTTTCATATTTCTAACCCTTAA
AACAAAGCTGGTGTAAATATCTGATCTCTACGGTTCCTTTTGGGCCCAACA
TTTCTCATATATCCAGCCACACTCATTTTTAATATTTAGTTCCCAGATC

>Sequence 2078

GGGGGTCTACGCACTCAGGACAACGGAGCTCCTTCGTGTGGAGGCCGAGG
TACACATTGTTTTGTTTCTTATATCCAGAGTCTAGTCCTCAACTTTAACC
AAAGTAAAGGAACTGGAAAGACACACGCTTTTTTCAGTCATTAATAGAAA
GTTGTCCAGGTAAGTTTCTGATGGTATATCAGTTAGAAATAATATTTAGC
TATTTGTAATAAAAAGCTGAAAACAGTAGCTTGAATCAATGGAAGACTTT
ATCTTTCTCCTCATACAGCTGACAATAATGTTGTTGCCTTTATGATATCA
AAGCCCCAGGTTCCTTTTATCTTTCTGCTTAACCTGCCTTGGCAAATGCT
TGCTGCTTCATAGTCACATGATGGCTGACTTTACTGTTAACCTTCAGGTA
GAAAGAAAGGAAGAGGTAAAGAGATAAAGGTTACCTGCCCCG

>Sequence 2079

GGGGGCTAACACTACTTAGGGCGAACTGGAGCTCCATCGTGGTGGCGGCC
GAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCC
CTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAANATTCTTTTGGCCCTGAATTGTGG
TTCGATGCCAAAGNGGAAGATCCTTGTGAGGAAGTCATTCAATGGCGTTG
AAACAAACTTGGCATGTTTCCTGTTTTGTGGTGTGTAGCCCTGTGGAAAG
CCCCATT

>Sequence 2080

TTCGACCCAATTTACTACTACAGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGAGGTACAAGGGAATGGAATGGAATGGAATGCAATGTTATGGAATC
ATCCGTAATGGAATGGAAAGGAATGGAATGGAATGGAATGGAATGGAATG
GAATGGAATGGAATCAACTCGATTGCAATCGAATGGAATGGAATGGAATT
AACCCAAATAGAATGGAATGGAATGGAATGGAACGGAACGGAATGGAATG
GAATCGAGCGGCCGCCCGGGCAGGACATATTGTATCTGTGTAAACATTTTG
TATATTCCAGGGGTAGGGCCGCCCCCTGTATCATACCTAGCAGAGGTTGG
AGCTGGCACATGGGGAGGAGGTTCTAATAATTATTTGGGGCTGGGAAACT
TATTTATTGATAGCATAGGACAGAGGAAGGAGGCGGGGATGGGGGTCGTG
GCGCCCTGGTGTGCGACTCCTGTTTATTTTGCTTTTTATTTTCGGAATAA
ATGGATTTAGCCAT

>Sequence 2081

CCGGGCAGGTACTCTTTTTTTTTTTTTCTGTTTTTTAAGATGGGGTGTC
ACCATGTTGCCAAGGCTGGTCTTGAACCTCGTAGGCTCAAGGGAGCCACCT
GCCTCGGCCTCCCAGGGTGCTGGGATTGCAGGTGTGAGCCACCATGCTGG
TCTTTTAAATTATTTTTGTTCTCTCATGTCAGGCAGGTAATGTGGGGACA
TGGTAACAAGGTTTGAGGGAGGCACATCTCACGCATGAGTGTGAAAAACC
AATAATCATGCTTATGAGCTACAATAGGATCTGGATCCACATGTTTCTGA
CTCCAGGGCTCATGCTCATGCCACAAATAACATTGATTCCAGGACCCAAG
GATGGGATCATCAGGAGCGGGAAGAGCAGCCAGGGTTTCCCATATTTTTC
CCTTAACCTTTCCCATCTGTTACCAGTGGGAATCATGTGGGTAGGAGACTC
TGGAAGACCAGCAGAAG

>Sequence 2082

CCGGGCAGGTACATGGTAAGATTTTCATATCTCAATTCAAATAAAATAAA
AAAGAACCAAGAGCAACAAAATTTCCATCTCAGAAACATAAAGAAGAAGT

Table 3

385/1077

TACCATATGAACGCCCAGGACATCTTCAGATGAAGCTTCCTGCACCAGGT
CCTCATCGTAATCTAGGAAACACAGAGTAACTGTCATCATGTTGGTTCCA
CTGAAGGAATCCCTTAGGCAACCTTGGATGCTAAGGACAGGGGGCTGGCA
TGTGTAAGGAGGTGGGTAAAGGGTAGAACTTGGCTGCCACTGGGACAC
CCTCCTGGGTGATGAGGGAAGGCAAATGAGACCATCAGGAAGCCACAGAA
GTCAGGACCTGGTTCTCTGGCTAAGCCCCACACCACTGCAAAAAAGGCA
GAGTCCACACAGGGTGGCACACAAATGCACTGCTGATTTATGACAGTGTC
CCATCACCCCCT

>Sequence 2083

CCGGGCAGGTACATGGCAGGGACATTGAAGGTTTCAAACATGATCTGGGT
CATCTTCTCCCTGTTGGCCTTGGGATTTAGGGGAGCCTCTGTGAGCAGGG
TGGGGTGCTCTTCAGGTGCTACACGCAGCTCATTGTAGAAGGAGTGGTGC
CAGATCTGGTGGAGACAAAAGCCATATGAGCCTGGCAGACTCCCAATGGC
TGGAATAATTCTCATTGACATTCTCATGCTGGGAGAGTGTGGCACCATGTT
ACACAGGATGGGATGGATCTGGAGAGGAGAATGGTCAGCCCTGGAAATTT
CTGATTGACATTTAAAGGGTATACTCCTTCTCAACAGGGCCCCAGGT

>Sequence 2084

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATGTTTGGTGTGGAT
GACTTCCAGCCTCTGGGGCCAGCAGTCGCCTCCTCAGTGTATCCTCACCC
TCTTGCCCTGCACTGGAATGACCAGGACTCTGGGCCTCCTGGGAGTCTGT
AGTAGGTGGTTCCTGAGATGCTCCAGTTCGTCACCTCGCTTCCTTAGGGA
GGGCCACAGAGCTGCTCCCTAAGTGTGCATCTGCTCTTCCTACCTGGTCA
CTTGAGAAATGGCTGGGATCTGGATCCAAGGGTTCTTTACCCAAATTTTC
TGAAGGGAGGTGATGCCCTTTTCCGCCATCCAGAAAACCTCTGCTT

>Sequence 2085

CGAGTTGCGTGAACCACTACTATAGGTTTGAATGGGAGATCCACGCGGNG
GCGGCCGAGGGACTNNNNNTGCTGTNGGTTTTTGTATCCTTAATGGCCAG
GAGTGAACCCTAAAGTGGCTCACATTAGGGCCCTATTTCTTTCAATTACC
TACAAGGACAAACACATCTCAAAGTTGAGATAAGTGACCAGTATGATTTG
CCAAAATTCTAAAGTGTACTCACCATTTTTTTTGGANAAAGGTTACCTTTG
GGGATTTGCACTGCATGAATTCTGTGAAAAGCTTGTGATATTGTGATA
GAGATAGAGAAATGAAGTATATTATATAAGATACTATGAGGTTCCCTGCC
TTTGCTTCACATCCCAGGCTTACAAACGTGCCCCATAAACATTCCCTCTG
TGGCTCTTGCAATTA

>Sequence 2086

AGGTACTACGAAGCCATCTTGGCTCTGTGGAACCAGCTCTACATCAACAT
GAAGAGCCTGGTGTCTTGGCACTACTGCATGATTGACATAGAGAAGATCA
GGGCCATGACAATCGCCAAGGTATGTCCTCAGGGCCACTTAGGCTGCCTG
GAGGGAGGGCAGCGCTGCCCCCGCAGTGCCTGTGCCCAACAGTTCAACC
TTCTTGCTGTGTAGCAGTGCTTTTGTGTCTCGTCAAGCAAGTCAGCTCAG
CCCTCCTTAGAGGTTCTGGTCTGTCCAATAGAGAACGGGAGGGATTAGCA
TATGGCTGATTATGAGAGAAAGAAGCAATACTAATTCAGGTGGCCTGACA
AGCAAG

>Sequence 2087

CCGGGCAGGTACATCTTGAGAATAATACCTACAGAGGTTCACTGAAGG
GTAGTCTCAATAATGTAAAGAATTTGACAAGCATGATGCTATTGAAATAG
TTCTGTAAGGAAGTGGTGTCTTTATACATCAATTATTACAAAAAGCAGT
GAATTGTAAGTGTGAGGCGTGTTTACTTAGATGTGAAGAGTTCTCCTTAC
TGCTGTGATGGAATAACAAGGGTCAGATTTCTCCTCCTGCCTTAAACAAC
TGGAAGCTATACAATACGTATAATAGGTAATGGTTTTTAGACATAGGACA
AGCACAGGTTTGTGATCCTCAGGAGACTGCAGACAGAGTGAGGTGAGCAC
CATGGTT

>Sequence 2088

AGGTACGCGGGTGAGCTAAAAAAGAATTGCAAAAAAAATCTCATAATGT
TTCAAGAAAGTTTACAAATTTGTGTTGGGCCGCATTCAAAGCTGTCCTGG
GCTGCATGCGTCCCGCGGGCCAAGGGTTGGACAAGCTTGAGTTAGAGGTT

Table 3

386/1077

TCTGCAGGATTACAGAGATGTGGGAACTTCCAGCCATTGACGTGTGGAGG
TTAGGATATGAACTACTGTGAGGTGCACTTTCAGAGGTTGAGGCTAATAC
TCCTTTTCCTACTTCCCAAGGAGGTGAAGTTTCCTGAAGACAGTGCTTTT
TTACATGTAGAGTTTTTTGTGGTTCTGTTACTCTGTTGTCTCCATTAGTC
AAGGAACACGTTTT

>Sequence 2089

AGGTACCCTGTGGTCAGCATAGTAGATAACATAGTTACAGAAGAATTGAC
AACAGGAAAGTTGTTTTATAGAGGAGGGAATAAGGGCTCCGTAAACATGAC
ATCATAATTTCTAGACAAACGCTTAACCTTCCCTGAAGCAGATTCCGCCAA
GAGGGATTGGGCCATGTTGGAAAGAGACCAGTTTGCCTGTAATATTCTTC
CTTTCTCTAATCCTGGGCTCCCTTCAGGTAGAACCCAGATCACCATCAGG
AACCAGAGAATGAGAAAAAGTAGAGAGATTGTGGAACCTCTAAGCCATCT
TCTCACAGAGGAGGAACTAGAGTTCAAAGATGCAGCCACCTGCCCGCTC
TAG

>Sequence 2090

AGGTACGCGGGTGAGCTAAAAAAGAATTGCAAAAAAAATCTCATAATGT
TTCAAGAAAGTTTACAAATTTGTGTTGGGCCGCATTCAAAGCTGTCCTGG
GCTGCATGCGTCCCGCGGGCCAAGGGTTGGACAAGCTTGAGTTAGAGGTT
TCTGCAGGATTACAGAGATGTGGGAACTTCCAGCCATTGACGTGTGGAGG
TTAGGATATGAACTACTGTGAGGTGCACTTTCAGAGGTTGAGGCTAATAC
TCCTTTTCCTACTTCCCAAGGAGGTGAAGTTTCCTGAAGACAGTGCTTTT
TTACATGTAGAGTTTTTTGTGGATCTGTTACTCTGCTGTCTCCATTAGTC
AAGGAACACGTTTTGC

>Sequence 2091

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAAAAATTAATTGTTTTGGTC
CAAAGAACAAGACCTGGTACTGGTTCTGATCTTTCCTAGTTTTAAATGA
ACATCCATAAAAGGCAAACTGTCATATCACATTGAACTTTAATTTCAATA
AAATGTGTATCTCATGCTCTTCTTCACTTCCCTGTGTAATCCTGGCACCT
GCAAGGCTTGTGCTTGCTTCCGTCATTGCAGCGGCAGCAGCCTCATTATG
AATTGTTTATAATTTTCAATCAAAAGTCTGCATGTTTACTAACTTTGGGTCTG
AGCTACAGCATTTTTCATCTGTCATTTTTATATCAAACATATTCAAGGATC
ACACAAAACCTGAT

>Sequence 2092

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATTAGGATCATTAT
TATTTAAATAAGAATATCACTATTTACATATATCAAATCCCAGCAGGAA
TAATTAACATTAGTAATGTCTGGTGAAAATACTATGAGAAATTTTAACTA
AAAATGATAAATTTTAAAAATTGTGACTTCGTCACCAATTCTGTTGTATT
CTGAATAATATTGGGTTCCAGACTTGATTTTAAATTTAAATTGTTCCATAA
TGCCTTTCAAAGGCAGCTCCACTGAGTTAAGGCACATGCCTCAAAGGAAT
AAATGGACTTTTATCAGTAGATCATGAAATATATGTTAGATTTATAAGCA
GTTTGTCC

>Sequence 2093

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTG

>Sequence 2094

CCGGGCAGGTACTCTTAAGGCCTGACCGCTGAAGTAATCCCAGATATCAT
TTTCCCCATATGGTATTGGGTCAAAGCACTCCCAGGGCCATCCCAGGTTG
GAGGGGAGGGCAAAAAGACTCAGAAATGGTTGGTGTTCATCTTTGGAGAC
TATTTACACAGTGATTGTATATTAACAAAAACAGCAATTATATCTTTGAA
TTTGAGTAAAGTTAAAGAAATGGTATCTGTGAACTTCGAATAAACAAGT

Table 3

387/1077

GGAGCTTAAAATATTTGATTCTTGCATATTAGGTTAATGTGCTCTATGCT
AATCAGGTTGGAGAAATATTAAGCTCTGCTAGGAATTCTATTGGACTG

>Sequence 2095

CCGGGCAGGTACAGTCATGAGAGATTGAGAATGAAAAAGGCAAATGACAT
TTCAGTATTGTTACAAAAATAGTTCTAACCTATAGGGACCCGTTGAAAAG
TGTCTCAGTGACCCATAGATGACCCTGGAAATCACTTTGAGAACTACCAT
TCTATATTTTTTAATATGAGATAATTCCATTGTAGAAAGCATACTTCAAA
ATTCGAAGTTTTGATGTATCTTTCAGTTACCCAAAAATTCAACTTGACTT
TTAATGGTGCAATGATGCCGAAATCCCCCTGTCCGTGCATCAGTTTATTT
TTCTACTGCCTATTTGCATGATGGTTAAAAAT

>Sequence 2096

TGCNAGTGATTTCGACGCCAATACTGAATACCGGGCGAATATTAGCTGCAC
CGCGCTGGCGGCCGAGGTACAGGTTTTTAAAAGCCCCACAGAAGTTTATA
TTACGTTTTAAAAACCCATATTTAAATTTGAAAACCTTAAAAAAAACCTAA
GAAAACAATGGCATATATTCCTTTTCTTAAACCCGTGAAGTCCATTACTT
TTTGTCTTGTATATTCTGCCAAAAATGGGATGGGGTGGGAGAGATGCA
TAGAAATTGTTTTATCTGCCTTGTTAACAAAGTGAAGTCAAGGACCAGCT
TTTCTTTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTGTGAGACTTCTGTCACCCAGG
CTGGAGTGTCTAGGTGGCACTTAACACCCGGGAACAGGACCCCTTGAA
ATTCCTTTTTTCAAGGGTCCTTTTTTCTTAAAGGAAAAAATTTAAGGGGCC
TTTTTGTACCCCCAGGCTGGGAGGTTTAAAAAGGGGGGGGGTTTTTTG
GTTTAAATGGGAAGCCTTTTGCCTTCTGGGGGGTTAAACAAAAATTTT
TGGGCCCCCACCCCTCCCCGAGAGGGGGGGGAAAAATACAGGG

>Sequence 2097

CCGGGCAGGTACTTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCTAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTTAAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAAGTAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCC
TGTTAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCTATGGAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCTGAAAAGGGAACGTT

>Sequence 2098

CCGGGCAGGTACGCGGGGGTGGCTGGACCCACGTGGCAGGTGTTAACCAC
CGAAGGGAGGTAGAATGTTTTTCCCCACCAGAGGAGGCAGCGACCACGTC
TCCTCTATGGAGGCATTCAAGAGCCGTCCAGCTGAAGCAGCATCACTGTC
TGAGCTCGGAAGGCACAATCCACATAGGTCTGCATGGTCCACCGAGCTGC
ATGCCACGGGGCCAGCGGGAGGTGGGCAGCTGCTGGGCTCTCTTCTGAA
GCAGACAGGATCTCACTCTGTTGCTGAGGCTGGATCACAGCTCCCTGCAA
CCTTGAAGTCTTCTAAGCAATTCTCCCACTCTGCCTTCCAAGCACTAGC
ATTATAGGCCTAAGCCACCACTCCCATCCACTGTAGTGTAACTGTCTTC
TTCAATGTTTCCAATAGTTGCGGAGCAGATCAATAAGGGTTCTTTCTGTC
TGTG

>Sequence 2099

AGGTACTAACAGCATTATGTGTGTTGCCTTGTGCAGTTGCTCCAAGAGCC
CCACAGGTCGTTGTATTATTGTGCCCATTTTACAGATGAGAAAACCAAAG
CTCTGAGAGGAGTGACTGGCCCAAGGACACCTAGGGAGTGGTGAGGCAGC
GATTGAAACCCAAGTCTGGTGACTCCAGAGCTCATGCTCTTCTCCACTTC
TAGAATGTGCCTCCCTGCTCAGAGGAAAGGCTTGGCTCTGATGAGGGTCT
CTAAGGCAGCTGTCCAGCTTCCAGCTCCATCAACATCCTGAGATAATGCA
ATGGGAGGTGTTCTACAACTCACAAACCTGCCATAAAAATGCAATCTCTG
TGATAATGGTCAGAATAATGGTTGGTCTAACTTAGACAATCGGGGTGTTA
ACTCATTATGGTTGGAAGGGGGCGCCTTCACAGAGAATGGGAGACTACGA
AACAGTCACAGGGG

>Sequence 2100

NGGGCGATTGAAATTGTGGCAAACCTCGCACATCGGTCTGAANTTTAGCGCC
AACGCCGTGGCGGCCGAGTTACTTATTGACTATTACTGTTTTTCTTTNG

Table 3

388/1077

AATTCTCCTCCATTTAGAGAGGAACTTGCCCAGCCTTAACTGATTGCCAC
TGATTTAAACTTCTATTTATGCCAAATTATAAATCACATGCAAAAGACTG
TGTTTAAAAATCTCAAATATTTATCAGGTAACAATACTTCCCTATCTCAA
ATGCTCTGAAAGCTTCTATCGCACTAATATAAAATCCAAATGCTTCAGAT
CACCTTACAAAAACCTTTTATGACGTAGGTCCCAGCCAGTCTCTCCAAAC
CCGTCTCATAACATTGTCTCCTTTCTCTCTAAGCTCCAGCCTTAGTGGC
CCCTTTTTTCTGTTCTTTGACATGCCAAACTCATTCCTGGATTAGTAACT
TAGCACAACCTCTTCCCTATCTGGAAAAGCCATTCTTATGATCGTGG

>Sequence 2101

CGGCCCTTTGCACCACTTAGGGCGAACTTGAGCTCCTTCGCGGTGGCGG
CCGAGGTACGCGGGGGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCT
TTTCACATCAATGTAGAGTCCCTCTGTGAATTCACAACACCCAACACCCA
TGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGA
CATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCT
CAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGC
ACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAA
ATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGACCCCTGGATTGT
GAGCTAAGATAAAAAAATTTCTGATGCCCTGAATGTGGAACCATGCCAAC
GGGATATACTTGGAACCTGCCCAAATGGAAGATTAAAGTGTTTGTTA

>Sequence 2102

CCGGGCACCTACTTGTGCTTATATTCGATCCTTGGCACCCAGCCTCCTGG
ACGGAAATAAAACTGGATTGTTGGGTATATTTTGGGAAGTGTGCCAGAATT
GGTGAACGGAAGAGTCCTTATGTTGCAGTATGCTGTATAGTAATGGCCTT
CAGCATCCTCTTCATACAGTAGCTGGGGAAAATGCCAGAATGTAGTTGCC
ATCAGATTTGATTGTGACCAAGGACTGGCTTGAAAAAATAATGGAAGGGA
TGTTTAACTTTTTTTATTTCCAACTTTGAATTGAAAAAATTTCCCAAG
GGGGTGGCCCTTATTTTAAATGGTTTAGGGCCAAATTTTTTTTTTTAAAA
AAAATTTAAAGGGCCCCCTTTTTATTTTTTTTTTTAAAAA
CCATAAATCCCCCTTCCCCTCTTTTAAATAAAAAAAGTTGGGGCCCCCCC
CGGGGGGGGAAGAAAAATTTTCTTTTTTCTTTTTT

>Sequence 2103

ATCACCTAATCGANACGGGCAANATTGCTGCAACGCGCCGGCGGCCGCCC
GGGCAGTTACTATGCCCAGTAAGACNCATCTGTGGACACTTCTATTCAC
AATGGCAGGTAGTAGCCTTGCCAGTGCCCCCGGGTTCACATTCTTTTA
TTTTTGAGACGGAGTCTTGCTCTGTTGCCAGGCCAGGTGCGGTGGGCTC
ACAACACTTTGGGAGGCCGAGGCTCAGGAGTTAGAGACCAACCTGGCCAA
CATAGTGAAACCTTATCTTTTCTAAAAATTACAAAAAATTTGGCCGAGCA
CGGGGGGGGCATGCCCTTTAAATCCCAGTTTATTTGGGAAGGGTTGGGGG
ACCAAAATTTCTTTTAAACCCCAAAAGGGTGGGGGGTTTTTGTGGGGCT
TGAAAAAAACCCACACTTGTGCCCTTTGGGGCCGTTTTTAAAAAATAGG
GGGACCCCCCCCCCGGGTGTGGAAAAAATTTGTAAATATTAAACATTTTT
TTAGGACCCCCCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCC
CATT

>Sequence 2104

CCGGGCAGGTACTTCCCAACTAGGGGTGAGTTTGCCACCCTTACCCCCAC
TCATTGAATATTTGCAATTCCTAAAGACGTGTTTTGATTGTCACACCTGG
GTGGGGAACATGCTACTGGCATCTAATGCATAGAGGCAGTAATGCTGCTA
AACATCTTTCAACGCACAGGATAGAGCCCCACAAAAGAGAATTATCTAGC
CCCAAATGTCCATAACACTGCTGTTGAGAAAACCTACCGCAGGATCTTAC
TGGGCTTCATAGGTAAGCTTGCCTTTGTTCTGGCTTCTGTAGATATATAA
AATAAAGACACTGCCCAGTCCCTCCCTCAACGTCCCGAGCCAGGGCTCAA
GGCAATTCCAATAACAGTAGAATGAACACTAAATATTGATTTCAAAATCT
CAGCAACTAGAAGAATGACCAACCATCCTGGTTGGCCTGGGACTGTCCTA
GTTTTAGCATTGAAAGTTTCAGGTTCCAGGAAAGCCCTCAGGCCTGGGCT
GCTGGTCACCCTAGCGGCTGAGGGACTCTTCAATACAAAATTAGTCTTTG
TGCACTTGAGATGAATATACTTTAATTTGAACATGTGAAAACATCTATAA

Table 3

389/1077

ACATCTACTGAAGCCTGTTCTGTCTGCACCGACATTTTCATTGAGTACCC
TC

>Sequence 2105

CCGGGCAGGTACACAGGAGGATATGTTTCAGGTCATATGCAAATACTACAC
CATTTTCTATCAGAGACTTGATTGAGTCTCTGTGGATTTTGGTATCCTTG
GGGATCTGGAATCAGTCCCCCACGGACCCTGAGGGCTGATGTGNNCGTCC
ATCCTGGGATNTGATCENNAGTGTCTCCCCAGAGTCTTCCGAGANGGCTCA
GTCTTGCTCTCTCAGTGTGATTTNTGTGATATTATAAGCATGTGACTGGT
CTGTGTCCCCAGTCCCTGGCAGTAGAGTTCTTAAGCCCTTGCAGTTTTCT
GAGACCTGTAGGGGTGACAGGAGCTTCTTTTTTTCTGAGGTGACTCTTGG
TAGGCTCCTAGGAAGCTTCAGGGTGGCCCTGGTCAGAAAGACCACACACA
TGATGAGAGGGTTGAAACAGTCTGTGTGACCTCTGCACCCCCAGGGAGAG
AAGAGGGCTGGAGATAGAGTGAGTCACCAGTGGCCAGTGATTTAATAAAT
CATGTCACATGATGGAACCCCCATAAAGCCCCCAGGCAACTGGGTCTGA
GAGCTCCACGTTGGTGACCACGGGGAGGTGCTGGGAGGGTGTGTGCCC
AGAAGGTATAGGAACCTCTGGGCACCCCCTGGCACGGTGCCCTGTGCATCT
CTTTCTCTGGCTGGTCTGGAGTAGTGTCCCTTATTAATAACCAGTGTTAG
GAAGCCTGATCCTTTCTGAGTCTTGGGCATAATTCAGCTAATATTGGAA
CCGGGGATGGGGTATCCAACCCTTCTTGAACTGGCCATCAGAATCT

>Sequence 2106

CCGGCAGGNACTTATTTCTTTTTCTTNTTTTTTTTTTTTTTTGAGACATG
TACTCTTTCTGTCACCCATATTGTGGAGGTTTCTGCCAGTATAAATTAGC
TAAATCTTATCATTTGTGTGTGTGTGCTTTCTCCTCATAGGTGACTTTAC
TTCCTGGGACATACAGGAATCTGAATTCAGTAATGGGTCTGGAGGCAGCA
AGAGATGATACGGGTGGATCTTGAAAAGATTAGCCTAACAGTGAGAGGGT
CCCCAAGTCAGGCAGGACCAGCCCCATAGACTGGGGAAGAAGGGCTGCTT
CTGCTGCCAGGGGAACTCAGTGAGGGTTGGGGTTTAGGGTGCTCAGATC
TATCCAAATCAATCCTGATGTTCTTATTCCTAGTCTCAAGGTCCCATTGN
TCCCTAATCAGTAACCCTGTTTTTGCATATGAGACCCGGAGACCCTTATA
AATCCACCTGGCGTGGAATTTAAACACCCTGAAGGAATTGGTTTTAATGT
TGAATTCAGCTTGAATAAGCCTTGTCCTGGAAGAAATAAAAAGGATTCT
TTAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCTT

>Sequence 2107

AGGACAAAGAAGTTAATTTTTTCAAAGAATAGGAATTATGACTTTATATT
AATCTCCTTTATGGTTCAATACCATATTTACAGAAATCTAAAATTCCACT
GGCTATAAGACATACTATTATTTTATGAATAAGAAAGAAGCACTGTAATA
AACTATGACACAGTGCTAAGACATCACTAATTGTAGCACACATCCTAAT
TTTAGAGACATTAAAATGTAAAAAAGTGTCAAAAAAGCATAC
CTTGTTTCATGCAATTTGATAAAATTACAGAAAATCTTAGTTATGTAATA
TGAAATACATGTAAAAATACAAAGTATATATGTAAGCTAAGAAGTATAAT
AGGTCACCCGTGAACCTACCACCATCTTAAGAAGTACTACTACTAAA
TGCCTTGAATCTATCCGTGTTCCCTTGACTTATCCCCATGCTTCCACAAGA
GGTAACCACTATCCTGAATTTTGTATGCATAATTCCCTTGCTTTAAAAAA
TAGTTATCACATAGGTATGTATCTTTAAATAAAATACTGTATATTTTGC
TTGGCCAATCGATTCCAAAAGTCTTACTGCTCGTTCCCTTGCTCTCTGC
ATAACTACAGACCCTGTGACTCTATTTACAGACTACTTTTCATTCTCCA
AATAGGCCATGTATTTTTTGTCTCTAAATTTCTTCCTTGTCACCATCAAAT
GCCCCACGTTCAATCTCTGGCGAAATCCTACTTTTTTCATGGACCTAAAT
GCTTCCTCCTAAAAAACCTCATCTGAACCTTCAGCTTCATATATCTCAT

>Sequence 2108

CCGGGCAGGTACATCACTCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAT
ATTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCA
CCAATTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGCAAGGCATTGTTCTCCT
CCAATTTGGGCCCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCTG
AATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCCA
TGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGCA

Table 3

390/1077

CCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCAG
GACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATAT
TGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAGCAGCATCAAGAGTTATT
TTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAAGTCTGTCCCCAACAGGCACCAC
ACCGGGGTGGACTCCCTGTGTAACCTTCTCGCCACTGGCTCGGAGAGTAGA
CAGAGTTGCCATCTATGAAGAATTTTGCGGATGACCCGGAATGGTACCTC
G

>Sequence 2109

CCGGCAGGTACGGAGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAA
AGAATGTGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAG
ACAAAATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCCCTGCATGT
AAAACAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGA
TGTTTTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACATAA
AATCTGCAAATCTCTGGATAAAGAAGCAGAGATCCCAGCATGGGACAAAT
GGAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGCAGAATGCATC
TCTTCCTTTCTCTTGGCTTTCCTGGATAAGGACTGCATCATTCCTGTGGA
AGGACAGGCCATCAGCTCCGAAACACTGTATGTATTTTCCAGTATATACT
GCTAGCTGTGTGATGTTGGGAAAATTTGTTACCCTGTCTAACCCCCACTT
CCCTCATCTGTAAAATGGAAATAATGATAGTACCT

>Sequence 2110

AGGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTGAATTGGCAAATGGTTTAATTT
TTCTGTTTTGGGACGCTGGCCTTGCTGGGGCACCATGGAGCGGGGCCCCG
TGCTGGTGGGTTGTTCACTGGGACCACCCTTCTGGAATGTGGAGGCGGCA
TGGCAGGACCCACCGAATGCCTTCAAAAGCCAGTGGTCCATGCCCCCTGTC
TCCTTCCTTAGAGTCTTCCAGAAAAGACTGGTCAGAGGTGCAGCACAGAT
AAACCTACAAAGCTTTTCATCAAAGCATCACTTACAATGGTGAAAAGGCA
GAAGAATCACTGAATTCCACCAAGGTGGAGCAGCCGAGGAAATCGTGGGT
AGAACACTAGGGAGTCACAAGAAACAACATATTTGAGGGGACATTTATAG
CAGAGGAAAATGCTCATGATCTAATGCTACACTAAAAGGGCAGGATACAA
AATAAGGTGTATTGGAAGAAAGAGGGTAGCATGGTTGTCCATCCACTGCT
TTCAGGGACTGGACTAAGTGACCTGGATCAGAGGGAGGGCAAGAGATCTG
CTTCCTGCCTGAGCCCTGTGAACAGTTGAAATCACTCGTGTGTCTGCAGG
AATCATTCCTATACCCGGGTACCTTGCCG

>Sequence 2111

GAGTGCGCGTAGTACTCCTAATATGTACTACTATCTGGAGCTCCACCGTT
GTGGCGGCCGCCCCGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGC
GACCTTTTGGCAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCA
TACCTGGTGGTCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTG
AGGCATCCAATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGA
TACTACTGCTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAA
AGGTGTGTATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCT
GTTTCTTTTACTATTGGTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTT
TTAGCTAAATTACAAGATGCTGTTGAAAAATCTGTCTCTGATGAGACA
CTCAAGGTATTCTTCTTCATATGTTAGCTTTTCAAAATGCGAACCATGAG
TGTAATAATGGCCGTGCATTCCATCCTACGTCAAAATTTACCTGATCATGA
GGTGTGCTGCATATATTAAAGCTTGTGAAGGCGTTGGATCGGAGACCC
ACAGAGCTATTCTGTGGGCACCGGCCATGAAGCACGGCAACCAAACTGGC
TCGACTGATTCTTTTCTTGGAGCCTGCTATAATTTGGGGCCAACCTGGGTC
ATACCAAAAAAACTACACTGTTAAAAACCTAAAAGCGGGCAACCCGGTT
AACAAACAACGCCAAAAGCTNCTGGTACTGTTTGGCCGCGTTGGCGGAAA
AGTAAACAATTGGCAGGT

>Sequence 2112

GTAGCCTGAGCCCCAACCTACAAATTCGGGCGAATNGGAGTGGCACCGCG
GTGCCGGCCGCCCCGGCAGGTACGCGGTTACATCAATGCAGAGTCCCTTT
GTGAATTTACAATACTCCAACACCCTTGAGTTCAGTCTTAAGAAGGAAA
ATTGAGCAAGTGTTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATC

Table 3

391/1077

CAGCTANNACTCTAGAAATTTTAATTCTCAAACGTTAAGTTGGCCCCCTCT
TTTTCTTTCTGTCAGAAGGACCATTTTCNNTTAGTGGCACTGNNGGGAAAT
CTTGGCACCCAGAAGAAATTCAACTGGCGCTTTCCTGCAAAAATACCAG
ATGGCCTACANTTTGGATTTGTAAGAAGGAGAAAGGGGGAGCCCTGTATT
GTGAGGCTGTGCTATGAAAGAAATTCTTTGGCCCCCTGGAATGGGTGGTCG
ATTGCCAAAAGGAAAGAATCCTTGGAGAAAGTCANTCAATGGGCGTTGGA
AACCCAAACTTTGGCATGGGTTTCCTGGTTTTGTGTGGTGTAGNCCTGGT
GGAAAAGGCCCATTCGGGAACAATTGGTTTTTCACTTTGGNAGGGATGGG
TGGAACCCTACTTGTGAGAACTTGATTAATTATGCCCTCTTTTGGTACCT
TCGGGCCGGCTCTTAGAACTAAGTGGAATCCCCCGGGGCTTGGCAGGAAA
TTCGAATATCAAAGCGTTATTCGATACCCGTCCGAACCTTGAGGGGGAGG
GCCCCGATACCCAGCTTTTTGTTCCCTTTTAGTGGAGGGGTAAATTTG
CGCCGGCTTGGCGGGTAATCATGGGNCAATAGGCTGGTTTTCCCGGGGGGA
AAATTGGTATTCCGGTTTACAATTTCACAAACATTACCAGGCCGGAAG
CATTAAAGGGTAAAACCCTGGGGTGG

>Sequence 2113

AGTAGCACTGAGCGCTNNACTGAAGGCGACNNGGAGCTCCACCGTGGTG
GCGGCCGACGACAAGAAATCGAGCACAATTGTTTCAGAAGAACAGAAGAC
CCTTCCAGCGCCATTTTTCTGGGAGGTGGTCCAAAGGAAGTCAGTGGGGC
CAGCTCTCTCCCTCAGACAGCTAACAGGAGCAAGGCTTGGTCAGCCTTCC
TGAAGCTCTGCAAGTCCAAGGCTTCTGAGCTATTTATTCTATACTTACTTT
GAAAACACAAAATTGCTCCAACAGGATGGATATGTTACGGAACAATTAGG
CATAATAGGATGTGCATTTCTGTCTACTGAGAAACACCAGGTAGAAAAT
GCACCAAGCTGAATTGAGCTTCGTGGTAATACACAAAAAATGCACACAGT
CTCAGCTCAACAAGTGCCTGAGTCACACCAAAACACATTTGATGTTACAA
CTTTCCATCCAATTCCAGATAACCTTCCTCCCACTGCTTCTCAACTGCTC
AAAAGCCTAACTCTCCAAACCCATTTCCACAAGGTAATTTGAAGACTTTT
TCAAATAAAATGCCAAATTTACCATAGTAGTTATGTATTTCTTAACCATT
TAACATTTATAAACTATATCATTTTTTATTAGTTCTTTTTTCAGATGT
GTCCTGACAAAAGTTTAGAATATTGGGCCCTTAACCAAAATTTCCCGTG
AGACCTGTGGGTCAATTGGGCAGTCTTCTTAATGTGGTAATTTTTAGAATG
CGTATGGCATGTGGAATTGAACAGAAGTATTTCCAGGGCTTAGGGAAAGA
ATTACATCATT

>Sequence 2114

CCGGGCAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATATTTTTTAG
CATANTAAAAAAGTAGGTTCTCCTTAGGGAAAAAATACATGCAAATGCTC
ACAAACTTTTAAATTCACACTTTAGCGGGGTGGTGATTTCTGAAGGCCTC
TTTCTGTAACCCCTGGTGTCTTTTCAGGAAANNCCCAGGTGGAGATCCCA
TGTTATAAATTACCTTTCCGTTTACAAGAGCANCTTCNNTTAGATTCTTT
AAAAAAGGACCATCTTAAATTTTACANNTTACTGTTACANNAAAATTAG
CCAGGCAGTGGTGGTATTTATGCCTATAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTG
AGGTGGGAGGATGGCTTTGGGCCTGGGAGGCAGAGGTTGCAGTAAGCTAA
GATCGCACTACTGCACTGCAGCC

>Sequence 2115

TGTTGGCTGAGNGTCNACGCTGTANNATCGGGCGAATNGGAGTGGCNAAG
CGGTGCCGGCCGAGGTACGCGGGGGGAGCTTTATGCAGNGCTAGCTCCCT
TTTTNGGGCCACTGACTACCAGNGNGCTNNGGAGCTGCGTAAGACAATTC
CCCCCAACGCGTCCAAAAAATAGGACATGGTCCACTGCAGGAGTTCATAA
TCAGGAGTCCAGAGAGTCCAGGCTCATCATCCCTTCAGAAGAAAGAATCT
TCAGGCCTCTGCTCTTGTGAGAGTAATTTCTCTTAACACCGACAGTGCAG
CAATACAACCTACCACACCTTTCAATTATTGAGAGGCAATCATCTAAAGC
ATTTGGCAAGTGATCCACTTACGGAGCCAAGCTAAGGGAGCTGAAGAGAA
GAGGCCGCCGCCCAACCCAGGTGTTGTTAGTTATCTAGCCTTTTGCAA
GCCTCTTCCATTTCTACTCTGCTCTTTAAGCTATTTTCATGCCTTGAAGAT
GTCTCTACCAGGGAAAAATAAAGAGATTAGCTTTTCCCCACCTCCAGCC
TGTTTCCAAGACAGAGTGGGGCTGATGACTGGAGGTGGGAAGGACTAGAG

Table 3

392/1077

GAAGGATGCCACAAAATTTAACAACCTGGGCCTTGAAATTCACCATTACACA
CCATAAACTGGACTAACAGGAAAGAAGATTATGTAAGGAAGGGTTAAAG
GAGTAACAGGAATAACTCCCGCTTGGAAAGAAAGAACCATGCCCTCTTTC
CTTGGTAAGGGTCTGGTAACTTTTAAAACCCCAAAACAAATTGGAACCTGC
TTTTTTTGAAN

>Sequence 2116

AGGTACTGCAATAACCCCTAATAGTTCTTTTACCCACCAATCTGGCCCC
CAACAAAGTTTCCTTTGATTTCTCCTTCTACCAAGACATTCTCAACATT
CTCCCTCCACCAGGTGGATCTGGCCATGATTATCATAAATCTAATTGCCT
TCTGCTTAAAATATTTTCAGGGAGACCCATTAATGCATTTGGATAAAAATT
ATTTATTAGCTGTGTGACTTTGGGTGAAAGATTTGAGCTCATCTGTAAAG
TAAGGCAATATGGCACCTTGAAGAGTGGTGTGAGGATTATGGTGTTTAA
TGTCACCAACAATGCCTACTGTCTTATAGAAGCTGAGTGGGAACCTAACGC
TATTTCTACTTATTTTTGACAAGCTGCACGTGACAGTGGGAAAAGTATTG
TATTTGGAGTCAGATAATAATGATAACAACCACAACTACTAGCAAATGC
TTACACAATGCTTTTCTGTGTGGTAGGTCTTTTCCAAATACTNTACAAA
TACTAATTATTTTAAATCTTCACAACAACCAGAGGTAGGTGCTGGTTATC
ATGCCCATNTAACAGATGAGAAAAGTGAGGCATGAAGGTTAAAGTAATAG
ATCTCTACAAAAGTATTAAGAAGATCAGGACTTATGCCGTAGTAGTCTGG
CCTCAGAATCCATGAGCTTAATTAATAATCCCAACTCTATTGCCAGTAACT
TCAGAACCTGCCTAAGTCATTTTAACTACTTGAGGCTAAATTTTTTCTTC
AAAAAAGAAAACATGAACCCCTACCTCAAAAGGGATTACAATCGACTGCT
TT

>Sequence 2117

AGGTACTAGCCTCAAAAGAATCAAACCTAAATTTTTAGTAACTTGATTGTG
TCCCAGAACAAAGGCCAAAAATGTTTAAAGGAATATTTAAAGATCCTGCA
ACATAAAGCTCAGTGTTTAGCATCCAATAAAAAATTATCAGGCATTTAAA
GAAGCTGGAAAATATGGCCCATAAATTAGGGAAAAAATTAACAGAGACATA
GAAATAACCCAGGTAATCAAATTAGATTAAATGTTAAAGCTACAAATAA
AAGCAAGAATTACTAGAACTTGTAGAATTATTTCAATTTGAAAAGTATGAA
ATAATCCCATCCTCTCTCCTACTCAAGGACTTCACTCCTAATAACTATTT
TATGTCTCTCCTGGATCCATTTAATGGAGATATTGGTTACTAATTCCAAC
AGGAACTTTTTTTTTCTTTGTGAAAGGAAGGCAGATAAATGAGAAAAGA
TG

>Sequence 2118

CCGGGCAGGTACCATGAGACAAAGAGGCAGCTTTCAACATCTGTCAGGTC
TCCAACATGTGATGCCATCTTACGATGGCACTAATTCAGGAAAACAAAAC
AAAACCTCTTTTCTTCTTCTCCTCACCCTTCTGTGCCTTCCAATCCCAG
AGGAGTCAATACCAACGGCTAGCCAGCCTGGATAGCCAAGGAAGGGGAAG
AGCAACCCAGTCTCAATGCCACCCACTTACTCCACTGCACACAGAGACTC
TGTGGTGGGCCCAGCTGGGGGAGGGGAGAAAATGTAAGTTCAATCAAGTT
TAGAGTTTTGGGTTACAATTTGAAATGGACATTCTAATTTCTGGATAGAG
TCTGAGATGATGGTTTAGCATGAATGCAAAGGTCTCTATTGCCTAACAGT
ACCT

>Sequence 2119

GGGTACTTTAACCCATACTTTGGGCAAAATGAACCACTGGATTATAAGAT
GCCTGAGGACACAACCTCCAATTTAATAGTTCTTGTATACCCTCCCAAAGC
ACCTAGCACAGTGCTAAGTCTAGAGAATGCTTTTGAATATCTCTCAAAG
CAGAACTTGTGTGTATATATTGGGGGAAAGAAAATAGGTCTACTTCTTA
AAAAAAAAGCCTTGACCTACTTGAATGCGATGATGTTAGGGTGCTTCAA
CTTCTCAATGCTTGATATCCGTCTCATTCTGTTCTCTCACTTTCTTGA
TGGCCACCTCTTCCGCCCCGGAACCTTGCCCAAGAAGACCGCTCCTTGGGCT
CCACTACCCAGCCACTGCAGCTCTGAGATCTCCTCAAATGGCACTTCCCA
AGTATCTAGGCACACAAGCAAGAAATAAGCTTGAAGAGATCTCAGAAGGG
A

>Sequence 2120

Table 3

393/1077

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTTTATTATCAACACCC
AACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACTTG
GCATGTTTCCTGTTTTGTGTGTGTAGCCTGTGGAAAGCCCATTTCGGAACA
ATGTTT

>Sequence 2121

TGTCGTTTCTGCCCTGGTATCAGAGATCCAAAGGAGGAGGAAGCTGAGGA
GGTGAACCTGGGACCCCATACCTTGGCCCTGACCTGCATCTACACCAAG
AAGAGAGGACAGAGGCCAGACTTCACAGACACCATCATTCTCCGGAAAGG
GGCCTCAGTGGAGCACGTGTGCCACCGCATCCACCGGTCCTCGCCAGCC
AGTTCAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 2122

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTAAGGCAAAAGCATTTTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAATACAGCCTTTCACCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTC

>Sequence 2123

AGGTACTTTAAAATAATAGACCTTACAAAGTTTTCTAGACTGACTTCCTG
TGAAGAACAAGGAGCAGGGGGAAAGGGGAAGGGGTAGAATTTACCAATCT
GAATATTTTCAGCAAGGGAGAATGCATGAGTTTTACTATAAAACCACACTG
AACATTGCAACAATACTAAATTCCATACATATATAATAATCACTGAGCTA
TAAGGTTGCTGATGTATTTGTTCTTGAAAGTGAATTAGAGTTACTTTATG
CAGAATCAGCTAGTTTTATGTTTCATAATGTCTTTCCCTTTTTTGAACCT
TTTTTAAGTCTAAAGTAGGGGGAAACCAAGCCTGCTGGTGGTGAATTTGGA
GAAGTCTTGAATTCGGCTGCAAATGCTAGTGCCACCACCACGGAGCCTCT
TCCAGAAAAGACACAGGAAAGCCTGTGAGATTCCTACCTTTGTTCTGCTA
CC

>Sequence 2124

AGGTACAAACTGATGGAGTCACCTGCAATCTCATATCCTGGTGGAATGCC
ATGGTTATTAAAGTGTGTTTGTGATAGTGTGTCGTAACAAAAAGGTTTTTGA
ATAGAAATTACATTCTTTGACACCCTCAGTTCTTTCAAACCTTCAACTCT
GCATTTTATTGCATTTTCTCATTTAACTGTTAGTATATGTTTGAATATAG
GCTGACTTTTTTCTCTATTGCACTTTCTTCTTTTTTTCTTTTTAGAAAA
TAAGCAATTAGGGGTTAGATGCAATATGAATATAAAATAGTTCTGTAAAT
ACCAAATATTATTTTAGTTCTGGAAGTTAAAAATACTCTCCATAGTAAT
GTGTGTTATAATAATAAATATTTCTTTTGTGTTGACTTTTTTAAAATTCTA
CAATGGTAAAAGCTATTTTAATCCATGTTAGCAATTTAATTCCTATTAAT
TCAG

>Sequence 2125

AGGTACCAATGAACTTCTTCCCTGAGTTGGTCTTTCTCATATAACACAAA
AGGCAATTGATAGCATGAACAATAACAATTTCTTGCCAAAAATATGTGAT
TTGAGTCTAATAAGGTCTTTAGGTTTAATTTCAAGTTTCCTTTGTATGTG
TCTCCACTGTGCCCCGTCTCTTATGCAGCCCACTGGGAAGGTAGACACAG
GGTCTTTGTGCCCATCCCATAAAGGGCCAAACAGCACTGCATGCCAGGAA
AATGTGTAGAGATCAGTGCAACGCAATCCTCACCAGAAAGGAGCTTTGTG
CAAATTTTGAAGACAGAGGCAAATAGGTTTTTCCATATTTTCATCGCATT

Table 3

394/1077

ACTTGTTACAGCAAACACGCTGGACTTGTATCTGGATCTCCAAGTATAGC
CATCACAAATGAAGTCCTTGTTTAAGAATAAATTTAAGCGAAACCAGCTG
TTTTTTTTT

>Sequence 2126

AGGTAATAATTTAAACTATACATTTCTAAGTTAATGATTTTCAGCATCTT
GCGGCCATACCAGACATGGCATGGAATTAACCTTTCAGTCCCACTGTTCA
TTTTATTCATACATTAGGGTGGCAAGGGTGGTCTTGCTCATTGCAAGCAA
AGTCATCCTGGTTCATGAAATGAAGAATGTGGACTGTGCAGTTTTCCCAG
TCATGAAGACTTTTGATACATCACTTGAAATGTTCCCTCCTGAAGTTGAGG
GTCTTTTGTAAATATCACCAGGGCAGTGAATGGCAGAGACCAGATCATGAA
TCGCTTCATTTAGAGCCTGCCTCCGGGCTTCCCTGCACTCTGTGGCTGCT
AATACCACACCCCTGTGTCCCTTGTGGTCTTAAGTCACAAAACCAGCTAT
TATTAGATTTGCCTGGAGTGTCTGAAAACAGGCTTAAATGAGGAAACCT
TGTCCT

>Sequence 2127

AGGTAATAATTTTCCTTTTGTGTATGTTTGAAATTTTTTTCATTATAAAA
AGGACAAAAAAGAGAGAGAAAACTAAAAAAGAAAAAATAGTGTTG
CGCTTGTTAGTAAAACCAATCTTAAGGCCAGTTACTAAAAAGTAACTCC
TACAATTTTGAATAGCTATTTGCTAATAACAGTGATTTGCTGCCTTCTTGG
GGTAGTTTAGCCTGTCCATTCTTATTTAACTTGCTCCCTTCTTCCCT
TTTAATAAAGTCCTGCCTAAGCTCCAGGCTCTATTTTCCACCTCTCCCCT
AAGATTTAGGATTGTTCCGTTTTAAGTCAGTGGCCATATGTCTTCTGTT
CTCCTAGTGTAACCTTACCTTACCCAGCAGCAGGCCCTTTGTTTAGGGC
AGCCTATAATATTGCTTTTATGATTAATCTTCCCTTATCCACAACTTAA
CTGGGGAGA

>Sequence 2128

GGAGTGTGCTGAACTCCACATTGAAGGCGACTNNGAGCTCCACCGTGGTG
GCGGCCGCGACGCGGGAAGCCGGACCAAGCTGAGGGAGGTGGAGCCAGC
ATCATGCAGTGGTTTCGTGAAGGGTGAGCAGTGCGCTAACAAGCCCTTC
CATTCACCAGACATNTGTCTCCAACATATNCCTCTTGAACCACTCTCACA
GCTTCTCAAGTTGCACAGCCAAGTTTGCAGATGGACAGCAGTGCTCTGTG
CCAGTTTTTGACATTACACATCAGACACCTCTGTGTGAAGAACATACCAA
AAAAATGGATAATTTCTTGAGAGGAGATAACTCCCGTAAAGTTCAGCACC
AGCAGCAGAGGAAACCCAGGAAAAAACCAGCCTCCTGCACTAACCAAA
AAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 2129

GGGATTATCTATTCGGGCAAGTTAGCGTGAACGCGGCGGGCGAGGCA
CACATTTTCTCCATATGTTTTGACCCTCNGTTTATTACCGCCGGGGAGAG
TCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTACTCAGAAAATTT
GTATTGAGCCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGTCTAAAAAGAATG
AAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCAGAACACATGCCCAAGCAGAG
ACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTAGAGGGCAGGAAAGG
GTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAGGCCTGAAAGAAT
GAAAGTATCTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTTGGGCACTACCAGCA
GCTCAGCAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAAAGGCTAAAGATGGA
GAGCGGGGCAGAAAGTCACAATATGAAAGCCCTATGTGGAATTTTAAGAA
GCTTGACATTATGTAA

>Sequence 2130

CCGGGCAGGTTCTATGCTGTGGATCTGTGCACCACGCATTGTTTCTATA
CATATTACATTAACTGTGCCTCATCTGGATTGTGGCACAAGGTAAAATA
GATGCAGGCTGTCAAGGCTGAGAAAAATGTATAAAACAAGACCAGAAGAC
TGGAGGGACCAAAAGAGGTGATGCATACACAAGGTTCTAAAGCCCAAGTC
TGGACTCCATATGCACATTCAAATTTGAGGAACACTGAGCAGTAACATGC
AAATCACCTGAGAATCTTGCTTAATCAGCTTCTCATTACAGCAGGTCTGGG
GGAGAGGCTGAGAGTCAGCATTTCTTGCAAGTTCCCAGGTGATGCCAGTC
TGCGGCCACATGTTTCATCTAGACCCCAACTAGTAGCAATGTGTGTGGA

Table 3

395/1077

CAAGGCTGGGTAACAGGCATGAACAATCCTCCAGTCATGAGTAATTTTCCT
TGAGAGCAGTTGTTTTCTGTGGAAGACCCAGCGCTCAGCCTCCATGAACA
TGGTCGAGCCTTCCTTGAAAACACTGCCCTCCTATGCTAGCACCTGTGAA
AACATATTGGAAACAGGCTATAAAGAGAGAAAAACCTACAGTGTGACACC
TGGGCAGGCCACAAGTGGGCACCTGAGAGAAAGCAGACTGGTTTTAACAC
TTCAGTGGTTCTTTTCTAGAAAGGCAGTTCCACCAAAATCCTGTTATTTT
TGACAACCTGGCGGTAAACCAAAGCCCTGAGGGGTTGGAACACACACGGAG
TT

>Sequence 2131

AGGTACATGATGATTTTCCTTGTAAGTAAATAGTTTTTTCTAATTTTTCCCA
TGTAACAAATCCAAAATGCATACATGCTCATTTAAATAATTTGTCCACT
GGTAACCTCAGCTGAGCGCTGCCCTTGGCAGAATATGTTTACAGGATANT
TAAATGTGTTTAAATATTCTTTTCATATTACTTGGTTGGCATTTAGATGT
CTTAAGTTGTTTTAATAAATTAGGGAAAGCTAGAATATAAAAGGTAGAAA
ATATATACATTTTTCAGTGTTCGAAGACACTTTGGTGGACTATAGAATGCT
TTAAATGCAAGTTAAGATGAATATTTTATATTTGGCTGGGCATAATGGCT
CATGCCTATAATCTCAGCACTTTGGGAAGCCGAGGTGGGAGGATCGCTTG
AGCCCGGGAGTTCGGGACCAGCCTGAGCAACATAGTGGGATCCCGTTTGT
ACCTGCCCCG

>Sequence 2132

GGTGTTTTCTTACTNANTTTCGGCGTANNTTAGCAGCACCGCCCCGGGCGG
CCGCCCCGGTCAGTTTCTGACTTTGATTCTCACCATTGTTACCTATCCCA
ANNACAGGAGGNAAGAGAGCCTGATTCAGCAAAAGGGGGGGAAGGAGGCC
CAGAANNANNGGGGCCANCAGAGNNNAGACCACGAGGGCCACCAACCCCN
NCGCCCGCGGNNCAGAAGCCGGGGANGCCACAANCNCAAANGCCAANCCA
GGCACAGNACCCGCAAAACCAGCCAGGAGAAAAANAAACCCAACCACCGG
GAGGNNANCAACACCAGCCGCCAGCCGCAANACAAGAACCAGCCCGGCCCC
AGAGGGCCAAGANGGAACCCAGGCGGNGCGNCCCGGGCCAAANAGCAAGG
CACCANANCAACAACCCACGGCGAAGGCGGNGGAACCAACGGGACCCCGG
CCGCCCCAAAACAAGNGGAACCCCCGGGCCGAGGAAANCGAAAACAAC
CAAACGAAACCCGCCACCCCCAGG

>Sequence 2133

GTCCCATGGCAATTGAAATCGCAATGTAGCTCCCCGGGGGCGGCGGGTCT
GTATTGTAAGGTTTTAAAGTGCTTGCTCTTACGTAAGGGTTCATAAGAAA
GACAAAAGTTTATGAAACTGTTACTACCAGTCATAAAAGACCTTTTCCTC
CCTCATTCACAGGCTGGCTTATTAGCTGTAATGGCCCAGATGGGTTGTTA
CGTCCCTGCTGAAGTGTGCAGGCTCACACCAATTGATAGAGTGTTTACTA
GACTTGGTGCCTCAGACAGAATAATGTCAGGAGAGTTTTGGGTTCCCCAT
TAAGGTTCTTATTAGTCATTTAGATGTGATAAAAGATATTTGCTTCTTG
TATATGAGCCTTTTAAATCTAATATTTGATTTTTCTGGTGTTACTTTAAA
AACATCACTTTTTAAGAACTGCATAGNCTCTCTCTCTTTTTTTTTTTGAGA
TGGAGTTTCCCTCTTGTTGCCCAAGCTGGAGTGCAATGGCCCCG

>Sequence 2134

AGGTACTTACCATCTTGTTTCTCAGTAGGTTTTTGATACCAAAGAGGAAA
ATGTTTAATATTTGCTTTATCTATTAGATCAGAACCTCTTCGAAAAAAGA
AGAAGGTGGATCCTAAAAAAGACCAAGAAGCAAAGGAGCGCTTGAAAAGG
AAGATCCGAAAACCTGGAAAAGGCTACTCAAGAGCTAATTCCTATTGAAGA
TTTTATTACCCCTCTAAAGTTCTTGGATAAAGCAAGGTAAGGATCCTTCT
CTAGGGATGAAGTCCTCAGGACAAAGGAGTAATATCAACTTCAGGTAGTT
GTGTCTGTAGTTCACACCTGTGATAGTCATTGGTCAGTAGGCTTGAGCTG
ACTTGGCCCTAATGAGTCCTTGCTCCTTTTGGAAGCAGGAGAAAGCATCC
TTGGGGTGGTACCTGCCCCG

>Sequence 2135

AGGTACCTGCAATGGGACTCTATTTCTGATATTAGAAAACCACCCAATGG
AACTGATAAAAATGAGTTGGAACCTGTGACCAGCAGCTGGATGAGAGGAG
TGTGAATCCCCCAAATCTTATGGATATAGTGTGCTTTCTTTGATGTTCT

Table 3

396/1077

GCCAAAGTGAGGCTGGAAAGCTAGGAAGATCTGTAAGACGTGTGCCAGCA
CAAAGTGACTACAATTCAAAAGTTCCAAAAACCTTGCTTGAAACAATTGC
AAATAGCTTATCATTTTAAACCAGTGAGCCCAAGGCTGAGTGTTCATCA
ATTTACAGAAAACCAAGAAGAGACATCTTGCCGCTTATCCAGTGTATGAC
TTACCCTGGAGATCTTTCAAAAAGAATCATTTTGGTTTGGGAAAAAAAAA
AAAAATTAAAAAGGGGGTCCTTGCCCGGGCGGGGCTATTTAAAATTAGGG
GCCCCCGGGGCGGAAGAATTCAATTTAAGTTTATCAAACCGGCAAAC
CTTGGGGGGGGC

>Sequence 2136

CCGGGCAGGTACTCATTGAACTTGAGCTCCGAGTTCTGATTCACATCCAA
GCTCTTCATCTTCTCATCAAGAGAGCCACATCCCGAGGAGACACCAAAG
GGAAGGGTAGAGTTAGAACTGGGGTTCTTGAGAAAGTAGGGAGGGAAGA
ACTGTCAGCTGCTATTCTCTCAAGGCCCTTCCCTCAGAGAGCAGTGGCAC
CTGCCCCCTTCTCTAAAGAAGGAGGCTGCAGCCCCAAAAGTGCACCGCCAC
GGGGTGCCTCTCCAAGGAGCACCAGCAGAGAAAGGTGGGGGGGCTGAGT
CCTAATGCTTGCCGTTGTGTAAATACTTCCACGATGGCTGCTTACAAACC
ACAAACAGGTTGTCGCTGAATACAAAGCTGGAAAGAAATCCACACAATCT
TCTCTACCAGCACACCACTGCAGCTGCTGTGGGATCGGCCCAAGGAATG
CCAGCATCTCAGG

>Sequence 2137

GGGAAATCGCTAATCGACTACNNGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGCCCCGGGCAGTTACCTGAAACCATAGCTGGGGTCATTTTGTTGCAG
CCAACCTGTGCAGAGAGGGCAACTTCTCGTTGCCTTGAGTTGTGGCCCTC
CCTGTCTGGTAAGAGAGGAGGAGACGCCTCCCCGATTCAGGGAAGGAGGA
AGAGAATGAGCGGCAGGTTCGCTACCTGGACATTCTTCATTGCTGCAGAT
CCACTGGCTGTTTCGGCAAATGCTGTTGGAGGGAAAAAGCACAGGTCATT
GGTGGTTCTGCAAACACAAGGGTATGCAAATGGATTTAGAGCTCATGGTA
GTTATCACAGTCCCCAAACGAAGGGATGTGGGAAAGAAAGAGCTGGTG
CTAGCAAAATCTTCATAGGGTTAAAATTGTACCT

>Sequence 2138

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATTATCCTTATACCTTTTATT
AAAAAGTAAAGCAATTCTACTCTCCTTATGAGTTTGTGTTTAAACAATGAT
GAAATATGTTAATTTGTGCATGCATAATGAGATGAACTCTGGATTATTTT
ATCTCTGCGATTACATGTGGAATAGAGTGATTAATCATAAAATGTCTTCC
TCATGATTCCAAAACCTTGGAATTGAAGAGAGCAACAGACTATATGTTTT
CTAAACTGATATATCTCCTTGTGATCTAAGGGGATTATTTTCAGTGTCCA
TATATATATAAACAGCCTGAGGGGGAAAAACCTCAAAGTGTGACATTAGA
ACAAGCACCGCTGGTAACAAATGGAAAAGTGAATAACAATGCTTATTT
TTTCAAAACGTTTAAAAGTGGACTTTCTAGCCATTTGGTGGAGTTGCAA
AAGCATAAATTTACCCAATCCATGGTTTT

>Sequence 2139

AGGTACATCAGTTCAGCTTCTGCTGGCAGGATTCCACTAAAATCAAAATA
GCACCAAAGGAAGAAATGGTTAAGGGCAGCCAGTGGAAGATCCCACTCTC
CCGATGGCAAATTCCAGAGCTGTGGTTTAGCTCTAGTTTCTGGGAAGAGC
AATCATTACCCAAGTGTGAGGGTAGGGTGCATTACTAAGTAATTCATTGA
CATTTTTCCAGTAGCCTTTTACTTAACAGCGAATAATAAGAGGAAGGTA
AAGTATTTAATTAAGAGCCACAGCCCTGTAAACATGAAATCATTATTCCA
GACATCCCTTCGAATATGTTGCCTACTTTAAAAAGAAGTTATTTTCTCC
CATCTGGGAGAAATCCTCACTATTAAAAAAAAGGAAAAAGTTTATCATG
AGGATAATATTTTGGGAGTCAAAGGCCGTGGCTCATGCCTATAATCCCAA
CACTTTGGGAGGCCGAGGAGGNCAGATCATTGAGGTC

>Sequence 2140

CCGGGCAGGTACTGTTGCTTCTTGTTTATTGTTGGTTAAGGAAATCCACA
CTGTTTACTACTACGGTTCTTATACTACTGATCGCGAGAGCTTATACGTC
TCGAAGACATTTAGAATCGCTAGGCTCTTACTGGGGCTAAAGGTCTAACT
TGAAAGTTAGATTATTTTGGAAAGAGGGGGCTAATAGACAGTACCAGGGAA

Table 3

397/1077

GAGAGGGGTAGCTTATTTTAACCAACCCAATAAATTGGGGCGAAAAATCA
CATAGGGAGAAAGAACTTGATGGGGGAGGGAATATATGTCTGCCGACCAT
ATTCACAGGGTGCCGCACTCAGTTTACATTGGTGGAATTTAAAGGCATAT
ATATAGCCGCCGTTGCTCCTCTCTGTAATACCCCAAGACTGTAAATCTAT
AACCCTGCAATGATTTAGTGATTAAAAACATGATAACCTATTGTGTAAC
TGCAAACCACAGAACCCCTGCCAACTTTTTTTTTCTA

>Sequence 2141

CCGGGCAGGTACAAAGGAAGTGGCTCACATCATAGGGTAAGAAAAAGCAA
TGTTATGCAAAGAACAAAATAAAGAACATTCCAAGAAAAGGGAACAGCCA
GTGTGAAAACCCAGAGGCAGAAAAAACTTAGGTGTGATAAAAAAAAAAAAA
TGTAAGAGAAGCTGGTTTACCCGGAATATCCTGAGCTTGAGTGAAGTAGA
AATACAAAAGTTTGGCAAGGCTGGCAGGATTAAAAACATGAAGATTTTGG
AGGAAGACTTTGTTAGAACTGGAATTTATGCTAAGAACAATGGCAGTAA
GCCACCAAACATTTTTTTGCCAAGAAAACATGTTCTGAATTGACAGTTCC
AAAACATGACTGTCCTATGGAGAATGAATTGAAAAGATGAAATTATAGAA
GGGAATATGCTGGAGGTTATGGCAGAATTCAGATGGCTTGATCAGGAATA
ATTACAATGGAAATGGAGAA

>Sequence 2142

AGGTACTCAGCTGAAAACACTGTTTCAGCCCCCTCTCTGGTGACCTCAGC
CTTCTCCAGGTGTATCTCTTGATGATCTTGAGAGACCAGCAGCCACAGCTG
CTGCTACTCCTGCAGGAGACTGTCAGGCTGTGGTGGGGGGCAGGGGTGT
GGAGGAGAAGTTGAAAATCCGTGTGTTCTCTGCCCCCTCTGCTCCTCCATC
TTAGCTTCTGGAGGAGTTAAGGCACCAAGGGCACCAAGTCAGGTTGGCAG
TTTTGTTGCCCTTGCCCAAGCCTCCAGCAAACTAGCTGGTCCCCTGCTT
TGCTGGGTCCCAGCCAGGTGTGATTTTGGTTGTTGATTAGTAACCACACA
TTGTTTTTCCCCACCTTTTTTCATTAGTGGAGGTTTTTGTGTTTTGTTTGT
TTTGTGTTTGTGAGACAAAGTCTCACGCTCTTTTCAGACTGGAGTGCAA
TGGTGCGATGTCAGCTCACTGCAACCTCCAC

>Sequence 2143

AGGTACATAACAAAATGAAAAGTCTCCCATGTCTACCTGTTTATACACAG
ACATGGCAACCATCCGATTTCTCAATCTTTTCCCCATCTCTTTAAAAAAA
AAATGGGAATGACAATAATTATATCTGCCTCATAGTGTTATTGTGAGGAT
TGGTTAATACAGGTAAAGGATTTAGAAAGGGGCCTGGCATATAGTAAGCA
GTAATTTTATTAATTAATTTACCTTAAGCCCTGTCCCAACACTCCTTTTT
TAATATGAAAATACTCAGGCCAGCACTATGGCTCACACCTGTAATCCTAA
TACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGGAGTGCTTGAGGCCGGGAGTTTGAGA
CCAGTCTGGGTAATAGAACAAGACTCCTGTCTCTACAAAAATGGGTTAAT
NATATTTGGTAGAAAAAAAATAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 2144

AGGTACGCGGGCCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTCCCAACCTTG
GCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATACCAATGACTG
GGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTAGACTTGAGA
ATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGGAAGACTGCT
GCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCTTTCCCTCAG
CTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCACAAATACAGCCTTTCA
CCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATAAATTAATCACTGGC
ATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGTTTCCAGTTTGATAGGAGACAATTA
AAGGCTGGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGTGGACTTTCAACTGG
GGCACTACTGAAACGATGGGATGGCN

>Sequence 2145

CCGGGCAGGTACACAAGGATTCATTATCTGTATTAATTTTTCTACTTTTC
TATGTTTATGGAAATTACCTTCAAAATGTAAAATATATGTTTGGAAACAT
AAAAATATATTCCAAAATAGCTCATGAATTAAATGTAAGTCACCATAGAA
ATTACACGTTTTTTTGGGAATAGAACAGTCATGAATTATACTATTTCAAAC
ATGTGGGATGCAGGTAAAGCAGGACTTAAGGGTAAGTTTATTGACTTAAG
TCTTCCAAAAAAGATGTAAATGAATTAAGTTCAATTCAAAAGTTAGAAA

Table 3

398/1077

ATGAAACACAGAAAAGCTGGAGGGAAAAAGAACAGAAAAAATAGAAATAA
GTTAATAATGCAGTCATCTTTTATTAACAGGTAGCTGAGAAGATTGGATT
GAACTAAGGCATTATTCTGAGGGAGGTTGGTCTGTAATATTCCTCTCTTT
AATATCCTTGGTTCTGTCTCGGG

>Sequence 2146

CCGGGCAGGTACTATTACTAGGTTTCATTGTTTCCAGAGGGGTGAAACGGG
GCTTTGGAGAGGTTAAATAACTTGCCCAGGGTCACACAGCTATTAAGTGG
TAAAGCTGGGATTTACATGAGCCCAGACAAAGAACCCAAGAAGCTAAGCT
ATTCTCTTGTAATACCTCCAACATAGGAGGCAAGAAGTGAGGTATTATAC
AGGTTGAGGAGATAAAGGGGAGAGAGGCCTGCAGTGCTAACAGGAGGAGC
TGGGATTCATCCTGGCTTGTTCTGATAGGTCAGTTAGTCTTAGAGATACC
CATGAGGTCACCTACTCAAATGGGGCTCAGAGTAGCCTTGTCCCATT

>Sequence 2147

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCGCTGCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTTCGACAGC
GCATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTTCTTTTCCATTTCAGAGTCCTCTGATTCAGATTTTAA
TGTTAACATTTTGGGAAGACAGTATTCAGAAAAAAATTTCTTAATAAAA
ATACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTT
TTCAATATTATTTTCT

>Sequence 2148

AGGTACGCGGGGACATTAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGA

>Sequence 2149

GCCGGCAGGTACACATTTCTGATGTAGGAAATACTAAAATTTTCAGAGCC
TATGGCATTGGCTTTTACCACCTATGCAATTTTCTACACATCTGAAAATT
ACCAGTTTATCTAACTCCTTAAATGTTCTCTCTTCAACAACAAAAACA
CAAACAAAAATTGCTGGAAGAAACAGGAAGCATCCAGGTCCAAATGACAG
CATAACAGACTATGAAGAAACAGGGCTTAAGTGCCCATCTAGAACAAGAT
GGTCTAGATTACAATAAGGACCCCATGGGACAGAACATCAAAACATTCAA
CTTTCAAGTAAATGTCTTGGAAGTAAACATTTAAAATTTATAGGACTTCC
TCTGGCATGTAGG

>Sequence 2150

AGGTACAATCAGAATGCTGCATTCTCCAGCCATAAAGATCGCTCCCTCTT
CTTTTAAACATCCCTGTCCCTCAAGGCCTAGCTCAAGACGGTCACCTTAA
GAAAAGCTCCTTTTGTGAGCAGTGACTCCATACCAGGCCCTGCTTTAAA
CGCTTTATCTGCATTATCTTACTTGATTCTCGCAATAGCCCTGGGTGGTA
GGTGCAATTATTATCTCCAGTTTATAAAAGAAGATACTGAGGGTCAGAGA
AGTTAAGTGACCGGCTCAAGGTGTCACATTCAGTAAGCGTTGAAGGGGTC
TGTGTTGGTCTGTCCTTGAAGATGCCCCCTACGACTACACTTTCAATGAT
TTCTGCCT

>Sequence 2151

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA

Table 3

399/1077

TTAAAAGGAAAN

>Sequence 2152

CCGGGCAGGACGCGGGTCAGTTAAAAATTATTTGAATTTTCCAAACAAT
CAGCGTGGGCAAAAAAATATTATGTCTGAATGTATTAATAATAGACAAAAC
ATTTTTTGTTAATTAATTACATTGAAAGTTTTAGTCAGCTTTATTCCAAA
ACTGGTATTTGTTACTTCTTAAGTCAGTTTTGGTAATTTCTGATTTCTTA
GAAATTGGTGTATTTCTGAACATTTATAATTTAGTAGCATAAAATTGTTT
GTTTTGAATCTCTTGTCTCACTTCTATATTTAAATATAAATATATATC
TACATATACATACACACAGACCCTTAATGGGTTTGCCAATGATTTATC
ATCCA

>Sequence 2153

AGGTACGCGGGAACCACATATATGTATAAATTCACCGTTACTTTTTAGCA
ATACTATAAAATCCAACAGAAAAAATAGCATTTACTATTAATAAAGAA
TTAGTCTTTGTGGGTTTGGGGCAAACAACCTGCCCTTCTCAGTTAGGATGG
GGGAGTTCTGGACATTTCTAGCTAAAGCCCAGGGGTCAAGGGAATGATAA
ACTCCTCGGTCTTGAGCATTGAGAGAAATTCTACCAGCTCGCCCTCAGTA
GAAGGGTCTATAGTCCTGCCCCCTACCCGCCTGGCAGGGAGAGCTGCCTT
TCTCTCCTGCCATCCCCCTATATCCACGGCTTCTCTCAGAGGAGCTGCTG
AGTGCATNTTG

>Sequence 2154

AGGTACTACTCGATTGTCAACGTCAAGGAGTCGCAGGTCGCCTGGTTCTA
GGAATAATGGGGGGGGGGGAAAGGCAGAGGTGAATATGGAAGAGACAGTTG
CCCTCAGCTTGGTCCAGGAAAAAATGCTGTGTGATATGATGATTCAGAGC
ATGGGCCTGAGGCCAGGCTCATATTGGTGTGAATCCTAGCTCTGCCTCTC
ATTTGGTGGGAAGTTTACCTCTCCATATCTTATATTTCTTAGCTCTAAAA
TGGAATAATAATATCTGTCTCATAGGGTTACTGTTAATATTAATGTGT
TAGAAAGCAAATTATTGCCGAGTGAAAATGCCATTAAAATCTATCCATGT
GTTCAAACCTCAAAAAATTTTTTTGAAGAAGCAGGTCAATATTCGATGGAAA
CAATCTAGTGCCAAAAAACACAAGAAAGGGCAAAGCCAGTTTAAATATAA
TTGCT

>Sequence 2155

CCGGGCAGGTACTACCGCATTGCTTGAACAGCTGGAAGAGACAACGAGAG
AAGGAGAAAGGAGGGAGCAGGTGTTGAAAGCCTTATCTGAAGAGAAAGAC
GTATTGAAACAACAGTTGTCTGCTGCAACCTCACGAATTGCTGAACTTGA
AAGCAAAACCAATACACTCCGTTTATCACAGACTGTGGCTCCAAACTGCT
TCAACTCATCAATAAATAATATTCATGAAATGGAAATACAGCTGAAAGAT
GCTCTGGAGAAAAATCAGCAGTGGCTCGTGTATGATCAGCAGCGGGAAGT
CTATGTAAAAGGACTTTTAGCAAAGATCTTTGAGTTGGAAAAGAAAACGG
AAACAG

>Sequence 2156

AGGTACTGACATGACACTTAAAGAAAATGCTCATTGAACCAGCATTTTAG
GTTTCAGATTTTTTGGATTGGAATATACTTATACTTCTGGCTTACTTGT
TTCTTAAGGTCATCCCTTTAATGACCTTGAAAATTAGAAGAAGCAAAATT
ACTTTTCTTATGGTTAGCCTTCTACGCTGTGCCTCAGCTCTAAATAGACA
TTAACAAGTAGAACATAGAGATTTCTGGGGCTTGTAGATGTAGGAAGTAT
TGATATAAGATGTGAGAGAAAGTTCTGAATGGAGCCTGTTACCAGGAGGCT
AGAAAAAATCCTTCCCTCTAAGTAACTGCTATAATGTTTTGCAGAGGCA
ATAN

>Sequence 2157

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTCCACCGGTGCCGAGGCCTCA
GTGGAGCCTGGCTGGCGGCTTGTTAGAGCCTGCAGCCTACCTGTCCTGCA
TAGGAATGAAGCCGGGAGGAGTTACATGATATGCCCTAGTTGCAGGCCGG
GGACACAGCTACCGCATTACAGAGACCAGGAAACAGAGCAAAAGCTGTTCT
CAGAGTGCGGCTGAGCGAGGAGCTACAGGGGAATGGAGGGGGCCAAGCTG
CATGGAAGATTGTCCCATTAACCTGGCTTTTTACCAGGGTGGTCCTCTCC
CTAACCCCTAAGAATCACACCCTGCATCCAAACGGCAGCAACCCCAAGAAA

Table 3

400/1077

ACGGGCTAAGAA

>Sequence 2158

CCGGGCAGGTACTTTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGGG
TTATGTGAATTATATCTCAACAAAGTTGTTAAAAAGAATCCTTTCTATGT
GAGCATTAACCTTTTGTTTTTTGTGTTTGAGACAGTGCCCAGGCTGGTGTGC
AATGGCGTGATCTCAGTTCATTGCAACCTCTGGGCAAAAGAGGGAACTG
TCTCTAAATAAGTAAATAAAATAAAATAAAATAAAATTTCTTAACCCTA
GGTGTGACTTTCTTCAGGCCTAGGGTCAGTGATAGTAATAGAATGGCTAC
ATTAAGATTTTTCCATTTTAGACAATACATTCAGGTATTCATAGATCCAA
GGCAAAAATA

>Sequence 2159

CCGGGCAGGACCAAGGCCCAATCACCCCAACAGTGACAGGAACATAATT
TCCTGTTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGTT
CCACATCTAACGTTTCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCACT
GCCCTGAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCATT
TTAACAGGAATTTAATATAGCAGAGATAAGCATAATGTTTAGACTCTGCG
TGACCCATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACTACCAATCGTCGGG
GAGCCGAACAAGCATTTCTGTGGACTGGACCGATGAACATTTCTCCGCAC
CTACCAAAGG

>Sequence 2160

CCGGGCAGGTACTGTCTGGGACACCTTTGACCACCCGACTCTCATAGAAAA
CGAGAGTATATGCGATGAGTTTGCGCCAAATCTTAAAGGCAGACCACGCA
AAAAGAAACCATGCCACAAAGAAGAGATCATTCAAGTGGTGTAAAGGATT
CCAACAACAATTCCGATGGCAAAGCCGTTGCCAAGGTGAAATGTGAGGCC
AGGTCAGCCTTGACCAAGCCGAAGAATAACCATAACTGTAAAAAAGTCTC
AAATGAAGAAAAACCAAGGTTGCCATTGGTGAAGAGTGCAGGGCAGATG
GACAAGCCTTCTTGGTGGCACTTTATAAATACATGAAAGAAAGGA

>Sequence 2161

CCGGCCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTGTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGTGAGGTGATTCACTGACCT
TGCCTATAACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAGGGCAAAAAGACAGAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGC
ATCCTGATTGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATT
GACTCTTTTAAC

>Sequence 2162

CCGGGCAGGTACAATGCAGTTCTAACTAGCTTCCTTAAATAGCTAATATT
AAATGTCGCTCATCAACTTTCACAAAAAGTGTTTTTGGGAGACTCTAAAA
TGCACCATCTTACCTTAAGGATGTTTTAGGAGAAGCTCCACTACACAAGG
CAGCAAAAGTTGGAAGCCTGGAGTGCCTAAGCCTGCTTGTAGCCAGTGAT
GCCCAAATTGAGTGAGTATGAAAACAGTGGCTTCACATTTTATGTTTTCT
TGGATTAACTAATCAGACTCCTGAAGCTTAGTTACATGTGCTTTTAAAA
ATAATGCTTGCGTAATTGATAATTTAGTGTTAATCATTTAAATGTAACT
TAGGTTGTTGGT

>Sequence 2163

AGGTACCTGTCAGTGTTCAATATTTAACAACTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTCAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTTCTATTATCCATGTGCCCAACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTAAAATTTTCCTTTCAATTGTCATTTTTT
TAATAATTGCAATCAGTGAGAGGAGAAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GACCTTTCACCATCCTACACAGGAGATGACTGATGACATGGATTATACA
CTAATGTATATCGTATATTCTCCAAAGACCCTCAAAAATCGCAAGAAGTT
TTGAAAAATTCTGAGATCATAAACTGGAAACAGAACTCCAAATCC

>Sequence 2164

AGGTACCCAGAACTTAAAGTATAATTTTAAAAGAACAAATTTTCTTTTA
ATTAAGCTTTTATCATAGAACTTGTAAGAAAATCGTTTTTCAGTCTCTTA

Table 3

401/1077

CTACCACATCATAGCTGGGACAACTGCTGATATTTTAAAAGCAACACAA
ATATCAAACAGAAAGAACTAGACTTAGGAACCAAACTCAGGTTTCTGTAG
TGAACAGGGCAGAATCTTAACATTTCGGTCCCCACCATTACTCCTTCAGTT
TGGCCTTTGCTAGCAAAAGATGGCCTTGTTATGTAGATGAGACCACTTAT
ATAAAAAAAGTTTTAAAAAATTTCCAACCTGGATTTTCTGTGTTTTTTTT
TG

>Sequence 2165

CCGGGCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGTGAGGTGATTCACTGACCT
TGCCTATAACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAGGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGC
ATCCTGATTGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATT
G

>Sequence 2166

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAGCCAAATGCAGTGCTTGCTTCCTATCTGTG
GTCCATTGCATAGCAGTGTGCTTGGGTGCTGCGTAAGACAATTCCCCCA
ACGCCTCCAAAAAATAGGACATGGTCCACTGCAGGAGTTCATAATCTAGG
AGTCCAGAGAGTCCAGGCTCATCATCCCTTCAGAAGAAAGAATCTTCAGG
CCCCTGCTCTTGTGAGAGTAATTTCTCTTAACACCGACAGTGCAGCAATA
CAACTACCACCACCTTTCAATTATTGAGAGGCAATCATCTAAAGCATTG
GCAAGTGATCCACTTACGGAGCCAAGCTAAGGGAGCTGAAGAGAAGA

>Sequence 2167

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAG
GAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGT
CCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCCTTAAGAA
GGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCC
ATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTT
TTTTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACC
CAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAA

>Sequence 2168

AGGTACTCTTAAAAATCTGTTAAGAGAGTGGATCTCATTTTTAAGGGTTCT
TACCACAATAAAATTAATTTTTGAAATAAATCAGTCATATTTGAGTGAA
ATGAAACCTTTCCGAGTAGTTTCAGACAATTGATAATACCTAGTTTACAG
TTCCTGTAGTCATTTTGGAGGGTGAGGACTTGATGTGTTTAGTAAAGTTG
AGAAATAAATACATGAAAGAATGTGTGGGGAAGAGAAATTGTGGGGAAGA
GAAATTGTCTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCAC
CCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGC

>Sequence 2169

AGGTACTCACTCTCAAGTTTACGTAAATACTATCCCATACAAAAACCAC
TCTTTCTCTTGTTTTTCATTATTTATATGTTGTCTTGTTTAAAGGAAGAAC
ACAAAAATGCCCTGCTAAAGGGATTCTGTTTGGCTGCAGGCAGCAAGAGG
GAAAAACACAGAGCATATTTTGCAGAAAATGATTTATTAGAAGTCAGAAC
TATGACACGAAGCCAAGCAGGGCACTCTAGGACTGAATTTGCTGTGCTGC
CTTCATACGCTCCTTGCTCTTTCTTTTCTGGTAGCTGTGACTCACACAGC
TCATGGAGAGTATCATTCCTAAGAG

>Sequence 2170

CCGGGCAGGTACTAGGGGTTAAGATGTCAACATATGGATTTAGGGGGGAC
ACAATTCAGCCCATGACAGAAGGTGGCAGAGTATACCTAAGGCAGGAGGT
AGAAGGAGGGCAAGGAGGGCCTCTCTGAGATGACAATGAGCTGAGATCTG
AATGAAAAGAGGGAGCTAGCCACGCAAATGTCTAGGAGAGCATTCCAGGC
ACAGGAACAACAGGTGCTCACCCCGAGGTGAGGACATGGCTCAGGACTAC
TTGGCATACTCCATCTTCAACGATAGTAAGAATGGGATGGGATGATGGGA
AAAAGGGAGATGTTAGTCAAAATGTAC

>Sequence 2171

Table 3

402/1077

AGGTACCTGCCTATAGGCCATATCATACTTGACAGCAAGAAGTATCTTCA
TGGCTAAGTAACTTCATTGTGGGGCAAATGAAAATAGGAGGACTCCAAAA
AAGCCCTTGCCATTAACAACCTATGCCATTACTGCTACAACTTTTACAA
CCTAGGCCACTGAGGAAAACAAAGTTACTGCCAACATTAAATACTGTTGA
TAAAGCTGAACAAAGACTATAACATTTCACTTATCTGGAAACAGAGTTAC
TACACCCTTCTCAACTAGCACACTAAGGACCAAGTGCAGGTGAAAGCCTC
TATGAAAGTGACTGTAGAAAAATGGGAAGACGCCATTGTTTCACCAGATG
CA

>Sequence 2172

CCGGGCAGGTACACAAAGAAAAATAAGGCAGAGGAAGGGGATGGTGACTG
AGAGGGGAAAGGGTCAAGATTCTCTCAGGAGGTGCTACTTAAGGAGAGAC
GAGAATAAAATGAGGGTGTGAACCATGAGGATATTTTGGGGAGAAGGCAG
AGGAAACAACAAGTGCAAAGTTCCCAAGGCAGGCACACACTTGATCTGCT
CTAAGAACAGCAAAAGGATGGATGGAGCAGGGTGAGCAGAAGGTGTGGAA
AGCTAGATCACCTGAGGCCATGATAAGGACTTCAGCATTAAATTCTGAGGA
AGGTGGAGAGCCCCAGAGGGCACTAGCAAAGAAGTGACATGTTTTA

>Sequence 2173

AGGTACGCGGGGACACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACA
CATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTTGATAGGGGCTTTTTGATA
CGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAAT
TCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCAAAGAAATTCT
CGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCTGGGGATG
AAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACC
AGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGN

>Sequence 2174

CCGGGCAGGTACGCGGGGTAGAACTGAAAGTATATTCTGATTCCGGTGTGT
GTATAAGGAAATATACACCAGTATATGCATTAAAACGTCAAGAAGAGCTG
GGCACAGTGTACATGCCTGTAAACCCAGCTATTCAGGAGGCTGAGGTGG
GAGGATCGGTTGAGGCCAGGAGTTTGAGGCTGCAGTGAGCTATGATTGCA
CAGCTGCACTCCAGCCTGTGTGACAGAGACTCTGTCTCAAAAAATAATTA
TTTGCCTCTTCTCTAATTTATTTCAATTAATATATTTTTATTGTAAAGATT
TTTTTACCTCCTTGTTTAAATTTGTTCTCAGAAATTATTTTAATGCTACT
GTAAATAAGATTGTTTTCTTAATAATCAGTTTGCTTTAAGTGTATGGAAC
CATAACTTAACTTGTATGTTAATTTTATATTTTGCTAATTTACTGAATG
TATTTATTAATTTAAACAGGTTTTAGTGTACCT

>Sequence 2175

CCGGGCAGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGT
CTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCAC
TTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTC
TATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTTCAGCAC
TGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTT
TCTGTCTCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTA
TTCTTATTGGGCTTATGTGCCTTTTCCTCCACTTATTTCGACCTCTCACCT
GGATG

>Sequence 2176

CCGGGCAGGTACAATGAGGATACAATGTGTAGAGCACAGCATACTGAATG
GCAGGGAAGTGAACAGCCAGGTCACTGTGCACAATCATCAAATTCTTACT
CAGAAGTGCAAAGACAGTTGGAGATAGCGCCACATCCCTATTAGTGAGT
TTTTGGCATTTCGAATTGTAGTCAGGGCACTGAGGTCAAATTTAACTACA
AATTTTGCATTGTCTACATTGAACACATGATTCTTAAAAGCCTCATGTTT
TATTTCAGAACAGGACTCAGGAAGCTGCAGACTGTGCAGGAGGTGTGTTA
GGGCACAAGTCATTTCTCCCAATATTAAGTATAGGCAGTCTCCAAAAAG

>Sequence 2177

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGC
TCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCCCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAA
GGAGGGAGCAGATATATAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATGT

Table 3

403/1077

CCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGTCAGCAGGAAAG
TAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTCTGTCACCCAGGCTGAA
GTGAAATGGTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAA
GTGATTCTCCAGCCTCAGCCTCCCAAATAGATACCAGTAAAGATGTCATC
TGGCCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTCATCCAAACCGCCTGT
CTCTGGAAATAAGAAAAGCTCTGAGGGTCTCCAAAGTTACCAGAGGAAGG
CTGAATTTTATGGCGATTGATAATATTTCCAAGCTTATGAAGAAAAAATA
TCATTAGTCTTTTCCATGGTAGAAAAGAGTAAAGCCTGTAACAAAAAAG
TGATACAGTGGATGGGATGATGAGACCCTTGAAATAAGCAAGGATGGACC
ANAAACTGGNNACAA

>Sequence 2178

AGGTACTTTAGGCACTAACTGTCAGCATGTGGTATAAAGTTAGACGTAA
GAGAAATTCCTGTGCTCCTAGCTGCTTCATCATACAGTGATGAAAGCAGA
AAGCACAAACACAGGGTCAAAGTGGAGACCGGAATCACAGGTGTGCATCC
CAACCCACCATGACTGGCAAACCAGCAGTGGGTTCAGGGCACTGCTGGC
CTCTTCCTCTCCTTTCATACAATGAGGAGCAACAGAAACACTGAGTCAGC
GCTGGTCAGGGCCGAGGACACAGCTCATCTACCCAACCGTGCCCAAATA
CAGTTGGTATCACAGGCAGGTGACATCATGCAGGGGCTTTTAACTCAAG
TGAGCAAACACGAATGAGCTGCAAATACCCCAAATGGACAAACGCGCTTC
CCAGTGGCCCTGTGTGTGTGCTGGCGTGTGGGCAAACACCCATACACTCT
GGAGGTAGATGTGGGGTATAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 2179

CCGGGCAGGTACGATTCCTTAGTGTGGGAGTTCCTGGAACCTGGAGGTGT
TCACTTTCCTCATTATCCTTCTTTAAAAGGGAGCCAAAATCTATACCAGA
TTTTAGGAACTCAGTGTAAGTCCCCTTCTGCACCATTTTACCCTAAAATA
AAAATAAAGAATTTAGAGAGATACATGTGCAGGTGATAATGTAAACCTA
ATCTAATTCTAATCCAGAAAAAGTAACTGATCTTAAGTTATGATTATACT
TAGGTCCGGAATCCTAGTTGACAAATCTAATACAATTCAACTTGATACAC
AACTGAGTGTTCCTGTTCTCAGCCAGACTCTGTGTTAGGTCCTGAAGAAT
ATTTTAAAATGGTAATAGTGTGTTACAAATGGCGATTATTATCAACAAA
TGTTGGTGACCGTATTGGTAGTCTTATTACAGAACATGAAAACCTGTGATA
AACCTTATGCAATAAGATTGAAGGAATGAGTAAA

>Sequence 2180

CCGGGCAGGTACGGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTA
GAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCCCTGAATGTG
GTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAAGAGACGGGGGTTCACCCGGTAGC
CCGGAGGGTTTCGGATCTCCTAACTTCGGAATCCCGCCCCCTGGGGCCTA
AAAAGGGTGGGGTTCTCGAAAGGAT

>Sequence 2181

AGGTACAATTTTACTGCAATTTCTTTGAACTTTCTTGCCACTGTTTGGA
ATCTTAAAAATTCATTAGCCTTCTCCTCTCTGACATAAAGCTACTCTTCA
TCAGAGATGAGTTCCTATGCATGTCCTTTGTTCCTTCAATAGCTAATTAA
TGTGCTTGAGGATACTTCAGTGGAATAAAGGTTTAAATATGCAAATTAC
TAATAAATGTGTAACCTTATGTAACCTTGTGTTACATCAAGTAACAAGCTA
ATCTAGTTTGTTCCTGACTAGGCTTGTGCTCCCTACTTCAGTATTTT
GATGCTTTCCTTGATCTTTGTTTCACAAAATGTTGTGAATTTTGGTATCA
TTCAAAACAAATGACATTTATTAGGTTTCATTTTGAAACGATGTACCTGC
CCG

>Sequence 2182

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGATTTTCTTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG

>Sequence 2187
CCGGGCAGGTACCTTAGTCTTGAGGACTTATCAGCCTGATGGCTCTCATG
ACCAGCACGCAGTTATGCAGAGCTCAGCACTCAGATCAGAGCCACCTCTA
GGAACCACATGGCTGAGAGCAGACACAGACAGGCTCCGCAGCCCCTGACA

Table 3

405/1077

CAGTCCCATGGCTGGGTTTACTTAAGACAACAGCTACACACAGAACGATG
TCAAGCCCCATTCTCCCATGTTTTTCTTACCTAAGGTAATGATGGCATGT
GCTCTAATCACAGAGGGCATGACAGACCCTCGGACCTGGGGGGGTGGCTG
AGACGCTGGGGGCTCACTGGTTCCCTTGAAAAAGGGGCCCCAAAAAAG
GGGGGAAAAGGTCCCCCGAAACCTTTAAAAAGGGGTGCGGGCTTCCAA
AGGGTGATTTTAAAAGCCTCTTCAGGGGGGAGAATTAGGAGACAAAACCC
GGAGGGCTTTGATTTAAAAGGGGGGAAGGCCTTTTCCCCCGGTGGGGAA

>Sequence 2188

AGGTACATACCATAGGTAAAGTAGGCGCCTGATATTAGGAAGATCAATAA
TTCATCTAAGTGCTGTATGAAACAGCATCTACAAAAGTTGCTTTATTCAA
CAAACCTTTGAGGGAACCGTGGTACATCACCTGCTGAGGGACATCCAGGA
CAAGGTCACCACACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCT
TCTGCCTGGTCACCAACTTGACGATGGACTTCCGTGTGGTCACTGTCAAG
GCATTGTTCTTCTTCAATTTGGACCCAGCCTGTTGGAGCAAGTCTTTTT
AGGATAGACCCTTAATGCCCCATTCCATTTGCTGGGCTCCACCTTACAAG
TGGTGGACATCCATGTGACAGAAAAGGGGGTCCTCAGTTTATTAAACCAC
AAGGAAGTTTTTCGGCCCCCAAACCTTTTTTCCTTGATTTTCCCCATTACC
CAACCTCCTTTTTTCCAGGCCAAAAACCCCCCCCCGGCCCCCCCCATTTA
CAAAGGA

>Sequence 2189

AGGTTCTCTCCAAAGCCCTCAGGCTGGAATGTTTAAGTTGCCCGAACGGG
AAAGATGGCGGCCTGCCCCATCTTTTCTCTCAGAGTTTTATCTTGTTTCA
TGGAACCTTAATTTTTAGCCTGTTGATTTTACTGTCTACATTAGACTTGTT
GAGAAAGATTCTGTAATCTTTTAGGTTAGACAAATGAGAATTCATTGTCT
TCTGTAAATAAACCTGTTTCATGTCTTGTCTCTGGAAAGAAGTCTCTTTC
AGCTCTCTGACTTTGGTCAACATCATGTAGAGCAGTAGCCAGTCTACAAT
GATGTAATTGAATTTCCATTTCCAGTGTTTCGTCGTTGTGTCTTACATTG
TCCAGTTCAGAACTGAGCATTTTATTCTCAGTTGTCAACATGCTAAGCTG
TCCACTGTACCTGCCCCG

>Sequence 2190

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAACA
GTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAAATCATGTATTTTCATCAGAGGTTCCC
AACCTTGGCTGCACATTGGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATACCA
ATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTAGA
CTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGGAA
GACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCTTT
CCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCACAAATACAG
CCTTTCACCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATAAATTAATT
CACTGGCATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGTTTCCAGTTTGATAGGAG
ACAATTAAGGCTGGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGTGGACTTTC
AACTGGGGCACTACTGAAACGATGGGATGGCCAGAGACACAAGAGATCA
AGTGGAGCAAGCTCAATAAACAAGTGGTTCAACGAGGACTTGAAATGCAT
GGAGCTGGAGCTGAGTTTAACCCCAATGTTTACTAGNTGAATGAAATGTG
ATGAATGGATGACAATTTTAACTCTGGCCTTAGGTTCCCAACCATAAAGG
GATCACAGTTGACTATA

>Sequence 2191

NNTTGTATAGTTCTATACTACGGGTCAANNNGAGTGGCAATGCGGAGCCG
GCCGAGGTACTTGATCAAATTTCTACTTTAATTGGTCACGGTATCATTAA
TGAATATTAATTTTGNCGGAAATGACCCAGATAAAATCACTGTTTCCTTT
CAACAAGCAACAGGTTAGACANAGCCTTTATCAATTCTGGGCATGGCAGA
TGTCTTGCCGATTTTGTGGGAATTATTGACAATCGTTACCCCAAAACAAA
AATCTTCCAGTTTTTAAAATTGACTACTTGGATTTTACCTAAAGTTACCA
AACATAAGCCTTTAAAAAATGCTCTGGCAGTGTTTACTGATGGTTCCAGC
AATGGAAAAGTGGCTTACACCGGGCCAAAAGAATGAGTCATCAAAACTCA
GTATCACTTGACTCAAAGAGCAGAGTTGGTTGCCGTCATTACAGTGTTAA

Table 3

406/1077

CAAGATTTTAATCAGTCTATTAACATTGTATCAGATTCTGCATATGTAGG
AACAGCTACAAAGGATATTGAGAGAAGCCTAATCAAATACATTATGGATG
ATCAGGTAAACCCCGCTGTTTAAATTGGTACAACAAAATGTAAGGAAAAA
GAAATTCCCAATTTAATATTACTCATATTCGAGCACACCACTATTTACCA
GGGCCTTTTACTTAAAGCAAATGAACCAACTGACTTTGCTGGTATAATCT
GCAATCATGGGAAGCCCAAGAACCTCATGCCTTGACTCAAGTAAATGCCA
ATAGAATAAAAAAATAAATTGGTATTACATGGGAAACGCCCAAAAAATATG
GAACTTGGCCCGGCGGGCGTTTATAAACAAGGGAATCCCCGGCTTGG

>Sequence 2192

CGCCAGACTTANGCTTTGATTTGACAGCGCCAACNCGAGTTGCAATTGCG
ANGCGCGGCCGAGGTACTCGGATCAAATTCTGCTTTAATAGAGCACGTTT
ACTATGANATTTAATTTTGTGCGGAAATGACCCAGATAAAATCACTGTTC
CTTTCAACAGGCAACAGGTTAGACAAGCCTTTATCAATTCTGGCGCTGCA
GATGTCTTGCCGATTTTGTGGGAAATATTGACAATCGTTACCACAAAACA
AAAATCTTCCAGTTTTTAAAATTGACTACTTGGATTTTACCTAAAGTTAC
CAAACATAAGCCTTTAAAAAATGCTCTGGCAGTGTTTACTGATGGTTCCA
GCAATGGAAAAGTGGCTTACACCGGGCCAAAAGAATGAGTCATCAAACT
CAGTATCACTTGACTCAAAGAGCAGAGTTGGTTGCCGTCATTACAGCGCT
AACAAGATTTTAATCAGTCTATTAACATTGTATCAGATTCTGCATATGTA
GTACAGGCTACAAAGGATATTGAGAGAGCCCTAATCAAATACATTATGGA
TGATCAGTTAAACCCGTTGTTAATTTGTTACAACCAAAAGGAAGAAAAA
AAAATTTCCAATTTATATTACCAAAATCCGGGGCAACACTAATTTACCGG
GGCCCTTTACTTAAGCCAATGAACCAGCTGACCTGGTAGGATAATCCGCA
TCATGGAAGCCCAAAAACCTTAGCCTTGGCTAAGGAAAGGCCAAAGGGTT
AAAACAAAAAATTTGTTTTCCATGGAACACACCAAAATATTTGCCCTGCGC
CGCGGCGTTTAAAAAAGGGGACCCCGGCTCG

>Sequence 2193

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
TACTCTCCACTGCCCGTCATCTTGCCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTCACGCGC
ATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTGTC
AGTGATCAAACCTTCTTTTCCATTGAGAGTCCTCTGATTCAGATTTTAATG
TTAACATTTTGAAGACAGTATTCAGAAAAAAATTTCTTAATAAAAAAT
ACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTTTT
CAATATTATTTTCTTCTTTGGTTTCTTGCTACATATAATTATTAATACCC
TGACTAGGTTGTGGTTGGAGGGTTATTACTTTTCATTTTACCATGCAGTC
CAAATCTAAACTGCTTCTACTGATGGTTTACAGCATTCTGAGATAAGAAT
GGTACCTTGCCG

>Sequence 2194

CCCCCTGAGTGCTATTCTAAAACCTACANGGCGAATNGGAGTGGCAACGCG
GTGCCGGCCCGCCCGGCAGGTACTGTGTTATGGCGCAGTGGGTGACAGTTG
GCCACATAGTTGTCAAAGCCATGGCCAGCAGCACTGTGGATTCCATGCC
AGATAAGGAGTGGATGGCAAACATCTGTAGCAGACAAGCATCAAACCTGGA
TGGAGGAATTGAACCAGAAGATGGCCAGCATTTTGGGCATGGATGAGGTG
GAGATGAGGATGTCAATGCCTGAAAGCATGCAAAGAAATATATACATGGG
CTCATGCAGGCTGTGCTCAGTCCGCACAATGTAGATGATTGTCAAGTTAC
CTAGCACAGCAATAAGGTAGAGGGAGCACAATGGGAAGGCCAACCAGAAC
TGAGCCTCTTCTAAACCAGGGAGGCCTATTAAGATGAAGTATGTAGCACT
GGATTCATTGCCATTGGGATCCACCATCATGAAGAAGCTGAACTGTGACC
AGCACAGGCAGGTAGAGGCTCAACCGTATTGGAGGAATGTGTGACCCCC
TTTGTCCAGTCTTTCTTCCCCCGCGTACCT

>Sequence 2195

CCCAAGACGGCGAAATGCACACTACANGGCGAATTGGATTGCACCGCGGT
GCCGGCCCGCCCGGCAGGTACTTTTTGGCCACAAGATCCACCATCTTTTGT
ATGTGAGTTTATTAACCCTTTTGAAGACTGCTGCTAACCAGAGGAAGGTA
ACCATTCCTCCTTATATAAACACATATGGCTTTGCAGTCTGGAAATGCTG

Table 3

407/1077

TTACCAAGGGTTAACCATCAAAATCCTCACTTGCTGGCCCTCCCTCCACC
 CTCTCTTTGCCTGCAGCAAGGCAGGGAAGAGATAGGTGGTAGGGGAGGGA
 GAACAAGACTGTTTAGACCCACAGGCCCTTTTAATGGAGATTAAGTGAC
 CAGATTGGTCCTTCTCCAGTTCTCTATTTGTTCTATGGTCTCATTCTTC
 CTCTCATTATTTTTGGTTTTCACAACGGGAAACGTTGATTTCTTGGTGCAA
 GGCTGGTTTTTTGAAAATTTCGACACTTACTATCCAATTTTTTTGCGACGTC
 AGCACCTCGGGCTCAGGGGGGAGGGGGGAAAATTTTGGAGGGAAAAAAAT
 TAAACAACCCACCCGGGACCAAACTTAATTATTTAAGGGGGCCTTAATG
 GATCAAAAAGGCTTTTAAAAAAATAAAGGCCCACTCAATATTCATTTTCC
 CCCCCACCCAACCTTCATTTAAGGGAGGGGGGGCGCACGAAAAAGGTTCTG
 AGTGGGTTCAAAAAGGAAACCCTTTGATGAGAGAAAATTTGGTTGTTTTG
 GGAAAGGGAAAGTGGTTATATTTTTTTGTGGGTATGTATTGCTCTCTCAA
 TCGTTCCTGTTGAACCGGCTCATTAGTGCAACCCACAGTTCTTC

>Sequence 2196

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACCTCAAGGGTATGGTGT
 TTAAGAATAGAGGTAGCAGTTTGGTGCCACTGCCTTGATTTGTGCTAAGG
 CACAAGCAGGTTCAAAACCATTTGCTTTTGCACCACAAGCAGAATTTCAA
 AATGATAAAAAGGCAAATAATGGCTTAGTATGAAAATAGTTTTGACCTCT
 TGAAAGAATCACCTATCTCTAGGATGTCATCTTTGGCCTGGGTAAACCATA
 ACAATTTTCTAACTACTCTCCCTGCATTCACCCTTGCATCCAAATCCTTC
 CCTATACTGTTTTCTGGCCGATTTTTCTGGGATTCATTACTTGTTATTTA
 AAACCTTCAAAGCTGTCTAATTTTTCTTTGACATCTCAGTTCTTTAATT
 AGCCTATAACGCTGTACCTGCCCCG

>Sequence 2197

ACCGGACAGGTACTTATATTATTATTTNTTTNTTTAATGGGAGATTAT
 TTTTTTATTGACGTGTAAAAAAATGCTGGTCTGTCAGTGAGGCATGG
 GTTTGTAGGGGTAGCACAGAACTTTCATCGTTCATACTAGATTACTCTG
 AAATTGGCTCTGTCCCCCACCAGAACATCAGTAAACTGAAAGAACTC
 AGTCAGAGCCTGGGATGATGAAGATGATGATGAGAATATCATTCTTTCT
 CTCTATGTCCATGGAGAATTTAGCAACTTCCATCGTGAAGAACTGAACT
 CTTTCATTACTTTTTCTAAGGGAAGACACAGTTCACAAGATTTATTAGCA
 CAAGAGGAAATTTTATGTAATGTTAGAGCTGAAAGGAACTATAGAGATTA
 TGAGGCAGCACCTCATTTTACAGATAAGGAAACTGAGCCTTAAAAAATGA
 ATGACCTTTGGCAAGCACATTTTACAGAGGAAGAAGCACAAATTTCCCTA
 GTTCAGCGGAAATTCCCCCTCTGTTGGCTCTTTGATTTTCAAGCCCCC
 TGACCACCCAAGGTTTTACCCACCAAGAAAGGGTTCTTTTTTTTTTTTT
 TTTTGGTTCCTACTTTTAGGGTTAAATTATTTTTTTTTTTTAAAAGGT
 GTTTTATCACCAAGCCCCAACGGTCCATTCTTTTTTTGGCTTCCGAACC
 TGGCCGGGATTAAAGGCTCCCGGGGGTTCTTTTAAGAAGCCGGAGTTAA
 AAAAGAT

>Sequence 2198

AGGTACAAGATATCGAGCACAATTGGGTCAGATTAACAGAAGATTTTCC
 AGCGCCAATTTTCTGGGAGGTGGTCCAAAGGAAGTCAGTGGGGCCAGCTC
 TCTCCCTCAGACAGCTAACAGGAGCAAGGCTTGTGAGCTTCTGAAGCTCT
 GCAAGTCCAAGGCTTCTGAGCTATTTATTCTATACTTACTTTGAAAACAC
 AAAATTGCTCCAACAGGATGGATATGTTACGGAACAATTAGGCATAATAG
 GATGTGCATTTCTGTCTACTGAGAAACACCAGGTAGAAAACCTGCACCAAG
 CTGAATTGAGCTTCGTGGTAATACACAAAAAATGCACACAGCTCAGCTCA
 ACAAGTGCAGTACGTCACACCAAAACACATTTGATGTTACAACCTTCCATC
 CAATTCCAGATAACCTTCCTCCCACTGCTTCTCAACTGCTCAAAAGCCTA
 ACTCTCCAAACCCATTTCCACAAGGTAATTTGAAGACTTTTCAAATAAA
 ATGCCAAATTTACCATAGTAGTTATGTATTTCTTAACCCATTTAACATTA
 TAAACTATATCATTTTTTAATTCAGNTCCTTTTTTCAGATGTGTCACTGA
 CAAAGTTTTAAAAATATGTGCCCTTAACCAAAATTTCCCGTGAGACCTG
 GGGTTCAATGGCAAGTCTGCTTATGTGGAAATTTTAGAATGCGATGGCAT
 GTTGAATGAACAGACTATTTCCAGGCTCTAGGGAGAGATTTACATCATTC

Table 3

408/1077

CTAAAATACAATAA

>Sequence 2199

CCGGGCAGGTACGCGGGGACTCTGATGAGGGCTCAGACTTGATAACGCCC
GTGGTGCCCCATCCCTATAGGAGCTGGTGAGATTGCAGCCTGCTGCCCCC
CCTCCATCAGCCACAGCTATTGGATTTCCACCCAGAATCTTTAGGTAAA
TGAGGTAAGTCCTGATTTTTTAAACTTCTTTTGAATCTGGAATCCAAACA
CCTGAGTGGAAGAGAGAAGCCTGCTTTAAACTGGACAGATGAACTAGAAC
AGACTCTTGGAGACGGCTGGCAGGAAGTGAAGCTCACCTTACCTGGGCTT
ACCTCACTGGGTCAAATCAGAATTTTATTTTGGAGGGCGGGTGGCTACC
TTGGATATTATCTGTGAATTTCTGCATTGTCTGGACTTCTAATCTCTGT
GAAATTAAGCCCCCTCGTTTCCCTATGCCTGGGTGGCAAACCATTC
CCTGGGTTGAATTCTTCTGGAACAAATAGGCAGCTAGAGATAGGTGGCTC
TGATATAGCTCAAAAAGAAGTGGNTGGGCTAAGTAGCTTGTAGGGCTCA
GAGNACTT

>Sequence 2200

AGGTACACGCTTGTCTTATTCAGTCTCCATGTTTTAGAATACTTTTTTGG
TTTTCAGGCCGCAGCCTTGGTTGGGGTCAATCCAGTACACAAAAGAGAGA
AGAGCCCCAAGATCTCAGTGTTGAGGCAGTCTGATGCTTACAGTCAGGAT
GATAAGGAAGAAACACCAAAAAAACAGAAGGAACAGTTTGGAGATGCGGG
AATAAAACCACGAGAGCGCAGGGTCTTGGGAAGCCACCTGCTGGAGGGTTT
TCCAGGTGGAGGGAGCTATTGGCTGAGTCAGGGAGAGGAGCCCTGAGCAT
TGGCCATGGGAGTTAGTAATGCAAAACCATTTGGTGCTAATGAGAGGGTAG
TGCTGTGGAGTCAAGTGGAATAAGTTAATAGAGAATGAAAGGAGAGAGAT
TGGAGACCGTGGGCAGACATTCACAACCTTTTTCATGTTATCTGACTTGTA
AAGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCCTTGCCCGCGGGT

>Sequence 2201

GGGCGTACGTAGGCTGATACGTTACATCTGGGCGAATTGGATTGCCACAC
GCGGTCGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTNNNNNNAACCCCT
TTTCGGTTTATTTTATTGCCCCNCCNCTCNGCCTTGCCCTAAATGTTGG
CATGTCCCATGCAATGGTCTTGAGCCCTCCTCATTCTCTTATCCACACTC
TCTCCTTAAGCATCCACATCCAGATCTTCTCTGATGATGACCTCCCCAGG
TGGATATCTCTCAGTCCAAGGCCGTCTTCCCTGTACCCANNACTAACGTG
CCCCTCTCTTCTTATTTTACCAGCGACCTACCAAGTATTGCCTTTACAG
GCACTCTCANNACTTAACATTGTCTAAAACCAGANNACTTTTTTCTGGC
CCCTGGTACCTCGGCCCGCTCATAGAACNNTAGTGGATCCCCCNCGGGC
TTGCAGGAATNTTCGATATCAAAGCCTTAATCTGATACCCGTCCGACCCT
CGAGGGGGGGGGCCCCCGGTACCCAGGCTTTTGGTTCCCTTTAGGTGA
GGGGTTAAANTGGGCGCGCCTTGNNCGTAATCAATGGGTCATAAGCCTG
TTTTCTTGGTGTGAAAAATTGTTAATCCCGCTTCACAAATTTCCACACA
AACAATACTGAGCCCGGGGAGCCATAAAGGTTGTAAAAGCCCTGGGGGTG
CCTTAATGAAGTGAAGCTAACTTCACATTTAATTTGGCGTTGGCGGCTTC
AACTGACCCGCTTTTTCAAGTCGGGAAAACCCTTGTCGTGGCCACGCTTG
GATTTAATTGAATCCGGGCCACCGCCGCTGGGAGGAGGGCCGGGTTTG
CGGGATTTGGGCGCCTAATTACGCTTTTCTTCGTTACATTGACTCGCCT
GGGCCTTCGGACCGTCCGGCTTGCGGGCAAGGCGGTATTAAGCTTAAATC
AAAAGCCCGGNAATAACGGTTAATCCACCT

>Sequence 2202

AGGTACTCACCTATCTCCTCTACCCAACCTTGTGTTTTAGATGAGTCCTTT
TGGATCTTTTTCCCCATAATGGCCTCTCTCCTTTTGCTTTACAGTGCAAT
CAGGGCAGAATAACAGATATGTTGAGTAACTAATTTATATTCTGAAGAT
CTCCATAGAACTCTTAAGTTCTAAGTCTTCATAGTCTTTGCACCTTGCCA
AGTTTGCTTTCTTTGGGAATTCTGTCATAACCACAAGGTTATTCCCCAG
ACATGCAGTTTGGGGAAATTAACCCGGCAGTAGTAAACAGACTGGATTAG
AAAAGGTGGCAGTCGTAATAAGGATATTCCAATAACCGGTGAAAGCTACA
GAAGGGATCTTGAGCTAAGATGATGACAGTTACAATAGAAGGAGACGCTC
GNNNNNCTNTTGGTNAAACCGGACCGCGGTGAGGGTACTACATATGCA

Table 3

409/1077

GGATCTGATACAATGN

>Sequence 2203

AGGTACGCGGGGCTTCTGGGAATCTCCACACCCTGAAGACACAGTGAGTT
AGCACCACCAGGAATTGGCCTTTCAGCTCTGTGCCTGTCTCCAGTCA
GGCTGGAATAAGTCTCCTCATATTTGCAAGCTCGGCCCTCCCCTGGAATC
TAAAGCCTCCTCAGCCTTCTGAGTCAGCCTGAAAGGAACAGGCCGAAGT
CTGTATGGGCTCTGTAAGTAAACTGTTTTGTTCAATGAAAATGCTTGAC
TCTAGATGAATTGGACTTCTCACCCACAGGGAGTAATTTCTCACAATG
TGCAGAATTAGATTAGATGTTGGTATGGTGGGCTGAGGAGGACGGTAGAA
TTTCAGAATTATTTATTCCCAGGAAATACGTAGAGAATGGGTATTTTCGT
TCTGCCTGATATAGGTTAGATAACTTGTTTTTAGTCAAATGGTTAATCAG
TGTGCTGATATATTTATCACAGTCAGT

>Sequence 2204

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTATTATGGGTTAGCTGTCAC
ATACAACTTTTTTTTTTTTTGAGATGGGGGTCTCGCTTCTGTCACCAGGCT
GGAGTTGCAGTGGCNGCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCCAT
GTTTGAAGTAATTCTTCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTGAGG
GAACGTGCCACCATGACTGGCTAATTTTCTGTATTTTTTAGTAGAGACAG
AAGTTAACCATGTTGCCAGGAG

>Sequence 2205

GGGGCGTACCTCGAGGCAACTGCGCACTACNNGGGCGAATTTTAGCTCCAC
CGCCGTGGCGGCCCGCCCGGGCAGTTACGCGGGGCTCTCAACGCGGTGTGT
AAGGTAGCCTGTTACAGTGCTGGATTCTATAAAAGGGCCTTTATGGTTTGT
GAAAGAATATCTGTGTGCTTAGGGAGGAACTTTTTGATCTGCAGAAAAG
CCAGAAGACATCTAGGACATCCATAAAAATTCATCAGAGAGCATTTTACT
ACTGAGCTGCAAAGGGGAAAACTTAAATGGATATGAAAAGTGAAGAAAG
TGATCATAGGAGAAAACCATTTTCAGATGACAAGAGCACCTCAAAGGCAGC
AGCCTCAAGGAGCAGCCATGGCCCCAGACTTGTCGCACGGATGCAGAAAA
CTTAATGGAGGAGGCTGAGGTCAGAAGGGAAGAGTTTTTAAAAAATAAAA
AGGGGAGCTAATATGTGAGGAAAAAATAATAATTTAATTTTT
AAAAAATGACGCCCCGTGCCCC

>Sequence 2206

CCGGGCAGGTACTTCAAAAATATTATCTGTTTCCTTCCAACCTTCATGGT
TTCAGATGGAAAATCTGCTGTGGTTTACATTATTGTTTTTCTGTAAGAAA
TGTGCCATTTTCTCTGTTTGCTTCAAGATTTTAAATTTTTTTTTTTTCA
TTTCCAGAAATTGAATGTATTTGGGTGTATTCTATTTAGGGTTTGCTCTG
TTTCTTGAATATTTAGGTTTATGTCCTCCATCTAATTTGGGAAGGTTGAA
GTCATTATTTTTTAATAGTTTTTTTAGTCCCACATTCTATCTCCTCGTCT
TCTATATCTCCTGTGATTATGAATGTTAGCTCTTTTATTATTGTTCTAAA
GTTTCCTGAAATGCTGTAAATTTTTTTTATCGGGNTTCTTCTTCTTGC
TCAGACAGTAAATTTCTGTTGGCATGTTTTTCAGATTCAGTATCCATCT
TCTGCTCTGTGCTCTCTT

>Sequence 2207

GCCGAGGTACTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTTTCATCTACTGCAGGAATA
TTTGGCTCTTCAAGTAGACTTTAACATCATTTTTGGGGGCCCCCTCTCT
CCAAAAATAATTCTTTTGAGATTTTCACTGGGTTCATTTTTTAGTTTTTA
ATTTCAAATTTTAAATGTTTTTCTAAATGTGATTCTAAATTAGCTTTTTA
TATTCATTACTGAAACACATTTCTACATTAACATGAAATTTTATTAACAT
ATTGAGACTCACGAAAAGAATTAAGCACCTTATTGATTTTTCTCTTTTC
TTTTTTTAAAAACAGGGCCTGACTCTCTCACCAAGGGAAGAATGTGGCAG
CATGATCTCAGCTTCTGCCACCTGTGCCTCTTGGCCTCAGGTGATCCTTC
CACCTTTACCTCCTAAGTATTAATAATTGGGATCATAA

Table 3

410/1077

>Sequence 2208

GGGGGGGGGGCCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTACACTGTAGTGA
GATAGTTGGTCCTGGATGAGGGGCCTGTTGAAAATCTGATAAAAATATGC
ACAATATAACAATACGTGCAAATACATAATTTGCCTATAATTTTCAGAAT
TGAACATGAACATCTGAAGTCAATTTGTGGATTCCCACCTTCAGATCTCCT
CCATGTCCAATACTTGTGGTAGCCCCTAATGCTCAAAACATTCATTGAC
GTGCCCAGAGATCTATGGGCAGCTGGTGGTGTATTTTTTTAAAGCTGGAA
TATTAGACTGAGGATACAGCATTGAGCTTCAGGTGCTGGGAAGAGAATGA
GTATAAATGCTCTGGGAAAAACAAAAGATGGTACCT

>Sequence 2209

AGGTACGTTGAAATATATGGGGCAAGTTCCCCCATTATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTGTCCTAGGTGCATGTGGGGACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCGGCTC
CCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACCTATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTTAA
AATGGGGGAGTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTCACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCGAGAACTGGTCCCAACAGGA
AATTATGTTCTGTCACTGTTTGGGGTGATTGGGC

>Sequence 2210

AGGTACGCGGGGGGAGTGGAGATTATGGTTGGATTAGCTTCAATTTTTTT
TTCTTTGTGGGGGATGCAATTTGCAAAAGAAAGTTCTTATAAGAGTGAGA
CTTTGTTCAATTTGAAGAATGATGGAGCTGGCTTTTCTGTCAATTTCTGCA
GCTTTTTCTTATTCTCCAAAAACCAGAAAGTGGTAATATTTGTTAGTGAT
CAAATCAAAGATGATATTTAAAAACACATGTTGACAGGAGGACCTAGAGG
CATTATGAGTATTAGAAAGTCTGCAAAATTAGGTTGTTTGCTTTGTGGTGA
GGTGTGAAACAGGATATGCATTTTTGAAAATGTATCTTTGGATTGTCTGA
ACTGGGCTCAAATGTGGTCAAATTGAGAGAGCTTATGATGCCCGTTTTAC
TGCATTCTTTTTAGATGGGTCCCCCAAATCCTGG

>Sequence 2211

CCGGGCAGGTACTATTCAAAGGACAGAGAGTTAAAGAATAAAAAACAAAC
AGAGCTGCAGAAAAAATGCGGGAAATTCGTATGTTAAAATCTAATTTCCA
ATGTGATGGTTTTAAGAGAGAGGGCCTTTGGGAGAGAATTATAAGGGGGA
TTAGTGCCCTTATAAAAGGTGCCCTTATAAAAGTGCCAAAGAACCTAGAA
GAATTGTTTGTGTCCTACTGTTTTGTAAAAAAGAATTTGTAAGGAATGAT
ATAGAATATTTGGCTGAATACATTTCTTTCTTTTATTTTTTGAGACAGGA
GTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCGGCTCAC
TGCAACCTCTGCCTCCCAGGTTTCATGCAATTCTGTCTCAGCCTCCAGAGT
AGTTGAGATTACAGGCACGTGCCACCACGC

>Sequence 2212

AGGTACGCGGGACACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCTCAGAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCC
CTGAATTGTGAGCTGTGCTATGAAAAAGTATTCGCCCTGAATGTGGTCTG
ATGCCAAAGGAAGATTCTTGGGACAAGTCTTAATGAGCACAAATCAACCTT
GCCTGATTCTGTTTGTGTGTGCGGCCCGTGGA

>Sequence 2213

AGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCAGTAGTTCT
AAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCTGGGATTTTGTGT
TTTAAACAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTTCAGAATCA
CTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTTCTCAGCCTTCCCCACTGCTGGCTT
AGGTGTTTGCTTTCTTGGGCCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTATCTGTTT
CCTTTCCAGTTTCCAAAATTTTTGTTGCTATCTTTTCTCTCCAGTTTTC

Table 3

411/1077

CTCATATGTGTGAATTTATATCTTTTTTTAAAAAATCTCTTTATTGTAT
AAGAGGCCAGGTATGGTGGCTCACGCCTGTGGTCCCAGCACTTTGGGAGG
CCGAGGTGGGCGGATCACTTGGGGTCACGAAGTTCAGACCAGCCTGGCCG
ACGTGTTGAAACTTCGTCTCTGTTAAAGGACCTGCCCCGGGCGGGCGTA

>Sequence 2214

CCGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGCGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTGGTTACCAGGAGCTCTGCCACTGCATGTCCACTAGTGACGGGTTC
GCTCCACCACCCAGCTGGGTAGCCGCTGCTCTCACATAAGGGGTCCAAT
TAAAATTGCCAGGAATAAATCCCCCGGACTTTGACTTCTCAAGAGCTAA
GAAGGTTTGCTGAGTATTCTGGCATGATGTTTGGTGATCAAACAAGTCT
GGCCAAAAATGATGAGTATTTCCCCCTCTTGCTGAAGATGTGCTCCATAC
AATAGTCCATCACATTCATCATTATCAGTCTGGAAGTGTGCAGCCAATC
ATATTATCTATTACATGGTGTCTGGGCTTTTTTTTTTTTCCCATGGCCAG
CCTAAACTATAAAGGTCCTCGGCCCGTCTAAAACTAGTGGATCCCCCG

>Sequence 2215

CCGGGCAGGTACAGGGCACATGCACAGAGCTTTGAAGAACATACACAAAC
CTGTTGAATCAAGTTACTTTCCTCATCCTCAGAGACTTTGACAATTCAGA
GCTCACAGATGGCAGGGGGAATTCTCAGGCTTCCCTTCCTCCTGATTGAC
ACTTTTTAAAGGAAGTGATGTGGAAGTTGTTCTAGAAGTTAGATGGACAG
TGGGAGCACATTCGTGAGTGGGGCTTGGGAGAGCCCCAAAAGTGGCACTTT
GATTTTAGGCTGGGCAGGCAGAAGTCTCACAGTAAAATATATTTCACTAG
ACGTCCAAACCAACACTGCATTGTAGTAACCTCTTCTGAAGTAACTGGTT
AAATTAATAACTGGTCCCATAAGTCAGGGTCAAGCCACATTTATAACCCA
TTCGGGCCGGCCATGAAGGGTTCTGACTCGACATTGGTATTTAAATGCTG
TTACTTTCCCCATGCTTAGTAGCACTTGAGACTTTATTTCCATCGG

>Sequence 2216

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTTATATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCGGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGAATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
AGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCATTGAAACAAACTTG
GCATGGTTCCCTGTTTCGTGTGTGAAACCTGTGGAAAGCCCATTCCGGAAC
ATTGTTTTTCACTTGGAGGATGGGGAACCCTACTGGGAGACTGATG

>Sequence 2217

AAAAAATTGATCCGTTGGCACACCNGTGCGACCTTACGCCCCGTTCTCTAC
CTTGTGTGATGGTGTGTTGTTCTTCCCAGAGGCCGGTCTCTTCCTTAT
GTGATGGTGTGTTGTTCTGTCTTCCCAGAGGCTGTTCTCTGCCTTGTGTGA
TGGTGTGTTGTTCTGTCTTCCCAGAGGCTGTGGCCCTGAGAAAGATCACGT
CTACCTGCAGCTGCACCACCTGCCTCCGGAGCAGCTGGCCACGCGCCTGC
CCGGCATTTCAGAGACAGCCATGATCTTCGCTGGTGTGGACGTCACGAAG
GAGCCGATCCCTGTCCTCCCCACCGTGCATTATAACATGGGCGGGATTCC
CACCAACTACAAGGGGCAGGTCCTGAAGCACGTGAATGGCCAGGATCAGA
TTGTGCCCCGGGCTGTACGCCTGTGGGGAAGGCCGCTGTGCCTCGGGACAT
GGGGGCCACCGGCTCGGGGCCAACTTCCTGTGGGACTGGTTCGTTTTTGG
GCGGGCTTGTGCCCTGGACT

>Sequence 2218

GGCAGGTACGGAAAAACAAAATAAGGTGATTTATAAAGCGAAGCAGGTGT
CCAGGTAGATTGTTTCTGCTTTTGGAAAGCCATTTGCTAAACTCATCCAT
CAAACCATCAATGTCTCCCAGGATAAGAAACTTTTGAAGTATATGATAAT
GATCTTGATTCTCTTCCAGAACTCTCTTTTTTGTGAGAAGCTTGAAGTTCC
TCAAAAACCTTTTCTAACGTCCAGGTTGCTCCCAGATATTCTCTAGGGAG
TTTCTTCAGTTTCATCCAAAGTTGCTACTGATGTCTAGATCTCTTGTCT

Table 3

412/1077

ACCAAACGTGCCACCATCACCCGGAAGTAGGCCCAAACTGTGTCTTCCC
AGGTGTCACAGACAGGAAGCAGCTACTTAAGATTCCCCTTAAAGCTGCA
TAAATTGCTCTCTCGTATCTATTAAAAAGCTCATCTTCTGCCAT

>Sequence 2219

AGGTACAAATAAATGTTAACGAAATTACATTATTTTCACACTATCTTTT
CCACGATTAATATGTATTTCTTCAATTTTCAGTGAAGACTTTTCTAATA
ATACTATTATTACCTTCACCCCATTTCTGTCTCATCTACTATTAGAT
CACCTACATCAAAGAAATAAAAATAGGCTGGGCCCAGTGGCCCATACCTG
TAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGATAGGCAGATCACAAGGTCAGGAG
TTCGAAACCAGCCCTGCCAACATGATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATA
CAAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCGCGCGCCTATAGTTCCAGCTACTCGG
GAGGCTGAGGAAGAAGAATCGCTTGAACCCGGGAGGCGGAGGCTGCAGTG
AGCCGAGATCGCACCACTGCCTCCAGCCTGGGCAACA

>Sequence 2220

AGGTACATGGATTCTTCACTTGTTAAGAGTTATTTATACCAAATCCTACA
GGGGATTGTGTTTTGTCACTCTAGAGGAGTTCTTCACAGAGACTTAAAC
CTCAAATCTCTTGATTGATGACAAAGGAACAATTAACTGGCTGATTTT
GGCCTTGCCAGAGCTTTTGGGAATACCTATCAGAGTATATACACATGAGGT
AGTAACACTCTGGTACATGGATTCTTCACTTGTTAAGAGTTATTTATACC
AAATCCTACAGGGGATTGTGTTTTGTCACTCTAGAAGAGTTCTTCACAGA
GACTTAAACCTCAAATCTCTTGATTGATGACAAAGGAACAATTAACT
GGCTGATTTTGGCCTTGCCAGAGCTTTTGGGAATACCTATCAGAGTATATA
CACACGAGGTAGTAACACTCTGGTACCTGCC

>Sequence 2221

AGGTACTGCTCCCTGCACGATCCAGTCAGCCCCCGCCCGGCTGGTTATGT
AACAAACAAGTCTGTGTCTGTGTGGAGTGTTGCAGGACGAGTGGAAATGA
CTGTTTCCAAGTTCATGGCAATTCAGAAGGTCCTTCAGCCAGACTGGTTC
CAGTGCCTCTCCGATGGAGGAAGTATCTTGTAAGGGAAGCAAACCTTCAT
AAAAAAGGGGTCTAGAAAGTTCTTGTTGACACGATCACCTTTCTTTTTTC
TTTGGATAACCTTGTCTGTCTCGGCCTGCGGGGTAAAGAAAGTCAAGAGGGT
TCTTTTCAGCAAGCAAGTGGTGATTCATTTGGAAGGTTGGATTGAAAAGG
TTGGTAAGAAATGTGATCGGAAAGCAGAAGGGCCTGGAGGGTGTACCTCT
CGTATAAGAATAGGCCCAATATACTGTACATGTGGGGTGGGACTTTCCCT
TCGTGGGTCTGGGTATATTCTTTTGAAATTTTCCTTTCAATCCCTCTTGAA
GGGCTAACTACTTACAG

>Sequence 2222

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCACTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGCGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGGAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACCTGG
ATTTTCCGTTTG

>Sequence 2223

GGGGATATTGACTTTATGAGTCTGGGCAAATTAGCTCACCGCGGTGGCGG
CCGCCCCGGGCATGTACTTGATGGATTCATCATTACAGATAACTCCTCGTT
GGAAGGGGGTATGCCTTGAAGTAAGAATTGCAAAAGGCAATCCAGCTAGC
AAAAGGGAATAAATGAAAATATCATTAAAAAAGAAATATCAAAACTAATT
AATGGCAATAATTATCCACAGACTCTGTCTAAAAATGCATTTGCCATGA
AAATAAATGAGAGCACATGTAAAAAAGGAAATGCAGCAATGCATGCAACA
GAAGTTAGAAAGATTACAGTTTTAAGATAAAGATGTTTTGTCTACAGCAA
ACAAAGTGTTCAAATCCTCTATTAACCAATTTAACAAGAGTTATCTTTC
CTTTGTTTCTGTCCAAACACACTAAATGGATTTTGGAATAATCTCTTCTC
ACGTTCTTGGTGTCAATTAATCACCAGGTTTTTAACCCTAT

Table 3

413/1077

>Sequence 2224

CCGGGCAGGTACAAAAGTTAATAGCATGTTAGAGTTTTGATGGCAGTTGT
TGTTTATGAATAAGCTTCATTCCATCCTAATACCTTAAAATAACTAATTT
GCTTTCCTTTCCAGGTATTCCTGATGACAGTCTGCCTCTATCTTACAGTA
AGTTGTTTTTCGAATTCTATGGGCCTATTATCTAATAGATAACTTAGCCA
TTTTGATATTTGTTACCAAAGCCTGCTTAACCCATAAAGTTTTCTGGTTC
CTCTTGTTCTCTGTAGTGATGTTTCTAGATAGATGCCCACTGATATATGC
CCCTTTTTTCTCAGATAGATGCCCACTGATCTGCCCAAGGGTCAGACGAAT
GCTTGTCAGTTGTAGCTTTCCAGGATTCTGCTCCAATGAGGAGGAAACAT
CCTGCCTTACCCCTGTTTTAGCCTGGGAACCAGTAATTGTGAACTCACCC
GGGTTAACATGAAAAG

>Sequence 2225

AGGTACTTTGCAGTGTATGATGGACACGGTGGACCTGCAGCAGCTGATTT
CTGTCATACCCACATGGAGAAATGTATTATGGATTTGCTTCCTAAGGAGA
AGAACTTGGAACCTTTGTTGACCTTGGCTTTTCTAGAAATAGATAAAGCC
TTTTCGAGTCATGCCCCGCTGTCTGCTGATGCAACTCTTCTGACCTCTGG
GACTACTGCAACAGTAGCCCTATTGCGAGATGGTATTGAACTGGTTGTAG
CCAGTGTTGGGGACAGCCGGGCTATTTTGTGTAGAAAAGGAAAACCCATG
AAGCTGACCATTGACCATACTCCAGAAAGAAAAGATGAAAAGAAAGGAT
CAAGAAATGGGGTGGTTTTGTAGCTTGGAATAGTTTGGGGCAGCCTCACG
TAAATGGCAGGCTTGCAATGACAAGAAGTATTGGAGATTTGGACCTTAGA
CAAGTGTTGTC

>Sequence 2226

AGGTCACTATTCCTCCACATGTCTGTCCCCTTTGCTCCAAGACTGCAGAG
GACAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTATTTTACTCAGAA
ATTTCTTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTANGTGTTAGGGTTTAAAAA
GAATGAAAATAAAGCCTGTCAGGGATCGCTTTTCTAGAACACCTGCCCAA
GCAGAGACTTAAATATTGAGGCTAGCTAGATTAAAAGTGGTAGAGGGCAA
GAAAGGGTGACAGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCAGGAGCGAGGCCTGA
AAGAGTGAAAGTATTTGCCTGCAATAGAAGGAGGAGTGAGTAGGGCATT
AGAGCCACTCAGTAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAGGGCTAAA
GATGTAGAATAGGGCAGAAAGTCAGATTATGAAAGCCTTATGTGTAATTTT
AAGATGCTG

>Sequence 2227

AGGTATTCAAAGTTCAAATGGAGCCCAGCAAGCCAGATCTCCTTTACTCC
TAAGTTCCCTCAACAGTTTCTCCTCTGCTTTAGAGACTGCCTTGAAAATA
TTCTTGTCCTGCTGTTGTGTTTTGGCTTTGGAATGATGTGATGCAGCTCA
ATGGGTCTTACCCCCAAGTTGATCAGAGTAAGAAACAGCTGGGAAAGTCA
GTGCAAATTCAAGTTCATCATCTCCTTACAGGGATTCTGATTTCAGAGGG
CTCAGGTGGGGCCTGGAATGTGTTTGTAAACATGACTCAAATGTGCAGTC
AGTTTGGGGACCCGCTGATACCATCGACCTTATAGTTTATGGGATGATTC
TGTTTTGCTGATAAAGAACTGAGGCATAGACAGTCTGTAACCTTGCCCAA
GTTCCCCTTGCTGGAAGTCCTGGAACCAGATTTTAAGGGGAGCAGCCCTT
TCCCCATCCCCTTCCCG

>Sequence 2228

AGGTACACTAGCCGCACTTCAGGTGCCCAAGTGTCCCACTGACTAGTGGT
GACGGCGTTGGACAGTGCAGATACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGT
TCCTTTGGACAGAGCCATGTAAAGTGATGTTATCACAAGATGGACAGAAA
CATTCCTGTTTGATTTATTTTTTCAGACCCAGTTTGTGGAGAAAAATAATG
ATGCTTTACATATGTCTCTTGAATCCTTAATATGTGAATCCAGAGATAAG
TTTATACGGGAATTATTTGAATCATCCACAAATAACAACAAAGATACTAA
ACAAAAAGCAGGAAAACCTTAGCTTCATCAGCGTGGGAAACAAGTTTAAGA
CACAGTTAAATTTGCTTCTGGATAACTTTTGGAAGT

>Sequence 2229

GGACGTGTTGTGCGAACTATTTAGCACTACAGGGCGAATTTGAGCTCCACC
GCCGTGGCGGCCCGCCCGGGCTTGTACAAAGATGCTATCACCGGATAAATG

Table 3

414/1077

GGGATCTGGTGATCCTAATTTTGTCCACCAGCTTTGAAATCTTTAGCTAGG
CATTTTCAGCCCTATAAAAAATCCATTTTCTCACTTGTA AAAAAGAAGAGTTG
AAGTTATGTTTTTCCAGGGCTTTTTTCTCTGACAAACCGAATTGCAGAAC
AATTTTATGACTCAACCGACGTAGCAGAGTCCAGAGAGAGTTTGAAAAAA
CACCTTACAAAACCTTATAACTGAAGTTCTCCCTCCAAGGGCACTTAATTT
TTTCAAGTGAAAGCATGCATGCAGATTTCATCCAGCTGTTACCCTGGAAGA
GGACAGAGTAAATATACTCCATTTTATATGAAGCCCAAAGTGTGATTGTT
AAAAATCCCCATGCACAATTAGAAAACCAGTGGCTGGTCTCTGGCTCATC
TATA

>Sequence 2230

AGGTACGGTATTCTGTGAGCTGGGGAAGACAGATACCCTTTTATTGGGGG
CAGGGGGAGGATGTATCAAAGGACCAATTTTCCTGGAGATCCTATTACGT
GAAGGGACTTATACTGGACACATCATGGAGAAAATCAGAAAGAAGGCTGC
TTAATAAGACCCACTCCTGGATATGGCCACTCTCAATTCTCAGTGTCTTT
GGGAAGCAAGGTTTCGCCATCCACTTGTCTAAACAGATGATGACAGCAGAG
GTGCTGCACACCTTCTCCCTGTGACTTGTGAATGCCTTTCGTGCTCCCAA
ATAAGGAACCTCCTTCACTGCTGTCTGCTCTTGAGCTGTATTTCAATTTG
ATAGCCATTTTGCAGGAAACACCTTTGAACTTCATGCAATGTAAAAAAAT
GTGGTTTGAGAAATTCTTTAATGGGAATTCTTTCCCTTTTTCCCCCG

>Sequence 2231

AGGTACGCGGGGGAACCTGGGCGGGTGTGATTTACGAGGTACACAGCGCT
GCTCTGCCTCAGAGAACCGGACACTTCGGCCCCCTGAGACCAGTTCACGG
ACGGTGGCAAATATCACATCTGCTGGTCTCTGAGTCCTGAAGGAAATGAG
TGGGTGTGTAAGGTCAGGATACAAACAGGAATGCTCGACATCAACAGAGA
ACAATGGTGGCCAGTGTTAGAATTGAGGCCAACCTCAGACACATGGCCAC
AGAAGACAAAGTGGCACAGCTTTGTCCTTCACTAAACCACTCACCTAGCT
GTCTGCCCCCTTGTCTCCTAGAAGAGAGTCTTTGACATCTCCATTAAAAA
AAATTAAATACAATATAAAAGGTTCCCTGCCCCG

>Sequence 2232

CCGGGCAGGTACATGTTTCAGCTCGATTTTTTTTGTTCAAATATTTGCCATG
TAAGGTTGGGTGACTTTATGGATGCAGAACCCATGTATATGGAGAGCCAA
CCGTAATCTGTAATACATATAAAAAATAGTGAATAGAGCAGCCATGTGTG
TAACTGTATACCACACAGAAAAGGGCCTATGAATTTACGCTTAAACAGAG
AGAGACAGACAGTAAACATCAAAACCTGGGTAATTAAATAATATAATCAT
GTCTCACCTTCAGCTAACTTGGGTCAATTTAACTTAGAAAGGTATGATAGA
TAACCAACCTGAAAAGTGTGACGAACTCGATGTAGGAACTCAATTACAAA
GAGAGGTGGCACTTCGGTCTGTATGACAGATACAAAGAAGAGCTTATCCC
GGTAGATACTGATGAGGTAGTGGTGAGGTGTTGAAATGACA

>Sequence 2233

CCGGGCAGGTACAGCCCACAGAACTGTGAGCCTTTTCAATCCCTTTTCTT
TTTCAATTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGAT
TAATACACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATG
CCAGGTGTTCTAGGGTGTATCTTAGCCAATAATTCTTCCTCTTCAGCAA
GATCTATTTGCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCTACCATACTTGTCA
GTAACAAGTAGCCCATACATCTGAATGGACTTCATTGAAATCACAGAGG
GTCTTTAGTTCTCTACTTTATTAGCAGGCATTTCGGGAAACACATCAACTT
TCTAATTTAATAAGGTGCCTGTTGCTTTGAAAAACTGCTCAAAAGAAGAT
AGGAGAGGCTTACTTAAAGATATCACTATAGGCATGGCATGCT

>Sequence 2234

AGGTACAACATCATCAAGGCAGAAACAGTTTTCCAACAGGTTATATTTTC
TTAATGGTAGTCATGAAGTCATAAATAAAAAAATGGAATCATTTAGTATG
TTCTCTTGATTTGACTTTTTTCTTTTTTTTGGAGACAGAGTCTCACTCTGT
CGCCCAGGCTGGAGTGCAAGTGACGCGATCTAGGCTCACTGCAACCTCTG
CCTCCCAGGTTCAAGCAAACCTCTCCTGCCTCAAGCCTCCTGAGTAGCCTG
GGATTATGGGGCACCCACCACACCCCAAGCTAATTTTTTTGTAATTTTT
AGTAAGAGGCCATGTTTTTCACCCAATTTTGGCCCAGGGCTGGGTCTTCG

Table 3

415/1077

AAAACTCCTGAACCTTCAAGGTGAATCCAACCCACCCTTGGGGCCCTCCCA
AATGGGGCCGGGGAATAATAGGCCATGGAAGCCAACCGGAACCCAAACCT
CTTCCTTTGTCTTTTTTCCTTCTTGTTTCCCCG

>Sequence 2235

AGGTACGCGGGGCCTGTGGAGGTGAGTGAAGGGTCTGCTGCTGAAATTTG
GGGGCAAATAACCGGAGTAGGTTTGTTCCTGTGCCTTGGCGAGTCGCCGG
TGCGTATCGGAGTCTCTGCCAGCCATTGATTTCTACGGGTTTCAAGAAGA
GGGAGAACAGGATGGAGGAGATGTTGGGCTGATGGTGTGTTGGTCCCCTGA
CACCCGGAGAACGGCTGCCCCGGGTTATCCCAGTTAAATTCCTGGGCCTGA
ACGGAGTGAAACGATGTTTTTGTTCGTGTGCAGTTGTCCATGAGGCAGTG
CTTCCTTCATCCGTTTCCTCCCAGTCCATACCTTCCTTGGCTTGTCTGAC
CAGTCTCTTTCCTCAGCTTTTCTCCCCCAGCCATTGCATAAAAGTCTTAC
GTGTGGGGTTTCTCTTTAAAGCTTTCATTTCTTTTTCCTGAGGTGTTGGC
CCACTGGTTACCG

>Sequence 2236

CCGGGCAGGTACATGCTTCAGTCAGGGCTCACATCTTCAAATTCAGTGTC
TGTTCTGTAGAGAAACCTTAATAATGTGATATATGTGACAGCAAAGAGTT
ATAAGATATGAATATGTTAATTTTAGTAGATACTTCCGAAAAGTATTTCA
AACTGGTTGTGCCACTATAAACTCTGACCATTATTAGGCAAGAATTGGCT
TTTTTTTTGTTTCTTTTGAGACAGTCTTGCTCTGTCACCCAGACTGGCAT
GCAGTGGAATGATCACGGCTCCCTGCAGCCTTGACCTCCCAGGCTCAAGA
AATCCTTCTGCCTCAAACCTCAAAAGCTGGGACTATTGGCATGCAACAA
CACGCCTGGCTAAATTTTGGTGCAGAGAAGGGGGTCTCACTATGGTGCC
CAAATTGGGCCTTAAACTTCTGGGCTTCAAGCGATTTTCCCTTCTAAGCC
TTCCAAGG

>Sequence 2237

ACGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGTGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTAAGAGGATGCCTGTGGCAGCCAGATGATAGGGGCCTTATAGGGTG
GGCCAGTGCATTGAGGGTGACAGCAGAGGTGGTTGTATTGGCATCAGTGC
TAGTGGTGGCAGCAGCAGCAAGTCTGGGAAAAGAAAAGATGAAAAAGAAA
AATTCACAACCTGCCAGATCTTCTCCTGTCTGGAAGTGTTGTGTGTGCTAC
CAGTACCT

>Sequence 2238

CCGGGCAGGTATTTACAAAGTTTGATTACTTTGGTGGGCACAGTAAAGA
TAAAAGTAACTTTCTAGAGCAGTGCTGCTCAAACCTTTCATGTGCATACGA
AACAGCTGGGATCTTGTTAAAATGCAGCTTTAGATTCAGTAGGGAGGAGC
TTAAGATTCTACATTCCTAACAAGCTCCCAGGGACTGCCGAGGCCACACT
GCCAGTCCAAGGACCACACTGTGCATCTTAACAAGGTTCTGGAGAATCTT
CCCCTCCAGGCAAATAAAGCTAGAAAGTGTGCTGGGTGCACATGAATGCC
TCACTGAAGTGGGACGTGGGGACAGCCTCCAGTCACTCCAGGCCAGGAAG
ACTGTAGCTGCGCCCACTGGACAAGAATGGGACAAGGCTACTCTGAGCCC
CATTTTGAGTAGGTGACCTCATGGGTATCTTAAGACTAACTGACCTATC
AGAACAAGCCAGGATGAATCCCAGCTCCTCCTGTTAGCACT

>Sequence 2239

AGGTACACACAACATTCTGGAATGGCGGCACGTTTTGGTTATGAGAGAGT
TAAATGTCATTACACTGGAACATAGTGATGCTAAATAAAAGGAGACATCA
TTCTACTTCAAATGCACCTACAACCTTTAAATGGCATCTGACACCAACCT
GGATTCTTCGGATGCTGACGATTGCCTCTGACACCCTCTCAATGGCTGAG
GGGAAGAAGAGGGTAACCGCCAGCCGCACAGCCCCATACAGCGTCACTGC
CACGAACACGCGGCTGGCTGTGATCACACTGCCGAGGAGCACGTAGGTGG
TGAAGGTCACAAACACGATGATTTTGTCTTGCAGTGAATAATGAAGCCAAA
TTCATCCCTCTGAGGCAGGAACCTTCTCAGAATCTTGGAAATCTCCTTCT
GAAGAGAGT

>Sequence 2240

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC

Table 3

416/1077

GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAAGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAAGAG

>Sequence 2241

AGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAAAGAAT
GAGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAGACAAA
ATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCCTGACATGTAAAA
CAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGATGTT
TTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACATAAAATC
TGCAAATCTCTGGATAAAGAAGCAGAGATCCCAGCATGGGACAAATGGAG
CCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGCAGAATGCATCTCTT
CCTTTCTCTTGGCTTTTCTGGATAAGGACTGCATCATTCTGTGGAAGGA
CAGGCCATCAGCTCCGAAACACTGTATGTATTTTCCAGTATATACTGCTA
GCTGTGTGATGTTGGGAAAATTTGGTCCCCTGTCTAACC

>Sequence 2242

CGTGGTCGCGGCCGAGGTACTTCTTGGATCTTACATAGGCCTGAAAGTTT
AGTTGCACTACTTTAGGAATCTCTTTTATGCATTTGTTCAATTAAGG
CAACAAAGACAAATCCTTAAGAAAATACCAGCATTTTTCCTACATATGAA
ATCAAGGGTCCTTGTCTGACGATGGATTTTACTAGCGTGGTCGCGGCCGA
GGTACGCGGGGGGACTGACAACCCGGATAGCTCAAGGTCCAAAAAACCGG
TTTTCAAACATTATAAGTTCCAGGCTTTGCAAGTCTTTATTCTCTGGGGT
AATATCCAGTCTTTCTGTTATTGTCTCTTAAATTTCTCTTCCATGGCCCA
CATTAAAGGGAGTTTGCAGAGAGTGAGGGAGGCCAAACTTGAAAAGGGCCT
GCAACACTTTAAACCTTCTCAGGTTTACCCACATGAAACAGCTGTGCTGA
GTGTGCTGCCGGTGCCCGGGGAGCTTCTCTGACTGTGACCCGCAGAG

>Sequence 2243

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTGTGTGTGGGATCACATC
CAGAGTTGTTGCTGCTGATCTGGGCACCTGCCCTGGATGTGCAAAAGTGG
TGGTGGGAAGCTGAGTGGAAGTCTGCTCTGCCTTTTTGCTTGTGGGATCT
GGTCTTGAAAAAGTAACTCCAGAGCTCCTTGCCATTGCAGCTGGTGTGAC
TGCACTTGTAATGTGCCCTATAGAGAAGGGCAACTGTGAGGTAGCTGGGC
TGATCATGGTTTCCAAAGTGAGTTCCTGGGGAGTTGTGGCCCCCTGAGGA
GCTGAGGTAGTGGCTGTGGCTGATGAACGGAGATCTCCAGTGTCCCAGT
CAAGAGTGGACAGAGAATCAAACAGAAAAGTGGACAGGGGCGTATTTGGG
GTCAATCTTTTTTACCTTTGCCGTTTTGAACTAGTGGATCCCCCG

>Sequence 2244

CCGGGCAGGTACGCGGGTGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACC
AACAAGCAGCTCCAGCACCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCA
ACCTACCATATTCCCAGGACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAG
AGGAACAAAAGGAATATTGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAG
CAGCATCAAGAGTTATTTTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAGGTCTG
TCCCCAACAGGCACCACACCGGGGTGGACTCCCTGTGTAACCTTCTCGCCA
CTGGCTCGGAGAGTAGACAGAGTTGCCATCTATGAGGAATTTCTGCGGAT
GACCCGGAATGGTACCT

>Sequence 2245

CCGGGCAGGTACTAATATGATCCACAGTTTTTCAGCTGTGGAGGATCTGAG
AAACAGAGGGGTCAAATGACTTGACTAGAGTCACACAGCTGGAATGTGGA
GCCAGGATATGAACACAAACAGTTTGAATCCAGAAGCTTTACTCATAACC
ATGATTCTATGTCATTTCCAGAAATGGTGGCCGGCACATAATCTCCCTT
GCACATAACAGATTTACACAAGCCTTTCTTGCCAAGAATCAGGTTCACT

Table 3

417/1077

TCTGTAATGCTCTTGTTAGTAGAAAAGATAATTTCAATCTGACAATTCTA
TATTTCCCAACGTTTCATGGGGCCCTTTCAACCATCTTATCACCCAGCTAAT
CAAGAATCAGTGTTCCCAGCAATTTCTCGAAACGTCATGGGCAGGATGGA
GAAAG

>Sequence 2246

AGGTACCCACAAATAATGCAAAAATATATATGTAAATTGGATGATGAGG
CTGATTAAAAAGCTTGGGCTCAGTGGTCAGACTTGGGCAAGTGGCCTAAT
GTCGTCCCCTAGTAAGTGGACTTAGAGTGGGGTCTCCAAATACGGAGAAT
CTTTGGGTTCAGCAGGAGCTTTCAGTACTGCTGCGTGAGTTGCTCGTT
CTTTTTCTTCATCAGGTGCGTAGTTTCTCTGAAAAGCATCACCCAGGTC
AGAATGAAAGGAACTCTCTGTGCAGACCGTTGTATGTGGGACCTTTGAA
GACAGTCAAATAGTGTTCAATTCTTTTGTAAGCAGATTTTCTTGGTCTTT
CTGGAGAATTACAGTTTTTTGGTTAAAAATTGATCCAGGTTTTTTT

>Sequence 2247

CCGGGCAGGTACTACAACTGATTACTCTGTTTGAGGAATTCATGAATTTG
TCTCAGTCAAACAAGATGAAGAGGAAGTCTCCCCGCCTAGCGCCTTGCT
CCAGGTTTGGGTAGTCGGGCCCTGGAGAGAAAAGATTCAGGTGAGCGCAA
GCCAGAGAAGGCATCCTGACCTCATCTAATAACAATCACTAATGAGCTC
ATTTCTTGAAGCTGTATTGATTCTAATCCTTGTCTTATTCAGATTGTAGT
TTTTACGGCAATCTTTCATTACGTTTCCTCTTACAAGAAAATAATGTAT
TGAGAAACAATTAATTTTGCATGATACACACGCATTCAAGGATCTAGCCA
AAAATACCCAGGGGTGGTCTATCATTTTTTAATATTTAGCAA

>Sequence 2248

AGGTACGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTTTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTT
TATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTT
AGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACT
GCAAAAATGCAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTG
TATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATG
CCAAAGGAAGATCCTTGGAAAAGTCATCAATGGCTTGAAACAA

>Sequence 2249

CGTCCATGTACCATGAGATCAATTACCCTAAACAGTGACAGAAACATAAT
TTTCTGTTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGT
TCCACATCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCAC
TGCCCTGAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCAT
TTAACAGGAATTTCATATATCCCAAATAAGCATACTGTCTAACTCTGT
GTGACCCATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACCTACCAATCGTCGG
GGAGCCGAACAAGCATTCTGTGGACTGGACCGATGAACATTTCTCCGCA
CCTACCAAAGGGAATCGGGTTCCACATGCACTTAGGAAAAAGAAAACCA
CGTTGGGCGCCAGATATTGGGGGAACCTGCCCCTAATATTTCAACGTACC
TTGGGCGGTCTACAAC TAGAAAG

>Sequence 2250

CCGGGCAGGTACTGCAGACACCATTTAGTTTTGCATTGACCTTACTAGCA
ATTATTATTTTATACTGGCTTTGCCCTTTTCATTCTGTTTTTTGGCACTA
GTCTGTTTTCCATCAGAATATTAGACCTGCTTACTTCTAAAATATTTTTG
TGAGTTTGAACACATGGATAGATTTTAATGGCATTTTTACTCTGCATTAT
TTTGCTTTCTAACACATTTAATATTCACAGTAACCCTATGAGACAGATAT
TATTATTTCCATTTTAGAGCTAAGAAATATAAGATATGGAGAGGTAACT
TCCCACCAAATGAGAGGCAGAGCTAGGATTCACACCAATATGAGCCTGGC
CTCAGGCCCATGCTCTGAATCATCATATCACACAGCATTTTTTCTGGAC
C

>Sequence 2251

AGGTACATCTACATTTTCCTACACTCTTAAATATATAGTAGCTGCAGAAT
CTGTTTGTGTATACTTAATAGAGGTAATTTTTTCTTCCCCTAGTTATTTT
TTCCCATTGAATCAAGTTACATACAAGTTTCTAACCATTCTGTTATAG

Table 3

418/1077

GCTTGTTGGTGATTGACTTCATTTTAATAATCTTTTTATTTTCATTGCCTT
TCACCCAGTTTTTTAAACTCATGAAATTCCACACCCCTTTCCATCTCTAT
TTTCCTTCCTTAAATCAATACTTTACTATAAGCACCTCTTATATGTGATC
CTTTGACCATAGTCATCTTGGTTTTTTGATTAGTCCCTTCCCTGCCTTTCA
TTTACTGTGTTATCAACTAGAGGTCTTGTAGGAACTGGAGTAAACTTTAC
TTGAAGAAACATTTCAGATAAGCAGTTGTCTTGAGAGGGCTCATCACAGTG
GATTCAAAGATGAATCAGTGAACATA

>Sequence 2252

AGGTACACTAGGACTTGACTGGAAAATTTTACAAACCAAGAAAGCAAGGG
ACTTCTGTTCCTCTTACCTCCTAGTCTTTCTGTCTCCTAGGGAAAGAGAA
AAATTACAAAGAAGAAATCTCTCTCTCTCTCCATTTTAAAGCAAAAATAG
AGTCGGGTGTGGTGGTGCATGCAGATACTCTGGAGGCTGAGGTGGAAGGA
TTGCTTGATCTCAGGAGGTGCGAGGCTGCAGTGAGCCATGATCGTGCCACT
GCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTTGAATGAATGAGTG
AACGGAATGAATGAATGAGTGAACGGAATGAATGAATGAATCATTCTCTG
CCTTCTGGGTAGTAACCCTGGTTTTTAGCATGTTGTGT

>Sequence 2253

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
Ttagtggcactggggaaatcttggcaccagaaattcaactgcgctca
ctgcaaaaatacaatggcctacattggatttgtagaggagaaaggagccc
tgtattgtgagctgtgctatgagaaattctttgcccctgaatgtggctga
tgccaaaggaagatccttggagaagtcataatgCGTTGAAACAAACTTG
GCATGTTTCCTGTTTTGGGGGTGTAGCCTGTGGAAAGCCCATTCGGACAA
TGTTTTTCACTTG

>Sequence 2254

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGAATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTG
GATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCT
ACTTGATTTTCTCTTGGGGTTTTGGCTTGCTAACCTGCGTTTGAGGGTG
TAATGTTACAGG

>Sequence 2255

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATATGTGGGATTCATAAGGGCATA
TTTGTGACTACCAAGTCAATTTCTTTAAAGGATGTTGGTTTACTGAGGTT
TTCTATAACTCCATCGTCAGTAAAATCTTAAGTATTAGAATAATTTACAT
TAAAAATGCAGCTTGAAATTTATGAAACAGAAGAGCATACTCATTACTTG
TAATCCAGTAAAATTCTACTTTTGTGTAGTTTTTAAGCTGAAATTATCAT
AAACATATAGAAAAATGTATATGTATGATTAAAGTTCAATACAGCATTTA
TTATAATGCAAATAATTTGAAAACATATAAATATCCAAAAATAATTGAG
ATTGATATTTAAAGGGTGTCTATTATCATCCCATTTGGGTTTCCTCAAGCCA
ATGAAAGTTGTAGTCTTGAATCTTGGGGAACATTAAAGATTATGAGAAAA
TCTTTGTGTTGGCA

>Sequence 2256

GGCGCTCGTGCAATAGTACTACNGGCCGAATTTGAGTTCCACCGCCGTGG
CGGCCGCCCGGGCATGTACTTTCTTCTTTTTTTTTTAGATATATTTTGGG
CTGATAGAATTTGACATTGTTCAACTTTAACTTTGTCCTCATTGAACTTT
ATCCTGCTAAGGAGCTAAAAGGTCCATATGATCAAAAAGGCAGCTCTCAA
CCCAGCACGAAATCTAGGCTCATTCAATTTCTGTTTACCTACTGCCAAAT
AAGTCAGACAACTGCATACTTGCTTTACAGACGAATAGAGGACAGCATGT

Table 3

419/1077

TGTTCAATAATTGAAGTTTAAAAAGTATATGTAAGATACATCCACAAGAA
GAAAGATAGAGGGAGCATACCGGTTGTCTTCTAAGTATAGGCTCCCTGCC
CATGGAGATCACACAGTAGAATTATGATGGGTGCCTTAAAGACCAGCCTC
CTCAAGAACATGAGTTCACCTTGGACCAAAGGTTTGGCA

>Sequence 2257

CGGCGGCTGAGCANCTAGTACGCAGGCNGAACTGAGTTCCACCGCGGCGG
CGGCCGAGGTACCATTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATTCCTTAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGG
GATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCT
ACTTGATTTTCTTTGGGGGTTTGTGCTTGTCTAACCCCGGTTGG

>Sequence 2258

AGGTACTCACCAGACCCTATATCCCTAGAGTTGCTCCCTCCATTCCAACA
CCCTTCCCAGCATATTCCAACCTACCGCCCCAACTCTGAGCTCTGTCTTCT
CAGCTCAGTAGGACCACCACTGCTGAACTTCGTTCTTCCTCTGAGTCAGT
CCTATAAGTGATTCCAGGTAGACAGCTGGAATCATTCTAGGGCTCACCTT
GTTTCCCATTTTTAGGAATTCCAATCCTATACTACCTACCTTCCATCCAA
TGTTTGAACGTTTTTTCATATGGATTTTTTCCTCTTTTCTAGTTGTTTTG
GCAACAGAGCTAATCCAGTACCTGCCCCG

>Sequence 2259

AGGTACACTAGCCACACTTCAGGTGCCCAGTGTCCACACTGACTAGTGGT
GACTGCGTTGGGCAGTGCAGATACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGT
TCCTTTGGACAGAGCCATGTTAAGTGATGTTATCACAAGATGGACAGAAA
CATTCTGTGTTGATTTATTTTTTCAGACCCAGTTTGTGGAGAAAAATAATG
ATGCTTTACATATGTCTCTTGAATCCTTAATATGTGAATCCAGAGATAAG
TTTATACGGGAATTATTTGAATCATCCACAAATAACAACAAAGATACTAA
ACAAAAAGCAGGAAAACTTAGCTTCATCAGCGTGGGAAACAAGTTTAAGA
CACAGTTAAATTTGCTTCTGGATAAATTTCCGAAGT

>Sequence 2260

CTAGTAGCTCCACCGCGGTGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACGCGGGGCTCA
CAAGGTCTCATTGTTTAAAAGTGTGTAGCACCTCCCCCTTCGCTCTGTCT
CTCCTGCTGTCTTGTGAAGAAGGGACTTGCTTCCTCTTTGCCTTCCACCA
TGATTGTAAGTTTCCTGAGGCCTCCCAGCCATGCTTCCTCTGAAGCCTGC
GGAACCTCCTGAGCCTCCTACCTCTGCTGGAAGCCCAGATCCCATTGTGT
GCCAACCTAGTACCGGTGCCCATCACCAACGCCACCCTGGACCAGATCAC
TGGCAAGTGGTTTTATATCGCATCGGCCTTTCGAAACGAGGAGTACCT

>Sequence 2261

AGGTACAGATCTGGGAACTAAATATTA AAAAATGAGTGTGGCTGGATATAT
GGAGAATGTCGGGCCCAGAAGGAACCGTATAGATCAGATATTACAACAGC
TTTGTTTTGAGGGTTAGAAATATGAAATGATTTGGTTATGAACGCACAGT
TTAGGCAGCAGGGCCAGAATCCTGACCCTCTGCCCCGTGGTTATCTCCTC
CCCAGCTTGGCTTGCCTCATGTCATCACAGTATTCCATTTTGTGTTGTTGC
ATGTCTTTGTGAAGCCATCAAGATTTTCTCGTCTGTTTTTCTTTTCATTGG
TAATGCTTACTTTGTGACTTCATTTCAAATCTGTAATCCCGTTCAAATAA
ATATCCACAACAGGATCTGTTTTCTGCCCATTCTTTAAGGAACCAATCA
ATTCATTTTCTAATGTACTTCCTTTACAAGCGGGACCAGGCACATGGGCA
GGCTTAT

>Sequence 2262

GCCGGGGTCCGCGGGGACACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACACATC
TCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTTGATACGTG
TATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAATTCA
AAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCACTACAGCTCAAAGAAATTCTCGAA

Table 3

420/1077

TGTTCTCACCTATTAACAGTTATTA AAAATGGAAGAAGCTGGGGATGAAAT
TGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACCAGTG
AGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGAGTGG
AACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAATGACCGCCGATG
GGAGTCTGCTGACCTTCAAAAAGTCATGTTTACGGCTCTCATAAAGGACA
GACCCAAGTTT

>Sequence 2263

CCGGGCAGGTACTTAGGAAGACCACAGCTAGATGGACAAACAGCATTGGG
AGGCCTTAGCCCTGCTCCTCTCAATTCCATCCTGTAGAGAACAGGAGTCA
GGAGCCGCTGGCGGGAGACAGCATGTCACCCAGGACTCTGCCGGTGCAGA
ATATGAACAATGCCATGTTCTTGCAGAAAACGCTTAGCCCGAGTTTCATA
GGAGGTAATCACCAGACAGCTGCAGAATGTAGAACACTGAGTAGGACAGC
TGACCTGTCTCCTTCACATAGTCCATGTCACCACAAATCACACCAACAAA
AAGGAGAGGATTTATTTTTGGGTTCCAAAAAAGTTAAAAGATAATGGAAC
CTGCATTTCTTTTAGTTATTTTTGGGCCCCCAATATTTCCCTCATTTTTT
TTGTTGGTTGCCATGGATGGGTGGTGGACATGGGCCTTTGTTTTTAGAAG
GGCCGGGTTAACCTTTTTGGTTTTGGG

>Sequence 2264

AGGTACGCGGGGGTGTATGTGGGTCGGCATTCTTGCATGATGGGAGTGG
CCACCTGCTTTTCATATTCTGAAGTCAGAGTGTTCCAGACAGAAGAAATAG
CAAGTGCCGAGAAGTTGGCATCAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGC
TGCAGCCGAGGGAGACCAGGAAGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGA
TACAGAGGTCTGTAGGCCATGGGAATGGGTTTGGAATTTTATTCAAAGAG
CTATGGGAAGTGACTAGAAGGTTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTT
CTGTTATATTTGTGTTTTATACAAATTACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGG
ACAGCAAAGGGTAGGAGCAGGGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTA
AGGTGAGAGGTGGTGGGCTTGGGCCTAGGCCTTTTTGGAGTGAACCAGCT
ATTTGCTTGGTTTCC

>Sequence 2265

AGGTACATGCATGAGTGAACATAAAGAGGATGGGATTAGAGAAGTTCTGT
AGCGAAGTCCTAAAATGATTAAATGCTGAGAAACATGCAAAAAAGCTTCT
TAGGGCAGCTATCACTGATAGGTATGGTTTAGTGTGAATCCTAATAACA
GTCGAATGGATTCAGGACTGGACATAAAATGATAAAAGGGACCAGAAAAA
GAGAACCAAGTTTTTTGCACATAGCATTTATTATCATTAGGGTGTAAACA
TCATGATAAATTATTGTAAATGATAATAGCACTTTTGAGGCCTTGCCATG
TGCCAGCCACTCTACCAGCCCTTTATCTGACACGAGAGATTCCACTTTTG
ATCACTGCCACTTAAAAGCAAAATGCTGGCCAGTTACACAGAATTAGATT
GATTTGTATTGGGAGGGCCGTGGGGATTTCAGGGATGTAGGGAAAGTTCT
TGCCTGGGCGGCCGTTTTT

>Sequence 2266

AGGTACAAAAATGAGGCAGGTGTATTTTTTTCCATCTAACAGGGGATGAC
CACATGAAAAGAACTGGTGGCCTGTGTGTCCCATGGTCTTACAGGGCAGT
GGTGGAAGGTGGCCCGGTCATCCACTTTCTGGGGAGGCAGAACCAGAAGC
ACCAGTTGGACAACATGCATATGATTTTCATGTATTTGGAAATAAAAACTCA
TGGATAGTGACTGGAAGTGGATCAGTGGTTACCCATAAATTCATTGCCAA
GTGCAAAGTCCAGACGAATATTTCTAGGTTTTCTTCCAGGATTTTTATA
GTCAGAGGATGTAATCTTATGCCAACGGGTCTTAATAATCAAATGACTTC
ACAGTGAGAATCATTACTCTGAAAAATTGATTTTTGTTAGAATGATGGGA
AATTTAAATATTTGAAAGTGAAAACACATGCCACCTTTTTCTAGAACTC
TGCAAGGCAAAT

>Sequence 2267

AGGTACTGGAACAGGGATAAGTTCTTGGATTAGGTGCCAACATACCTATA
AAAGCTGATTTTTGAGTAAATTATTGATTCTAACATATGTAATGGATTTG
GTGTGATAATTTCTGATCTTTAACTATAAGTGACTTTTTATTCTCCACC
AGAAAAGATAAATGACTGAGAATGTAAGTCTGCGCTCTGATTAACACAAT
GGAGAAACGGAAAAACTATCTCTGTAAAAACTGATTCTGTATTCTTC

Table 3

421/1077

TGATATCAAATAAGAGGAAGGAAAATAAACTTTTTTGTGTGTAGATAGAA
AAACATACCTGAGGCCAGGTGCAGTGGATCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCCAAGGCGGGCAGATCAGCTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAATTAACGTCTTTACTAAAAATACAAAAATTAT
CTGGGTGTAACCGGTGCCTGT

>Sequence 2268

AGGTACGATTTACCTTTACACCTCAAAGTTTTTTAGATGTGAGCAGCGCT
GGATTATGGCAATTTACCTTATAATAACTCACCATAGTTGGCTGTTATAA
GAATAAATATTGTTCTTCTAAGATTTTTAATTAGTTGCTTCAGTTACTAC
ATTTTTTTCTATTTTTTTTTTTAAATAGAGATGAGGTTTTGCTATGTTGC
CCAGGCTGGTCTCCTGGACTCAAGCAATCTCCCACTTCAGGCTACCAAAG
TGCTGGGATTTACAGGCATGAGCCACCTCTCCCACTTCAGTTATTATTT
TAATAAATGAGACTGAACGTCCTCTTATAAGGCTCACTCCCTTGTTCTA
CTACATTTGCTCTGGTTAAGTATCTCTTTAAATTCTTCAGTTAAGATCAT
CCCTTTTATCAGAAACCTAGACACCACCAAGTAGCTTTCTTCCCTTTTAA
TTTTTCTAGGGGATCACTATTATACTTTAA

>Sequence 2269

AGGTACATTGGTGGAACAATTCAGTATGATGTATTTTCTGTGGTTTGAAT
GTATTCCTCCAAAATTCCAGTATTGTCAATGTGATAGTAATAAAGAATG
GGGCGTTTAAGAGGTGATTAGTCTGTGAAGGCTCCTCTCTCCTTACTG
GAAGTAAGAACCTTATGAAAGAGGTGCCACGCAACATTCCACTAGCTTGC
TCTCCTGTCCGTATGCCATGAGAAAACATGAAGTTCCTCCTCTCTGGAGG
ATGCAGCCCTCACCAGACAACCAAACCTGCTGGTGCCTTGAATCTTGGAC
TTTCTGGAGCCTTGAATCTGGAAAGTTCCCAGCTTCCAAAGCTGTGAGGA
AATAAATTTCCATTTCATTATAAATTATTCAGTCTCAGTTATTCTATTATA
GCAACCAAACGTCCTGGTTTCATTTCAGGCTTTTGGGCATTAAACATTAGT
ACCTGCCCCGGGCGGGCCGTTCTAAAACAATGGG

>Sequence 2270

AGGTACTATGGGGAATGTGGAAGTGGAAGTAGTGTGGAGTTTTTGGAAG
ATATTTCTGCCTAGGAGAGTAGTTGGGCATGAGGACAGGACTAAGAAAGA
GTGAGTGAAGGAAAAGGTGTGAAGGGAGCAGAAAAGTGGAGGGGGGACTC
GAGGTTTGGAGACTTGTCCATTAATTCCTACAACAGACACCTGGGAGGAC
TGGGTGGTTCCTGAAAAATTAGGTAAAGCAGAGTAGGTTGCCTGGTATTA
ATTTAAAAATATACTGGCCTACCTGCCACCATCAGGGTTACCCTTGGCTT
GGATGAGGCAAAGGTTAGTTGCCAGGGTGTCTGTTCCAGGGCACCATCA
TTCTTCAATGGCAAGGCCGATGAGATATAAGTGGAAGGGTTTGGCTTGC
TCAAGAAGGGATTGGGGCAATCCCTTGTGGGAGCTGA

>Sequence 2271

CCGGGCAGGTACCAAATGAAGTGTGAAGACAAGGCCATCCACCCTTTAT
AGAGGGTGTAATAAATAAACCAGAAATCAAGGGAGAAAGAAAAGATGAAAG
ACAAACTGCAAAAAAATTGCCAAAATGCGACTTTCTAAAAATGGAGCAGAT
TCTGAGGCTTTGCATGTCTTGGCATTTCCTTCAGGAGCTGAATGAAAAAAT
GCAACAAGCAGATGAAGACTCTGAGAGGGGTTNTGGAGTCTGGAAGCCTC
ATCCCTTCAGCATCAAGCTGGAATGGGGAATGAAGAAAGNAGATGTTGGT
GCCCACTAGGCTACTGCTGAAAGGGAGCTGAAATTCCTTCACCAAGTTGG
TATTCAAAATATGTAATGACTGGTATGGCAAAAAGATTGGACTAAGACAC
TGGCCATACCCTGGACAGGGGTATGTTAACCACCGAAT

>Sequence 2272

CCGGGCAGGTACGCGGGGCGAGTCTTTATGGGAAAAAGTTTGTGAAAATCA
GAGAAACCTGAACGTGGAAACCACCAGAATCAGCCACTGGAAGGATTATG
TGAATGTAAGGCTAGAAGCTATTAGAGCTGAGTATCAGAAGATGCCTGCA
TTTCATCATGAAGAATAAAAACATAATTTGGAGATGCTGAAAAAGAAGGG
GAAAGAAATTTTTTCATCGACTTCATTTAAGTAAAGCCAAAATGGCTCACA
TGAGGGAGATTTTAAGAGGAACGTATGCGGAGCTGATGAAAATGTGCCAT
AAACCAGATGTGGAGCTACTTCAGGCTTTTGGAGACATATTACACAGGAG
TGAGTCCGTGCTGCTGCACATGCCCCAACCTTTTAAATTTAACTTAGGG

Table 3

422/1077

CATGGCCCATACTGGACTGATGGACGGCTCAA

>Sequence 2273

CCGGGCAGTTACATGCTCCTTGCTAGTAGTCCTAGTCTTTGAACCCTCAG
AGCCCAGGTTCCAAACATGATTGAAGCCATCTTGAATCCATCAAACCAAC
CCATCTGCCAGATGAGTACGCGGGTCCTATATCCGTTCAATGTAAGCTC
TATGAGACCAAGAACCTGGGCAGTTTTATTACCATAAGTATTCCAAGCC
CTAGTGGTTCCTGGCACATTTTGTATTCACAATAAATATTTGTAAAGTCA
ATGACCAGATGAATGGCTTTTAAACTCAAGATAGTTTTTTTTTTGGTTTGG
TATTTATTTATTTATTTACTTTGACAGACTTTTGCTCTTGTTGCCCGGCT
GGAGTGCAATTGGGGCGATCTTGGGTTACTGCCTTAACCTCCCGAGTAGC
TGGGATTACAAGGGCCCCATACACCATCCTGGTTA

>Sequence 2274

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTTCCTTTCTTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCACA
TACAACTTTTTTTTTTTGAGATGGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTGGAG
TTGCAGTGGGCGCCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCAATCCCATGTTGA
AAGTAATTCTTCTGCCTCACCTCCCGAGTAGCTGGGACTAAAGGAACGTG
CCACCATGACTGGCTATTTTCTGTATTTTTTAGTAAG

>Sequence 2275

AGGTACGCGGGGGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTT
AATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGA
AATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCA
TTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGC
TCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAG
CCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTCCCTTGATGTGGGT
CGATGCCAAGGAAAGATCCTTGGGAAGAAGTCATCAATGCCGTTGAAACAA
ACTGGGCATGTTTCCTGTTTTGGGGTGTGTAGCCCTGTGGAAAGCCCATT
CGGAACAATGGTTTTTACTTGGAGGGTGGGGAAACCCTCT

>Sequence 2276

AGGTACTCCAGCCTTTCCATGACTTTTTTGGACAGTGGCGCTTACCTCCTG
AGGATATGGGTGCGCTCTGTTGACCATCTGCAGCAGAGACACAATGGGTG
TTCAGCCATTAACACTGGGAAGGCCCCGAGAGCCTCTGACTATGTGCTGA
CACAGTGTGAGCCCTGGAACAAAGCCCTCCCTTTCTGTCTCCTGCACCAA
TGATGATATGGTCTGAGTTCAATACCAAACCTTCCTTAGTTCCACTTCTT
CATCAGCCAAAGAAAAACACCGCAGTCAATCATCTCTAAGGTCCCTAAGA
GGGTGGAGAATTCCATGTTCCACGTTATTCATGGGGGACTCACAAGATCT
AACTAAAGAGGATGGTTCTCTCTCCCTCATCCAATAGATGAAGAAGACAC
AGAAAAGCTTGGCAGGATGGGAAACTTCTACCCTGGTGGTCATGTGTGTA
GTTGATTTACAAACAGGAAGTGAACAGTGCTGCATGGACAATGTACCTG
CCCG

>Sequence 2277

CCGGCAGGTAATTTCCCTTTATACTCTTCTGTATATTTGATTTTTTTTTT
TTTTAAGACAGAGTCCTGGCTCTGTCGCCCAGGCTGGAGTGCAGCGACAT
AGTCTCAGCTCACTGCAGCATCCGTGGAGGCTGAAACAGGAGAATCCATG
AATTTTAAAAAATCTAAACATGTAATTTTAAACGGGCTTAAGAAGAATG
ATAACAGTTTTTGGTCTTCTTTTTTATCAACCATGCTTTTATTTTACTTGA
ATCTCGTGCCAATTGCTTTGTAATATTAAAGTAGGATTTACACAAGTGGA
ATTTAGAAAAGATGATAATCTGTCAAATCTGTCAATACCAATTAGAATGT
AATCAAGAAATTAGGATAGTGGAGGTTTGAGCACGTAAAGGCTCACCCAA
ATTCAAAGCCATTACTTGATGCTGAGAGGGGAATATTTCTGGGAAGGTAA
TTTTTAAAAAATTAAAGTCACAATTTTAAATTTGTATATTGTCCTAATAA
AAGAAATCTCAACTCATGGGACAATTTTGAAATTAAACGCTAATTGGTC
CTCATTCAGTGATGAACAAGTCAAAACGTTTCATAACAGAAAGCCTTTAA

Table 3

423/1077

GAAGAATCCCGGCCCCAGAAAATGTCCTTTTGAAATTGCCTTCTTCCCCAT
CTCTAATGCCTATGTTAAATTTCTGACTTGCCCATTAAGTAACAGTGAGG
TTTTCTGTGCCGAAATTACAATTTATTGACCTGTCACATTTGAAGAAAT
TCAATTATGTACCCAGAAGCTTGAATAACTGGCATGGTTACCTGGCATAA
GCGCTTTTGTGTTTCGGTATTAACTTTATCAAGAAATTGGAATCTTAAA
TATAGGCGGCAATGCTGGTGCTCAAACGCCNTCTATAAGGGGTATATTT
GCTCTTAGCCCCGATTACG

>Sequence 2278

AGGTACGCGGGGATAAAAATAGTATGATCAATCACAATGTCCATCTTTAGAC
AGTTGGTTAAATAAATTATCTGGTCTTTGAAAAGACCGTGCTGGGCGCGG
TGGTTCTTGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGCAGATCA
CCTGAGATCGGGAGTTTGAGACCAAGCCTGACCAATATGGAGAAACCCTG
TCTCTACTAAGAATACAAAATTAGCTGGGCATGGTGGTGCATGCCTGTAA
TCCCAGCTACTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCCGGGAGG
CAGAGGTTGCAGTGAGGTGAGATAGCGCCATTGCACTCCAGCCTGNGCAA
CAAGAGCAAACTCTGTCTCAAAGAAAAAAAAAAAAATGATGGAGCTCCGAA
TGTGCTTAAGTGGAAGATATCTATTGAAATATGGGTGGTTTTTTTAAAA
CACAAAATTATAGAATATGGGATCCCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG
TGTGTGTGTGTG

>Sequence 2279

AGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCAGTAGTTCT
AAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCTGGGATTTTGTGT
TTTAACAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTTCAGAATCA
CTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTTCTCAGCCTTCCCCACTGCTGGCTT
AGGTGTTTGCTTTCTTGGGTCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTATCTGTTT
CCTTTCCAGTTTCCAAAATTTTTGTTGCAATCTTTTCCTCTCCAGTTTTC
CTCATATGTGTGAATTTATATCTTTTTTTTAAAAAAATCTCTTTATTGTAT
AAGAGCCACTGCACC

>Sequence 2280

CCGGGCAGGTACGCGGCGAGGGGAGGGGAGAGCCCGAGCGCTGAATTTGT
TGCTGGGAAACCCGGGGCTAAGGTTGACAACAGGCTCGAGATTGTCCTGG
GTCACATAATGCCAGCTGAGCGTAAAAAGCCAACAAGTTTGGAAGAAAAA
GACTCTTTACCAAACAACAAGGAAAAAGACTGCAGTGAAAGGCGGACAGT
GAGCAGCATGGAGAGGCCAAATGACGATATCAAGCTCACTGCCAAGAATG
AGGTCAGCAAGGCCCTGAAGACAAGAAGAAGAGACTGGAAGATGATAAG
AGAAAAAAGGAAGACAAGGAACGCATGATAAAAGACGAATAAAAGGTGAA
GGCAGAGGAAGAATCAAAGAAAAAAGAAGAGGAAGAAAAAAGAAACAT
CAGGAGGAAGAGAGAAAGAAGCAAGAAGAGCAGGCCAAACGTCAGCAAGA
AGAAAAAGCAGCTGCTTAGATGAAAGAAAAAGAAGAAATCCATTCAACTTC
ATCAGGAAGCTTGGGAACCATCATTTAAGAAAGGGAACTTTGTAGCAA
AAACCAAAATGCTCCGGACAAGCCGACCAGAGAAAACCTTCTTCAGGCGCC
TTGACTCAGGTTTGAGAANAATACTGTTTTGGCAAGAACCTTAACTTTA
CAGAACCACAGAGAGACTTCTTTGTCCATGAATTTAAGGGCCTAAATNTA
ACCAATTCTTTGCAAAGCCTGTAGCCTTCATTGTGGAACCAAACTAAAA
ATCTCTGATGTGAACCGGGCTGTGCACCCTTGGTTCTTTTTTCACAACGT
TATGCTACCTTGGCCCATACT

>Sequence 2281

TCCGAGGCTCCACCGCCGTGCCGGTCCACCGGTCAGGTACAGATCCTGTA
TTGCCACCCCTTCTCTATTGCTTTGTCCCCGCGCGCCCTCTGTTTTGCCT
AAATGGGTTCCAGGCCATAGCCACCGACTCTCGCTTTGCCTTCTGGCCTC
TCGGCAGTGCGCTTCAGCACCATTGCGCCAGGTGACGCTGCTGAAAACAG
CTGAGTGGCCGGCACTAGTGCAGCTGGAAGCCAAGGCCATAATTCTCAG
GAATCTGCACTGTACCCAGGCGAAAAGCCCAAGGGCTCTCCCCACAGCTT
CCCAACATCCGTCTACAGAGTGTTTAAATATTAGACTTATTAACCTGTAG
AGATGGAGAGAATCAAAGAAATCACAAGGTATCTCTGAGGGAAAAAGAAG
AGCACCAGCAGTAAATCACTTAAGAGTATTGAACCAGCAAGCCAGGGATA

Table 3

424/1077

GGAGAATGGAATGGAACTGACAGGATGACTGCAGAGGATGGTACCT

>Sequence 2282

CCGGGCAGGTACAGCAATGACTTCAGTAAGCCAGGCATCCTTGGATGTCT
CCATGATAATAATAATTCCCTTAGGACCAATTTGTGCAGGGTTGCTGGTA
ATAATGGCGCTATTTGCAACTAGGTGTACCCGCGAGAAAGAAGGACACTT
AGATCCTATAACTGCAGGGTGGCCGAATCAACTTACCAGCACCAACCCAAA
AAGGCCATCCCGGCAGATTCACAAAGGGGACATCACATTGGTGCCTACCA
TAAATGGCACTCTGCCCATCAGATCTCATCACAGATCGTCTCCATCTTCA
TCTACTACCTTAGAAAGAGGGCAGATGGGCAGCCGGCAGAGTCACAACAG
TCACCAGTCACTCAACAGTTTGGTGACAATCTCATCAAACCACGTGCCAG
AGAATTTCTCATTAGAACTCACCCACGCCACTCCTGCTGTTGAGCAGGTC
TCTCAGCTTCTTTCAATGCTTCACCAGGGGCAATATCAGCCAAGACCAAG
TTTTTCGAGGAAACAAATATTCCAGGAGCTACAGATATGCCCTTCAAGACA
TGGACAAATTTAGCTTGAAAGACAGTGGCCGTGGTGACAGTGAAGCAGGA
GACAGTGATTATGATTTGGGGCGAGATTCTCCAATAGATAGGCTGGCTGG
TGAAGGATTCANCGACCTGTTTCTTACAGATTGGAAGATTTCAACACCTA
TAAAATCTTCACCGAGAAGTCAAGGTCCTGGACATTTTTACCATGCTGGA
TGCAACACTGGCCCCACCCTTTTTGATTATTGGAGTACCATGTTCTTTCA
GGGAAGAATTCCAA

>Sequence 2283

CCGGGCAGGTACACCCTGTGCCTGCTTTGAATCCTTTACGAAGAGAAAA
AAAAATTAAAGAAAGCCTTTAGATTTATCCAATGTTTACTACTGGGATTG
CTTAAAGTGAGGCCCCCTCCNCACCAGGGGGTTAATTCCTGTGATTGTGAA
AGGGGCTACTTCCAAGGCATCTTCATGCAGGCAGCCCCCTTGGGAGGGCAC
CTGAGAGCTGGTAGAGTCTGAAATTAGGGATGTGAGCCTCGTGGTACTG
AGTAAGGTAAAATTGCATCCACCATTGTTTGTGATACCTTAGGGAATTGC
TTGGACCTGGTGACGAGGGCTCCTGTTCAATAGTGGTGTGGGGAGAGAG
AGAGCAGTGATTATAGACCGAGAGAGTAGGAGTTGAGGTGAGGTGAATGA
GGTGCTGGGGGTGAGAATGTCGCCTTTCCCCCTGGGTTTTGGATCACTAA
ATTAAGGCTCTTCTGGATGTTTCTCTGGGTTGGGGCTGGAGTTCAATGAA
GTTTATTTTTAGCTGGCCCACCAAATACACTCAGCCAGAATAACCTAAGA
TTAATACCTTGGGCC

>Sequence 2284

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGTCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTNTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAAGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAATGGCTC
AAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTTGGGGAA
AAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAGTTGCCAG
GCCTTAAATAAACGGAATATTATTAATCAGGCTATTAACAACAAAAATA
AAAGGCCTTTGGCCTGGTTCCCCAAATGTGGAAAAGCAAAACATTGGGCC
AATCAATGTCATTCTAAATTGGATAAGATGGGCCACCCATTGTTTGAAAA
CAGGAAAGGGGCCAGCCTTAGGCCCCCAACAACACTGGGGGCTTTCCAAGT
TAACTGTTGTCCCTAAGGTTTTAAAGGACACCAACCCTACCGAAATACC
ACCCTTTT

>Sequence 2285

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTTAAGTGATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGNGTAACTAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCC

Table 3

425/1077

TGTTAAAATGGGGGAGTTTCGGGTTCCTCATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGAACATATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCGAGAACTGGTCCCA
ACAGGAAATTATGTTCTGTCACCTGTTTGGGGTGATTGGGCCTTGGTACC
T

>Sequence 2286

AGGTACACCATGAAGTGATAAGTATTAATCATTTCATTTCATATGTCCAA
TGGACCAAAAAAGGGGCAGATGGGTATTAATGATTCCCAAAATAAATATC
CCCTGTTTTAAAATTTGGCTAAAGAGTAGCTTTGCATTTTCCTGGAAAAG
AGGTTGGTGGGAAAAAAAAGATAATATTTGAACCTGTACTTAAATGGGCG
GCATTTCCCAATGACTGAATTGTAGTAGAATCTGTTCTCATTGGCACGAC
ACAATCCTCTGTCTGCTGGAGTGAGACACCATGAGGGGGCCGTGAAATTCA
AAAAGGCTGGGAACCTTGGTTGATTGCGGAGTCAGGGAGTTATTC

>Sequence 2287

AGGTACGCGGGACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACACATCTCTAGTC
AAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTCGATACGTGTATAACC
AATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAATTCAGAAATGAG
AAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCAAAGAAATTCTCGAATGTTCTC
ACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCTGGGGATGAAATTGTGAGC
AATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACCAAGTGAGCAAGG
CAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGAGTGGAACCN

>Sequence 2288

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTCTCAAGATTATGGTATAAAGTTTTATT
TTAAATAACATACCTATTAACATACCACCACATGGGACCAACCTTATCCC
AGAACTATATTCATTACTGACCCTAACAGCAAAGCTCAGGAACCTTTAT
CATTTATTTTATGTAGTCACTCATTCAATTTATCCCTCATTGAGCAAGCA
TTCAACCAACAAGGCACATGGAATTTACTACTTATCATTAAGTGGCTGG
CACTTGGGGGTGGGGGTACAATTATGGTAAAATAAGGTAATTTTCTATA
ATGATTCAAAATGTAGGGGGAGCAAGAAAGAATG

>Sequence 2289

CCGGGCAGGTACTGCTTTTATAATTTCTTCAGATAAGGTCATTTTAAAAT
TTAATCCAGTGGTTTTCAACTAGGGGACAATTTTGGTCCCCAGGGAACAT
TTGGCAGGGCTGGAGACATTTTTGGTTGTCATAGCTTGGGGGAGAGTTGC
TACTGGCATCCAGTGGGTAGGCCAGAGGTGCTGCTGAACATCCCATAGAG
CATAGTTCCTCACAGTGCAGGGTTATCCTGCCCAAAATGCCAGTGGTACT
ATGGAGAAGAGAAGTGACTTGTGAGTCCTTTGCCAGGGGTAAAGTGGGGGG
GAGGGGGGCGNNTNTATCTTTATGAAGTGTTCAATTAATGACCAGTG

>Sequence 2290

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGAAGAAATGGCAAGTGCCGAGAAGCTGGCAT
CAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCGAGGGAGACCAGGA
AGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAGGTCTGTAGGCCATG
GGAATGGGTTTGAATTTTATTCAAAGAGCTATGGGAAGTGACTAGAAGG
TTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTTATATTTGTGTTTTATA
CAAATTAATCTAGTTGCTGTGTTGATAGGACAGCAGAAGGGTAGGAGCAG
GGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTGAGAGGTGGTGGCTGGG

>Sequence 2291

AGGTACGCGGGGTTTGACCACATATCTGGGCACCGTGGCCCAGCCAAGTT
GACATATTAATTAACCCTTGAGTCCCTTTTTAAACTTACACCCATTGC
AATTTAGGTCGCTGCTATGGAGCAAGCCACAGAACCTGGCCTTTAACTCA
TTTACCCGGGCTGACCCATTAGGCCTTTGAGTCACCAACACCTCACTAGA
GAACAAGCATAATGAAGAAGCTCTGCTGTAATTCGTTAATGTTAACACTT
TTTTCTTTAAAGATGTCTCATGCTGAGCTTCGTGGCACACGCCTATAATC
CCAGCACTTTGGGAGGCTGAGATGAGAGGATGGCTTGAGCTCAGAGGTTTC
GAGACCAGCCTGTGCAGCATAGTAAGATTCCGTCTCTACAAAAAAGAAAA
GAAAAAAAGTTGTCTCATAATTATTAATAAACCACTATTCCAGATCA

>Sequence 2292

Table 3

426/1077

AGGTACATTTTAAACAGAGGGATATAACACCATTAAGGCTCATGGACTTAA
TTCCTGTCTCCAGGGCTATGTATCTTTCAACTGCCATACTGAGGACTTTT
CAGCCGTGGTCCCGGATGTCTGGCCATACCCATCACTTGAAACAACCTGTG
TGATAGTGAGAGCACTGACTCCTAATTTTCAGAGACTGACCAAATCAACC
TCACGTCTTTGCCCCATAATACTCCTTTTTCTTAAGTCCTACACCACTGG
TTTCCCTTTCTTTGAAGGGCGTCTGTATTTTGCCAAGGTAACTCTAAGC
TTGTGCTCTTAATTCCATCCTCTTGCTTTCTTTGAGAATTTACCTTC
CCATTTCTTTCTTACCAGCTTCTAGCTCCTCTGCCTACAAATGTGATTTC
TTCCTATCCTAAAAACAACAAAACCCAAATAACCCTCCTCTGACTTTGCA
CTAGCTGAGCTGTTCTCCATCTTCTTTCTTTTCTTCACCATCTGATCTT
AAGATATGTCTGCATTCACTGAAGTCCACTACTCTCACTCTCAAATCC
AGTGCCTCTACTCTCACAAATCCTTGATTCTTTAATCCTGCATCTGCCCT
GACCACTTTATATCAATAGATCTGTCAAAGATTTAACTACAACCTTTTCAA
GTGCCACATTAACCTGGCCTTTTAACTCTTCCATTACAAAAAACTGCAGC
GGTTGACACTGAGACAACCTTTCTTCTCTTTGTAAATATTTTGATCACTG
GCACACCAAAACATGCAAGCCTTAGGTTTCCTTCTCTTTGAGCCCCG
GT

>Sequence 2293

AGGTACCCCTGACCCCTCCTCCGAATATACTTTTGTCTCTTGTCTTTT
ATTCCTGTGTTACCCCACTGTGTTCACTCCCTAGGTCTGTGCGGGAT
ACAAGTGGCGCCCAACAGGGACAGAATTGGGTGCTCTACACCCTCTCCT
TGAGCAGGGACTGGCCTAGTGACTTACCTCTATTGAGAATACGGCAAAGG
CGTTGGAGTCTCACCTCCTTAATTAAGCTATACATGTTTAAAAAAATTAT
TCAATGAGAATTGTTAAAGCACAGTAAGGAAGACTTTATTCAGGGCCATT
ATGACAGGTATATAGACAAATGTAATGGGATTTTGCAGTGGTAGAGGGTG
AA

>Sequence 2294

GCACTTACAATTGCACCCCATCCTCCTACCCACTCTGATCCCAGAGGAGA
GTGCTTCTGCTGTAACTCTAAGGCACAAGTGGGTCCCAAAGTCCTTAAA
TATGGAGGGATGTGGGGAAGCAGTGGTGAAGATGCGGCAAAGGTCAGCAG
GCAACACTGGTCTTTGTTGTAGGTAACCTTCATCTAGAGATTCTTCTAGT
TCTTTCCAGATTTATCTTCTAAAAACTAACTGGTATGGACATATTACAGT
CCTGTAATTCTTTCTTCTAGGTCATATTGAACATTCCAGATACCTATCAT
TACTCGATGCTGTTGATAACAGCAAGATGGCTTTGAACTCAGTAAGTGGT
TAATTATTACCTTCCTGGCCTTTTCTTTGTTCCCTTGTCCCTTCTGTTAT
TCCCAACATTGTTTGGGGTCAGCAATTGCAAGGGCTATTTGTAGGGAACG
CCGGGCCACGCTGATGCTGTTCAAGGCACCCTCTAGAAAGAGTGAGTCAG
GTGCGCAGCCACACAACCTGCCCAAGTGAGTCGCAAGAGCCATGGCTGTTG
GGTACCT

>Sequence 2295

AGGTACAGCAGAACTGCATGATCAGGTAAGTGTGCTGAGCTGTTGATCCT
CCTCATTCCTGAGCTGGGTGTGTAGAGACAAGAGCAGGAGACTAGGGGCT
GATGATCTTTTAGTCACATCCATTTACCCCAAGAGTGCTCTATACAAATAG
CATTTTATGTATTCCCCGGCATGAAAAAGCTGGAAAGCACCAAGAGAAG
GTTGGTGTAAACAACATGAAGTTTTGGAATCTCAGAAAGTCTGAATGAG
TTAATTTTTTTGAGCTTTAGCATACTTATCATTTTATAATGAGGATAATT
CCTTAAAGCAATTCTGTCCAATAGAACTTTGGGATGATAGAAATGTTCTG
TATCTGAGCTGTCCAATGGTGTAGCCACTAGTCACATGTGGCTTTTCAGC
ATTTAAAAAATGGCTAGTAAGGTTGGGGCACAGTGGCTTATGCCTGTTAT
ACCAGCTGGTTGGGAGGCCGATGTGGGAGAACTGCTTGAGTGTAGGAATC
TGAGGCTGGAATAGGCTTTATATAATGGGCCAGTTCCTCAACTGGGT
GACAAGAGTGAGACATTGGCTTTTAAATAATTTAATAAATATGTTGAGGG
TCCCTGGCCGGGCGGGCCGTTTAA

>Sequence 2296

AGGTACAGAGTGATGCCAGGCGTTCATCTCCCCACTGAGCTCCTGCTGAG
TGTTTGCCTGGGGCCAGGTCCTCCTTCCGGGAAGTCATTTTAGCTGGAAA

Table 3

427/1077

GAACAGGGTGGGGGCGGGTGGCAAGGGATCAGAGCATGAGCGTTTGAGGG
CTTCGTCAGGGGCAGTGAGGAGCCTCTAAAGGACTCTACATTTAGGAATG
ACAGAGTCAAACAATTTAACAAGCCCTAAAGGTCCCTGCCAGGAAAGAA
TGAGCCCCATGTATCACCATAAGCAACTTCTTAGAAACATAACCCACCCC
TGTCATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAGGGAGGGAGGATTGCTTGAGGTCA
GGAGCTCGGGATCAGCCTGGTCAACATGGTGAGACCCCATCTTTGCAAAA
AAAAAAAAAAGTACCTGCCCC

>Sequence 2297

AGGTACTAGTTCCCATAAAATACACAATAAATACCAGTTCCCATTTTCAC
TATCACTATCCATACCTACTTCAATCTATTATCTCCACATAGCAGACAGA
GTAATCTTAAAAATGGTAATTTATAGACCTGTGGTACGGCCGGGCGCGGT
GGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGGCAGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACATGATGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAAAAGTAGCCGGGCGTGGTGGTGGGCGCCTGTAGT
CCCAGCTACTCGGAAGGCTGAGCCAGGCAATTTATGGCTGGGCACAGTGG
CTTATACCTGTAATCCCAGTACCTGCCCC

>Sequence 2298

GNGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCCACTGA
AGTTCCTTATGCTACTTTCACTGAGCATCCTATGAAATACACCAGTGAGA
AATTCCTTGAAATTTGCAAGTTGTCTGGGTTCATGTCTAAGCTTGTTCCA
GCTATCCAGAATGCCACAAGAATTCAACTGGATCTGGAAGAAGAAAGAA
ACTGATGGTGGTAACTGAACCCATTTTGAATGAGACCTACACAGGGCTGA
TGTCATTCAATTGGGNACCGGAACAACTTGGCTATTCCCTTGCCCCGGGG
AGTATTGGTTATTGAGAGTCTTTTGGTACCTTGGG

>Sequence 2299

AGGTACTTACTAACTTTTAGGGCTGTGTAAGTGTAGTGTTGTTTGAAGCT
CTGTGTGTGTTTCTGTAAAGACTGGTCTGGAAAACCTGACCAGAGGAAAAC
ATTCCTTGCTTTTCTCTGCTCTCACATGAAAACAACAACACAGTTAG
AGTCAACACCAAAGACTTCAATGACCCCCAGATATGTGGGGATTTCCTCC
TACCAGCAAGCAAGCAATCAATTCTGCAGCAGACACTAACTGTGTATCCT
CCAATTTAATTCTGACACTATCTGCCTGGAAATAGCATCAGATCCCTCAT
GTTGAGGGCTCAGTCCCCAAGACTGCCATCCCTTCAGACACCATGTGCAA
GTCTGGGCCTATAGAACTTCTGACCAGCTGAGCTTCAAATTGGCATTCCC
AGACATTTACAGTGGCTCATGGCTGGAGGATCACTTGAGGCCAAGAGTAC
AAGACCAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACCTGTCTTAAGAAAATAAAAAAGT
TAAATAGCTGTGCCCTGAGGGACCTATTAATATTTCTATTCTAACGACA
TTATATTAAGTATTTGATACGTATATATTTGATGTAGTTTCTGATATAT
CACTGAATGTGAGCTTAGGAATATGTTATATATGAGTGAAATTATTTAGA
TAATATGTATGAGGTATTATGTGACATATAAATATAAATTTACGCTAAA
TATTTGATGTATAAGATGAACGTAATATTTTATATTAATGACATGAATTA
GGATCGATGTGAGGTAATACGCTATTTATGAGAGTTAAGTGACTGTGAAA
CGTGATTAATCATTAAATATATTAGATATAATAATTC

>Sequence 2300

CCGGGCAGGACGCGGGTGAGAATGGAGTCAAAAAGGATTCAGGTGTTTAG
AGGAGCTGCTTTTCATTAGGACCTTGAGAGTCCCCTCAGTTTGGACACC
CTTGTTTCACCACAAGAAAGCACCCGACACCCTGGGTGCACTACTACTA
CTCAGGGGCTTTCCCCCAGCTTTCGGAGCACTGAATTATTGTGAGCTGG
TGACTCTGCAGGCCTGAGTGGTATTAGGGTTGTGGAATG

>Sequence 2301

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC

Table 3

428/1077

GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTT
GGGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAGTTG
CCCAGGCTTAAATAACAGAATATAATAAATCAAGCTATTAACAGCAAAAA
ATAAAAAGCCATCTGGCCTGTGTTCAAATGTGGAAAAGCAAACATTGGG
CCAATAATGGCATTCTTAATTTGATTAAGATGGGCACCCATTGTCTGGAA
ACAGAAGAGAGGGCAGCTTAAGCCCCCAACAACTGGGGCATTCCCAGA
TAAACTGTTTGTTCCTTAGGGTTTTAAGGGACAACACCTCCTCAAGAAAT
AACCCCACTTTAGGAGGTAGGCAATTCAAACATTCAACGCTTTCT

>Sequence 2302

AGGTACCAAATGCGGTATGGGGGGCATAGGCAGCACTAGAGACATGAGAG
TTGATTGTGATCACATAAATCACAATTACTTATTTGTCAGACGGCAGGCA
GAGGTCAGGGGCATGGGGTATGGCCAGGGAAAAGAGAAAGTTATTGGTCC
AAGAAGGGTTGCCTCATGTCTTGGCTTCTGGAACATTGAAATAGGATGTA
AGAGTGAAGGACACATATGCACACACACACAAACACACATACATGCACAC
ACATGCATGTATACACCCATATACACACACTCACATACCTGCACTTGTGG
GGAGAGGGGAGAAGCAAATAATAAGTGAGAAAGATTGGATCATGGGAGAG
AGGCTTGAGAAGCTTGAAGCTTTTGAGACATGAGGAGTATGAATCAACCT
GTCATAAGACAACCAAGAGTCATTCTTCCATCTTTGTTTTTCCCATCAAA
CACTAGTTTATGTGTAAAAAAAATAAAGAAACAATTGGNGATATGATATT
TTTTTTCTCCCAACAGACACTTTTGTTTTAACTCTAAGTCTTTAATTTCT
TCTCAAAACAACCTGTGGCCAAAACCTGGGTTATTTGGTGATGTCCAAGAT
CCAGAAAATCCATAGTGGCCAAAATATATACGTGACTTCTTGGAATTTTG
CCTCTAAATTTGAACATTTTTATTTTTCCAGTTTTGTTTTCCAAATTCTG
GTTTCCAGTGGCCAGAGCTTTTAAATGATCCAAAAGGTATTTTCTTTTAA
TCCTAAACTCATTAGAAAGATGGGTAAATGTAGTATGTGCAAATTATATA
TAATTTCCGTT

>Sequence 2303

AGGTACCTGTCAGTGTTCAATATTTAACAAACTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTCAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTTCTATTATCCATGTGCCCAACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTTAAAATTTTCCTTTCAATTGTCATTTTTTC
TAATAATTGCAATCAGTGAGAGGAGAAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GACCTTTCACCATCCTACACAGGAGATGACTGATGACATGGGTTCATACA
CTAATGTATATCGTATATTCTCCAAAGACCCTCAAAAATCACAAGAAGTT
TTGAAAAATTCTGAGATCATAAACTGGAAACAGAAGCTCCAAATCCAAGG
TAACAAGTCTGAAGAAATGGGCAAGCAGCTGTGCTTCTCAAATTGTGTCT
TCAACTAACAGCATTAGCATCACCTGAGAGCTCATTAGAAATGTAAATTC
ATAGAAACTCTTTGAGCTGGGAAAAGTGGAACAATCTGTGGTGTGCCAAG
GACTATAGCTGATTGTGGGTGTAACCTCAACTTTGAAAAACACTAAGCACT
GAGGTATTAAATAAGGTGGGAACAATGTAAATTGAGAAATGTATGGTTTC
CCCCCCCCCCCCCGCCTTTTTTTTCAGGTTTAAAGAAAATTTAGGGAGGG
GAATAAAACACATTCATTTTTAAATTCGGGAGGGAGAGCTTTCTAAACCC
TTCTTTTTGTACGAAAATTCTTAGACTTATTCACCAATAAAACACACTT
GGTACTTGGCTTAAACAGCCACCCCATATCCAATTTGAAAGGTCCTTCCC
GGGCGGCCTTATAGAATATGAGGACCCCGGCTCGAGGT

>Sequence 2304

AGGTACAGTTATGCAGTAAAGCCATTAAACATCAGATATCGACAATCCT
AGCCACTTTGAAAAGCAATATGAATCTAGTTCTTCTAGCACTCACAGTGA
TAGTAGCAGTGACAATGAGCAAGACTTTGTTTCTCCTCATTCTACCAGGAA

Table 3

429/1077

ACAGACCAAATTCAACAAATATTAGACCACAGCTGCACCAAAAAAGCATA
ATGAAAAAGAAAGCTGGTCACAAAGCTAACTCCAAACACAAAGACAAAGA
ACAGACAGTAGTAGATGTCACCTGAGCAGTTAGGCGATTGCAAATTAGATA
GTCAGGAGAAAGATGCTACATGTGAACTTCCTTTACAGAAAGTAAATACT
CAGAGTTCTTCAAATAGCACTTTGCCTGAAAGATTTAAAGCGTCAGAAAA
TTCTGAAAGTGAATACAGTAGGTCAGAAATAACTCTAGTAGGCATAAGTA
AGAAAAGTGCAGAGCATTTTAAGAGAAAATTTGCCAAATCAAACCAAGTG
TCTAGGTCAGTGTCTAGTTCAAGTGCAGGTGTGTTCTGAAGTTGGAAAGAG
AACTTACTTAAAGTTTTGAAGGAGACTTTGATTGAGTGGAAGACAGAAG
AAACATTGAGGTTTTTGATGGCCAGATTATGCCTTGGGTGTCTGAAACC
CTAAGCTTTCTTGGTAAAGAAGAAGTATGATGAAAATGACCTAATCTTAGA
ACCAGATGGCATTTCCTGCCCCGAAGGAATTTAAACCGCTTGATGAAGCT
TAACTTTAGGGCTCAGTCCCGCCCCG

>Sequence 2305

CCGGGCAGGTACCTACACATGGGGAGGGTTATTGCAGGGGTGGGGAGCA
GTGCATTTAAATTTTGTTCCTTCCCTGGATCTTTCACAAACAATTATCGG
TAAGGTTCTCCTTCCCCTTGAAGCACAGAAAAGACACTGCCTATTTGA
AATTATATTATTTGGGGTTGTCTTGGGCTTCTCTTACATGGAGGTGCCAC
CTTCATTTTGTAGAACGGTGTAAAGTGGTTTCCATTCCAGCATGAATGTGG
TCGGTCACATGGCAGTGGAGTAACCAAATTCCAGGTGTTCTTGGAAACAT
TTCTAGGGTTTGGTATGTTCCAGGGAAAATGTCAAAGACATCAGAACTAT
AACTCCCCTGTGCTTGTATTGGAAGCTATGGCCGTGAAAATGTACCT

>Sequence 2306

CCGGGCAGGTACGCGGGGGATGTGAACTCTTTTAACTATAACATGGACA
CTTTATTGGAACCAAACCTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTA
ACTTTGCTTCATTGAAAAAATAATTGCTTGTCTCTGTGAGATGCACTTC
GTCTTAGTAACATGGCCATGGGGAAGACGACCACAGGCCAGATAGTCAAT
CTGCTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTCTTACA
CTTCCTGTGGGCAGGACCACTGCAGGCGATCGCAGTGACTGCCCTACTCT
GGATGGAGATAGGAATATCGTGCCTTGCTGGGATGGCAGTTCTAATCATT
CTCCTGCCCTTGCAAAGCTGTTTTGGGAAGTTGTTCTTATCACTGAGGAG
TGAAACTGCAACTGTCACGGATGCCATGATCAGGACCATGTATGAAGTTA
TAACTGGTATTAGGATAATTAAAAATGGACCT

>Sequence 2307

CCGGGCAGGTACTTGGGATATATTGGTGAACAAAACAGAAATGTCTGTGC
CTTCTTGGATCGTGTGTTTTAGAAATTATGAGAATTAAATGAAAATAAATA
TTCAATATGGTGCCAGACACATAGAGGTGCCACAGTGTCTTATCTCACT
TTCTTCCTGCTTGCCATATCTTTTCCATCAGGGCCAAAGAGAATGGGAAG
TGGGAAGAAATAAACTATATATTTCAATTTGTATAGCTGTGGAGAGTAACA
GGCCCTGTGTCCCTTTGGGGAGGTCATGCGAACTGGGCATGGCCTTCTGT
CAAGAATTATTAGACCAGGCATGGTGGCTCATGCCTGTAATCCTAGCACT
TTTGGAGGCTGATGCAAGAGGATTGCTTGAGGCCAGTAGTTTGAGAACAG
CATTACCCACCATGGCGAAACCCTGTCTCTAATAAAAATATAAAAATTAG
CCAGGCCTGGTGGCACATGCCTGAAATCTCAAGTCTTCCAGAAGGCTGAG
GCATGAGAATTGCTTGAACCTTGCAGAGTTGAGGGTTAAATTAATTTGAGA
TTGGGGCAATGCACTTCCACCTTGGCCAACGAGATGAGAACTATGTGCTT
CCGATGGAACTATGTGACGAGAGTTCCCTTTGCCGTTATTAAACTAGT
GGAGTCCCTCCGATACGGCATGAATTTTCGATGTGAGATTTAGTCGAGACCT
GTGACGCTATAAGAGGGAGCCCCGAGACACAACATATGTTTCCATTAGAG
AGGAGATAAGAGGACACATGACGTGATATATCGTCATGACACAATATCAG
GTGGAAATAGGATGATCGTGATATGATGTCATATGATATACTACGCTGAG
ACGCTGAGACTAAAGCTCGAGGCG

>Sequence 2308

CCGGGCAGGTACCAACAACGCACTTACCCACTGTTTTAATCTAGGTTATT
CTTGAAAGCAGAGCCTGAGACAAAGGTAGACACATTCTATTTATGAGTCT
AACACCCAGGAGCAGGAATGAGAGATAGGGGAGTGAAGTGGGGAAAAGGG

Table 3

430/1077

AAACTAAGTCCGAGCAAAACCAGATACTGCTCTTATCAAGTGGTCCACCC
CTATTAATGGCTACATAATGCAGAACTTTCTCAGGATTCTTCTTAACTT
TATCTCAGAACTGTCTGCCTCAGGGAGAAAGGAGAAGTATTTCTCCATCA
GCAGCCACCTCCTGTGTGTTGAGGGCTGCTCCTTTTGGGCATTAACCCAC
TGCCTCCACCACCCCAACCCTCTGGGCTGCAAAGAGCTAGCTGACAGTCC
AGCTGGTACCT

>Sequence 2309

CCGGGCAGGTACAGACAGAATTAAGACCTGGAGAAACAGTTCGTAAAGC
CTGATGGTGAGAATAGAGCTCGCTTCCTTCCAGGGAAAGATCTGACCGAA
AAAGAAATGATCCAAAAATAGACAAGATGAATGGCTATCAAAGAAGGATC
AAAAATGCAACTGAGAAAATGATGGCTCTTGTTGCTGAGCTGTCCATGAA
ACAAGCCCTAACCATTGAACTCCAAAAGGAAGTCAGGGAGAAAGAAGACT
TCATCTTCACTTGCAATTCCAGGATAGAAAAAGGTCTGCCACTCAATAAG
GAAATTGAGAAAGAATGGTTGAAAGTCCTTCGAGATGAAGAAATGCACGC
CTTGGCCATCGCTGAAAAGTCTTAGGAGTTCTTGGAAGCAGAATATCGCC
AACTGCCCAATGGTGTTTACCCAACCTGCAGAGCAGCGTACGTATGCCTAC
ATCCCAGAAGCAGATGCCACTTCTTACTTTTGCAAAAATCTTATGGGGCC
TTTGGCTCCTTTTAAACCCAGTGAACCTCTGAGCCCATTATTAGGCACATT
AAGGAAACCGGTTTATAAGCCAGTTGAAGTCTGAATTTGTGAACCAATCC
GGCCCTTTCAGGGAAAAAATTTAACAAGCTTTCCTGTTCTGGGCGTTT
AGAAGTATGGAACCCACGGCTGTGAGAATTGGAGTAAGCATATCCACTCC
GCGAACTTAGGGGGGGGCCCCGAAACCCAGTATTATTACATTTGAGGGGGAA
AAGCGCCTATGGGTATGAAGGTATAGG

>Sequence 2310

AGGTACTAAGAACTACTTTGTGATCAATATAAATCTCTTCATCTCACTGT
ATCATTATGTCTATATGGTTTCCATTTGTTCTAACAGAAGCTGTTGGGAT
GGAAGCCAAAAACACCCTTTGAGACTTGTATTGAACAGTTTTCATATGCA
ATAAAGATAACTTTATGCACATGCAGGGAAATAAGAGAGTTGAAAATGGA
AGGAAAATATTTGCCAAATTGTTTAAGTGTTTAAAGGTGATTACTGGTAA
CACAGTAAAGTTTCCAGGGGAAAATTCATCTCTCACCCCTCCACATAAAA
ACTCACAGTCACTGATCACTGCTTGCCAAGTTTGAGTTCAGCTCTATTTT
CTGGCTTTAAGATTGAAGATTCAACAGAATCAATTTGAGGGCCTGATGTG
GGTGGCTAACGCCTGGGATCCCCAACTTTTGGGAGGCCAAGACGTGCCG
ATCATGATGTCAAGAGATCAAGATCATTCTGGACACATGGTGAACCCCTG
TTTT

>Sequence 2311

CCGGGCAGGTACACTCACACACACACACACACAGAGCTCTTAACAACCT
GGTCCTGAGTAGCTCTTTGTAAATTCTTTATTGCCAGGAGTGAACCCTAA
AGTGGCTCACAAGAGTGCCCTATTTATTTCAATTAACCTTCATGGACAAAC
ACATCTCACAGTTGAGATACGTGACCCTTGTGAGATGGCATGTTTCTAAA
AGAATGTCACATACAAGAGTGTAGCAGTCAGCTGTGCAGCTGATATCTTT
GAAGGCCACCAAGAGGACAGGTTGGATGAGGTCATTAACATTGACATAC
CTCTCATCAAGAAGAACTCACTTGAAAGCAGTGGGGTCCGGACAACCAAA
AATGAAGAGGAGAATGAAAAGGAAAAGGAGCTCCAGCTGGAATATCTGCT
GGGTGCCTTTGAAAGCCTGGGCAAAGCCTGGCCGCGAAACGCGGAGACCC
AACGTTGGTATCGTCAGGAGCTGTGCAACTGATGTGTG

>Sequence 2312

AGGTACATATTTTTAAATCCAGCAGAATAAATGTGAATGTTTTGATTACC
CATCATTAAATTTTTTAAAAAACTATCCCTACTTCAGCTGTTGGAAAATA
TTATCTGGCAACTTCAGGTGACAGATTAACCTCTGTTGTTTGTTTTAAATA
AAGTTTAAAGGAAATAAGTATCTAATACCATTTTCAACTAGCCATGCAAA
ATTGGCTTCTCTCCCCAAATCCTGTATTTGAAAAAATAACTTTAACATAA
CGTTTGGCATTAACCTTATATTTGCTCATCATAAAAAACCAAAAGAAATTT
TTATATCTCAAATTGGTAACTTTACAAAATATTTAACATATGAGGAAGA
GGTATATCTTACAGAATTATTTGGCTATGTCATAAGGCAGTAATGAAGAT
GGAATTTTTCCTATCATAAATCTGACATAAGTGAAAGTCTATAACATGGT

Table 3

431/1077

CATTCTCCATAAATCTGAAAGCTTGTTGGTG

>Sequence 2313

AGGTACTCCACACCTGATCAAGTGACAGCGTGGCGTCATGTCAGCCAGCA
AAATGTTTGAGTGACTTTTGAGTAATGGTGGCATAGAAGGTAGAGGGGGT
TGAAGGAAATAATAATGGGAATTTTTTTCCTTTCCTATATATTTTAGCAT
GTATAATGCTTCAACTCTCTGGTGGAAATTTGGAACACAGGATAGTAAAA
TATTCCTTTTCCTAGAGGGTAGTAAAAGTGGAGTAGAAAGTAGGAGCTGT
TAGAATTTCCATGATAAATAAATTTGATTACATATGTTGGGGTGGGTTC
CCTCTGAGCTGAGGATTTTACTTTGAGAGTTGTTTCACAATGGTATATTT
CTTTCAGTTTTTCAGAAGCAAATTTAGCCTTAAGAATTTGCCCTGGCCAG
TCCAATGGCTTATGCTTGAAATCCCAACACTTTGGGAGGCTTAGGTGGG
CGGATCACTAGGTTAGGAAAATCAGACC

>Sequence 2314

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCACAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCGAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAATGGCTC
AAGCAATGAAGGGGCTCACTTAAGAGGAC

>Sequence 2315

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTTTCTTCTTTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCACA
TACAACTTTTTTTTTTGAGATGGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTGGAGT
GCAGTGGCGCGATCTCGGATCACTGCAACCTCCACATCCCATGTTGAAGT
AATTCTTTTGCCTTAACCTTCCGAGTAGCTGGGACTAGAGGAACGTGCCA
CCATGACTGGCTAAATTTCCGATTTATTAGTAGAGACAGAGTTTACCATG
TTTGGCCAGGATTGTTTTGATCTTCTGCCCTTG

>Sequence 2316

AGGTACTATTTTCTACAAGAAGCCTTCAGGGGAAATAATGGATCCTAGTT
ATGTCAAAGAAAACAATGAGACAAAATGGCAACTTCACAGTCTTCAAGTA
AATATAATCCCTGATATAAATGGAAATTAACATGTAATTTTGGGGGCAAT
AGAAACAACAACAAAACCTGTGACAACTCTGTCCTACTCCTTTAAAAAT
GAGCTTTGACTCTGTAGTCTCTTAAGGCACAAAACCTGATAGACGGCATT
TAACTGGTGGCCTGCACCTCTGATTTGGATTTTAAAAAACAACCTATTGAC
ATTTAAATAAAAAATAAACCATTTTGTAGAGCTGGAGATTCTTGGATAAG
TTGGGAGAAATATTTCAATGAACTAGCATCTTGGATGTATAAATATTTAG
TGCCAAAGTTAAAAAAAAGTACCTGGCCTGGCGGTCTATTTAGAACTAGA
GGATCCCCTCGGCTGGAAGAATTCTATTATAATGTT

>Sequence 2317

CCGGGCAGGTACAGCCACAGAACTGTGAGCCAATTCAATCCCTTTTCTT
TTTCAATTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGAT
TAATACACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATG
CCAGGTGTTCTAGGGTGTTATCTTAGCCAATACTTCTTCCTCTTCAGCAA
GATCTATTTGCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCTACCATACTTGTTA
GTAACAAGTAGCCCATACATCTTGATGGACTTAATTTGAATCACCAGAG
GGTTTTTTAGTTTTCTACTTTTATTTTCCGGGCTTTTTGGAAACCCACAT
AACTTTTTTTAATTAATTAAGGTGCCTTGTGGTTTTGAAAAAACTGTTAA
AAAAAAAATGGGAAGGGCTTCTTTTAAAAAATTTCCATTTTTTGGCTT
GGGCATGGTTGTTTAAACACTTTGAAATTTTAACTCTTGGGAGGTTGTG

Table 3

432/1077

GAGAGAAGAATCATTTGAGCG

>Sequence 2318

AGGTACGCGGGGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTT
AATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGA
AATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCA
TTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGC
TCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAG
CCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGT
CGATGCCAAAGGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATTAATGGCGTTGAAACAA
ACCTGGGGGGTGTCCCCTTTTGGGGGGTACCCCGGGGGAAAGGCCCAT
TTGGACCAATGTTTTTTAATTTGGAGGAGGGGGACACCTTCTGGGAGACT
GGATATTTTGCCCTTTTGGGGCCCTGCCCCGGCGGCCTTTTAAACACGG
GGGGGCCCCCG

>Sequence 2319

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCGTGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATGAA
CCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGGTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTGCGGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTTTGGGGGTGTGCTTGAATACCCGAGTTG

>Sequence 2320

AGGTACTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCACACCCGGGCTCTGTGATTTG
TTTGTTTTTTGAGATGGAGTCTCGCACTGTCATCCAGGCTGGAGTGCAAT
GGTGCAATCTCTGCTCACTGCAAACCTCCGCCTCCTGGCTCAAGCTGATTC
TCCTGCCTCAGCACTCCCGAGTATGCTGGGATTACAGGCACATGCCACTG
CGCCAAACTAATTTTTGTATTTTAGTAGAAACGGGGTTTCACCATGTTG
CCTGGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCAGGTGATACTTGCCTTGCCCTC
CCAAAGTGCTTGGGTACAGGCGTGAGCCAGAGCGCCAGCCGCCTCTGT
GATTTTTTAATTTGTGTCACTCACACTAAATTTAACAGCACATTTTTTGA
TAACTCATTTTTTTTGGAGTCTTTCCAAAACATTAACCTAAGTTTCAA
GAAAATCGCAATTCTTTTTGATTTAATTAACCTACCTAATTAATAAACC
ACTGGCCATAAACCAGAACTTGGGGAAAACCTTAACTCTTGGTAAGGTTA
AAAACCTCAATTGGAGGGGAGTTGAAGTTTCCGGAAAAAAAACAGGAAT
TGGGGGAAAACCCTATTAACCTGGAATATTTAGGGGTTTTTTTGGCATA
AGCAGGGATGCTTTACACCAGAAGAGGCCTTTGGATTGGGGAACTTGGGG
GGGTAGGTTAAGAAAACACCTCTAATTTGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAA
ATAATTCTCTGTGGCCCCCCCCACAAAAAAAAGAAAATA

>Sequence 2321

AGGTACGCGGGGAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCA
GATAAGACCATCTAGTTGCAGAAAAATAAGCTCAGAGCTTCCACTGATTC
TACATTATGGATATGGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTATTTTACA
CATGCCTAGTGATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAGCT
AACCTACCTGAGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAG
AGTTTGAAAATATCTTAAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAGCTTGGAC
GATTTTTATTATCATGTAAATCGGGTCACTCAAGGGGCCAACCACAGCTG
GGAGCCACTGCTCAGGGGAAGGTTCAATATGGGACTTTCTACTGCCCAAGG
TTCTATACAGGATATAAAGGTGGCTCACAGTATAAATCTGGTAGCCAAGT
AAGAAGAAACAACACTGATCTCTTTCTGCCACCCTCTTGACCCTTTGG
AACTCCTCTGACCCTTTAGGACAAGCCTACCTAAATATCTGGTAAAAAA
AGACCAACAACGGCCTTAAAGGAATTCTTACCATTGAAGGCTTAGACTAA
TCTTGGCTTAAAATGGGGTTCCAAATTAGGGTCTGAATATTGGGGGGGAAG
GGGCACAATTGCTAATTTTGGGGGGGGGATAAAAGGTAGGGATGCTCACA
GGGCCCCAAACCAGGGGGGGGCTTGCTTGCGTTTTTTGGGGGGGGGAAAACC

Table 3

433/1077

CAAAAATTTTGGGCGGCCCTTTTGTGGAAAAGGCCCG

>Sequence 2322

CCGGGCAGGTACGCGGGACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATGC
ACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTGTATAGGGGCTTTTG
ATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGC
ACATTCAGAAATGAGAAGTCTGATCCCGGAACCTCCACTACTAGCTCAAAG
AAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCT
GGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTT
CAGCACCAAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTC
TGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAAT
GACCGCCGATGGGAGTCTGCTGACCTTCAAGAAGTCATGTTTACGGCTCT
CATAAAGGACAGACCCAAGTTTGTCCGCCTCTTTCTGGAGAATGGCTTGA
ACCTACGGAAAGTTCTCACCCATGATGTCCTTACTGAACTCTTTTCAAC
CACTTCAGCACGCTTGGGTACCTCGGGCCGTT

>Sequence 2323

CCGGCAGGCACAGTGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG
GGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAGG
CATCTGCCACCACGCCTGGCTAATTTTTTTTGTGTTTAGAGAGACGGGATT
TCACTGTATTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCTCATGATCCACCT
GCCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCCA
GCCGAGTCATTTTTTAATACTACTGCATGTGAGTTAACACAATCATTCCC
AAATTGAAGTTTTAGATGGGCCCTCAAATTTTTTAGGATATGGTTTTCT
ACAGGTTTATATTGAAAGTATGGGGTATCTCCTATTACTCCTCTTTTTAT
TTGTCTTAAAGGAGAAAGGGAGAGGCCAGAGACCAAATGTCCCCATTTC
CTATAGCTAATCTCTCTGGAAGACAAGCAGCCCAGACTTGAGCTTCTAGA
TGGATACAACCAGGTGCATGTCCAAGGCACAGAGGAGGGTATTTATAACC
CATAGTAACATTAAATGCAGTGCCTTCTCCTGGCTTGAGCGGGCACGGTT
AATCTGGAGTTGCAGGCATCCACACCCTATATGTAGTATAGATTTCTGGC
GGAGCCTTCTTCCAGGTGGGAAGGCCAAATAAGTGGGAGGAAAAAGGCAC
CATTAAAGCCCCCCCCCAATTTTTGGGGGAAAAATTTTAGAATTTTTTTT
TTTGGGGGG

>Sequence 2324

AGGTACGCGGGGAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCC
CTTAAGTGACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCT
GTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAAGGAAAATT
GAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAG
GCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCT
GTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGA
ATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAG
AGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCC
CCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGC
GTTGAAACAACTTGGCATGTTTCTGTTTGGGTGTGGAGCCTGTGGAA
AAGCCATTTCGGAACAATGTTTTTCACTTGGAGGATGGTGAACCCTACTTG
GAGACTGATTATTATGCCCTCTTTGGAACCTGGCCCGGCCGGCGGTT

>Sequence 2325

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAATACAGCCTTTACCCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATA
AATTAATTCATGGCATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGGTTCCAGTTT
GATAGGAGACAATTAAAGGCTTGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGT

Table 3

434/1077

GGACTTTTAAACTGGGGCACTACTTGAACGATTGGATTGGCCGAGACACC
AGGAAATCAGATGGAGCAAGCTTATAACAAAATGGGTCAACCAGGACTTG
GAAATTGCTTGGAACCTGAACTTAAAATTTAACCCCAATTGGTTAACTTA
GATTGGGAGTGGAAAATTGGTGTGGGGGAATATGAAAATAATTTGGGGG
GGAAAATTTT

>Sequence 2326

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCCTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTCCTTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCCTATGTGCCTTTTCTCCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCCTGGAAT
ACAGATGACCGTTGCACCGCTC

>Sequence 2327

AGGTACGCGGGGAGAAGAAATAGCAAGTGCCGAGAAGCTGGCATCAGAAA
AACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCGAGGGAGACCAGGAAGATCT
GCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAGGTCTGTAGGCCATGGGAATG
GGTTTGGAATTTTATTCAAAGAGCTATGGGAAGTGAAGGTTTAAA
GTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTTATATTTGTGTTTTATACAAATT
ACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGGACAGCAGAAGGGTAGGAGCAGGGACAC
CAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTGAGAGGTGGTGGCTGGGCCTAGG
CCTTTTGGAGTGAACAAGCTATTTGCTTGGCTTCCATGATCCTTCTCCC
TCCACTGGAATGGAG

>Sequence 2328

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTAGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATGAA
CCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGAT
N

>Sequence 2329

AGGTACCGCACACAATTGTATGCGCTGCACTTTCATCTGACTGGAAGCAC
AGTGGGCTTACACCAGCATCAACACAAACACGTGAGCAGCGCCTTGCCT
ACAACAGACACGATATCCCTAGGGGACAGCACTGTTTTTCAGCCCCATTAT
AATCTCATGGGACTACTGTTACAGATGAGGTCCACCATTGACCAAAACAT
GTGGAGCACGGCAATTAATTCTGGATTTGGATGGGGACGCAAAATAAGCA
CAGCTCTGGCAGGTCTAATCAAGATTAAGAGAGAAAAGCAACTAAAACAT
CTGAGAAAACAGATACAGAGGGCATAACACCACACAGAAAATACTACATA
CAACTGAGCTATAATTTTTAATTGACTTGCTGGAAATTACTAAATTACTA
AAATTG

>Sequence 2330

CCGGGCAGGTACATTATTTGTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGT
CTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCAGAACACAT
GCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTAGA
GGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAG
GCCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAGG
GCACTACCAGCAGCTCAGCAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAGG
GCTAA

>Sequence 2331

Table 3

435/1077

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATAGGGT
TTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGGGCTCAAGTGATCCA
CCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCACAC
CCAGCCCAAGTTCAACTTTTTTTTTTTCATTCTGTTTGCTGCTTGTGTTTCT
TCTGCTGTGAACACTCTCTGTTCATGTCCTTTGTCCATTGTTCTATGGGG
GTGTTAACACTGTTTTCTTATTGATCTACAACCACAGATATTAAGGCATT
TGTTTGTCACTTTTTTGCAAATGCTTTTCTCATTTGCTATTTGCCTTTT
AACTGTACAGAAAAGGTGAATCTGTGTTCTGTATATTCTGCCTAAGGCAA
AGAT

>Sequence 2332

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
TGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACTAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAATTCC
TGTTAAAATGGGGGAGTTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGAACATATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCGAGAACTGG

>Sequence 2333

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACCTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTAGTCTTGC

>Sequence 2334

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTAGCTTTT
TATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATGATTTTCTTGCTTTGA
ATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCATAGGCT
GAGAACTGTTTAGCCAAGTTCGGATAAAATTGTATCCAAAGTAAGAGTA
TACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTACAGGACCATGTTCT
CTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCTTCCAGCTTCTGGGTG
GCTGCTGGCATT

>Sequence 2335

CCGGGCAGGTACATTATTCCTCCACATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTT
CTCAGAAATATTTTATTGAGTCCTGCTAAATACATGCTAGTCATTAGGGT
TTAAAAAGAATTAAATAAAGCCTGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACA
TGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAAAGGGGTAG
AGGGCAGGAAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGA
GGCCTGAAAGAGTGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAG
GGCATTGCCCGCAGCTTAATAATGCCAGATACAGGGCACACAGGGGAAAG
GGCTAAAGATGG

>Sequence 2336

CCGTGTTGGCACGGAGGCTGATACAGCCACAGGCTCTCCCCATCCCTCCA
GCCTTATCTAGGATCACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAACT
AACTTGATGATATCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCTTTATGCCAG
AGAAGCTTTTGCTTGACTCTGAAATCTAGAATGACGTAAAGATTTGAATA
AGTTGACTATCTAACTTCATGCAAAGAAGGGACACATATGAGATTCATCA
TCACATGAGACAGCAAATACTAAAAGTGTAATTCGATTATAAGAGTCTAG
ATAAATATATGAAATGCAAGAGCCACACAGGGAATGTT

>Sequence 2337

Table 3

436/1077

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCTAATTGCCTTTCTCCT
TTACCTTCCCTGGAGTTCCACCTTTGTAATTGTTAGAGAAAATCCCTCTG
GGCCTTCAGGATAGTCATCATCAAGGATTTCAACATGCAGACTTTTCCTC
ATCTCCCCTGCTTCAAAGAGGAGCTCCCCTGCTGCAGGAACAAAATCCAA
GCCTGCTTCCGCTGTCCCGCTCATCGTCTTGTGGACGCGGGGACACTTCA
GGTGCCCAAGTGTCCACACTGACTAGTGGTGACGGCGTTGGACAGTGCAGA
TACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGTTCCTTTGGACAGAGCCATG

>Sequence 2338

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTG

>Sequence 2339

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATA

>Sequence 2340

CCGGGCAGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCACT
AGTTCTAAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCTGGGATT
TTGTGTTTTAACAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTTCA
GAATCACTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTTCTCAGCCTTCCCCACTGC
TGGCTTAGGTGTTTGCTTTCTTGGGTCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTAT
CTGTTTCCTTTCCAGTTTCCAAAATTTTGTGCTATCTTTTCCTCTCCA
GTTTT

>Sequence 2341

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGCCAAGTCCAAAATCAAGCTG

>Sequence 2342

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTACATATTTTGTCTTT
TATAGGCTTTCTTGGTCTTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGCTTTG
AATCTGTAAGAATCTAGTTGAATCTCTTTTCATTATACATTCATGCATTA
GGCTTCAAAACCATTTTTTAAAAAACTTGACAACCTATTTATGTGATTCC
AAATGTTATAGATTTACAATTCCTATGTTACTTATTTTCAAAAGAATTAA
GCATTTACTTCTTTTTTTTAAATAACCAATTAATTCCTGTTTATTGATTA
AAAATTTACAGG

>Sequence 2343

CCGGGCAGGTACAAAGGAATTTGAGCCCAAGGGGTCTGCCTCCTGAGGCT
GGCTCTCAGCCAGGAGACCTGTGCTTCTCAAACGGGAGCGATTGCACCCC
CCGGGGACATGTGATTGTGTCAGGAAACATCTTCCATTTGTACAGCTTG
GTCGGGTATGGGGGAATGCTACTGTCATCTCGCGGGCAGAAGCTGGGGAT
GCTGCTAATCACCATAACAACGCACAGGGCAAAGAATTATGCAGCCCAGTT

Table 3

437/1077

CCGAGCCTGAGAAGCCGCATATCACCCAACATGGCCTCTCTGTAATGCCT
TTTAAATAACCAGCTCTTAAGCCCTCAGTGAGCAGAACTGTATGAAGTTG
CCACGGCACGACTGAAGAGTGAT

>Sequence 2344

CGAGGTACGCGGGGGGTCTTGTTAAGTGGAACCTGCTGCTTTAGAGTTTG
TTTGGAAGGTCCGGGTGACTCATCCCAACATTTACATCCTTAATTGTTAA
AGCGCTGCCTCCGAGCGCACGCATCCTGAGAACCCGAGCCTTTGGTTAAG
ACCGAGCTTCTATTAAGCTTGAAAAGAATAAAAACTCCTCCAGATGTTCT
TCCAGTTAATGTTTGAACGTTTTTTCATCCCAAGTGCCACCAAGGGAAAAC
AACCAATGCGCTTCCCCTCCGCGGACAGACTTTTCAAATGAACCCTTGAA
GGCCATTTTACTTGAAAGGGAAGCTTGTGTTTAAAGTTTTTCAATTAAC
CATCCTGGCTATTCGGAGGTAAAAAACTGGAAGGAGGTGGGCTTTTTCTT
ACCCTTTGGTACGAAAAAAACCCAGTTTTGAGGAAAAGGAAAAATAATTAA
TCCGCAATTATTT

>Sequence 2345

CCGGGCAGGTACTTTTAGCGTGTGCTCATGGTTCTTTAAGGGCCACGATG
CCGGCTCTTTAACTTTTTTCACTTTTACCACCCCTCCCTTTATTAATA
AAGTCTTCAATTTTTTCTTCTGATTATAAAAAATATAACTACCGTTTGGG
GAGAATTAACTGTTACTGAAATATTTAAAGAAAAATGTTTCTTAATGAG
TCATATTTTAGCATATTTCTTTCAGTCCTTTTTTTCAGGGACTACTCTT
AAGGGAAGCCATTGAGAAATGGAAGAGGCCATATTTTGTTTAAGAAATAA
AATGTGGNCCGGAACACAAGTGACTTCACGCCCTTGTAATTCCCAAGCAC
TTTTTGGGAAGGCTTGAGGGTGGGCCCCGGA

>Sequence 2346

CCGGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGG
CAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGG
TCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGTTTCACTAAATCGGGCTGATGGCATTCC
AATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTG
CTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGT
ATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTT
TACTATTGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTA
AATTACAAGATGCTGTTGAAAAAATCTG

>Sequence 2347

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GGTGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCCGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGTCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTAC

>Sequence 2348

AGGTACCAATGTGATTGAAGCAAGGGAAATTGCTATGGGATATCTGACCA
ACTGGATATTCTGCTGGAAGAGCAGAATGCACTTCAAAGACTAGCCAATA
AACTCTCATGTAAGATATGTTTTTCTTTTTGTTTCTATTAACTAATGA
ATAGAACCTCAGTGATTTAAGGAAAGGCAGGCCCATGATATGGAAAGAGA
AGGGGATGATGATGATATTCTGGAATGGTCGTGCAAGGCTTCAGGAGGAA
GTGAGAGTGGTGATTGAATCATATAACTCCTGAATAAATATCTGGAATAA
ACATCTCCAGAATAAAACATCTGGAGGATTCTCAGTATACTTAGAATAAA
ATTGAGCCTCCTCATGAAAGCCTACTAGCACCTTCAT

>Sequence 2349

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG

Table 3

438/1077

CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATC

>Sequence 2350

AGGTACATTATTCCTCCACGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGACTGCAGGGG
AGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTACTCAGAAA
TATTTTATTGAGTCCTGCTAAATACATGCTAGGCATTAGGGTTTAAAAAG
AATTAATAAAGCATGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACATGCCCAAG
CAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAAAGGTGTAGAGGGCAGG
AAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAGGCCTGAA
AGAGTGAAAATATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAGGGCATTGC
CAGCAGCTCAGTAATGCCAGAGAAAGGGCACGCAGG

>Sequence 2351

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTTCGGCTC
CCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACATATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTAA
AATGGGGGAGTTTCGGGTACCCATGGAAAATATGGTCACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCGAGAA

>Sequence 2352

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTATTTGTTTGTTTTTTAAGAAAGACTCAA
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTATAGTTATTTTCTCATGATATAAAAAG
ATTCTGTAGTTGTATATACATTTGAACTTTTTGTAAAGACATCTCCTACCC
CCCTAAAATTGGAAGTCATTTATTAAGACTTTGTGTTCTGTAAGAGGATT
GGAAATGAATAATTAAGAACATTAAGAGGAAAGCAGGGGGTGGTGGGAA
AGTGTGGTCTTGAGGGGGTAATAAACCTTCTACAGGCCACACACACACAA
GAAAAAAAAAAGGGCAATAAGTGTACCCCAAGTACAATAAGGTGGGGGAT
AAGGATAGGGGTAAAGTTTATTCTACAAGTTCAAAGCCCAGA

>Sequence 2353

AGGTACATGGTTTGCCAACCCTGTATTATGTTTATAGCATTGTGTTTACA
AAATATACCTGATTCTGAAAAAATGAAAAATGGTTACTATAGGCTAGATA
GTAGGTAGTTAAGTCCTATAACTACTAGTAGGTAGTTATAGGACTTAATT
AACAGATAGATATGATGTGACAATTCAGTTTAAGTGCAACTTTCAGTTTC
TATCTTAACATAAATTGAGAGATTAATTTAGAATTACAAATGTGTGTAT
ATATATATATGAGCATATGTATACATAACATATTTACACACAAGGCACAC
ATACTATGAGCACCTGCAGTTTGTAGGCATTTTTACATGCGAATGTTAT
TGGAACAGATAGGCATCACGGGAAGAAATTTTGCC

>Sequence 2354

CCGGGCAGGTACTTAGTTTTAATTGAGGAAAGCTCCTTAAACACAGGATC
TCAGTGAATTTGTCTTCATCCGTGCCCCATCTGTTCTCACCAGCTTTATA
GAGAATCTATTCACAAGAGAATGATATTAGAGACACAATTATTTTCTTTT
TGAGAGGTGACATGAGAAGAATCGGAGTTGTATTTTCAGAGGTCAGTGCCA
TCATCTATTATCTAAATCTCTCACTTTCAGAAGACTAGAAATCAAAAATT
GGGCTGTCAGGAGCCAAGGAGAATGATAACTACCACTGGGGCAGGCAAAA
AGTTAGGGTTTCCGATCCCCAAGCTTCAGGCTTCTCTTTCAAACAGGAAA
AAAAAAAAAGGGAAAAGTCCCTGT

>Sequence 2355

AGGTCCCACCACCCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTGTGTGGCT
GCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTTGAACAGCATCAGCGTG
GCCCCGCGTTCCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCAACAATG
TTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGGAAGGTAA
TAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCAACAGCAT
CGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTAGAAGAAAGAAT
TGCAGGACTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTTAGAAGATAAATCTG

Table 3

439/1077

GAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGAAGGTTACCT

>Sequence 2356

AGGTACGCGGGGAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAA
GTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAA
TTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAG
CAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCT
AACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTC
AGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATT
CAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGG
AGAAAGGAGCCCTGTATTGTGG

>Sequence 2357

AGGTACACAATTACCTTAACTTCAAATAAAGTGTTCTTTTCTCCATACTC
TTCTATTCCCTTAACAATCCCTGTTCTCAAAGGCCTTTGTGTTTTATTTT
CTGCTTTATAACAAAACAAAAAAACAAACACCCACCGTCCTATGACACAG
GTGTTTTTGAATCCATGTCAATTTTTGTAGTTAGTATATGCTGGTTAAAC
CACATAGCATATCCCCCAAAAAGCCAGAGGCAAGCAAAAACCTTAATTTGA
TGCCCTTCAAGTTTCGGAAGGTCCCATTCTTTTATTAACCAAAAGATA
AGATGAAAGCTCAGCATGGCTATTGGCTGTGATTAGATAACTTTTTGATA
TTTTCATTTTCCCTTACCGAGCTGCTGCTTCTAAGCTGAACTCAT

>Sequence 2358

TTTTACGGACCGCTATTCTACGACTATATGGACCTCTCAGCAGGCTCCAC
CGCGGTAGGCGGCCGAGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTCTCT
GACGCGAACGTCTCTTCCTCGTGGTTTTTATTGTCAGTATTCACACGAAG
TTTAAGTCTCCTAGTGGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAAA
ACACAAGCATACCCCTCTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCCCAGG
TATTGGTTTGGGAGTTTTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAG
AATTTTTTGCCTGTATAATNAGTTTTTTATTCTACATTTTCAAGTATTTG
TTTCCTAGGAACCATTTAAAAAAGCTTTATATCTCTGCTAAATATTATTT
CTTTTTTCTTTGTTTTTATCTTTTTTGTTTAATATTTTATTTTTTCAATA
TGTTATTTATTTCTATAATTTTATTATTATT

>Sequence 2359

AGGTACTTGTAGTGAAAAAATATACATTTTTTACTTTCAAGGTTAAAATAG
ACCATCAGCTCATTATCTCTCTTAGCCAATAGCTATGAAGACTAAAATGG
CTCTTCTTGCTTCTGGCTCACTTGAACATCTTATTTGTACTGAAGACAAA
AAGGATAGCAGTGCTAAAGAAAAGGGTATACCCGGTTCCCAAGATAGGTG
CGGTTGAGGTTCTCGCACAAGGTGACTTAAAACAAAAATAACACAACCTCA
GTTGATCCAATCTACACACAATGGGTGTTGCATAATCAACTTGTTCAGC
CCTCAGAGAAGAAGCTCCCTGGAAAGGAGCTTTTAAGGATTCTGGCCCCT
TGTTTGTTTCAAACAAGAGGGCCTTCAAGGGATGGGAAACTTGGTC

>Sequence 2360

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAA

>Sequence 2361

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAGACACCTGTGATTTGATGTGAGCCAGTCAC
AGAGGAAGCCATTTCCAGAGAGGAACAACCGTGTAGACTGCTTTCCTGGG
AGTCAAGTTAAACCTTCTCTCCTGTGACCTTGTACCCGGCAGTGGAAG
TTACCTTGGCTGCAGCCACGACTTCCGCATACTCTTCAGAACTTGCTCT
GCCCTTGAGTTTTCCAGCTTTCCTTTAATGCACTAAACCTTTAATATTGT
ATTCTCCTAAATGAGACGTCTCGCATTTGAGCAGGGAGAGTCCCGTATTC
TCAGAGTAAAAGTTGTTTCTGGAATTGATCTCGCCAAAAAGGACATTTTT

Table 3

440/1077

GGAGCCAGTGATCCCTATGTGAAACTTTCATTGTA

>Sequence 2362

CGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACAC
TGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGC
AGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTTG
CTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGC
TTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCAT
AGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTAA
GAGTATACAAGGCTATGGGCAAAGTCCAAAATCAAAGCTGTTACAGGGA
CCAATGTTCTCTCTTAAAGGGTTC

>Sequence 2363

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCT
CCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACAC
CCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTA
ATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAA
ATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGGAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTG

>Sequence 2364

CCGGGCAGGTACCGCCTGCAGAGCCATAATCCAAATATATCTTTTTTCTT
TGTAATTACTGTCTCAGGTATTCCTTTATATAATGCACAAATAGCCTAA
CATAACACGCATCTCAATAATTGCCCATTTGTCACATTTCAAAAATACCT
TGTGAAGGTTGTTATAGAGATATTGGCTATCTGGGTTGTTTTGTTTTGAG
AGGACAGTAACATTTGATTATTAATAAAAAAAAAAATCCTAGCACAATGTGGC
TTGGCATTGTTTATTGTTTTCTATACAAGTCATAAACCATTATTATATGT
GCTCATGTTCTTTATATAGAAAATATATAAAAAAAGGATTTTGTTTTA
CTCTTTAAAAAGTTTTTCATGGCTGGGCGTGATTGGCTCACTTCT

>Sequence 2365

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTG
TAAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGATTGGTCAGTCGGCCA
TAAAGCCATTAAAGGGAAAAGTTCC

>Sequence 2366

CCGGGCAGGTACTTTGCAAATGATTATCGAGTAGTTAACCAATTTGCCAG
ACATTATCAGACTGGACAGCCACTGCCAAAAAATATGGTGTCTCGTCTTT
GTGAATCTAAAAAGGTTTGTGCTGCAACTGATATGCAACTATTAGGGTTT
TTTATGCCCACTTTTGGGATCAAAATCTTACCATTGTGGAAGGCATCCCC
TCTGAAGGGAATTTCAATCCACCAGTACAATTCTTCAAAGGATAACCATC
AAGGAGAAAATTTCTTATGGGCCCTTACCAATTATGTTTCCCAAAATTA
CCTTGCCTTGAGCAAGCTTGACGATTTCCAGACCCAACCTCTTCGTAGGGG
GTTATTGGTTGCCTTAAGATAATCTAATTTCTTTAACCCTTCAATGTTCC
AAGTAGGCCGGGTCCGCCCATCCCAATTGGGTTTTTGGGAAAGAAAAGTG
GTTTTTTTCTTACCATGGAATTCCCTTTATCAACCAAGGGGCTTGGCCCT
GGG

>Sequence 2367

AGGTACGCGGGGGAAATAAGGAATGAACGTTATGTAAAGACCATAATGCT
AGTCAGAGAATGTTCCAATGGAAAACCTGATGTTTCCTTCTGCCACCAGGA
CAAACTTTTGTGATCTAAAGGCAAAACAATAACAAAAACAGCAACAGCA
ACAAAAACCAGCCTAACAGTCCCAAGTGGTCTTCACTGTCATGATTATTA
AGCATTTTCTCCAAAGTCTGAACTACAGTTTGTGAGGTTTCATTGAAAA
TGATACTAAAACAAATTTGCTTAAAAGTAAAATGGAGTTATTGGCATCAC

Table 3

441/1077

AAAGATCATAGTCACCTTTCTTAAGAATTGCATAACCTTTAATGACTGTA
AAGGATTTTTAAAGAACGAATCCTTGC

>Sequence 2368

AGGTACGCGGGGAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACCTTTCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGAC
ATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTC
AACTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATTTCTTAGTGGCA
CTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAA
TACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTG
AGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTCGATGCCAAAGG
AAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACA

>Sequence 2369

GTAGCCCGATACACTACTATGGGCGGATTGAGCTACCTCGCCGTGGCGGG
CGGCCGCCCCGGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCGAC
CTTTTGGCAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATAC
CTGGTGGTCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATG
GCAATTCCATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGAT
ACTACTGCTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAA
GGTGTGTATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAAGGCAAGCAAGG
TTGCTGGTACTATGGTTAAACAGGGTAACATTGAATTATTTTTTTGAAAA
TCCAGCTTAGGGTTTCCAGATGTTTGTGAAAAAACTGGCTTTAAATGAA
CACTCAA

>Sequence 2370

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATAATTTT
GGCTTTTAATAAGCTTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCT
TGCTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTC
CATAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAG
TAATAGTATTCAAACATATGGTTCAAGTCCAAAAATCAATCTTGATCACA
GAACCTGTCTCTCTCTAAAAGGCTCTAAGAAAAATAATCCCTCAATT

>Sequence 2371

AGGTACGCGGGGGAAATGACACATGAAAAAAAGGTTACATCAGCCCATAA
AGCACATAGCCACCGTAAGTAATTGCATAATGGAACAGATATAAAAGGAC
TGTATGAGGCAAAAGAAGTCTTCTGGGAATTCTCACACCCCTGAAGACAC
AGTGAGTTACCACCACCAGGAATTGGCCTTTCAGCTCTGTGCCTGTC
TCCAGTCAGGCTGGAATAAGTCTCCTCATATTTGCAAGCTCGGCCCTCCC
CTGGAATCTAAAGCCTCCTCAGCCTTCTGAGTCAGCCTGAAAGGAACAGG
CCGAAGTGTGTATGGGCTCTACTGCCAGTGTGACCTTACCCTTTCCAGT
CACCCCTTCTTTATTTCCAGGCTATGAATTTCTCTGC

>Sequence 2372

CCGGGCAGGTACTTTCTTCTCATACTGACTATAGTCATCCACCTCCATT
CGAGACTCCAAGAGAGAAAGAGGATCACTGCAGCACACCCCATTTTCATG
AAGCCCTCTGTATAAGACCCCTATTTTCTCATCTCGTTTTAGCTGGA
TTTTTAATTTTGTAGAACTACTGCCTGATCCTGAGTTAAATCCATTATTA
AGCTTTGCTACATAGAGATTGTTATCGTTGTCATGGTCTTTGCTTAACTT
GATGCTTATTTTGAAGAGTTTATTTCCATCATTTCTCTTGGTCATTTTGT
TTTGTCTGGATGCTATTATGATCTCTCTCTGAAGTAGTCAATATTGGGAT
TTCCTCCTAATTTATTTTCTAGGAATTTACCTGTTCTATTTATTCT

>Sequence 2373

CCGGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGG
CAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGG
TCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCC
AATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTG
CTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGT
ATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAAGCTTCTGTTTCTTT

Table 3

442/1077

TACTATTGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTA
AATTACAAGATGCTGTTGAAAAATCTGA

>Sequence 2374

AGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCTTTTTGTTTTCCCAATTTTA
ACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACT
CCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTG
AATAAATTACCCCAAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGAT
CTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTCT
AGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCAGGGAGTAAAAAGACCATTTGGGTGG
AACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAACCTTGTGG
ATTTGATGTATATGTCTGGCCTTCTTGTATGTGTT

>Sequence 2375

AGGTACGCGTCACAGTAGATAGTGTCCTATAGCCACTGGAATGTCCTAAA
CCGAATGAATCTGACTCTGGTGACCTTTCAAACAGAAGTCACATGAGCTC
CTTCATTTGGTTGTAGTTCTTCTTAGAAGGTGTGATAACCACGATCTCAG
GGGAAAGAATTAGAAATGGGGTTGTTGGAACCATTTCTTACAAACCAATT
ACAGTAATTTCCACAAGCCCAATTAGCCATGTCTGTTTGCTTACCCTTGG
GGATGTTCAATTTTGATGTTTCATTCCATATTAAATATATCCATTGGTACA
CAAAAGCCCAACCTTTTTTCATTTTTTTTTTAAATTTTATTTTTTGCCTTT
ATTTACCGGGAAAAAAACAACAACCCACATTATTTCAAACCTTATGCC
AAAGGAAGGAACCTGCTTTTCAGGGGTCGGTGTTAAAAATGGAAAAGGGCT
TTTCCAGGGCTAGG

>Sequence 2376

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGGTGAAGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAATCGGTTTGGGTCTTATTTTTCTACCGGCTGATATT
GTGGAATACTGTTTCTGGATTAGGCATTGTACTGGAATAGAGAATTTGTT
CCCTTT

>Sequence 2377

AGGTACGCGGGGCTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCA
AAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTAT
TGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGC

>Sequence 2378

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTTGTCCCT
ACTTTCTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTATTATGGTAAGCTGTCAC
ATACAACCTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGGGTCATAGCTCTGGTCAC
CATGTTTTTGAATGGATTGGGCTTCGATATTTATGTTTTAACTGTAATCT
CTAACAATTCTCTAATGGTTTAAAATTATTTTATTTTTGTATTATTATAA
ATTTTTCTGAGTTTGATCTTTGCAATTATGTTTTTGAACCTG

>Sequence 2379

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAAATCATGATTTTCCATCCAGAGGTTC
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATA

Table 3

443/1077

CCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGT
AGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAG
GAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACC
TTCCCTCAGCTCTTCTAAAAACAGCCAGCATTCT

>Sequence 2380

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACCTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAAACTCA
GAAGGTTTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATGAAT

>Sequence 2381

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCAT

>Sequence 2382

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCGTGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTA
GAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTG
GTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTT

>Sequence 2383

AGGTACTTTCTTCACAAATGGTGGAAACTCCTGAGAAGACATGGCTTCTT
CCATGGATATCAATGACTGCCATCAGGCCAGCCAGGCAGACTCAGTCATC
AATTGGGCCCACCATTAATAATCAGCTTTCCTGGTTGAGGAGAACGCTAAT
TCTTTCTTTGGAAAGGACACAAGCAAGCAGTGGGTGAATACAGGTGTGAA
GGACTTAAAAGCTTTTTACCAAAAGCAGCTTACCTTTTTTTATTGAATTGG
TTCCTCCTATTCATTTTAATTTTATTTTTTTTGGAGGACCAAGAGTTCTTT
AACCTTCTGGTCACCTTCAACTTGCCAACCCTTCTGGCTTTCCCTGGGGT
TTTCAATAACGGAATTTTCTTCCCTGCCCTTCCATGGAGATAGGCTTGGG
GGATTTACCAAGGATTGTTGGCCCCCGGCCGGAATTTTCTTGGGAATTT
TTTTTTAGCTAAGGAGAAATAGGG

>Sequence 2384

CCGGGCAGGTACATACATTCTATGACAGACTCTAAAAGTTCTCTGCTAGA
CATGCATGATTTATAACACTTAACTGATCTATGATCGCGAATATCTGAAA
TGCTGACTGCTACTCTCTGAGAGACTGAATGACAGAAAGATGTGTGTGAA
CCCAAGGCTGCGCATAATAGCTAACTCTATAAAATAGATGGATAATTCTA
AGGGTCTCCTGCAAAAGATGGCCTTCTGAAGGCTAACTGCTGAATGAAAG
TTTCTATTCCAATAAGCCTTAGAATAGATGGACATGCAAACTTTCAAA
GGCAGAGCCTCCCGAGAAGCCATCTGCCTTCGAGCCTGCCATTGAAATGC
AAAAGTCTGTTCCAAATAAAGCCTTGAATTGAAGAATGAA

>Sequence 2385

AGGTACCATGCTGACTTCTTGGTATCTTTTAAGGCCTAATTTTCCCTTCC
TTGAGATTACTGTAGTGTGTTCCAGCTAATTTCTATTTGGAACGAGTTG
GAACAGCTGAAAACCTAGGTATTATTGAAGGCAAAGCAGCCTCACGTCATT
TTTTTATCAGCTCATTGTTGGGAAGNNNTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT

Table 3

444/1077

GGGGTAATTAGAAAGTAGGCTGGGCACGGGGGCTCATGCCTATAATCCCA
GCACTTGGGGAGGCCGAGGATCTCCTCTCTGGTGGATCACTTGAGGGCAG
GAGTTAAGAGACCATCCCGGCCAACATGATGAAACCCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAAAGTTGCTGGGCGTGGTGGCATACTCTTACAATCC

>Sequence 2386

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAAAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTACAGGATTATAGGTAGC
CCTGTATTGTCTAACTTGTGCTATACAAAAATTTTAATGCCCCTTGTAC
CTTTTACCTTTTCCCGTAGGAATTACTCCCCTTGATTATCCTTTGCAAAG
C

>Sequence 2387

CCGGGCAGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGT
CTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCAC
TTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTC
TATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTTCAGCAC
TGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTT
TCTGTCTCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTA
TTCTTATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCTCCACTTATTCGACCTCTCACCT
GGATGGATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCC

>Sequence 2388

AGGTACCGGCCCTCCAAGTAGTGTGCGAATACACGTCCTGTTGTGAAA
GAGGTGAGGAGAAAGGAGTAGGAAGGCTCATAGGACATAACAGGCAAAAA
GAAACAAGAGAGGTAAATAAAAAGAATTAATCTAATGGCTTCACCCGGCT
TAGGCGCAGTTTTAAGGGGCCTGACCCAGGCTTTGGGACCCATGTTTCTA
GTTGGGCTCTGTTGGCCTTTTTGTTGTGGGAGTGATGAATCCAAGCAGGA
ATTCCATTCCCCTCCAGAACCGTTGGCGTTCGTGAGGATGTATGGTGTTT
AGGTTTCTTTACAAGCAGTGCCGTAAGTCCTTTCTTTTTTTGGAACTTT
TTAACAATACACTTAAGTTCTACTATGACTTGAAACAATAT

>Sequence 2389

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCTGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAA

>Sequence 2390

GGCATTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTC
GCAGATGTGTGGCCTCAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTGGAAATACATACGACCATTTGAGGAGACAAATGGCAAGGTGTCAGCA
TACCCTGAACTTGAGTTGAGAGCTACACACAATATTATTGGTTTCCGAGC
ATCACAAACACCCTCTCTGTTTCTTCACTGGGCACAGAATTTTAATACTT
ATTTCACTGGGCTGTTGGCAGGAACAAATGAAGCAATCTACATAAA

>Sequence 2391

AGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCGACCTTTTGGCAAAAG
CTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGGTCAGAG
GAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCCAATTAC
TCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTGCTCATT
TAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGTATGAGA

Table 3

445/1077

GCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTTTACTAT
TGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTAAATTAC
AAGATGCTGTTGAAAAATCTGTCTCTGATGAGCACACTCAAGGTATTCTT
CC

>Sequence 2392

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCCTGAATGTGGTCAA
TGCCAAAGGTAAGATCCTTTTAGAAAGTCATTAAATC

>Sequence 2393

GCCGCCCCGGGCAGGTACTTCCTAGAAGCACTGGAAGAGGACTGGTGATGG
TGGAGGGTGAGAGGGTGCCGTTTCCTGCTCCAGCTCCAGACCTTGTCTGC
AGAAAACATCTGCAGTGCAGCAAATCCATGTCCAGCCAGGCAACCAGCTG
CTGCCTGTGGCGTGTGTGGGCTGGATCCCTTGAAGGCTGAGTTTTTGAGG
GCAGAAAGCTAGCTATGGGTAGCCAGGTGTTACAAAGGTGCTGCTCCTTC
TCCAACCCCTACTTGGTTTCCCTCACCCCAAGCCTCATGTTTCATACCAGC
CAGTGGGTTCAGCAGAACGCATGACACCTTATCACCTCCCTCCTTGGGTG
AGCTCTGAACACCAGCTTTGGCCCCCTCCACAGTAAGGCTGCTACATCAGG
GGC

>Sequence 2394

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAAATAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCT

>Sequence 2395

AGGTACTTGGAGCTTAAATACAAGGCAATTGTGTGCCTGCAAAAACAAAA
AGAGCAATATTATCCTTAAGATTTCAACAAGACACAGTGTCTCATCACAT
AATCCAAAGAAGTCCAGGTTACAAGCCCCAAAATATTCAGCATTATGAAA
AACCAGGGAGATCTTAATTCACATGGCAAAGAGAATCCTTGCATAACAAT
ATTGAGAGGACACATATGTCAAAATCATCTGACACATACATTAAAGCAGT
TATTATAACAATGCTCCTAGAATTACGGGATAGCATTTCATGAAGTGAATG
GAAAGTTGGAAAGTCTCACCAAATATTTGGAATATGTAAACACCAATTTA
AACTTAAGAATTAAAGTATTAACCAAACTATTAGGGGAAAT

>Sequence 2396

AGGTACGCGGGATAGGAACTTGGCTTGAAATGTTAAAAAGGCAGGAAAAA
ACAGCAGAATCTATTTTTTCAATTGTGGGAGAGCCCAGGTTGTCCTGCTTAT
CTGAAATTAAGCCCAAATCCTAAAATTTCTGAATACCTGCTGTCAGCTTC
CTGCAAACGGGCCAGGTTGCCTAAGGAATGTCATGAGAGAGCTGACAGAG
GCAGGGGACAGGACAGGCACCAGCAAACACCACTTCACCATGCAGCTATT
TTCATGTCCTCCCAGCCCACTGAAGTGCTGATAATGGCTTGGATCAATTC
AACAAACACATTTTCGTATACCTCCTTTGCACCAGACAGTGTTACCGAGG
CACGCAGGGTGGCCGCAGGTTTAACTTACACGAATCGCTTTT

>Sequence 2397

AGGTACAAGCTTCATTTGCCACAAAACCTCACAAAAAAGTAATTGATTAAA
GAATATCTCTTTTATGCAAAATATACATTTTAGGATATAATTTAATTGAT
ATTCTACTATATACTGACATTGCTCCTTGATCATTGAATAAAAAAATACT
CTCATTGCCAGAATTATGTTTTTGTAAATATTTATAATTGAGGTAATAATG
ATAAAAGACTTAACTATGAATAATGTTGGTGAGTTCCATTTAAGCTATA

Table 3

446/1077

ACAATTTCCCAGAACTAAACAAATATGTGACTAAACATAGGTCATTTTTG
ATAAATGAATACTAACAATTTACAAACATAATTGACAAGCTGATTACATC
AGTAATTTATAAGAAAATTATACAATCAAGTTCATAGA

>Sequence 2398

AGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGGCAAAG
CTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGGTCAGAG
GAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCCAATTAC
TCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTGCTCATT
TAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGTATGAGA
GCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTTTACTAT
TGGTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTAAATTAC
AAGATGCTTGTGAAAAATCTGTCTCTGGTGAGCACA

>Sequence 2399

AGGTACCGGTGCCATCACACGCTGGTCAGAGTGGCCATTTGTCTTGTCTT
TCTACCGATGATAAAATCAGGAATTGAAGGATATATGCACAACGGTATAC
TCTTCGACCATCAAATTCGGACATCAGTTCCTACCAGCAAGATGGAG
AAACCTGTCCATCCATAGATGAAGGGATGAAGAACTGCAGTATATCTGC
ACAACACAATACTCTTCATCCATAATTAATGTAATTTTCATTTGGAGCCA
TATGGATGAACCATGAAAGAAAAACGCCCCAAAGAAGCTGGGCCACGGAG
AAACCACGCCAAAGCACTGTCCTCAGCAGTTAGCACCATGGACAGGAAGG
TGGTTTCTTCCCCAAGATGCGCCCTCAAGTTATCC

>Sequence 2400

CCGGGCAGGTACCATCATGCCTCACTAATTTTTTTTTTTGTATTTTTAGT
AGAGATGGGGTTTCATCATGTTGGTCAGGCTGGTCGTGAACTCCTTACCT
CGTGATCCGCCCCGCTTGGCCTCCCAAAGTCTGAGATGACAGGTGTGAGC
CACCGTGCTTGGCTGACATATGATTCTTTTGATTATGTTGCAACCATTGA
AAAATATAAAATCACTCTTTTTTAATATATATTTTTCTTTTTTTAGGAAA
TTAAAGGAAATAAGAATGGCTCCTACATAGGCAGAGTAGGCTAAAATCAC
ACTTAGCTGACTGTGAAGTCATATACTGCATATCGTTACTTCATTGATCT
CCTTGTCTCACTTTCCCACTTCCCTCACCCCA

>Sequence 2401

AGGTACCCCTCCAAGCCGGACAACCCGGGCGAGGACGCACCAGCGGAGGA
CATGGCCAGATACTACTCAGCGCTGCGACACTACATCAACCTCATCACCA
GGCAGAGATATGGAAAACGATCTAGCCCAGAGACACTGATTTTCAGACCTC
TTGATGAGAAGAAAAGCACATAAAATGTTTCCCAGAACTTCGGCTTGAA
AAACCCCTGCCAATGGTGGTGAATGGGGAAAATGGAGAACTTGCTTCTTC
TGGGCCTTTTTTTCCTTATTTTTTCAAGCCCCCATAATTTTCAATCGGTGGT
AAAAAACGAAGAAATTCCCACCCCAATTCCTTACCCCAATGGCCATTGCC
AAGCCCAACTGTGGCTTGAAAATTCCTTGGCAAATGGTTTTTTCCCTTTT
TGGCCAATCCATTTGGTAATAATAATGGTGGTGGTTTTAAATTA AAAAG
GTATTCAATGGCCATTTCCAAAAA AAAAA

>Sequence 2402

AGGTACGCGGGGCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATG
CAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCT
TAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAAG
AAGGTCCATATTCCAGGCTTAAGTCTAGAAATTTTTATTTCTCAAANCTT
AGTTTTGGCCTCTTTTTTTCTTCTGTTTCAGAGGGACCATTTCTTAGTAGT
GCACTGGGTGAATATCTTTGGTCACTCCATGAAGGAATTTCAAACCTTGCG
TCTTCACCTGGCAAAATAATATCAAATGAGCTCTACCATTGGAATTTTG
TTAGGAAGGAAGAAATAGGGAGGCCCCCTGTTATTTTATGGAAGCCTTGT
TGCCTATTGGAGGAAAAATATTTTTTTTGGCCCCCCTTGAAATTTGTAGG
GTTTCGATATGGCCCCAAAAGG

>Sequence 2403

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTTAGGGCCT

Table 3

447/1077

GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAAGTCGGCCATAAAGCC
ATTAAAAGGAAAAGTTTCCAGCAGGAGTTGGATGTAATTACAGAATT

>Sequence 2404

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGTGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTTGTAGAGGGAAAAGGAGCC
CTGTTTTTGTGAAGCTGGGGCCTTTGAAGAAAATTGCTTTTGCCCCCTGA
AATGTGGGTCCTATGCCCAAAGGGAAAGAATCCCTTGGGAAGAA

>Sequence 2405

AGGTACATCATATTTGCTTGTGGCTTTATGATAACTTAGAAATAATATT
CTGGATTAACCTGTGTGACTCATGAGAAGATTTGTGCAACTATGTTTCCAA
ATTTACTTGATTTTCAAGACTTACACTAGAACCGTGAGAACAGGGTAATA
AATAAGCATATGTATTAATATCACCTTTGGTCAACTCTTGGGTAGCCCCA
ACGGTAGTGTAGGAATTAACGTAATTTTCTACTAAAAGTATTGGATTT
GTTTTGAGAGACCACAGTTGAAAATCATTGACATACAAAGTTTAAAAAAT
GTTAGGTTAAAAAATTTTAAATGCATTTGAAGTGGTTTTATAGAAAAATA
ATTATCTAACTTGGTTTATATTGACAGGTTGTTTTCTTGGATAAGAA

>Sequence 2406

CCGGGCAGGTACCATTCTCTAAATTTACTACCTAATTCTTTGCCTTTAA
TTGTCCCCATGGGGGTCCTGAGGCTTTACCTCAAGGTTCCGGTGGGCCTG
GTGTTAGGCAGGGCATCCACCTCATGATACTAAAGGTATCATAGTTCATA
CTAGTCTCATTAACTTCTGATTCTCTGATGAGATTAACTTATGTAACT
TATGGTGTCTGCCAAAGTTCCTGTTTCCATTCCGGCCAGTGAGTCAATTG
CTCAATTACTTTTACTACCTAACATTGTTTTAAACAAAGGAGATAAGACA
TGGGGCCCTGGGATGGGCTCCAGCGGTGAAAAAGCCGCTTATTGGATTAA
TGTAATTTCTAAACAATGGCCTACCTGA

>Sequence 2407

AGGTACGCGGGGAGTGATAACATTAGAACTCATTGGAGCACGAACCCTG
TTGTGAACTGCCTATCCGAAGGATCTAGGTTGTGTGCTTCGTATGAGAAT
CTAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCAGATAAGACCA
TCTAGTTGCAGAAAAATAAGCCCAGAGCTTCCACTGATTCTACATTATGG
ATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTACTTTTACACATGCCTAGT
GATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAACCTAACCTACCTG
AGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCTGTGAGCTAGAGTTTGAAAA
TATCTTAAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTA

>Sequence 2408

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCAATTTTATTTATTTATTTTGTCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCAGATCACCTGAGGTCAGAGGTTCAAGATCAGCCTGGTCA
ACATGGTGAAACCCTGTCTCCAATAAAAA

>Sequence 2409

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCCTGGGGAAAAATTCAGGATCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA

Table 3

448/1077

AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAG

>Sequence 2410

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AAGAGTATACAATGCTATGGGCCAAGTCCAAAATCAAAGCTTGTTACAG
GGACCAATGTTCTCTCTAAAAGGTTCTAGGAG

>Sequence 2411

AGGTACAGGTTTTTTTTCCCTCTCCCTCATGTATCATGTTTGAAAATGAA
GAATCTTTACCCAGTCTCTAAACTGGATTCTTTGACACAGTTATGGAAT
AAAATCTTTGATGTTTCTTCTAAACAGTGTTTACATTTGAGGGTTGATG
GACTTAAACACTAATAAAGATAGGCATAAACAGGGCCTTTTGGAATAG
GGGAAGTTGCTGTTGTTGCTGAAAGAAGAAAGGTCATAGGAAGGGTTGGC
TGATGTGGGAAAAGTGACTATTCCATAGTGAAGCTTTGAGTATCTCCCAT
TAATTATGGACCTGTTTTCACTGAATAAAAGAATATGTTGGTTGTTTACA
TGAAACCGATCCAAACGAATGCTGATGGATTTAATG

>Sequence 2412

CCGGGCAGGTACCAAAGAGGGGCATAATAATCAGTCTCACAGTAGGGTTCA
CCATCCTCCAAGTGAAAAACATTGTTCCGAATGGGCTTTCCACAGGCTAC
ACACACAAAACAGGAAACATGCCAAGTTTGTTCACGCATTGATGACTT
ACCACCTTTCCTTCAAAGGAGGAAAATTATCTCCCCTGCAAAGCCCGGTT
CTACACAGATTTACAAATTGTGCTAAGAACCGTCCGTGTTCTCAGAAAG
CCCAGTGTTTTTGCAAATAATGAAAAGGGACCCCATATGTAGCAAAAATC
AGGGCTGGGGGAGAGCCGGGTTTATTCCCTGTCCTCATTGGTCGTCCCTA
TGAATTGTACCTGCCCGGGCGGCCGCTTCTAGAAC

>Sequence 2413

CCGGGCAGGTACTTTATACAGAGTCCTTGTTTGCCTTTAGTCTGATGCCG
TGGGTGAGCCTGAGTTGTCCTGTGGTCCACGTTCTTGACCAGGTGTCTTT
CTCACCCACTGGTTTCAAAAAAGATGTTACTGGGTTATAGAAGGCTGGGA
TGGAACAGGATACCAAGTTCGCATGAAGACAGTATCTGAAAAGAGAGGT
AATTTACTTTAACATTTTCAAAAGAAGATGCATATCCATATTGTGAAGAA
ACGAAGAACAAAACCTTCACTCCAAACTTCTCTACCTGGTTGCAAAGTAT
TTGAAGGGAAAGCTCACTAAGGAAGCTACTCCCATAGATCCCAGAACTGT
TACTGGGTGTGGCCAGGGGACTGCAGA

>Sequence 2414

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTAAGGTAAAGATTTAATTAAATAATTTTGGC
CTCTCATAGTTTTCTCTCTCTTTAAAGAGAATAAATAGAGGGCCAGGTGT
GGTGGCTCACGCCTGTGATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGAGGGGCGGA
TCATGAGGTCAAGAGATCAAGATCATCCTGGCCAACGTGGTGAAACCCTG
TCTCTACTAAAAATACAAAATGAGCTGGGCATGGTGGGGCGTGCCTGTA
GTCCCATGTACCTCGGCCGCCCCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACATTGATGG
GCTGGAGAGCAGGGTGGCAGCCTGTTCTTGCACAGAACCAAGAATTACAG
AAAAAAAGTCCAGGAAGCTGGAGAGGCACAACATCTTCTTGGTAGCTCA

>Sequence 2415

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTATGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAC
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAAATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTTAGGGCAAGTCAAG
GCCTGAGGAAAGACTGCTTGCAGGCCATTTGTAAGAGCCAGGGCGTTGAA

Table 3

449/1077

TCTCATTTTCAACCCTTTTCCCTCAACCTCTTTCT

>Sequence 2416

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGGTCG
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAA

>Sequence 2417

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCACTGCCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTGACAGC
GCATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTTCTTTTCCATTGAGAGTCCTCTGATTGAGATTTAA
TGTTAACATTTTGGGAAGACAGTATTCAGAAAAAAATTTCTTAATAAAA
ATACAACTCAGATCCTTCAAATATGAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTT
TTCAATATTATTTCTTCTTTGTTTTCTTGCTACATAT

>Sequence 2418

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCCA
ATTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCCCCTTTATA
ATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGAC
TTGATCTCCCTAAAATAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATAT
ACCCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAGAGACCAT
TTTGGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGAC
AGCTGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTTTC
TTAGGG

>Sequence 2419

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTCGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTTTGAAGGAGGCCGATTTCTGAAAGCTTCGGTTGGGCAGCCCGGTAT
TTGAATTAACCTTACCAAGCGGTTTGGGTTCTTAATTTTCTAACCCGGG
CTGGATAATTGTGGGGAATACTGGGATTCTTGAAATTTGGGCATTTGCCC
GGGGTATAGAAAATT

>Sequence 2420

AGGTACTTTTTTTTACTTTGGCAACAAATATTTATACATAACAAGATGCTA
GTTCAATTTGAATATTTCTCCCAACTTATCCAAGGATCTCCAGCTCTAACA
AAATGGTTTATTTTATTTAAATGTCAATAGTCGTTTTTTAAAATCCAAA
TCAAGAGGTGCAGGCCACCAGTTAAATGCCGTCTATCAGGTTTTGTGCCT
TAAGAGACTACAGAGTCAAAGCTCATTTTTAAAGGAGTAGGACAAAGTTG
TCACAGGTTTTTTGTTGTTGTTTTTATTGCCCCCAAATTACATGTNTAAT
TTCCATTTATATCAGGGAATTCTATTTACTTTGAAGACCTGTGAAGTTGC
CATTTTGGTCTCATTGTTTTTCTTTTGACATTAACCTTAGGGATCCCATT
ATTT

>Sequence 2421

CCGGGCAGGTACTTTCTCTTTTTTTTTTTTTTAAATAAATGAAAAATTATA
AATAAAATTATAATTTAACTTACAATATTGAAACAAATACAGACTTTCAG
GAGGTTGTTAAATTAATAGTCTTGCAATGCCCTTCACCCAGTGATGACATT
TTTTTTTTTGAGACGGGGGTCTTGCTCTTGTCACCCAGGCTTGGAGTGCA
GTTGGCTTCGATACTCAAGCTCACTTGCAATGCTCTCGCCTTCCCAGGTT
TCATTTGCCGTTCTCCCTTGAACCTAATCCCTCCCATAGCTTGACTTGG

Table 3

450/1077

TTATCTTAACAGGGTTGCCTCGTTTTACCACTTCACCTCATCCTAAATTC
TCTTTTGTAAATTTATTTAGATTTAAATAACATCTCCAATTTATTATAAT
TTGGCCTTTTTTTCCCATCTAGGGTTTATTTGTTTATATAATTCTCTTG
TGCCAAGAAGTTCTTCCCTCCCC

>Sequence 2422

AGGTACATTGGATGTGAACCTCTTTTAAACTATAACATGGACACTTTATTG
GAACCAAACCTTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTAACTTTGCT
TCATTGAAAAAATAATTGCTTGTTCTCTGTCAGATGCACTTCGTCTTAGT
AACATGGCCATGGGGAAGACAACCACAGGCCAGATAGTCAATCTGCTGTC
CAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTTCTTACACTTCCTGT
GGGCAGGACCACTGCAGGCGATCGCAGAGACTGCCCTACTCTGGATGGAG
AAAGGAATATTCGCGCCTTGTTGGGATGGGATGTTCTAATTACTTTTACT
GGCCCTTGATAGTCTGTTTTGGGGAAAGCTTGTTTTCTATATATTATGT
GCTCATAACCTGATTC

>Sequence 2423

AGGTACTCTGCACGGGGTGGGAGAAAGACAACANAGGGCAGGTGAAGTGG
GCAGGCATGTGCTTTGGCGACCCCAAAAAGCTGGCAAGGCTGCGGAGGTT
CAAACCTTACCTTGAACACCAGGGGGGACAAAGATGACAGTAATCATGATC
ACTACAGCTAAGGAGAATCCCATAGGGAGACTTCTTTGGGACAGGGTTTC
TGCATTTTGCCCCCTGAGGAAAGGGGTATTGGGAAGAGCAACACAGCAGG
CTCAGCTTGCAAGGGGAATGTGTGTGCTGCAGCACCCCAAGAACTCTTCAG
GGACCAGGGAAATGGGAGCCCCACGCTTTCTTTTACTTTTCATCTCCCAG
ATAGTATAGGACCAGTCATGATTCCATAGNTAATTTATAAGGAAA

>Sequence 2424

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCGTCTT
GGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCT
CTATTTATTCTCTTTAAAGAGAGAGAAAACCTATGAGAGGCCAAAATTATT
TAATTAAATCTTTACCTTAGCGCAAGGGAAAAATGGAATTTGCCTAATAT
AGGTGATGAAGCATAACACAATGAACAGAAACAATCACATTTTAGTAAAAG
GCAAAAATTTGAGACTTATTAAGCTTTATGGTAAGCTTATTTTTGGGTGG
GGGAAGAAATGAGAAAAGAATTTTACATCTCTT

>Sequence 2425

CCGGGCAGGTACCATGACCCGTTGCAGCCATCAGCAGTCTCCCTATCAGC
TTCTGTTTGGGGAACCCTACATCTTTGAAGAACTTCTGAGCTTGAAGATC
CGCATCTCTCCAGATGCCTTTTTCCAGATTAACACAGCTGGTGCAGAGAT
GCTGTATCGGACTGTGGGGGAGCTGACTGGAGTGAACCTCTGACACCATCC
TTCTTGACATCTGCTGTGGAACCTGGTGTGATTGGCCTCTCTCTGGCTCAG
CATACATCTCGGGTCCTTGGGATTGAATTGTTGGAGCAGGCAGTGGAGGA
TGCAAGATGGACTGCAGCCTTCAATGGCATCACCAACTCTGAATTTCATA
CTGGTCAAGCAGAGAAGATTTA

>Sequence 2426

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATACAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAN

>Sequence 2427

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA

Table 3

451/1077

CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGGAAAGGGAGC
CCTGTATTGTGAGGCTGTGCTATGAGAAAATTTCTTTGCCCCCTGAATGG
TGGGTCGATGGCCTAAGGGAAGAATCCTTGGAAGAA

>Sequence 2428

AGGTACAAAAATATCACGCTACTAACCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GTGGAAAAATTTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGGATGACAATTGCCCGAAAAGTTATTGTAAG
AATTAATGGGCCTATGCAAAATAGCAAATTCCATGAATGGTCAGGTCGGC
GCATAAAAGCCATTTAAAAGGGAAAAAGTTTCCACGCAGGAAG

>Sequence 2429

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTC
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGG
AAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCT
TTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTT

>Sequence 2430

AGGTACCACCCTCTTGCTGAAAGCACTGGTTCCCCTGTTGANAGCTTGCT
AGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACATTTAA
GTATTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGCGAAGT
AATAAATTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAACACGTGGT
AAGGTGTTTCATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAGCAGAAAA
TAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAAAGAAATG
AAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTACTTATAA
TAATAGAGAAATGGTTAGAAAAGAAGGGAAAAGCAAGAAAAATGT

>Sequence 2431

CCGGGCAGGTACACATAACAGAAAAATTTAAAAGGTTAGGGATCATTTAG
GAAAAAATGCAAATGCCAACAAATGTGAGAAAATGCTCAATCTTACTTAT
AATTTAAGAACTACAATTCAGCCAGGCGCGGTGGCTCATGCCTGTAATTC
CCAGCTACTTTGGGAGGCTGAGGCACGAGAATTGCTTGAACCCAAGAGGG
AGAGGGTTGCAGTGAGCCAAGAATCATGNCCACTTGGGCACTCCAGCCTG
GGGCGACAGTAGCAAAGAACTTGGTCTTCTAAAAACAAAACAAAACCAAA
AATACAACCAATAAAAAATTTACCCAATTTAAAAAATGAGAAGGAGTTTT
TTTCATTTGGGCAANAAGTTTAAAAAAAGGAAAAGGGTGGAAAAGAAAAA
ANACCCTTAACCTCTTTCTTCCGATTG

>Sequence 2432

AGGTACATCCTGACTCTCAATTCTTGTTTTCTTTGAAGATCCTTCGAAC
CCAACGTCTCAACTCACCTGGACTGGTTTACCCCAAGGGTTCAGGGATAG
CCCCATCTATTGCGCCAGGCATTAGCCCAAGACTTGAGCCAGTTCTCAT
ACCTGGACCCTCTTGTCCTTTGGTACGCGGGGCCTCTCCTCTGGCCGCCG
CGCGGGAGAGAGGCCGAGATGGCAGATGAGATTGCCAAGGGCTCAGGTCTG
CTTCGGCCCTGGTGGTCGACACCGATCTTTTGGGGAAGAATCATCCCGCT
AAGGGAAATAACCAGCCCCCAAAATCATTTTTTTGAGGGAATGAACCCGG
TGGCCCTTGCTTTTTTCCCATGGACAATTTCCCCCTTTAAGCCACCCAA

>Sequence 2433

CCGGGCAGGTACTGGAACGTTTGTGAGTGAGTTTCATTTCCAAAGTTTAC
CCTACATAGGGAATTGTAGAAGTGAGTTAGTAGAAGTGAGTTCGTGTGAA
ACCCTGGAAAGAAAACAAAAGCCCCATGCAACGCGTTCCGGGCTGTTGTG
TAGATGCTTATTCTAGTCACTAGGGGAAGCACATAAAAACACCTGAGGTG
TGTGTGCTGAAGGGCGAATTTTGTCTTTTGGGGAGTTTCATGATATAAAC
ATCTAGAACCAAAAAGGTCAAATCATAAGGGTCAGTTTTAGGTCTTTTAG

Table 3

452/1077

TTTTTCTTTGAGGGAAAGATTTTAAAAGGCAATTAGACCTATATTTAGTT
TTACCCCGGTTTGTAACCTAAAAAAATTTTGGCCTTTTAAATTTCTTT

>Sequence 2434

AGGTACAATGAAAGTTTCACATACGGATCACTGGCTCCAAAGATGTCCTT
TTTGGCGAGATCAATTCCAGAAACAACCTTTTACTCTGAGAATACGGGACT
CTCCCGAGTGTTACTTGCTCAAATGCGAGACGTCTCATTTAGGAGAATTC
AATATTAAAGGTTTAGTGCATTAAAGGAAAGCTGGAAAACTCAAGGGCAG
AGCAAGTTCTGAAGAGTATGCGGAAGTCGTGGCTGCAGCCAAGGGTAACT
TTCCACTGCCGGGTGACAAGGTCACAGGTAGAGAAGTTTTAACTTTGACC
TCCCAGGGAAAGGCAGTCTACACGGGTGTTCCTCTTCTTGGAATGGG
CTTCCTTCTGGTGACTCCCCCGCGGTACCTG

>Sequence 2435

CCGGGCAGGTACGCGGGGATGTCTCTTGTCTAGCTGTCTTTCAGAAGACCT
GGTGGGGCAAGTCCGTGGGCATCATGTTGACCGAGCTGGAGAAAGCCTTG
AACTCTATCATCGACGTCTACCACAAGTACACCTTTCACAGCAGTCTTAA
AGTTGCAGCAGAAGAATTTAAAGTTCCTGCTGCAACAAGTGCAATTATTA
CCAATGATGGAATAGGAATAAATCCTGCACAGACTGCTGGAAATGTTTTT
CTAAACATGGTTCAGAACTGCGGATTATTCCTAGAGATCGTGTTGGAAG
GTTGTTAATATCTGCTACTTGNGAACATACGATTGCCTTTCAGGGATAAA
TATTGGTATTTTTTTGTTTGTTG

>Sequence 2436

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
AATAGTGATACCTCTGTGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTTCAGGACAAATTTCAAGAA
AACTAGAAAACCATTTCTTTACAGCTGAAATCTTTCCCTAACCATTGTTAT
TTCCACTTTTAAGTCCTTAAGAGATGAGAAAAGG

>Sequence 2437

AGGTACTATTGCATTCATGAATGATTACGCACTTAGTTTATAGGCTCTTA
GCCTGAATAGATGTTTCAGTAAACAAGGAACCTTTTGAAAAATTACATCATA
TTATCAGTTACATTTAATAATTAATTTCTGACATTAATTTGATTCTCTCA
AAGTGTTGATGATCCTCTCTTATTGAGTATGTAGTTGATGCCCATCATTT
TCAATATCAGTTCATTGTAAAAGTTAAAATAGCATGAGTCTTTAGTGCTA
TCTTTACCAGTTGTGAAATTAGTAGTATTTAATAACACTAAAAATTCTCC
ATCTTCATTGTCTTCAGTGATTTTTAGATTTTTGGTTATTGACTGATAAT
TCAATGAGATCTTTTGTTAAAAACTAAATTGTTACTTTCTGTTG

>Sequence 2438

AGGTACAAGGATAAGAATTATTGAAATATGTTACTAGTTAGCTTTTTCTCT
TTGTATTTCAATTCTTTTTGAAATCTTGGAAGTTTGGCTTAGTCTTTGAT
TACACCAAGGATACAGGGCTTTGAAGACCTGGAGAACTAGTGAGTATTC
ATTTCAAAAGCAAGTCTTAAGACTGGTTCAGAACCACAAGCATGTTTTTT
TGGGAAAAGTGGGAGGATTATTGAACCCAATTGAATCACCTTTTTAACTG
AAGCAAACCTGAAATGAATATAGCAAACCCATCAGTTATATCACTATATTC
TTTTTAACTAATCTACCATTTCTTTGCTCACCTATCAGTTCATCCATGT
TGTATGTATGAGACAGTATGACGTGGTGATTAAAAGTTTGGA

>Sequence 2439

AGGTACATTATTCCTCCACGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGACTGCAGGGG
AGAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTACTCAGAAA
TATTTTATTGAGTCCTGCTAAATACATGCTAGGCATTAGGGTTTAAAAAG
AATTAATAAAGCATGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACATGCCCAAG
CAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAAAGGTGTAGAGGGCAGG
AAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGACTCCTGAA
AGAGTGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAGGGCACTGC
CAGCAGTTC

Table 3

453/1077

>Sequence 2440

CCGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGTGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTGGTTACCAGGAGCTCTGCCACTGCATGTCCACTAGTGACGGGTTC
GCTCCACCACCCAGCTGGGTAGCCGCTGCTCTCACATAAGGGGTCCAAT
TAAAATTGCCAGGAATAAATCCCCCGGACTTTGACTTCTCAAGAGCTAA
GAAGGTTTGCTGAGTATTCTGGCATGATGTTTGGTGATCAAACAACTGCT
GGCCAAAAATGATGAGTATTTCCCCCTCTTGCTGAAGATGTGCTCCATAC
AATTATCCATCACGTTCAATTATTCATCAGTCG

>Sequence 2441

CCGGGCAGGTACGCGGGGTGACACACACACACACACAGCACCTGCACG
CAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGG
CTTTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGAC
TCATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCA
AAGAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAA
GCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGC
CTTCAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGC
TTCTGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGAT

>Sequence 2442

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCA

>Sequence 2443

AGGTACTGGGCAAAGCTTTGCAGTATAGATCGCCCTGAAGAAGGAGGTCT
GCCACCTTATGTGTTTGCCCTGATGGCCATTTTCTTTCTTCAGCAGAGGA
AAGAACCCCTTTTGCCTGTATATCTAGGATCATGGATTGAAGGATTCTCA
TTAAGCAAACCTAGGGAATTTCAACCTTCAAGACATTGAAAAAGATGTTGT
GATCTGGGAACATACTGACAGTGCTGCAGGGGACACAGGCATAACAAAAG
AAGAGGCACCAAGAGAAACGCCGATTAAAAGGGGACAGGTGGTATCATCC
CTACTCTGCAGATAATGATAGCGCCCATTTTTTGAACACTGTGTGCCAGG
CACTGTGCTAAGCACTTTACAGACACTATCTCACTCAGTCCTCCCAACAA
CCC

>Sequence 2444

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTTGTGCCATTGCT
TTATCTCTATTTGGAATGACACTCTTTCGTCTTGGTCTCTCACCAATCC
CTACTTCATAGTCATCATTAAAACCCAAATTTTCCTTTTACGCCCAATTC
AAATGCCAGTTCTACCCTGAAAGCTTCTGGGTCTGCCAAATAAGCACTA
ACTACTTGTCTCTCTCTGTTTCTGTAATGGCCATCACATGAGAACGACAA
GTGATTTTACAGCTGACAATATATCCTATCAGCCCTTCCGAATTCTTT
CTCCATCCAGCTCTGTGCCCTGGATGTCTCGCATGGCCTAACTTGATGGA
TGTCCTTGCTTCTAGCTTCTCACTGGGTTCAC

>Sequence 2445

AGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCTTTTTGTGTTTCCCCAATTTTA
ACATAAGGCAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACT
CCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTG
AATAAATTACCCAGTTTGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGAT
CTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTCT
AGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATTGTTGGTGG
AACATAAATTCTACTTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAAGCTGT
TGGGATTGATTGTAATTGGGCTGACCTCCCTGAAGTTGGTGGTAT

>Sequence 2446

Table 3

454/1077

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAAGTGTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTAGTCTTG

>Sequence 2447

AGGTACGCGGGGAGTGATAACATTAGAACTCATTGGAGCACGAACCCTG
TTGTGAACTGCCTATCCGAAGGATCTAGGTTGTGTGCTTCGTATGAGAAT
CTAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCAGATAAGACCA
TCTAGTTGCAGAAAAATAAGCCCAGAGCTTCCACTGATTCTACATTATGG
ATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTACTTTTACACATGCCTAGT
GATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAACCTAACCTACCTG
AGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAGAGTTTGAAAA
TATCTTAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAG

>Sequence 2448

AGGTACTTGGCCTGGCTGTGCGAAATAATTCATTCCATTTCTTTGGTGATT
GTCAGGAAGCTCTTAATATTTTCTGTAAGTTTTTTTCTTGGTTTCACCAA
CAGGCTTCATCGATCCACCTCTGTTTAATATAAATGATGCAATAGGGATG
TTGCTGAGCAAGTAATTATAGTGAGTTATTTTGTCATATATGGGCTTTT
GGGAGTAACAATAATATTCAGATGTTCTCCCACTAGCAAAGCCTTATGGT
TATCAGTCCAATCAATATAAAGGTAACCTTTGGCTGAGAGATGAGTATGCT
ATTGCTCGGTAACCTTCCCTGGCCTGATTTTCTTCTGGAAGATCTGGAGC
ATCAGTTTTGACATTAACTCCAGCACCGTCA

>Sequence 2449

CCGGGCAGGTACCCATCTACTTGGTTACAGTGACTACACCGTAAGTGGAC
ACTTCAATCAAGAAAGGCCTATCAGAGTCTTCCTCTAGACTAACCTATGG
TCTGAGGGGAAAAAAATTCTTTCTTTCCATTAAAAGCTATGGCTGCTGG
CAGCCATTTTGCTTGTCCCTTAAGAAGAGGCCATCTGTTGAACAGAGACC
ACTGGATTCAAAGATGGAGAGACATTATCTGAGCTCCCAGATCCAGCTCA
GCCTAAGCCCTAACCAGACTTGCCAATTATTACACACATTAACCTTGGTTT
TTTTTGCTTAAGGTTACTGAAATCATATTTCCAACACCTGCATCCAAGAG
TCCTATATACCACAAGGGGGGGGTAAACA

>Sequence 2450

CCGGGCAGGTACTTCAGATACTCACACAACCATCGTGTTTTTCACTTCTG
GTGAATAAAGCAGCCCTTATCGATACAGTTTCTACTGAATGTGTATCGTG
TTCACACCATCATCAAGTCGAAAAATCATCAAGTTGAACCGTTTTAAGCC
GGGGACCATCTGTGTTCAACTTTCTGATGACTTTCACAAGCTCTGCATTT
TATCTCCCAGCTCTGTTGTAAGGTATTGTCAGTGCCTTGCAGAAAAGAAT
CAAATTCCTTCCAAGTGACATAGACAGCAAGTTTTGGAGAGCTAAGGACA
AACAGGGCCCGCAGCTTAGCTCAGTTGGCTTTTGCTTTCTCCACACCAG
CATTTCCCTTGCGCAGCCCCAAGTTTCTTAAATACCTTCTGAT

>Sequence 2451

AGGTACATTTACACATGAATGGGTGCTTGGCAAGGTTAAGAACTTGCAC
AAGGTCACACAGCCAATAAATGGGGGATCCAGAATTCCAGCCCAGGTCTG
TTGGGCTCTAAAGCCTTTGCACAGTCTTAGCTGTTATGTTGTATTATATT
GCCTCCTAGGTTATGTATGTAGAATTTTTGGTCACATTTAAATATTCCCC
TTCGATTCATAGTGTTAAGAAATATACTTAAGCAGCTACGTATTTACTAG
GGATGAAAATGTTTCCAATTCATAAGCCAGAACACTTTTTTCTTCAGATA
TTTAACACAAAGAAGGGATGAAGACCATTTTTTATTCCCATCTCCCATGG
TTTCATATTTTTTTTAAACATTTCTTGAATGCTTCAT

>Sequence 2452

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA

Table 3

455/1077

TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACCCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACA
AA

>Sequence 2453

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGTATA
TGCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTTGTCCCTA
CTTTCTCTCTCTTTTTCTTTCTTTTTTGTATTATGGGAAGCTTATCAAC
ATAAAATTTGTTTTTTATTTAAAAAGGAAGAATATTAATTTTTGTGATTA
AACTTTGAATTTCTTTAAGTTACATATTTTAATTTTATTTGATAATAAGT
GGTTATTTTGAAATAATACGAAGAGTAATTGAGATTTTAGGAAGATATG
GAGTATGTGTTGTTATGATTATGG

>Sequence 2454

CCGGGCAGGTACTTTAAAAGTTATAATGCTGATGAACAAAAAGGTATGTA
AAAACCTCAGGATTTAATTAATTAGATATATTTTCCACCATTAGAACATTT
CTGCTCAGAGGTCTTATTACAAAGCTACATTTCTGATAGTCTACTACGGT
GCAGCTTCTGCCAAAGCCACTCAATACTAACCTCTTACATAGCAACTCTA
CTTACATGACTAAAATGTATATCATACTTTACATAGCCAAAAAGATAAAG
AACCACCTGATTTCTATTTCCAAGCTACTCAACCCTAGTAAATGGCCTTA
TCATTTACCCTACCCAGGCACTGATGTAAAAAATCTGGGAGTTAATCATA
ATTTTCTCTTCTCTTATATCCCATATCATTTGTAAATTTTCAACTTT

>Sequence 2455

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCC

>Sequence 2456

AGGTACGCGGGGTAACCACCTGGGAAAACCTTCACAGAAAATGAGAGTTTC
AGATGCTGAGAATAGAACCACTAAGAAGCAGAAAAGAGAAGATATTCTCG
TGGGGGAGAACACGGGCTGGGAGGGGAGGAAGCATGGCCAAGGCAAAGAG
GTGGGCATTAATAAGAACTGCTTCTTGCTGCCGCCATATGAAGAAGGACG
TGTTGCTTCCCCTTCCTCCATGATTGTAAGTTTCCTGAGACCTTGCCAG
CCATGCTGAACCTGAATACAACATGTTTAAGACCACAGAACATCTGCATAG
GCTGTAAATTTGTTGAATGATGGATGCAAAGATGGAAGACAGATGGATA
GAGGAAAAGACAGAATCAGATACTGGAT

>Sequence 2457

AGGTACCTACAGTCAGTGCTACCAGTAGATTTACTTATCACATGGTAAGT
GGAATGTCACAGATAAATAATTTACAGGACCCTTCTTATCAAAGATCATT
ACAATGTAGGCCTAAGGGGAAGGCTTGCCCCAAGGAAATTCCCAAAGAAT
CAAAAAGCCCAGAAAGTCTTAGTCTGCGGAGAATGTGTGGCTGATACTGCA
GTGTAGTACCTGCCCCGGGCGGCGGAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAG
TCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGA
AGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTC
CATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCT
TTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCA
CCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTG
GATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAA

Table 3

456/1077

TTCTTTGCCCCTGAATGTGGTCCATTGCCAAAGAAGATCCTTGGAGAAGT
CATCAATGCCTTGAAACAAACATGGCATGGTTCCTGGTTTGGGTGGGAAC
CCTGGGAAAGCCCATTCGGAACAATGGTTTTCACTTGTGAGGATGGTGAA
CCCTAATGTGAGACAGATATTATGCCCTCTTTGGTACCTGCCCCGGCCGGC
AAGGTCAAGCGTGTCTGTATAACCAACCCCCCTGGGGACTTAATTCCAT
TTAT

>Sequence 2458

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGAAGAATCCCTGGAGAAGTCATCAATGCCTTTGAAACAACT
C

>Sequence 2459

AGGTACGCGGGTAATCTCTTGGGTTATGATTACTGCAAAATACCCATATA
TTCATAATATTGTCTCTGTTATAAACTTGTAATTTCTATTGGCAGAACAT
ATACTCAAATTATTTTTCTAAGTATGGGTGATATATTTGTTTTAATTCAT
TTTACTTTTGTCCCTAAGATCCAACAATCTATAATGTGAAGAGAGTTAAC
TGGGTTTAAAAGTATAATCTGTTCAACAGGGTGGAGTCTTAGTCCACAGA
AAAGTAAATTATATAAACTCAATTCCTTCATTTTTAAGTTGGGTATAACA
CCAATACTCGACACCTCATAGCATTAAATATGAGGACACAACGACGTAAT
AAAGACATTAGTGTTACTGAAGATTGGCAGCCAATGCTGATGTAGTAGC

>Sequence 2460

TCGAGGTACGTTCAATCCGGGGAATGATGACATGTTCAATGGCATTTACA
CGCCTGTTGGTTATCTTAATAGCTTCATCCAAAGTAACAAAAGAAGTCTG
CAGAGAAGCTAGTTCCACCAGTAGTTCCACTGCTTTGGCATAATTCCTCT
TTAAATCAAGCCTAACTGGTTCCCCCACCTTATGGCTAAAACCTAGTCCA
GTTTCATTAACTGTACAGTTTCCTTTCAATGGTAAATTGTTTCAAAAATA
ACTTGTGCAAAAAGTAAACTACCCTGCCTTACCAATTAATCCTTGGCTTT
CACCTTCGAAATTCTTTCACCTATGCCGCCTTTTAATATGACCAATTTTT
TGGAATTAAACCTTGTAAGTTGCCTGGAAAAGTTCACCCTTGTCTTGTAG
AAAACCTTGGGTCTTTTCAAGCCTTAGCTGGAAAAAAGGGCCGGGCTTTT
TCTATCTTCCAATTACACTTTTTTCCCTCCCAATTTCAAAACCAATTTTT
TTAAGGTCCTTCCTTATG

>Sequence 2461

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGNTCTATTTTCTACCGGCTGATATTGT
GGATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGT

>Sequence 2462

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACCGATTTGAAA
ATGAAAGTCAACAAAGTTGAGCATTTACCCAATGAAGAGGAAAAACACGA
CGAGTAAAAATTCTTTGATGGGCTTTCACAATGACATTGCCAACAAAAAC
AAAATTGGTAATACCTTGTGATGAACATTGAGGGCAGCCCAAAGCCTGTG
GGAGTGAGAATAATCCAACGGGGGGCCAAGAAGGGGTTCAGTGATTTTCT
TGGGCCCTTGTCTTGCATTAAAACCTGTTGGCGTTTTTCATTAAACACA
AAAATCCATTTTTCAATTATTTTCTTAAACCCCTCAAAAAACAAAAAG

Table 3

457/1077

CCTTGTTTGTAAATTAATTCTTGGAATCTTCTTAACCGGGTTC

>Sequence 2463

AGGTACAGGATAGTTGGGAAATGTTTCTCAACCCTCAGAGAATGCTCACT
AGGCACATGCATAACATGTAGATGCCCAAAGCATTTCAGAAGTAGAATTA
CAAAAAACCCCCAAAACACTTGTCATGAAGGTTTGTGAACCTAATCTCGC
CTGTATAGACTGGGCTAATTCTGATAGTAAGAGGAGTTCTCCCTTCTCTT
AAGTAAACAAAACTATTGGCTTTCATCCAATCGGTTATTCTAAGACCAC
TGCAACTTTTTTCTCTCACAAAAAGGAGTTGCCCTAAAGAAGTTTCATTT
GCTTTGATCTTTTTTTTCTCCCTCCTCTAAAGGAAAAAAGGTATGTGTG
TGTTGAAATCTAAAATATGGCAAAGTTTCCATTTAAAAATACTTTTTAAA
TAACCAGATTTGCTCTTCGCACAATGAGGTCTTTGGTCCCTGGGAGATAT
TTTATATCATATTCCCGAATTTGTTCCCTGGAGTCATCTTTAACGGGGCTA
GGGAACCTTATTGNGTGCTGTAAGAACTGTTGGTATGACCCACCATGCTCT
CTCTGGCTCTCTCTGGAACCTCTACAACCTTTGACTTTGAGATAGATCTAA
AGAAGTGAGCTATCAAATTGTGGAAATATCAGGTAAGAAGTTAAGATGGG
TTGGTCATGGGGGCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTAGGAGGCCCAAG
CAGGCAGGTCACCTTGAGACCAGGAGTTCAAGACCAGGAGTTTGAGACCAC
CCTGGCCAACATGGTGAACCACATCTCTACTAAATTCAAAAATTACAGGT
TGGGTGCAT

>Sequence 2464

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGNGGTTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACAACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAATGTCTTACTTCC
CTTACAGACAAACCATTCTCAAGCCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAG
AGCAACTGCTGTCACCTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACAC
AACTCTTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTC
AGAAGGTTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATGAATTAGG
AGGAATTTAAAAACAATCCTTAACCACATGAAATGGTCCAAGTAAGAAG
ATACCATATTTTTCCAAATATTTAAAGTGAAATGCTCCAAATATGGGAAG
CTTACAGTTTTCAACCAAAGCTTTTTAGAAAAATATTTGGACACTTTTAA
AAGAGAGCTAAACATTTCTTTGCCTTAGGCCGAAATTCCCGAACACAGAT
TCACCTTTTCTGTACCTTT

>Sequence 2465

CCGGGCAGGTACCGGAGTTGGAGCCACCTGGGTCTGACTCTTACCTCAGT
CATGGCCCAGCTCTTGAAGTCACAGTCTCCTCAGTGCAAACAGGGATGAA
TCCCTGAGCCTCACAGATCTTTGTGAGATGATTTTCAGCCCTATATGAAC
AGGCCTAACATGTTTCTAACTCTGTAAGTGCTTACTATACTGCTATACTT
CTGCTATGACTAGACAAGACCATTGCAGAACACAGGAACCGATCATTCTA
TAGAAACCAAGCATCTAGTGTGCTATGCTGTGTCTGGGCCACCTCAGGAA
AGCTCTAAGCATAGGCAGCATGAGGCATTCCAGAGATGACATGTGAGCAG
CAGTGAAGGAGAGAGGCTTCCGTGTGAAGGTGGCCTGAGCCAACCTAGAT
TCTTCAGTCTGAAAAGACACATAGAGAATGTGACAGAATCTGGAAAATAA
TAAAGAAAATGGTGGAGGTAAACATCACTGTCCCATTGAAATNTGAATA
TAGTAATTTCCAGGCACACAATACGCAATGAGTAGTAAAAAGAACATGTT
ATATCCCATAAGCTGTGATAGAGGCTAAACATAGAAATTAATCAAAGGTT
TATTAAATAATTCTTGATTGACCGGGCACAGTGGCTTAGGCTTGTATTCC
CAACACTTGTGAAGGCCAGGCAGGTGGATCACTTGCAATCAGGAATTCCG
GACCAGCCTGGCCAACATGTGAAAACCCCTCTTTCTTAAAATTCAAAAAT
TGCCAGCCATGGGGGCTATGCCTGTTATCCAACCTTCTGGATAGGCTAAGG
CAAAAATTCTT

>Sequence 2466

AGGTACCTGTCTCATATGTGGCAACTACGTGGGGCAGCACACTCAAGGAA
TGAAGGAAGTTTCAGTGAATGACAACCTTTATAAAGACAGTGTTGAGGCAG
CCCAGTGCAGCGGTTTGGGAGCCAGGAACAGCGTGTGGCCGGAGTGTGGC
TGCAGGACAGGAGGTCAAAAATAAGGGTTGAGGGTGGAAATAGGAAGACCC

AGGTACGCGGGGAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCA
GATAAGACCATCTAGTTGCAGAAAAATAAGCTCAGAGCTTGCAGCTGATTC
TACATTATGGATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCTACTTTTACAC
ATGCCTAGTGATGCTTCATGGACAACGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAGCTA
ACCTACCTGAGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAGA
GTTTGAAAATATCTTAAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAGCTTGGACG
ATTTTCATTATCATGTAAATCGGGTAACTCAAGGGGCCAACCACAGCTGG
GAGCCACTGCTCACGGGAAGGTTCATATGGGACTTTCTACTGCCCCAAGGT
TCTATACAGGATATAAAGGTGCCTTACAGTATAGATCTGGGAGCAAAGTA
AGAAGAAACAAACACTGATCTCTTTCTGCCACCCCTCTGACCCTTTGGAA
CTCCTCTGACCCTTTAGGACAAGCCTACCTAATATCTGCTAGAGAAAAGA
CCAACAACGGCCTCAAAGGATCTCTTACCATGAAAGTTTAGCTAATTCTT
GGGCTAAGATGTGGGATCCACATTAGGTTCTGAATATGGGGGGAAGGGTC
AATTTGCTCATTGTGTGTGGGATAAATAAGATGCCCAGGGGCCATAACA
GGGGGCTGCTTGTTTTGGAAACATGGCTGTACCAATTACCTATGGATGGG

Table 3

459/1077

AACAAAAACACCAAAGACCTTGATTAATTGGCATGAGACTGTGGGACCT
GATCTTACCGATATT

>Sequence 2471

AGGTACAATACACCTTAATTAGAGAACAAAAATGTAAGCTCAGGGTTTTG
AAATCCTGGCTTTTCATTGAGTTTTTGCAGATCATAAAATATACTTAATT
CGGCAAAATATCTAACAGTCCAAAACATATAAACACATTAAGGCTA
CAGGGATTGGGTAAAGACAGGCCAACACATTTATCAGGTTTCATCTGTTTT
AACAAAATGAAATATATTAATTGTAGATAAAACATAGCTGGAGAGAAAG
CACCAAGGTAATCAAATAGTAAGCAGCAGCAGAACCACATGCCAAGACAC
TAAGTGCTTCACTTGCCTTACATCTCATTTATTCCCCACAACAACCTAGG
AGACAAACAGTATTACTCTGCCCCCTTTATCAACTATGAAGCA

>Sequence 2472

CCGGGCAGGTACCCTTACAAAGAAGACACCATACCTTATGCGTTATTGGG
TGGAATAATCATTCCATTCACTATTATCGTTGTAAGTTAAATCCACTTTT
CCAAGTTTATAACTTTTGGGCACTTGGCTTAATTTCTGTACTCTTTTAAT
GCTTAAATGTGTAATCCTCCAAAAACAATGTATGCTTTTTAAACCTTTAA
TTGATGCTTTATTTGATCAAGAGAATCTCAGCTATTTTAAGTGGAGTCAA
AAAATAACAATGTGTAATTGTAAGAGCCAGGCATGGTGACATGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGAGAGGCTGAGGCTAGAGGATTGCTTGAGTCTCGGAGT
TGGATACTATAATATGTGATGATCACATCTGTGAATAGCCATTATACTCC
AGCCCAGACAACACTGCAACATCCCATCTTAAAAAAAACAGAAAAAAA
CACGAAAAGAACCTTGCTGGCTATGTATAGATTTTATGCTAATCTTTTCC
ATGTCACCGTGATTGTTAGAGCTCTAATTTTATTGTTTTAATAATCTTGT
GATCAATAGTTGAATGTTATAGCAATATGATTCTAGCATACTTTATACAT
AGGATATCATTTTATAATTTATTGGATCTGAATGATTGACCTCGGCCGCC
CGGGCAGGGACTTTAAATAAATAATTTTAATACTATATGATGGGAGCAAT
TTGTTGTAAAGTATAAATATAAAAAGATATTTATTGAGAGTATATATGAT
TTATTGATAATAAAAAAAGAAATTGTGTTTTTTATGATAAAAAAACA
ATCTTTTC

>Sequence 2473

AGGTACATTTGGTGGAAGTGAAGAAATGGCATAACACCAAATTTAATATAT
GTCAGATGTTACTATGATTATCATTCAATCTCATAGTTTTGTCATGGCCC
AATTTATCCTCACTTGTGCCTCAACAAATTGAACTGTTAACAAAGGAATC
TCTGGTCCTGGGTTATGGCTGAGCACCCTGAGCATTTCATTCCAGTTG
GCTTCTTGGGTTTGCTAGCTGCATCACTAGTCATCTTAAATAAATGAAGT
TTTAACATTTCTCCAGTGATTTTTTTATCTCACCTTTGAAGATACTATGT
TATGTGATTAAATAAAGAACTTGAGAAGAACAGGTTTCATTAAACATAAA
ATCAATGTAAACGCAAATTTTCTGGATGGGCAATAC

>Sequence 2474

AGGTACAGCCCACAGAACTGTGAGCCAATTCAATCCCTTTTCTTTTTCAA
TTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGATTAATAC
ACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATGCCAGGT
GTTCTAGGGTGTTATCTTAGCCAATAATTCTTCCTCTTCAGCAAGATCTA
TTTGCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCCCTACCATACTTGTCAGTAACA
AGTAGCCCATAACATCTGAATGGACTTCATTGAAATCACAGAGGTTCTTT
AGTTCTCTACTTTATTAGCAGGCATTCGGGAAACACATCAACTTTCTAAT
TTAATAAGGTGCCTGTTGCTTTGAAAACTGCT

>Sequence 2475

AGGTACGAAAAAATCGGGCTACTAAGCCCCTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAAGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATG

Table 3

460/1077

>Sequence 2476

AGGTACATCATATTTGCTTGTTGGCTTTATGATAACCTAGAAATAATATT
CTGGATTAAGTGTGTGACTCATGAGAAGATTTGTGCAACTATGTTTCCAA
ATTTACTTGATTTTCAAGACTTACACTAGAACTGTGAGAACAGGGTAATT
AAATAAACATATTGTATTAAATATCAACCTTTGGTCAAACCTCTTTGGGTA
CGCCCCAACGGTAGTGTAGAGAATTAACAGTAATTTTTTCACTACTTA
AAAGATATTTGCGATTATTGTTTTGAAGAAGACCACCAGATTTGACAAA
TTCAATTTGACAATGTCAATAGTTTTTAAGAAAATTTGTTTATGGTTTAT
AAACAAATTTTTATAAATGGCAATTCTGCAAAGTGGGTTTTTTATTAGGA
AATAACTAAATCTATTCTTAGACTGTGGGTTTTTATTATTTGAACAAGG
TTTTGTTTATTCTTT

>Sequence 2477

GGCATTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGTAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGATTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTC
GCAGATGTGTGGCCTCAGATGGTAAAAGTCAAGCAGCCTTTCTTAATTCC
TCACCCTCTGTATTATTCAGGTTCTTTCCCACCATGCCAAATCTTCCCT
GGGTCTTCCCTTCGGCTGGAAGCCCCACACAAAATCTCCCCCTCTGGTT
TTTTCGGAAGGCCACCTTTCTCGGGCACCTTGGCTAATTTTTTTTCCCC
CCCGCGGTACCCTGCCCCGGGGCGGGGCGGGCTCTTAGAACCTAAGGGGA
ATCCCCCCCCGGCCTTGCAAGGAAATTCCGAAAATTCAAGCCTTAATCGA
ATACCCCGTCCGACCCTTCAAGGGGGGGGGGGCCCCGGGTACCCCAAACG

>Sequence 2478

AGGTACGTGCAAAGCATTCTATGTATTTTTAGCAGAACAGGAGACTTACT
TTACACTAGCTGAAGTGTCCATCAGTGCCTCTGCCAACCATTGGAT
GTTAGAGGATTCTGCCACCTAGCTTATTTTATTGTATTTAAGTGAATAT
ACCAAACATTTATATGAGCAAACCAAGTTTTACATAACATGCTTTTGGTA
TGTATTATGACTTTTTACATTTCTACTTGGATTTCTCTCAGATCTCAG
TTTCCACAAATCTGCATCCAGGTTTCAAGGCTCTGATTCTGCACAAATCA
TATGAGCCAAGTGGATTGATTACTTGACAGATCAGATCTCTTCCCCAGCT
AATAACTCTGCCTTCTGATTCCAGTCCTCAAATAAATT

>Sequence 2479

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACACCCTCTAACTAATCCCCTCTC
CTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTA
GCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGAT
CTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCTTACACTTTCTGT
CTCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTT
ATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCTCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATG
GATGCTCCTGCACAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCCTGGAAC
TACAGATGG

>Sequence 2480

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTACAGGACCA
TGTTTCTCTCTAAAGGTTCTAGGAAAGAATCC

>Sequence 2481

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTTATCTCATTGTT
AGAATGGGAACAATGTTCTTTTTCAGCTTTCTACATCTTAGCCAGAAACAG
AAATCTCTTTCCTTTGGTATGGCTCCACCTATATGATATCAAGATAATTT
AATAGTATGTAGCCACAGTGCCTAGGAAAATTAATTGGCTTTTACCAGC
TTTCTGCTGATAATGCCTTAACTTGAAGAAGTTAAATAATTTTGGAAAAG

Table 3

461/1077

TCAGATATTGGGAACAATCAAATTTCTGAATATACACATCCAATATAATCA
GATAAGTAGTAAATAGTTAACAACAACAATTAACGTCAGAAAATAGATCC
AAGCTCTCATACATTTGTCTATCAAGA

>Sequence 2482

AGGTACGCGGGGAGGTGTGCTGAGGTCCCTCGGCAAGGGACGCTGCTTTC
CCCTGGCAGCCACACTGCTGAGCATAAATGCTTTAAAGTGTGAGCAATTG
ATGTGTGGAGAGAAGTATGACTGCATTACAGCTTAAAGAGCTTTCACATT
CAGGTCTCTACAGGAGAAGACGAGATCGCCCCGATAGTTTGAGAGTAAAT
GGGTTACCAGAGGAAGAGCTAAGCAACATGGCCAACGCCCTGGCCAGCGC
CACTTGCGAGCGCTGCAAGGGCGGCTTTGCGCCCGCTGAGAAGATCGTGA
ACAGTAATGGGGAGCTGTACCTGCCCCG

>Sequence 2483

AGGTACTTAAAATTTACAGCTGACTCAAATTGCCTCACAGAATTATTTGA
TGTAAGAGGCTAGTTGTCTTACTTCAGATCAGCAGGACAGTTGGGCTCTC
AGACTCATGACCACTGAGTTTGCTTGTGTTGAACTGTGGTTTCATCCAA
CATATGCTATTGGACATGATTATTATTCCATTCAAATGGATTACAGACTT
CTTGAGGACAGGACAACTTATCTCTCATGGTGTTTTTTTAGAACTTTT
TATAACCAAGGAAGAAACCATGCCAGCTGTTACCATTCAACTTCTTAAGC
AGAGATTAAGCTTTTTTCATATCTGTTCTTATCCTGGACATCAGTAGTTTT
TAATTGCCCAGCATCCGTTCCATCTTGTAACAACCTCCCTGATGTTTCTTA
AAACCACCTCTTCCTATTTTCG

>Sequence 2484

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTGTCCCTA
CTTTCTCTCTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCAC
ATACAACCTTTTTTTTTTTTTGAGGTGGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTG
GAGTGCAGTGGCGCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCCATGTTG
AAGTAATTCTTCTGCCTTAACCTCCT

>Sequence 2485

CCGGCCAGGTACCCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGG
TCTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCA
CTTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATT
CTATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTCCTTCAGCA
CTGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACT
TTCTGTCTCACCAGTTTCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATT
ATTCTTATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCTCACTTATTCGACCTCTCACC
TGGATGGATGCTCCTGCAGAAAACCTATACT

>Sequence 2486

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAGG
AGAACCAGAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
AATAGTGATACCTCTGTGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTTCAGGACAAATTTCAAGAA
AACTAGAAAACCATTTCTTACAGCTGAAATCTTCCCTAACCATTGGTAT
TTCCACTTTTAAGTCCTCAAGAGATGC

>Sequence 2487

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT

Table 3

462/1077

GGATCTGAATTGGCATTGCCGGGATAGAGACTGTG

>Sequence 2488

CCGGGCAGGTACTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTTAAGCTAAAA
AAATATATAAACTTTAGGGAAGAGCAGAACACTCAGGAACTGCACCCATA
CAGACTTTATATTCTTCACTTCAAGAAATACAGGGTACGGGCTGGGCGTG
GTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTATCACTTGAGGTCAGCAGTTT
GAGACCAACCTGGCCAACATGGTGAAACTCCCTCTCTACTAAAAATACAA
AAATTAGCCGGGTGTGGTGGCAGGCGCCTATAGTCCCAGCTACTCAGGAG
GCTGAGGCAGGAGGATCACTTGAACCCAGGAGGCAAAGGTTGCAGTGAGC
CAAGATCACCCCAATGTATTCCAG

>Sequence 2489

AGGTCCAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGA

>Sequence 2490

CCGGGCAGGTACTATTATAATATCGATTTTATAGGAAATTGAGACACAGA
TATTAAGATATCAACGCAAAGTCATAGGGGAGGGAGGAGAGAGGGGACTG
TAATTTGAACACAGTTTGTCTCCAGAGTTTGTGCTTTTAGCCACTGAGTA
GTTGTTAAACTTTAGTGTGCATCAGAATTACTTGGAAGCCTTGTTCAAAC
ATTGCTGGGCTCCCCCGCAATTTCTGATTCAGTAGCCCTAGGATGGGGA
CTGAGAATTTTATTTCTAACAAGTTCCCAGGGGATGCTGGTGTCTGCAGG
TTCAGGGAACACACATTGAGCCAGTGCCTAAGCCCTGCTGCCTCTTTTG
GGTAATCTGTGCCCATGTTT

>Sequence 2491

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGATAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCCGGCTC
CCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAAGTATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTAA
AATGGGGGAGTTCCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCAACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGT

>Sequence 2492

AGGTACGCGGGGCTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTTTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGGGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCGCCCAGAAGAATTCAACTGCGCTTACTGCA
AAAATACAGTGGGCCTACATTGGATTTGGTAGAGGAGGAAAGGGAGCCCT
GTATTTGGGAGGCTGTGCCTTGAAGAAATTTTTTTGCCCCG

>Sequence 2493

CCGGGCAGGTACTCATTTTCCCTCATACTTCGGATTGACCACAGTTGTTA
CGGCACTCTTATAAATAGGATTTTCACCCTACAACAAAAAAGTGAGA
AAAATTATCAGTTACCCTACTAAAATTATGTAGAATAATTTTATAAATC
AAGACTAAAAGTTGCAATCATCTTAAGAAGTCATTTCTATTTTATTTGTC
CAGATATCACAGTTGTTTTAAAGGCATTAATAATGGTTTATATAAAAATA
GAAAATGGAAGCTTTGCTTTACAAGTCTAATGATGCCCCGTTATCTGGTG
CTATTTCAATTCTTGAGTCCTTCCTCCACTGGAGGCTTGATTAAAGAATGT
TCTCCATGGCACAGAATGTGCTGTCATCG

>Sequence 2494

Table 3

463/1077

AGGTACATTTTTATTATCCTTATACCAGTTATAACTTCATTCATGGTCCT
GATCCTGGCATCCGTGAAAGTTGCAGTTTTACTCCTAAGGGGAACCAGAC
ACGGGAGATGAGCCTGAGCGATCACAGCCTGCCCTTATCAGCGGCAGGCA
CAGGCAGGGACCTGCATCGCATGGTTCCTACAGCGCTTTTGATTCCGAC
AACACAGACAGGTCCTACTCAAAATCCAATTGAAAAAGACTTTCATTTGG
GAGTTAACAAATTATGCCCACTTAACAAGTATTTTGGAGAATATGTAATA
TTCTGCTGAGGGAAGACATTGAAATTGAGTTCAAATGTTTCATTCTGGTCC
CCTTCGAGGGGGCTTAACAGGGTGGGGCAGGGAAAGGGCAAT

>Sequence 2495

NCCGGCCAGGTACGCTTCCCTTGGCACCATGTTATACCATCTGTGCTGGG
CTGAATAGTGTCCCCCAAAATTGAATAATGTCCCCCAAAATTCGTGTA
TACCCTGAACATTAGAATGTGATCTTACTTGGTATTACTTGGTATAGGGT
GTTGTAGAAATAATCAAATAAAGATGAGGTCATACTGCATCAGGGTAGAC
CCTAAATTCAATGACCAGGATTTTTATAAGTGAAAGGAGAGGCGGATTCA
GAGAAAAAGACACAGACACACACAGAGAGAAGACAGCCATGTGAAGACAC
AAGCATAAATTGAAGTGACACAGCTACAAGTCCAAGGGAATGCCAAAAAT
TGCTGGTAACCACCATGAAGTAGGGAAGA

>Sequence 2496

AGGTACGTGCAAAGCATTCTATGTATTTTTAGCAGAACAGGAGACTTACT
TTACACTAGCTGAACTAGGTGTCCATCAGTGCCTCTGCCAACCATTGGAT
GTTAGAGGATTCTGCCACCTAGCTTATTTTATTTGTATTTAAGTGAATAT
ACCAAACATTTATATGAGCAAACCAAGTTTTACATAACATGCTTTTGGTA
TGTATTATGACTTTTTACATTTCTACTTGGATTTCCTCTTCAGATCTCAG
TTTCCACAAATCTGCATCCAGGTTTCAGGGGCTCTGATTCTGCACANAAT
CATATGAGNCCANNAGTGGATTGATTACTANGACAGAAATCCAGATCCTT
TCCCCCAGCTAAATAAACCTCTGCCCTTCTTGATTTCCTCA

>Sequence 2497

CTCACCCCCGGGGCCGGCCGAGGTCTTGGAACCTCCAGGCCCCGCCACC
ATGCCAGCTCATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTCCACCATGTT
GGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCTCTTGGCCT
CCCAAAGTGCCGGGATCACAGGCGTGAGCCGCCACACCTGGCCCTCTATT
TATTCTCTTTAAAGAGAGAGAAAACTATGAGAGGCCAAAATTATTTAATT
AAATCTTTACCTTAGCACAAGGGAAAAAATGGAATTTGCCTAATATAGGT
GATGAAGCATACACAATGAACAGAAACAATCACATTTTAGTAAAAGGCAA
AAATTTGAGACTTATAAGCTATATGGTACGCTTATTTTTGGGTGGGG

>Sequence 2498

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGAGA

>Sequence 2499

CCGGCCAGGTCCCCGGGGAGTGCAATCTGGGCGATCGCTTCCTGGTCCTC
GCCTCCTCCGCTGTCTCCCTGGAGTTCTTGCAAGTCGGCCAGGATGTCTC
AGGCTGAGTTTGAGAAAGCTGCAGAGGAGGTTAGTGCACCTTTAAGACCA
AAGCCATCCGGAATGAAGGAGATGCCTGTTTCATTCTATTGGCCCACTTA
CAAAACCAAGCAACCTGTTGGGTGCAACATAAAATAACCAGAAACGGGGC
CCCGGGAATAGTTTGGAACATTTACCGGGGCAAAGGTCTCAAAGTTGGG
GAATTGCCTCTTGGGAAATGAAGACTTGTAAGTGTGAAACTTTCCCAA
AGTGTAAGTATTGTCTCAATTTGAAAAGGCCTTTAACAATTCTAAACCA
AAAGTTTATGTAAAGTAAGGCCTTAAAAGGTAAAAAAGATTAACCGGG
GGCATTATTGGAAGAAGGAACCTTGGGGAATTTTTGGG

Table 3

464/1077

>Sequence 2500

CCGGGCAGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGA
AAGAATGAGATGACAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAA
GACAAAATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCGCTCAGCCATTCTGACAT
GTAAACAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAA
GATGTTTTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACAT
AAAATCTGCAAATCTTTGGATAAAGAAAGCGAGATCCCAGCATGGGACAA
ATGGAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGGCAGAATGC
ATTATCTTCCTTTTTCTCTTGGCTTTTCCTGGGATAAGGACCTGGCATT
ATTCCT

>Sequence 2501

AGGTACCAGTTGTAAAATTCCCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGAT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTTTGGGGTTT

>Sequence 2502

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATT
TTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTCTATTTATTCTCTTTAAAG
AGAGAGAAAATATGAGAGGCCAAAATTATTTAATTAAATCTTTACCTTA
GCACAAGGGAAAAAATGGAATTTGCCTAATATAGGTGATGAAGCATACAC
ATTGGACAGAAACCATCCCATTTTAGTAAAAGGCAAAAATTTGAGACTTA
TAAGCTATATGGGAGCTTATTTTTGGGGTGGGGGAAGAAATGAGAAAAGG
AATTTTTC

>Sequence 2503

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAATAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CCGCAAAAATACAATGGNCCTACANTTGGATTTGTANGAGGAGAAAGNGA
GCCCTGNTATTGTGANGCTNNGTGCTATGAGAANNATTCTTTGCCCTGN
ANNATGTGGTCGAATGCCAA

>Sequence 2504

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATTCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAACGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGGGATACT
GTATCTGAATTGGCATTGCCCGGATAGAACTCTGTCCCTTTCTACTTGG
TTTTCTCTTGGGGGTTGGGCTTGTCTAACCTGCGTTTGG

>Sequence 2505

AGGTACTGGTGCCAATATTGCCATGGTGAGCTCCTCTCTAATGTCTTCCA
GGGCACCAATATCTGCCCATGTCACATTAGGGACAGTGACAAAGCCTTCC
CTTTTGGCAGAGGGTTGGACTGAGGATTGAGCAAACCAATGAAATCATTC
AATTTCAATGCACAAGTTCTTGCATTCCGCTTCCTCTGAGAGGGGGATCT
TTTGGTCTCTTAGCAAACCCAGACAGCCTTTTGTAAATTCATTCTGTG
TTTTCAGTAAGTTGGGTCTCAGTTTCTCCCAGCCTTTTCCCTTCCTTGA

Table 3

465/1077

CTTCCTTTTATAGATGGGCAAAAATTCTTCCATTTTCAAGGAATTTTTTTC
TTCTTGACTGTTTCCCTGTTAGCCTTTCATTTAAAGAACCTCTAATTTGA
ACTGGCACAACCATTTGGCTTGCCCTCTTCGGCAACAAGTGGCCCATGAAG
AATCAGGCAACCAAAACAAAAGCCCTGGGAAGTTTAGGGTTGTTGCCTAAA
GATGAA

>Sequence 2506

AGGTACTTCCAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCAATTTTAA
CATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACTC
CGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTGAA
TAAATTACCCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGATCT
CCCTAAAATAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTC
TAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAGAGACCATTGTTGGTG
GAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGCTGTTG
GATTGTTGTAATTGGCTGACTCCTGAAGTGGGGGTATTTTCTGAGGAGTT
TGTTGTCCT

>Sequence 2507

AGGTACACTAGTATTTAACCTGGACATGAGGAAGGAGTAGGAAATTTTCT
GGTGAATACAGGAGAGCAAAGAGCAGCAGGTCAGCAGGAATGACTAATTT
TTTTCTATGCATGTTTAATGGAATATTCGTGTAGGATATTTTGAGTAGGT
CATTGGATAATCAGCATTATAACTCACATCCTACTAGTTTGATTCTCAG
TAATAAGACTTGTCAAAGATCCAAGAATCTGAAAGTCAGTAATAAATGTC
CATGTGCATCATCGTCCGTGACAGAAAGTCAGCATCCACAGAACACAGAA
TTGGGACAGATGAACTTAATAGATAAAGATGAATATCGGAGTTGTTCTC
TTAGGGAATGATACTCTCCATGACCTGTGTGAGTCACAGCTGCAGAAAAG
AAAGAGCAAGGAGA

>Sequence 2508

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCAGGGCAAGCTCTAGGAGCTGGTGAGTCTAG
AAGGACGGACTAGAGAGAGCTGGCATTGGAATGGACAATCGCTAGAGGGC
GCCGGAGCACTAGCAGAGTCAACCTCCGGGACCCATAAGCAGGGCTTCTA
GGATAAGGAATGGAGTTTGACCCAACCCCAAGATATGCCCTGGGGATATT
GGTTTTCTCAGGTGCATCTGACTCTCCGGCCTGGATTGCCTCGCTGCGGA
GAGGGGACAAAAGGTTTTGCCCTGAGCATCTGGTGATGTCTTCCAGTGCC
TGTTAGGTTGCTCCGCGGCTGGACAGTCTGACTACTCTCAAACTCCTC
GTGACAGGCCTTTCTGGGGTCTGAACGCCCTTTGTTTCCT

>Sequence 2509

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAA
ACCACAATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCTGGGCTTTCCGGGCAAC
GTGCTAGAGCTTCTGGGAAGCAGTCATGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCT
TCAGATCCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGCCTGCCGGCCTCTGGCGTT
TTGCTGAGGGGTAACTCGGAATGGTTAGAAACAAGAACTGAGATGGC
CCAGTCGTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGTGGTGGCAAAGA

>Sequence 2510

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAATCTGTTACAGGACC
ATGTTCTCTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCCCTCCAGCTT
CTGGGGTGGCTGGTG

>Sequence 2511

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT

Table 3

466/1077

TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCCGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
T TAGTGACACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCTGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGG

>Sequence 2512

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGGGGGCGGTTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTCTACCGGCTGATATTGTG
GATACTGGATCTGGGTTGGCATTGGCGGGATAGAGAATCTGTCCCTTTCT
ACTTGAATTTCTCTTGGGGGT

>Sequence 2513

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGGATTACAGATTTTGA
AATTGAAAGTCACAAAGTTGAGCCATTACCAAATGACGAGGAAAAACAGT
ACGAAGAAAAATCTTGAATGGCCCTCACAAGTACCATGCAAACAAACAAA
AATGGGAATACTTGTGAATGACATTGAAGGCATTCCCAAGCTGTGGGAGG
TAGATAACCCACGGGTGCTAGAGGGGTCAGGGAATTCTGGTCCCTTGCC
TGTCTTAAACTGGTGCCGTTTCATAAACCAAAATCCAATTTCAATATTT
TCTTAAACCCTTCAAAAACAAAAGCTTGGTTGTAAATATTCTTGATCTTC
TAACGGGTTTCTTTCTTGGGCCCAACATTTCTTC

>Sequence 2514

CCGGGCAGGTACTGAGTTTCAGGAAACAGTGAGATACTTTCAGCAAAACA
GTGGGCTTCATGCTGAAAGAAGTCACTCCAAGTAAACACACATCACACAC
ACACACACACACACACACACACATACACACACCCGCAGACACCCTAGT
GGCCAATGGGTCTCTCACCAAAAACCTGTGATCAGGAGAGCAGAAAGCC
TCCCAGGGGTCCATCACTGCCCTTTCTGGAGCCCCTTATCAGATGGCCAG
CCCCAGGACAGCACTGTCTGATCCTGGTCCAGTCCAAACCGCCATCACCC
TGTGATGTGGGAGCTGGCCACTTCACCAGAACCTCTGTGTCAGAAAAATT
TCTCTTCTTTTAAATGATGAGGG

>Sequence 2515

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCCTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTTACGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCTTATGTGCCTTTTCTTCACTTATTTGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGAT

>Sequence 2516

GTGTTGGAATCCTATTATAAGGCCAAGGGGAGCTGTACCGCGGTGGCGGC
GCGAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACTCA
GACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATC
AGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGG
CCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAAATTCAATT
AGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGA
TGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAG
AATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTTTCAGTCGGCCATAAA
GCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTTGATGGTAATTACA

>Sequence 2517

Table 3

467/1077

CCGGTCAGGTACAAAGTCTTTGAGGCAAAAGTTTGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCA

>Sequence 2518

CCGGGCAGGTACTACAGATTACAGTGCTATCCAGAGGAAGGGAGGCTGAA
AGTGTCTGATTTTTTATAGCATTAGGTTCAGTCTCACTGGCATTACTACT
TTTATACTGAGCTGCAGCCAATGCTGCCTTGTGCTTTTTTAAATGGATAA
AATCAGTTGTGCCTGAGAACCCAGAACTGGGTGGAACAACACTTCCTGTC
TACTACTGGCTAATGTAAGTGGTGCTGTGGTGCTGACCTTGCATTCTTG
TTTTTGAGCCACTGGCTGACTGACACTTTTTGAAGATACACATTCTGATG
ATGTAGAGGCCAAAATGGTATTTGATAAAGAGGAAATTACTTCTGAACCA
CCCCAGCTGGAAACACTGGTAGTATCGGCAGCAA

>Sequence 2519

CGCACCGGTCGTTCCACCTAACTATTACGGCGAAGCGAAGCTCCACCGCG
GTGGCGGCCGAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATAT
AGACGCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAAC
ACAATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGC
CTCAGGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAA
TTCAATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGAT
TACAAGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTT
ATTGTAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGC
CATAAAGCCATTAAAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAG
AATATGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATG
CTAATGG

>Sequence 2520

CCGGGCAGGACGCGGGGAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAG
CCGAGGGAGACCAGGAAGATCTGCATGGTGGAAGGACCTGATGATGCAG
AGGTCTGTAGGCCATGGGAATGGGTTTGAATTTTATTCAAAGAGCTATG
GGAAGTGACTAGAAGGTTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTT
ATATTTGTGTTTTATACAAATTACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGGACAGC
AGAAGGGTAGGAGCAGGGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTG
AGAGGTGGTGGCTGGGCCTAGGCCTTTTTGGAGTGAACAAGCTATTTGCT
TGGCTTCCATGATCCTTCTCCCTCCACTGGAATGGAAAGGTCCTC

>Sequence 2521

AGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTAAATC
AACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGC
CCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCATCACGTTATTTTCATCTGGAA
ATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCATAC
TGGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAAAACAG
GAAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATGGAGGCA
GAGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCCACCCAG
AAGCTGGAAGGAAATGAGGGATTCTTTCCTAGAACCTTATAGAGAACA

>Sequence 2522

AGGTACTTTTGGCAATCTGTTGCAACACAATGCTGTGTTTAATTGATTCT
ACCATGCTATTTGTTGTCTCTTTGAGAGTTTCAATTTTCTTCTCTGTTT
ATCTTCTTTGCAGTTTGAAGCTTGTCAATCAAAAAGCTTTAATTGTTCAA
TCAAGATTTGTAGGTAAAGCATCAGCTTCTGTAAGTTTCTTATCAAAATCT
TGGACACTAGGAACAAATCCTGAATCCAAACCTTGAAGCTGGAGAGTATG
TCGAAGAATTGTTTCTTCTAAGGCATGGATCCACTTCTCTCGCTCATCAG
CATCACGGGCCTGGAAATGGAAGGTTTTCTGATCAACAGTTATTGTGAAG
GTGCTGTCGTCCTCATCGTCTATACCAATCACAGCTCCTCTGAGTC

Table 3

468/1077

>Sequence 2523

GGGGGGGGTCGTTGAAATCCGTCTGTGAAGGCAATTGGAGCTTCACCGCG
ATGGCCGCGGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCCGCAA
ATTTTTCATTCAGATATTTGCTGAGATTTTGTCTTTTTATCTAACCTCA
TTTGGTGTCTGTAAAGCGCATCTTGAACAGCCCCTAGAGCTAAAGGGTA
GTCCTAGACCAGCAGCATCAACATCAGCTGGGAGCTTTACTGAATTGCA
GAATATGAGGCCCCAGTCCAGATGGACTGAGTCAAAGTCTGGGGGGATGT
GACCCAGCAATCTGTGTTCCAACAAGCCCTCTAGAAGATTCTGAACACACA
CGAAAGTTGGACAACCATTGCTTTGAATTTTGACACCAGAACTCAGGGA
AAGCTACAGAATGACGTTTGAATGAAGAAGCAATATTA

>Sequence 2524

CCGGGCAGGTACAATAAATCTTCCTGTCCCTTCCACCAGAATACACATGT
GTGAAGGCATCATTGACTTGCAGCGCCCAAACACCTTCATCATGGACTCG
GTATGTTGCTATACATCTCTGCTGGCCAAGGGACCAAAGGCGAATTGTCC
CATCAAACTGCCTGACAGGCATTGCGTGCCATCTCTGTTTAATAGCAAT
GCCTTCACATTATCCGTGTGCCCTTTAAGCTTCATTAGTTTTGCACATGT
TCTTGGATCCCATAACCCTGAACACCTTTTCAGTGGACCCTGATACAATGA
TTGTTCCAGTTGATTCATGGCCAGGCTATAAATGGAATCTTTGTTTCCA
CTTAAAGAAGAAGTTGTGACAGTGTTATTTGAGGCAGTCAA

>Sequence 2525

GGGGGGGGGTAAGGATGCAATTAGGTATATCAGGCGAATTTTAGCTTTCAA
CGCCCTGGCGGCCCGCCGGGCAGGTTTCATGGCGAAGCTTGAGACTGTAA
TCTTAAGATTGGGACAAATTAAAGAAAAAAATGTGATTTAACACAATTAC
AAAAACTGTTACGTTAGGGTCAAACAAGAACCATTTTATGAAACTGAATT
ACAACAAATGACATTATATCTAACTCTTCCGGGTCTCCACAGCACTTATA
CTTACTTAAGCAGCTTAAACACTTCCGAGTCTCCACAGCACTCTGATACT
TACTTAAACAGCTCTTTTAACCTGCCCTAGTATTCTTAAGTGCAGCATAT
CTAATTTTTTTTTTTCCTCAGTAGTTCGAACACTTGCTGGCTATTTTTTC
TGTCOAAGTTCTCAGTAACTTCGGCCTGTGTAGTCAGTGGTTCA

>Sequence 2526

CCGGGCAGGTACTCATTTCCTCATCTTCGGATTGACCACAGTTGTTA
CGGCACTCTTATAAATAGGATTTTCACCCTACAACAAAAAAAAGTGAGAA
AAATTATCAGTTACCCTACTAAAATTATGTAGAATAATTTTTATAAATCA
AGACTAAAAGTTGCAATCATCTTAAGAAGTCATTTCTATTTTATTTGTCC
AGATATCACAGTTGTTTTAAAGGCATTAATAATGGTTTATATAAAAATAG
AAAATGGAAGCTTTGCTTTACAAGTCTAATGATGCCCCGTTATCTGGTGC
TATTTCACTCTTGAGTCCTTCCTCCACTGGAGGCTTGATTTAAGAATGTT
CTCCATGGCACAGAATGTGCTG

>Sequence 2527

AGGTACTTGCCCCCAGGCCCAGATAATTTATTTAAAAACTTTTTTTGTAG
AGACAGGGTCTCACTATGTTGCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCTGGCCTCA
AACAATCCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTACAGGCATCAGC
TGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAATGTTTTCCCATGGCTTCTTTTTCT
GGCGTTCTTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGATCCTTTCCCT
AGGCTCCAGTGTGTAAGAATTAAAGAAAGAGGAAAGAAACACAATGNGCT
TGATGGTCGAGGACAGGTTTATTTTAAAGAAAACAAACCCAAGAGTGGCN
TTCTGGCTGAGTTAGATCAGAGGCATG

>Sequence 2528

AGGTACAGAACGCAAGAAGGGAATAGGTGGTCTGAACGTGGTGTCTCACT
CTGAAAAGCAGGAATGTAAGATGATGAAAGAGACAATGTAATACTGTTGG
TCCAAAAGCATTTAAAATCAATAGATCTGGGATTATGTGGCCTTAGGTAG
CTGGTTGTACTGAGGCTGTATACAGCCACAGCCTCCCCCATCCCTCCAG
CCTTATCTGTCATCACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAATCTA
ACTTGTAATTCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCCTTCTGCCTGAG
AAGCTCTTCCTTGTCTCTTAAATCTAGAATGATGTAAAGTTTGAATAAG
TTTGACTATCTTACTTCATGCAAAG

Table 3

469/1077

>Sequence 2529

AGGTACGCGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCCTCACTGC
ATAAAATACAATGGTCCTACATTTGGATTTTGTAGAGGGAGAAAGGGAG
CCCTTGTATTTGTGAGCCTGTTGCTATTGAGAA

>Sequence 2530

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTGC
CAGCCATGCCTTTCAGTCCTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGTC
CAAGAGCTGAGGACCTTACATTTATTGTTCCAATATTTATTGGCTATAAT
GATTTCTGTGGAGCAGTCAGCTGTCAGAAAATTTTGTCTCCTTTGTAGGT
AACCTGTCATTGGTCTTTGGATTTTTTATAGTCTCCCTTTGTATCTGGT
GTAATTTAGTTTCAATCTGTTGTGCCTACGTGTAGACTTCTTGCTTGAAA
AGC

>Sequence 2531

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
GATAGTGATACCTCTGTGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTGTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTCAAGGACAAATTCCAAGA
AACTAGAAAACCATTTCTTACAGACTGAAATCTTTCCCTAACCATTGTT
ATTTCCACTTTTTAAGTCCTCA

>Sequence 2532

CCGGGCAGGTACGCTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
TGGCTCCCCAACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTCTCCGGGGTAACAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAATTCC
TGTTAAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTACACCCTAT
TCAGGGCAGTTGGAAGAACANCTGTCCTTGGTTTTCTGAAAAGGGGAAC
GTTTAGATGTTGGAAACTATGGGGATC

>Sequence 2533

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTTCG
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGG

>Sequence 2534

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCAGACAGATTGCCTTATTTCACTCAATAAA
ACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTT
GAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCA
GAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTA
AGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAG
GTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCC
TCTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGG
CACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACAT
T

Table 3

470/1077

>Sequence 2535

CCGGGCAGGTACTAATGTAGGTTTTAGGCAACCATTTGGGGGTCTTGGAAT
GTGTCCCCTGTGGATGAGAGGGGATTACTATATTCCATATTGAAATCTTG
TCAAAGCAAACGATTTGCAACTTGTCTGTGAGAGTAGATCTAGCTTCTGG
ATGGTCCAAAACTTAGACTCTTTAGAAGCTTCTTATAAAAAGAAAAGAT
GCTCACTTGAAGAAGTGAACCTTCAAATTCTTCTGTGAAATGCTTAGGCC
AGTTATACACGGTGTTTGAAATAACAACCTCCCTCCCCTAAACTGAACATC
CAAACTGAAATTTTATATTGCACAAGGTCTATCACACTTATTACCTAGA
AACTGCTTTCCTAAAAATT

>Sequence 2536

GGGCATGCTGTAATACATCTATATAGGACGACTTGGAGCTCATCCGCGGT
GGCGGCCCGCCCGGGCAGGTACCTCAAGTTGCGTTGTCGTATTTATATACA
TTCCTATGCTTGAAACTGCCCAATAAATGGATGAGGACTCACTTTACCCA
TAAATAAGAGAGGTGAACAGCACATGGGGCCTGTAGATGCCTTTTGCAGG
GCCCTCTTTTTCTTCTTCTAAAGTTGCAATTTTGAGTAATTTTTTTAGAT
GGGGCCCATTAATAGAAACCTGCCGTCCTAAAATCAGAAGCCCTGGGGAG
AAGAGATACAGGGGGTAATGGCTTAACATTTTGCAGAAGTGGGGAAACAA
GCCCCCAAAAAAATTAAGAATTGATTATACCAAAAAAGGCTTTCCTATA
CTGGGAAAAAAAACCCAATCTGGGGGTAAAAAAAATCTTGTTGGCACCC
AAAAAAAGCAATTGGAACCCATTCTAACATTAACTGGGTTTTTAAACA
AAAAG

>Sequence 2537

AGGTACATAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTGGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTT
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGG
AAGACTGCTGCGGGCCATTGTAAGAGCCAGGCCGTTGATCTCATTTAACC
TTCCCTCATCTCTTAGAGTC

>Sequence 2538

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTT
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTTGAG
GTAAGACTGTCTGCAGGCCCATTTGTAAGTAACCCAGGCCGTTGAATCTTC
ATTCAAACCTTTTCCCTTCAGCCTTTTTATTAAAAGACAGGCC

>Sequence 2539

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAATCTCGGTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GGATTTGAGTTGGCATTGTCCGGGCTTGAGACTTCTTTCCT

>Sequence 2540

AGGTACTTGCTCCATGCTGGTGCCTGGACAAGCTCCACTGCACAAGCCAA
CGTGGCCCCAGGAAGGTGCTGTATGCGAGAGTTTGTA AAAAATACAGCGCA
GCATCACTCACGATGAGGCAAAGCTCCTAGTGACTTTAAATTTCCAGATA
GACCAGACAACATCACGAATCTCCTGAGGAATCATTAACTACTAGAG
AAACAGAAACGTCATAAACCCCTGTCCAAAGCTGGACACCGGACATGGAGT
TGCCACCGTTAGAGCTAAATTTTATTCTTGGCTTTCTGATACCTAAAGTA
TANTTCAGAAGTTNTTTTTTTTTTTTTTACAACAGCCCTGTTTTTGT

Table 3

471/1077

TAAACATCA

>Sequence 2541

CCGGGCAGGTACGCGGGGTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTA
CAACACCCAACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAG
TATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACT
CTAGAAATTTTATTTTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAG
GACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAAC
TGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAA
AGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAAT
GT

>Sequence 2542

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCCTACTTCTAGAAAT
TTTTATTCTTCAAACCTTAGTTGGGCCTCTTTTTTTCTTGTGAGAAGGAC
TCACTTCTTAGTGTGCACCTTGGGGATATATCTTTGGGCACCCCTAGAA
GTAAATTCAACCTGCCGCCTCTACTTTGCAAAAATTACAAATGGGCTCTA
CCATTTTGGATTTTTTGTAGAAGGGAGGAAAAGGGAGGCTCCCTGTTATT
TTGTTGAAGGCTTGTTGCTTATTGAAGGAAAAATTTCCTTTTGCCCCCT
TGAAAATGTTGGGTCCGGATTGTCTCAAAAC

>Sequence 2543

CCGGGCAGGTACGCGGGGACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATG
CACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTTGATAGGGGCTTTTT
GATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTTCATT
GCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCACTACAGCTCAAAGAA
ATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCTGG
GGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCA
GCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTG
CTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAATGA
CCGCCGATGGGAGTTC

>Sequence 2544

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATTCTACCCATTTCTATTA
GCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTTCTCCTCCTTCAGCACTGGAT
CTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGT
CTCACCAGTGTTCCCTTAAACTGATTTACCGTGCTACACAAAATTATTC
CTTATTGGGGCTTATGNTGGCCTTTTCCTCCAACCTATTTTCGACCTCTTC
ACCCTGGGATGGGATGCCTCCT

>Sequence 2545

TTCCCGGGCAGGTACTATTATAATGACATTTCCAAGGAACAGAGATTAAT
CAATGTGCCCAAATTCACATTATTCACAGAGCTGGGATTTAAGCCTAGTC
TGGCTGTGGAATCTGTATTCTTAATGACCATGCTATATTGCTTAAGATTA
ACCTTGAAAATTTACTCCAGTTACAAAGATTGTTTTTTATTTCTCTGAAAC
TGCCCCCAATGAGCCATAACAATAAATTAATCAATTATCTTGGTTATCTC
TTTTGCCCAAGTTTATATTTCAAAAAAAATTCAAACATACCAGAAAGATG
AAAGAATAGCACAGAATCCAATCAAAGATCAGGCACTGCATGTCATGTCT
TCATTTCTTTAATCTAAAACATGCCTCTACTTTCTTTGATCTTCCATGA
CATTGG

>Sequence 2546

CCGGGCAGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACC
AATGAAGTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTAT
AACATTAAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAAT
AGCATATGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTTG
TCCCTACTTTCTCTCTCTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTATTATGGTTAGCT
GTCACATACAACCTTTTTTTTTTTTTGAGATGGGGTCTCGCTCTGTCACCA

Table 3

472/1077

GGCTGGAGTGCANGCGGCGGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCC
ATGTT

>Sequence 2547

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCTTTTGTGTTTCCCCA
ATTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTAT
AATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGA
CTTGATCTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATAC
CCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATT
GGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGC
TGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGGG

>Sequence 2548

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGAGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATTTGAAA
TGAAGTCACAAAGTGAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGAAAAT
CTTGATGGCTTCACAAGACATGCAACAAACAAAATGGAATACTGTGATGA
CATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACCACGGGGCAGAGGGTCAGG
AATCTGGCCCTGCTGCCTAACTGTGCGTTCATAACCAAATCATTTTCATA
TTTCTAACCCCTCAAACAAAGCTGTTGTAAAATCTGATCTCTACCGTTCC
TTCTGGGCCCCAACATTCG

>Sequence 2549

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTTCATCAAGGAAGTTCATCA
AAGAATTTTCATCAAAGTTCAATGATGACCTCTTTTTAAAATTTTCTTAGT
ATTCTATGTAACATACACCGATCTTTTCCCCACACACTCCAAGAGCTTTT
TAATATAATTTTCTACATAGCCATCAGCACAGATAACCAATCCTCTTTTT
TTCCCCACTAGAGATGTGCCTTCCGTAACCTCTGTCTCTTCTCTTTAACC
TGGAATATTGCTCTTCAGGCCTGTTGTGCAGCTAAGAGCTTCATTCCTCA
TCATCCTGGGGTTCCTTTCCCTCTCTCTTGGGCTGGAATCCCTCTTGCCT
GGATCTCTCACCTTCATAAATCTAGTTTACTCCTTTGTTTTGGGAGAACAA
CATTCCTCCAGCAGCTTT

>Sequence 2550

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTTGGCTC
CCCAACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTCTCCGGGGTAACTATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTAA
AATGGNGGGNNAGTTCGGGTTCCTATGNGAAAATATNNGGTCACCCTATT
TNNCAGGGCAGTNGGAAGAAACCCACTGTCNNCTTGGTTTTTCTGAAAA
GGGGGAACGTTTAGNNATTGTGGAA

>Sequence 2551

CCGGGCAGGTACAAAATCCGTAAACACTTCCACTAATCGAATCTAAGTCA
AAGTCCACTTTGGATTGGGGTTTGAGAAAAAATTCATTTGCTGCAACCTC
TGCCTCCCGGGTTCAAGCGATTCTTCTACCTCAGTTTCCCAAGTAGCTGA
GACTACAGGTGCGTGCCACCACGCCATCTAATTTTTTTGTATTTTAAAT
AGAGACGGGGTTTCGCCATGTTGGCCAGGATGGTCTCTATCTCCTCCTGA
CCTCGTGATCTGCCACCTCAGCCTTCCAAAGTGCCTTGGGATTACAGGC
GTGAGCCCACCGTGCCCTGGTTCATTCCAACCCATTGAGCCTTTTTGATA
GGACTACTTCTG

>Sequence 2552

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTTAAGGCCC
GGGGGAAAAAATCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT

Table 3

473/1077

TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGGGA

>Sequence 2553

TGCAAGAATTTCGACCAATGTGAAATCGGCAATTTTGCTGAAAGGTCGGCG
GCCGAGGTACACTGTTTTTGCATTAGCATTATGCCTCCTCTCTTACCTCC
TCTGTCCTTCATACTTGCAACCAACAATCTATTAGCAACCTGAATTTTCAG
GGTTTCTTTCAGAGGGAGACACAGACTGGAAAATGTGTATGTAACAACGT
GAAAAGTTGTATTGACACACAGGGCTGGGGTCTGGGCCAGGCCTCTGCAT
TCACCTTTTCTATCTTTAACCCTATCTTACAGATGTCCTTCAGGACGTGT
GTCTGGTGATGGGACCGGCTCTTCATTTACATTTTTCTGTTGACAAACAG
AGTCCATGAATATTAATTATTCTGAAGTTTATTTGCAGAAAAGGCACTTT
CTAATCCTTATCAATTATTTATTAATAAATCTCCCCCACCCTAATAATCTT
ATTAACATTATTATACTAAGG

>Sequence 2554

CCGGGCAGGTACTCGGGGAGGCTCCTGGGGTGGAGTCCAATTTACTCATT
GTTTGTGAAAGCTGAGCTCACAGCAAAACAAGCCACCATGAAGCTGTCGG
TGTGTCTCCTGCTGGTCACGCTGGCCCTCTGCTGCTACCAGGCCAATGCC
GAGTTCTGCCAGCTCTTGTTTCTGAGCTGTTAGACTTCTTCTTCATTAG
TGAACCTCTGTTCAAGTTAAAGTTTTGCCAAATTTGATGCCCCCTCCGGA
AGCTGTTGCAGCCAAAGTTAGGAAGTGAAGAAGATGCCACGGATCAGAAT
GTTCCCCTTCAGGAAAACGAAAGCCCTCATTTGCGGGAAAGTCCCTGGGT
GAAAAATTATTGAAAAGAAATGGTTAGTGGTGGTGAACCATGTTAAAAAA
CCTTTTCATCCCTTGGGTTTCC

>Sequence 2555

AGGTACGCGGGGGCGCATAGCTGCAGCCGCCGAGCCGGACGTGTCCGCGA
AGATGGCGGGCCCGGAGCATGCAAGCGGCAAGATGTCCTACAGATGAATTA
TCTTTAACCAATTGTGCAGTTGTGAATGAAAAGGATTTCCAGTCTGGCCA
GTGAGTATCTGACTTTGTTTTCTTTAACCCTGCTAAGTGGCATTTCGGGAA
ACTTCCAGAGAGTCATTTTTAGGAAACGTTGGAAAATATTTTTAAAAAAT
TCTTGCTGAGTTGGAAAATGGAGAGGATGAGAAAAAGTTATGTATTTGAA
TCATTACTGTGTCAAACCTTTGATAAATACTGTATAATGTTTTAAAAATGT
TTTATGTATAAAACTCTAAATTTTATCAGTTTTCTTAGTAGAGCTTAACA
TACTGGTTTGTATG

>Sequence 2556

GAGTGAACTTTGACATGCCAATCGGTCTCCGTCAGGTCCCGGCCGAGGTA
CGCGGGGATGCTTTGTCACACATACACACCCACACGTTGACCAACCCGCA
GATGCACACATCTCTAGGCAAATGATGCTCTCAGCTTTTTTGATAGGTGCT
TTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGGCTT
ATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACTCCACTACAGCTCAAA
GAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGC
TGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCT
TCAGCACCAGTGAGCAAGACAAAGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTT
CTGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTACCCAATGATGAGATTTTCACCAA
TGACCGCCGATGG

>Sequence 2557

ACGGGCTAGGACTTCGGGGCTTTTCTTGAAGGAATCCCTAAAGTGCACGT
GATTCGCGGTTTCTTTACACATCAGTGCAAAGCCCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTGCTTAAGAAGGAAAATGAGCAAGTA
TTTTATTTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGACCATATCCAGGCTAACTC
TATAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGG
ACCATTTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACT
GCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAA
GGAGCCCTGTATTGGGAAGCTGGCTATGAGAAATTTCTTTGCGCTTGAAT
GTGGGTCGAAGTCAAAGGG

>Sequence 2558

Table 3

474/1077

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGCTGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGGTCAGTCGGCCAT
AAAGCCATTAAAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTTGAT

>Sequence 2559

CCGGGCAGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGAT
TAAATCAACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTT
CATGGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATC
TGGAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAAACTGAAGATGAGAT
CATACTGGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAA
AAACAGGAAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATG
GAGGCAGAGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCC
ACC

>Sequence 2560

AGGTACGCGGGGAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCA
AAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTAT
TGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGCCA
AAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAN

>Sequence 2561

CCGGGCAGGTACGGTATTGGAAATGGATCTGTCTTTGGTAAAGATCAGCC
TATAATTCTTGTGCTGATGGATATCACCCCATGATGGGTGTCCTGGACG
GTGTCCTAATGGAAGTCAAGACTGTGCCCTTCCCCTCCTGAAAGATGTC
ATCGCAACAGATAAAGAAGACGTTGCCTTCAAAGACCTGGATGTGGCCAT
TCTTGTGGGCTCCATGCCAAGAAGGGAAGGCATGGAGAGAAAAGATTTAC
TGAAAGCAAATGTGAAAATCTTTAAATCCCAGGGTGCAGTCCTTAGATAA
ATACGCCAAGAAAGTTAGTTAAAAGTTATTGTTGTGGGGTAAATCCAGTC
CAATTACCAACTTGCCTGGACTGCTTTCCAAGTCAAGCTTCCATTTTCATT
CCCCCATGGAGAACTTCAGTTG

>Sequence 2562

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGGAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGNGCCTACANTTGGATTTGTANGAGGAGAAAGGGA
GCCCTGTTATTTGTGAAGCTGTGCCTAATGAGAAAATTCTTTTGCCCCTN
GGAATGTGGTTCGATG

>Sequence 2563

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGTAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAAAAATT
TTATTTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGGAAGATCCTTGGAAAAAGTCATCACTGCCGTTGAAACAAAA
CTTGG

>Sequence 2564

Table 3

475/1077

CCGGGCAGGTACTTGATGGACTCATCATTACAGAATACTCCTCGTTGGAA
GGGGGTATGCCTTGAAGTAAGAATTGCAAAAGGCAATCCAGCTAGCAAAA
GGGAATAAATGAAAATATCATTAAAAAAGAAATATCAAAACTAATTAAAT
GGCAATAATTATCCCACAGACTCTGTCTAAAAATGCATTTGCCGTGAAAA
TAAATGAGAGCACATGTAAAAAAGGAAATGCAGCAATGCATGCAACAGAA
GTTAGAAAGATTACAGTTTTAAGATAAAGATGTTTTGTCTACAGCAAACA
AAGTGTTCAAATCCTCTATTAACCAATTTAACAAAGAGTTATCTTTCCTT
TGTTTCTGTCCAAACACACTAAATGGATTTTGGA AAAATCTCTTCTCACG
TTG

>Sequence 2565

CCGGGCAGGTACTCTGGTAGCCAAGTTTTGCAAGAGCCGGGGTTTCCAGC
AGGGATGGTAGCCAGCCTGGGCACACTTTTCTGTATTGTATTG AACCTC
ATTTCTGATGCTCATCCAGAAGTTCCTGGCTGGGTGAGTAGGTGAACAG
TTCAAGGCTGTGTGGATGAAACTCTGGCATCTCTTTACAGTGCTGTCCGG
CAGGGCAGTGTGAGGCCACTCTGTCTCCTTTGACCTCTTTCTTCTTCAG
CAGCCAAATGGAGGCTCTCTAAAGGTGATGATTA ACTTGGCATAAACATG
CCAAGCTTTCCTGAGCGTTTGCCCTGAATTGGGCTGTCTCTTGCTGCTCT
GAGACAGGGAGACTGGCTGTCTGGCTG

>Sequence 2566

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTC CCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTA ACTAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTCATCTCTGCTATATTAAATTCC
TGTTAAAATGGGGGAGTTCGGGTTC CCAATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGA ACTATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCG

>Sequence 2567

AGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTCTCTGACGCGAACGTCTCT
TCCTCGTGGTTTTTTATTGTCAGTATTCACACGAAGTTTAAGTCTCCTAGT
GGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAA AACACAAAGCATACCCT
CTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCC CAGGTATTGGTTTGGGAGTT
TTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAGAATTTTTTGCCTGTAT
AATGGCATTTAGCTGCAGTCAGAGTAATTGTTTTTAGGAAACATTTAGAA
AAGCTTAAACAATTGCTAAATATAATTGGGAAGTGGGGAAGTTAGTTTAA
ATTTATGCCTTTT

>Sequence 2568

AGGTACTCCAACCCGTTCTTAGGTTTTGGGTTAGTGAGTGGTGTATCAGC
AGCCCTTACTAGCAAAAGTCCTATGTGCACCTACCTACCCTTCTTCATTG
ATGGATTGGAGCTATACTTACCTGGGCAGGCATGACCTCGGCATTAGTCC
CCGCAATCTTGACTCCAGCATACAAGCAGGCCCGGTAATGGGCCTCCACG
ATGTCCCTGCCATAGGCTCTTTGAGCTCCCACACCACAGTAATATGGACC
TACAGAAGCATCAGGACAAAACGCTAAGAGTCAAGAAATCCAGAGAATCC
CAAAGTCAGAGATCAGAAGGCCCTAAGCCTTGCCCTCTTGAATCACTATC
CTTGCCTTCATCTGCAGGTGCGGGGCAGGGGA

>Sequence 2569

AGGTACTCCAGCCTGGGCGACAGACCGAGATTCTGTCTCAAAAAAACATT
AACAAAGAATACTCCAGATCATCCAGAAAGTCAGTATCTGATAGTGTTTA
TATGGAGAACTCCTGCACTGGAATGTAAACTCCTAACCCTAGATCCATCT
CTTCTCAGGTCTTCCTATCACCTCAGCCTACAGCAGTCAATCCTTCCCTC
TAACCACTCCCTCCTCCTAAGATTT CAGCATTTAATGCCTGTACGCGGGG
ATGTCTCTTGTGCTAGCTGTCTTTCAGAAGACCTGGTGGGGCAAGTCCGCGG
GCATCATGTTGACCGAGCTGGAGAAAGCCTTGA ACTCTATCATCGACGTC
TACCACAAGTACTCTTCATACCTCGTTGGATGTGGGAAATGCCTACTGTC
CCAATCAAAAAGTTT

>Sequence 2570

Table 3

476/1077

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTGTAAAATCTAGCATTC
AGATATTTGCTGAGATTTTGTCTTTTTATCTAACCTCATTTGGTGTCTT
GTAAAGCGCATCTTGAACAGCCCCTAGAGCTAAAGTGTAGTCACTAGACC
AGCAGCATCAACATCAGCTGGGAGCTTTACTGAATTGCAGAATATGAGGC
CCCAGTCCAGATGGACTGAGTCAGAGTCTGGGGGGATGTGACCCACCAAT
CTGTGTTCCAACAAGCCCTCTAGAAGATTCGAACACGCACGAAAGTTTGA
CAACCATTTGCTTTGAATTTTGACACCAGAAACTCAGGGAAAGCTACAGAA
TGACGTTTGAATGAAGAAGCAATATTAGCCA

>Sequence 2571

CCGGGCAGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTTGGTAGCAGAAAGAAC
TTCTCAAAGTAAGGGCTTCACACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCA
GCCATGGCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGC
CCACACTGAAAATACTGTGGGGACAACAGAATGGATTTGCAAGTTACCAC
TATCTCTCACCAGCTGTAAGACCCTGGGCACATTGTTGATCCTAAGCCTC
AGTTTCCTAATCTGTAAAAGGGTGATATTAATTGTTCTTGCTCACAGAAC
TGTTATGAGAATTAACAGAAATAGCATATTCAGACTATAGCAGAGTGTCT
GGCATGAAACAGAGACTCAATAAATACA

>Sequence 2572

GTCGCCGTTATACTACTATTGGGCGAATCGTAGCTCCACTGCGGTGGCGG
CCGAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCC
ATCGTGGTTTTCTTTTCTTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGG
TAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCCG
CTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACCTATGGG
TCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGT
TAAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTCACCCTATTCAG
GGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATG
TGGAACCTATGGGATCACGTTGGTGCAAAATTCCGAGAACT

>Sequence 2573

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTTGTGGATA
CTGTATCTTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGT

>Sequence 2574

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TtagtggcaactggggaaatcttggcacccagaagaattcaactgCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTTCG
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCG

>Sequence 2575

CCGGGCAGGTACCAGTGAAGGACAAGAACTTCTGGAGGTCAAACCTGGGG
GAGCTGCCAAGCTGGATCTTGATGCGGGACTTCAGTCCCTAGTGGCATTTT
CGGAGCGTTTCAAAGAGGTGAGAGCCTTGTGGGATGTCTGTAAATGAAAG
CAAATCTCTGGGTCTTCAGATCTCTTTTTTGCCATGAATTAATTTGGGCA
ATGAAGGCCTTGTTGTCTGAAAGCAGTAAGTTATGTAGAGGATGACAGGG
AGGGATGCTAGGCCTTGGACTTCTGTGGTTGATTGGCCCTTTCAAAGGCT
GGCTCTGAGATATTACAGCCAAGAACATGCTTCCTGTTGCTTGGAATCAG
TATGTCTGCCTCTGTCTTAGAGAAA

>Sequence 2576

AGGTACAGTAACATGCTGCACAGTTTTGTAGGCTATGAGCAATAGGCCAT

Table 3

477/1077

ACCATATAGGCTAGGTGTGTAGCAGGCTGTGCCACCCAGGTTTGTGTAAG
TGCACTCTATGATGCTTGCACAACGACCAATTCCACCCAACAACGCATTT
CTCAGAATGAATCCCTGTTGTCAAGCGATGCATGACTGTGCCTTTGATAG
TTCCTTACAAATTGATCTTGAGTGTGTATTCATGTGTAACTAGTTACTG
AATAATGCATCTCGAAATGTTGGATTCTTTTTTGCATCCGCCTGTGCTGTG
CTGCCTTCCATGGAGCTCTATGATGACTGGCACCTCCTGGTGGAGGCATC
CTTCCCACATTACCCCCAGTAAGA

>Sequence 2577

AGTTACTCTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTAATAAAAAAGAATCTTA
AAATCTGGTTGAGAATTATATCTGGAATATAATTGTATATTTGAATATTG
CTGTCATAACTTTTCAGTTGGAGAAGGGTCAACTCAGAGGGGTTCCACTT
CAAAAAGAGGACAGGGTGGGTGAACAGCTTGCCTGGCCTTTTTTCCCCAC
CCTGTGTCTCCATATTCCAGCCTTCTAAGAAAATGGCTGGTGGGTGAGGA
TAATGCACCAAATCCTTCTTGACTGGTGATCTTGATGCACGTGCCATTTTC
CCTGTCTCTCCAGTGTGGGAACCTTAACTTAGGGCAGAGCCTATTCCTG
GCCTTATAATACTGTGTTGGTTGTTTTGACCCTTT

>Sequence 2578

CCGGGCAGGTACCAGGATCCAAAGAGCTCCTGTGGAACCAGACTTTTCCC
CACTCTGCTGAAAAAACCTCTCCTCAGAGCCCTGGGCTGTGCAACGACAA
CTATGAAAATATTTGTTTCTCACTTAGGGAAATTTCCCAGGAATCCTGCT
AAGTCCAGAGGGGTTTTCTTCTCTTCTTATTTCATAGGTTCCCCTTGCC
TTTAAAAGGAACTAAATAAACAAGCATAAAAACAAAACAAGAAAATCTCC
CCTGCTCCCTTGGCTTTTATCTGACCCTGAAATGACCCCTTGCTGGCTT
GCTTCATACAGGTCTTTGAAAGGCGTTCTCTGCAGAATGGTGTGGGCACA
ACTTTGAAGTCCAGGCTTCAGTAGTGGCCAAAC

>Sequence 2579

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAACAGGGTTTCACCGTGT
TAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGGCCTCGTGATCCGCCCGCCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCATCGTGCCTGGCCGCTGCT
TGGGTTTAAAATGAATCTTGGATACAGGTGGCCAGACTAAATGGTCTCTC
AACTTGTCTTCAAGTTTAGGATTTTAATTTTTGATATTTTTCACTTCTCT
CTGGAAATTTGTTCAATTCTCAATTGTTGGGGGAGATGCGCAGCTTGCTT
CATTATTGGAGTTTACTGGGCTGATAAATCGAATAAATTTTAGAAAATTA
TTAATTGGGGTCATGTGAGCTATTCGCTAACCAGTTTTTAAAAAATATGG

>Sequence 2580

CCGGGCAGGTACTAACAAATGCAGTAGTCAACAAGATTACCATGCAATCA
TTAAGGAGAACC AAAGTAAGAGAGCCACTCAGACCAGATTTTGAACGCTA
CTAAAATTAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATT
CTTTGTAATAGTGATACCTCTGCGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTT
TAGTCTACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGA
TTGACAGTAGCACAGCTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTTCAGGACAAATTT
CAAGAAAAC TAGAAAACCATTTTACAGCTGAAATCTTTCCCTAACCAT
TGTTATTTCCACTTTTAAGTCCTCAAGAGATGAGAAAAGGGAGGTAAGGA

>Sequence 2581

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTTTCAGTTCGGCCATAAAGC
CATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTTGATGTAATTACC

>Sequence 2582

AGGTACTTCTGCTCCTTTTTTTGGCAGTAGTGGATGTGTCCTAGTGCTTG
GTTTCTCTGCAGGCCTTTTAGGGAGAAATAGCTGAATTTGTTACAGTATA
ACTTACTTTTTATGTTGATCTGTTTCTTCCCTAATGTAAATAGGTCTAA

Table 3

478/1077

TGCTAGTTGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGGGTTTG
CAACTGCGTTTTATTGAAAGAAAGAGTGGAGGGGTAAACATGGGGCCAC
CTTACAACCCACTTTTCACCCCCAAAATCACCCAGGGATGGGACTCAGGA
AAGGGAAGCATGTGTGTGTTGAATAGGAGCCCTAACTGTAGTTACTTCTT
TTACAGCAGGGAAGGAAGAGGGAAGAGGCACCTTTGGAAAGGATGAGG

>Sequence 2583

AGGTACTTTGCTTGGATTGCTGTGATTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTT
TTTTTATTTTCTGAAGGCGACAGTCTGTCTTTTGGCGAGTCCAATTAGT
GATCGTTTCCATTTATCCTTAACCCCTCTGTTTGTGATCTTCCTGATTCCA
CCTACAAGTTCATTAGTTCTAAATAAAAGCCTGTTGGCAAGTGTTGGTAG
ATTACAACCTCTTTTTATTTGAAGTTGCTCGAGAAGTTAGACATGCTTTAG
AATTATGAGTGTGGGGAAAATTTTGATGTTTCCTTAGNGATTATTATAAA
CTGAGGAGGGGAACATTGCCAAATAGGGTCTGAGGGGCTTTGTTTCTCT
TCTTGGCTCTGAAAACATTTTCTGAAAAAGGCAAGGGAAGGTAGGGGGTA
GTT

>Sequence 2584

CCGGGCAGGTACCCAACAGCCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTG
TGTGGCTGCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTTGAACAGCAT
CAGCGTGGCCCGGCGTTCCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCC
AACAATGTTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGG
AAGGTAATAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCA
ACAGCATCGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTAGAAG
AAAGAATTACAGGACTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTTAGAAGAT
AAATCTGGAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGA

>Sequence 2585

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCCTCCTTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGTC
TCACCAAGTTTCCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCTTATGTGCCTTTTCCTCCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTG

>Sequence 2586

AGGTACTTTGCCCCTCGTCATGTCAGGAGCATGAACTCACGAGGCCTT
CATTTACTTTTATCCTGTAACACCTTCAATTTTCCCACATCCTCCCTTG
ATTCGTGGATGGACAACCTATGGAGGCCAATCTTGCTGAGGTGAGGACTGC
TTGAGTCTAAATTCTCTCTCCTCAAACCCAATTCAAACCTGGCCTGAGCA
AAATGAATGTATTGATCCATAACTGAAAAGTCCAGAATGATCAGGCATCA
GGCATGGTTGCATCCAGGGGGCCATGTATTAGAACCATCTCCTTCCAGTT
CTGGGCTCTGCTTGCCTCCCAGTTGGTTTTACTGCACAGAGGCTTATTCA
AGTCCAGAGAGATCTTATCT

>Sequence 2587

AGGTACCGAGACAACAAGTGACTTATCCCAAGTCACACAGGAGTTAGAGG
CAGGGCCAGGACCCAAACCCAAGTTTCCCTTTTATGAGTCAGCTCATTTT
CTGTGACTCCATATTAAAGATGCCACTCTGAATTTTGCCTTGGAAGCTGG
CGCTTCAGTTTATAACACAAATTGACACTTTAGGAAGACAAGAGAGCTTT
GTATTCTCCCTGCAATCATTTACTCAGTCAGGAAAATACTAAACACTGTC
TTTGCGTAGAATATAATGCTACTGATGTGAGGAAAAGAAATCCAGTGCCT
GGCACATAGAAAAGGATAGATACACTTTTGTGGGAGGAAAAACAGTGGTA
AAAACATGGACTGGAGTCTCAGCT

>Sequence 2588

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGGACCATTCT

Table 3

479/1077

TAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCAC
TGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCT
GTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTCGAT
GCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGT

>Sequence 2589

CCGGGCAGGTACAGAGAAGCAGGTTGAGTGGATGGCAAAGTGACCGGTTG
AGGGGCCAAAATGATAGGAGGGTGAGGGGCTGTGGTGGATGGGGGAGGGC
CTGCAGAATTACAGGTAAATTGTAGTTTGGATGGCTCCGGAGGCAAAGAC
TGTAAGGTTTGGAGAGGGAAGAGTTAGCATAGATATGGTCCTGGGCTGT
CTGAGTTGGGGCCGCAGGAGCTACAAGTGTCGGCTCTTCGTGAAAAGAAA
TAAATCATCAGGGGGTGATGTTAAGCCAAAGTCACTGGAGTTAGATATT
GAATCCTCAGTATCGTCAGGTGGGGGAGGAGTAGGCAAAGGGAGGGGCTG
AGCAAATAATGAAGGCCGAGTGGGAGAGGAA

>Sequence 2590

CCGGGCAGGTACTTAGTGGACACTCCGAGGCAGGCAGGGGAGTGGGAAGC
TTTACGGTGGAAAAGGGGAAGGCTGCAGCAGTGCTCTGATTGGAGGCTTC
TGGCCTGGAGAAGTTGGAAGCAGCTGATAGAGGTAGGTGTCTTCAGTGAT
TGGTTTGAGGAGCCTATTTGTTTTTCTGTGGTTGATTCTGAGTTGCAAGA
GTCCTGACCATTTGGGGCTGATTGCTGCTGAGGTTGTGGTTTTCTTGCAG
GACAGGCAAGCCCCAAATTGGGCCTTAGCCCATGAGGGTTCCTGGCTTTA
CCCAGGAAAGAATTCAAGGGTGAGCCAGTGGTAAGGTGGAAGAAAACAAC
TTCATTAAAGAGGCAGTGTGACAGCTCCGTGACTTTTCCTGCAAAGTAA

>Sequence 2591

CCGGGCAGGTACAGTGGCGTGATCATAGCTCACTGCAGCCTCAAACCTCCT
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCCCAGTTTCTTGAGTAGTTGGGACTACAG
GCGTGTGCCACATCTGGCTATTTTTTTTTTTTAAATAGAGAAGGGGTCTT
GTTATGTTGCCCAGGCTCGTCTTGAAATTCTGGGCTCAAGCAATCCTTTC
ACCTCAGCCCCCAAAGCAATGGTTCACAGGTTACAGGTATGAACTACC
ATGCCTAGCCTAGCTATTTACTCTTAAAGGAAAAAATAATTTTTTATTTT
AGTTTTCAAGGCCTTTCATGCTATTTACACTTGAAGTTTGGCCTTATTAT
TTTTTGCTTAGAAATCTTTTAATGGTTTTAGGTCACGTTGGG

>Sequence 2592

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATT
TCCCCATGTTGCCCAAGTTGGTCTCAAACCTCCTGGGGCTCAAGAGATCTG
CCCACCTCTGCCTCCCAAGGTGCTGGGATTTTACAGGTGTGAGCCACCA
CAACCAACCTAATCTGGTTTTAAAAATAATAGAGAGATAGAAAAGACCAG
ATTCTTTCATGGGAAGGAGGAGGAGGTGGCAAAAGTCAAGCCATTTTCCG
TTATGAGGTTGCAGAGGGCAGCTCTCACCCAAGGAGCGAGCATGCAGGAA
AGCAGATGAGTCGTATTAAGGGAAAGGAACTGGCGGTCATTAACCCAGGT
CAAACACGGGCAGGTGGCCTCCCAAGGCTGAAAA

>Sequence 2593

AGGTACAGGCCAGACTCATTCATGTTACAGGCCCCATCCATCTGGCCCA
TTAATCCAGCCTATGACGGTGATGTAAGTGAAGGCTGGACCAGGTTTAT
AGAAGGTTAGAATCACTCTGTCCAAGGAAAATGGGGTGAAAAGGGAATTT
CATCACCTTGACCAAAGTTAGTCCTGTTACTGGTCCTGAACATCCAGAAT
TAGGAAGCTTACTGTGGCCTCACACCACATTAGAATTTGTTCTGGAAATC
AAGCTATAGGAACAAGAGATCGTAAGTCATATTATACTATCAACCTAAAT
TCCAGTCTGACAATTCCTTTGCAAAATTGTGTAAAACTCCCTTATATTGC
TAGTTGTAGGAAAAACATAGTTATTAAACCTGAT

>Sequence 2594

AGGTACCTGTGGATGGGAAGAATAGAAATCAGGAGTGGGCAGAGGGAAAA
GTTAAGCTGTGATGTAGGCCAGTGACAAGCCACTGACACTTCTATGGGG
AGCTGTAAATAGACCTTTGGCATTGTCCCAAGTTGGGCCAATATGGCCAG
GGCCCTTACAGGCTCACACATCATTTATTGCTTGTGGGCCACTCCAGGAA
GGTGCATGACTTTGGGTAAGGAGGCTCTCTGGAGCTGAGGTAATCCCTGA
AAGGACTAACAGCTGAAGATTGTCTGCTGAGAATACTGCCGAAGACTAAG

Table 3

480/1077

GCAACAAATTCTTTCCACATACAGGATCTGGATGGCACATCACAGTGCCC
AAAATAAAGGCTGAACTTTATTTAGTTATAATCTGATCAGTTTGGAAT

>Sequence 2595

AGGTACTTCAAATGGGTCACCTGAATATCTTCAAATTGTATGTAAATTTTG
GAGGGGAAGTGGTATATGCAGATTTTTTTTTTCTGGAAAGAAGACCAAT
CACTTTTGCCAAATTCTCAAACAGGCCCATATTTTTTCTAACACACATGC
GTGCGCATGCGCACACGCGCGCGCACACACACACACACACGTTAAGAT
GCGAAGAATCACTGTCATAAAATGTCATATTTCTAATTTCTGTAAATGGG
GAGAATTCCTCAAGCTTATATAAAAGTGATGTAAATAATTCAGTTACAAT
TATAAAAGAAATGGTATCACAGCAAATCCCTTTGGCACCCCACTGAAAAT
TTCTCTCTGATGTTTAAACACCATTTT

>Sequence 2596

CCGGGCAGGTACCTCTGCTCAGTTTTGCTGTGAATCTAAACTACTCTAT
ATAAAGTCTATAAAAAACTAAAACAAAAACTAAACCCCTGAAGATTGGAA
TTTTGCAAGACGGAGTAGCTGTTCTCAAAGAAGACAGCTTATGTNCCCCC
TCTTGGCCAGCACTTGGCTTGANGACTTACNAGGGTGCAACATNNGAAAT
TTCTTGTTTCGTAGCAAGGTGCATTTGTCTCACAGTNNTGTCAGTCTGCC
ACTTTCCGAGTTTATTNNGGGTGTNNTTGTTCCTTTTGAGAATCCANNT
GCATTCNNCTGGTTGAATNCNNTCCTGGAACCTCCCTCANTTAGGNNNT
ATGAAATAGCATGATGCCATTGCATTTAAAGTCACGGAAAGGTTGGCAAA
AGAATCACCCAACGCTGA

>Sequence 2597

CTGGGCAGGTACAGGTTGCTGTAGGAGCCCTTAATCTATGAGATCTTGAC
AGATTGCTTGCTTTCTTCTTTCCACCATGGGAGAATGCAACAAGGTCTTC
ACCAGATGGCCGAACAGATCCAAGTGTGATGACCTTGGACTGTCCATCCT
CCAGAACCATAGGCCAAATAAATTTCTTTCTTCTATAAATTTCCCAGTCT
GTGGTATCTGGCTTACCTTGAAATCAACTGAAATCAGTCACTAAGGAACA
AAATTTCTCCAGAGAACTGTTTCTTCTTGAATCTGAATGCCCCGAAGT
TCAAATCATTTAGCCACTGAAAACAAGGAAGAGCCTTCTCTTGAATGTTT
GAGCCAGCCAAGAAGAGCTTGCCCCACACTTGGACATTCAAATCAGCCAG
CAG

>Sequence 2598

AGGTACGCGGGGCTTTCTCGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTT
TTCTTTTCACATCAATGCATAGTCCCTGTGTGAATTTACAACACCCAACA
CCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAACCAAGTTTTTATTTGG
TTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAATTCTAGAAATTTT
ATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTA
GTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTG
CAATAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGT
ATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCT

>Sequence 2599

AGGTACAAACTCTGTTTAGATAAAGAATTAAACAAAACCTTCCATTTTTAT
TAATAATTCAAGTATAATCCATAATATGATTATTAGGTGTTATAACTAAT
AAGTTGTTATTTTATATCTTAATGTAGGTAAAGAGAACTGGTCTTGTGGT
GGTGAAAAACATGAAAATTGTTGGTCTCCACTGTTCTAGTGAAGATTTAC
ATGCCGGGCAGATTGCTCTTATTAAACATGGGTCAAGGCTGAAAAACTGT
GATCTTTATTTTTCCAGAAAACCATGTTCTGCTTGTGTTGAAAATGATTGT
AAATGGTAAGTGCAGAAAAGGGTTTGTGTTGGGGATTAAGAGTATTTATCTG
GGATGGGCGTGGGGGTTTATGCCTGTCATCCCAGCACTTT

>Sequence 2600

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCGCTGCCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAGGGAGATTTCGACAGC
GCATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTTCTTTTCCATTTCAGAGTCCTCTGATTCAGATTTTAA
TGTTAACATTTTGGAAGACAGTATTCAGAAAAAAAATTTCTTAAATAAA

Table 3

481/1077

AATACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAAACTGGTTGGGGAATCTCCATTT
TTTCAATATTATTTTCTTCTTTGTTTTCTTGCTAC

>Sequence 2601

AGGTACGCGGGGAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAA
AAGGGTGGGGAGTGTCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCC
CGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTTCTGGGGAATTTACAACAC
CCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTA
ATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAA
ATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATACAATGGCCTACATT

>Sequence 2602

AGGTACGCGGGGATCCTCATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCG
TTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTT
TATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTCTT
AGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCA

>Sequence 2603

CCGGGCAGGTAAGTATGATGCCATTAATAGGAATCATGGGAACATGGGAATGA
GAAATGAGCTCCAAAAGAAAAGATGCATTCTCTTTTGGACATATTGAGTT
GGCTATCTCTAAAAGATATTCATGTGCAGATGTCTGGCAGACTATTAGAA
ATGCTGGTTTGGAACTCAAGGAAAAAGTTACAAAAAATTGGACTAGGTTA
ATGGATGGACTATTTTGAAGTTAAATCCTATGCTTCAGTATAAATGAAGA
CATATTTTTTTTTTCTATAACCACTANTTGAAGTTCCCCCTCCCCCTCCAA
ATTATAAGTATTGGTCTTTGGGAGTGTTTTGGATCCACATTTGGCAGGGG
ACTGGGGATATGNGAGAAAAGGAGGTGAAA

>Sequence 2604

CCGGGCAGGACTATAGATTATTTGTCTTGAAGAAGAGCTTTGATATGTTT
CAAATTCGACGTTGGCTTTGGAAGGAACTGTAAATTTACAGATCTTTG
TCCTTCCCCACAAAGAGCCTTAATCTCACAGGTTGGATTATGTGGAACCTC
ACTGCTATTTTTTCAGTTCTCCTTTAAGTGACTAAGGAACATCCAGATACT
TCCAAAAAAGGCTAAGTTTTTCACTTTGTCCATTGCCATTTAAT
TATCTTCTGCATATTTTAAAGCATTTCCTGTGAACATAAGTATTGCCCAT
CCAGAAAATTTGCGTCTACATTGATTTTATGTTTAATGAAACCTGTTCTT
CTCAAGTTCTTTATTTAATCACATAACATAGTATCTTCAAAGGTGA

>Sequence 2605

CCGGGCAGGTACATTATTTCTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAAAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACACGCTAGGCATTAGGGG
TCTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCTAGAACAC
ATGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTA
GAGGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCG
AGGCCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTA
GGGCACTACCAGCAGCTCAGTAATGCCAGAGAAG

>Sequence 2606

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGC
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCCGGATAGAGACTTTGTCCCTTT

Table 3

482/1077

>Sequence 2607

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTG

>Sequence 2608

CCGGGCAGGTACCCAACAGCCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTG
TGTGGCTGCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTTGAACAGCAT
CAGCGTGGCCCGGCGTTCCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCA
AACAATGTTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGG
AAGGTAATAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCA
ACAGCATCGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTATAAG
AAAGAATTACAGGGCTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTTAGAAGAT
AAATCTGGAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGAAGGTTA

>Sequence 2609

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGCTTTGTGACACACACACACACAGCACC
TGCACGCAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGA
TAGGGGCTTTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTC
AAGGACTCATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACTAC
AGCTCAAAGAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATG
GAAGAAGCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATA
CAAAGCCTTCAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGC
TGAAGCTTCTGCTGGAGTGGAACC

>Sequence 2610

GCCAGGTCCCCGGGGATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTTCTGTGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAAGCTGTGCTATGAAGAAATTCTTTGCCCCTGAATGTGG
TTCGATGCCAAAGGGAAGATCCTTGGAGG

>Sequence 2611

AGGTACTTTTTCTTTTTTTTTTTGTTTTTTCTGGGCTGTTAGAATTTG
ACATTGTTCAACTTTAACTTTGTCCTCATTGAACTTTATCCTGCTAAGGA
GCTAAAAGGTCCATATGATCAAAAAGGCAGCTCTCAACCCAGCACGAAAT
TCCAAGGCTCATTCTTTCTGTTTACCTACTGCCAAATAAGTCAGACAAC
TGCATACTTGCTTTACAGACGAATAGAGGACAGCATGTTGTTCAATAATT
GTAGTTTAAAAAGTATATGTAAGATACATCCACAAGAAGAAAGATAGAGG
GAGCATACCGTTTGTCTTCTAGTATAGGCTCCCTGCCCATGGAGATCACA
GAGTAGAATTATGATGGGTGCCTTAGAGACCAGCCTCCCTAG

>Sequence 2612

CCGGGCAGGTACTCTGGTAGCCAAGTTTTGCAAGAGCCGGGGTTTCCAGC
AGGGATGGTAGCCAGCCTGGGCACACTTTTCTGTATTGTATTGAACCTC
ATTTCTGATGCTCATCCAGAAGTTCCTGGCTGGGTGAGTAGGTGAACAG
TTCAAGGCTGTGTGGATGAACTCTGGCATCTCTTTACAGTGCTGTCCGG
CAGGGCAGTGTGAGGCCACTCTGTCCTCCTTTGACCTCTTTCTTCTTCAG
CAGCCAAATGGAGGCTCTCTAAAGGTGATGATTAACCTTGGCATAAACATG
CCAAGCTTTCCTGAGCGTTTGGCCTGAATTGGGCTGTCTCTTGCTGCTCT
GAGACAGGGAGACTGGCTGTCTGGCTGACCAGCCCTTGGGGCTGAGGT

>Sequence 2613

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCA

Table 3

483/1077

ATTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCCCCTTTATA
ATCTGAATAAATTACCCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGAC
TTGATCTCCCTAAAATAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATAT
ACCCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAGAGACCAT
TTGGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACA
GCTGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTGTCT
GAGGG

>Sequence 2614

AGGTACAGAGTGATGCCAGGCGTTCATCTCCCCACTGAGCTCCTGCTGAG
TGTTTGCCTGGGGGCCAGGTCCTCCTTCCGGGAAGTCATTTTAGCTGGAAA
GAACAGGGTGGGGGCGGGTGGCAAGGGATCAGAGCATGAGCGTTTGAGGG
CTTCGTCAGGGGCGAGTGAGGAGCCTCTAAAGGACTCTACATTTAGGAATG
ACAGAGTCAAACAATTTAACAAGCCCTAAAGGTCCCTGCCAGGAAAGAA
TGAGCCCCATGTATCACCATAAGCAACTTCTTAGAAACATAAACCACCCC
TGTCATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGAGGGAGGATTGCTTGAAGCCA
GGAGCTCGAGATCAACCTGGT

>Sequence 2615

AGGTACTTTACTGAAAACCAGGTTATATTCTAAAGAAGAAAGAAGGCAGG
ATAGTGCTTTTGAACAAGCCTATTTCCATTTTGAAAGTAGATTTTCAAGGCT
AGGTGCGGTGGCTCACACCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCA
GGCAGATCACTTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGTG
AGACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCGGC
GCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTAAGGCATGAGAATTGCTTGAAC
CCAGGAGGTGGAGGCTGCAGTGAGCCGAGATCACGACACTGCACTCCAGC
TGTGTGACAGAATGAGACCATCTCCAAAA

>Sequence 2616

AGGTACAACCTGATCAGCAAAAATATTATGATTAATATGTAACTGAGGAA
GTATATCCTACAATTTAGAAAGATTAATATTTAAAATAGTTAAAATTATT
GAAAGTTTTAACTTGCCCGAAACAGTCCCTAACCATAAGGGACAATTAAT
GATGCTATAAAATTCTATCTAACATTCTAGTCTACTTGTTGTTTTGGAG
GGCAGGCTGCCATTCTGCTATTTTAATCTTTCGAAAGTGGGCTCTGGT
CCCATTTAAAGGTGTTAGCCATTTTAGAGATACACAACCCTCAGAACTAC
CTTCTATAACATTACCTAATTTTCTAAGACTTAAAAATGTAATACTATAG
CTGGGCCATGGGTGGGATCACCCCCAGGTGCACGAGTTTTGAAGACCATT
TCTGTGCCAACCATGGGAGAAAACCCC

>Sequence 2617

CCGGCCAGGTACGCGGGGGTGACACACACACACACACACAGCACCTGCAC
GCAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGG
GCTTTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGA
CTCATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACAACAGCTC
AAAGAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAAAATGGAAGA
AGCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAG
CCTTCAGCACCAAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAG
CTTCTGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCAC
CA

>Sequence 2618

AGGTACGCGGGGAGAAAGGAAAGCATGAGGAATAGGAAACCTTGTGGGAG
TATAATAACAAGAGTATTGGTTGAGTAGTCTTTTGAAAAATATAAATTAT
ATTTTCGCAAATAGAACTCCTTGAGTCCCCTTATGGCAGTCAAGCTGAAG
CAGCATGAGCGTCATATCATAGTGATGTATTTTAAGGTCACAACGGCGGA
AAGACATAGAAAGTATCTGACCTCTTAGAAACAAGCAGCTGCTGCCTGGT
GGTAACAGCAAAGGGTGGAAAGTCAATAGAGTCTCTGTGAGACTGTTTCAC
AGAAGGATGTGTGTTTACCCAAGGCTGCGCATCAAAAAGAAATAGATAAA
ATAAATGGAAAATTAGAAGGGTCTCCTGTAAAGATGGTCTTCTGAAGGC

>Sequence 2619

Table 3

484/1077

AGGTACCCTCAGTCTTTCAACGTTAGTCAAACGTTACATTTTCTTTCACT
CTTACCCTTTTTTGAGCTTCATTTCCCTCTCTTTATGTTCTCGAGTATAGC
TTCGAGGTGTAGGGTATTCATTCCCAAGATCCACAACAATTACCTCCCTA
GAAAATGTCACTCCTTTTAAAGGTCTTTTTTGGCTTTCAACAACCTGAAGG
AGTTCTAGTGACAGATGTGTGTATTTTCTGCAAACCATCATCCTCTTCTT
GACCAGTTTCTCCAGCATTCTCAGGCTCTTGCTTCTCATTTATTTGGTTC
TCCTCTTCTGCCTCCATGCTCCCTTTCTGTTTTCTAAGGGGTGTTGGCCA
ACACTTCCTTACTTCTGTCTCTGAAA

>Sequence 2620

CCGGGCAGGTACATACATTCTAATGGTGTAGGAATGTATAATGAAAGATG
GTCTTCAATGGCTACTGAAACACCTGATATAAGGGATGCTGTGTGCACTA
CTACATAGAGATTGGGTCTTAAAAATATTTAGGGAAAAAAGCTATAATTT
TCTTTCTGAAAAATTTAATCTTAAGTGATATTTACTAAGAAATATATACT
GCAAACCACAATAACAATGATCTTCTCAAATTTGCCTAATTGCTTCACA
AATGAGTCAACTTACAAAGAAGAAAACACAGAAAATTGCTTTTAAATATA
TAACTCCTTCATTTTGCTGATAATCAAATGAAAATTTAATTCATCCCATT
TAATACAAATTAACTCATGCTCAATGTAAGATATCATTATATATTTTAT
AACAAACATAAAAGTTCAAG

>Sequence 2621

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATT
AACTACCAGCGGGTTGGGGCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGGGGAT
ACCGGATTTGAATTGGGAATTGCCGGGATAAAAAACTTT

>Sequence 2622

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATTCTTGGAGAATCATCAATGCGTTGAAACA
AACTTGGCATGTTCCCTG

>Sequence 2623

CCGGCCAGGTACTATATGCCATGGATGTGAATTTCCCATAGAAGCTGGTG
ACATGTTCCCTGGAAGCTCTGGGCTACACCTGGCATGACACTTGCTTTGTA
TGCTCAGTGTGTTGTGAAAGTTTGGAAAGGTCAGACCTTTTTCTCCAAGAA
GGACAAGCCCCCTGTGTAAGAAACATGCTCATTCTGTGAATTTTGAAG
TCAACAGTTTCAGGAAGAAGAGAAGGATATTTGAAGAGAAAAAGGAAAAT
TAAAATTACTAATTAATTTTATAGGATTCAATATTTTATATTGGAGTTTGT
AAAAATAATAGGTGGGCCCTTGAAGGAAATTAAATTTCCAGCTTTTTAAA
AACCCAAAGTCTGAAGGAAAATATTTTGGGGCTTTCATAAAAGGTAAAAG
AGAACCGGGTTTGGGCATTTAATTTATTAACCTTTTTT

>Sequence 2624

CCGGGCAGGTACCACCCCCTTGCCGAAAGCACTGGTTCCCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGAAGTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTTACATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAATAATAGAGAA

Table 3

485/1077

>Sequence 2625

GTTGCGCCGTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGC
CGAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAA
AGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAA
CAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGT
TCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAAA
TACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAG
GTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTG
AGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAA
CCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCACAAA
TACAGCCTTN

>Sequence 2626

CCGGGCAGGTACGCGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGACGTCTC
CCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTTGTAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGA

>Sequence 2627

CCGGGCAGGTACAGTATTGAGAAGTAGGGAAAGAATAGAAGGAGGAGTTG
AATCTGTAATTGACTGAGCAATCAGTTGAGATAACTCACTGCCTCCACAT
AACCTTGGGCTGTCCTATGAGTCAGTGGAGAGCAACCCCTCTCATGTAGG
TTCAGTCTGAGGTAGCTCACTGGCACTGGGAAAGTTGATCAGGGTAGTCC
CATCTCATGCACAGCCCCATTTCCCATGAGCCGCTAGAGTGGCTCGTAT
CAGAAAGATGCCATACCAAATGCTGGCAAGGACCTGGAGCAACTAGAATG
CATGTGCATTTACCTTGTCTGACAGCCACTTTGGGAGAACTCTTTGGCTG
TTTCTTATAAAGCTAAACATAATCTTCCCAAATAACATGGCAATCCCACT
TCN

>Sequence 2628

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTGACAACAAAATTT
TTTAGAGGGGCTTCAACTTAACTGAATAGGATTAAAGGTGGATTCTTTGG
TCAGTGTTCAAGAAGAGACCCTATAGCTACTTACAAAGGAGTCCACACCT
CAAAGTAAGCCACTCAGTAAAGCTTATCTATTTTCACTGGAACGAAAAGG
AGCTAAACAAATGACAAATTCTACTAACTACAAGGAAGGCAATCAGCAT
CAGTTGTGCAACTTTGGTTAAAATGTCCCAGCCAAAAAACATTCTCTATC
ATTTTCATCATTTTAATCAGGTAGCTTCTCATTCCTATTTGCTCTGGGGTT
TCTCTGCTAAAATGTCCACATGTTGATTAAATAGCAAACCTGAGACAAGCC
CTAC

>Sequence 2629

AGGTACTTCCACCTTCTAAGGACATCCATAAGTCAGGTTTGATTTCTTCA
CTGTCAAAGCGTTCCTTCAGGAAAGTCTGGAAATAAAATAAGCCAGATGT
GGTTAAAAAACAATTTTCAGATAACTATGGAATATTTAAGAAAATACAGA
GTGATGTCTTGGACTTTAAAAAAATAGAGCTGATTTCAAATGCTTTTCAA
AGATGTTTAAAAAAGGCTATTTCCACAATCTTTTTTCTGTCGTATATTG
AAAATCATTTAACTGCTCAAATAATGTTTAATAATTGAAATTTAAATA
ATTGTAAAGTTGACTATATCAATTTTTTTTTTTTGAGACGAAGTCTTGCTC
TGTCATTGGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCAACTAACTGCAGCCTC
TG

>Sequence 2630

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAGTTTCTACATTTCTTTTAAT
GTTGTTATACCACTGTTACCTAACTAGGAAAAAATAAATTTTTTTTAAATG
ACCAAGCTCATTTTGAAGCTGCTCGGTGTCCATAAACACTGAGGCCTGC
CTGCCTCAACTAAAGCAGCCACTTGAAATGCAGCTCCAGCTGCTCATTCT
TCTGTTTATCAAAACAGGGCAAAGCCGCCAGGAACTCGCCTCAGCAAG

Table 3

486/1077

GTGACCTGACCTCAGGCCCATCACAGTCACAAATCTGCATTCCCAATAAA
AAATAATCACAAACGAAGAAAGCACCCAGGTAACCAGTTATGGAAAAGCAA
AGGATTGATGAGTTGGGGGTGACAGGACAGTGGATTACTGGTTTTGTTTT
TTTG

>Sequence 2631

AGGTACGCGGGAGAAGAAATAGCAAGTGCCGAGAAGCTGGCATCAGAAAA
ACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCGAGGGAGACCAGGAAGATCTG
CATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAGGTCTGTAGGCCATGGGAATGG
GTTTGGAATTTTATTCAAAGAGCTATGGGAAGTGAAGGTTTAAAG
TTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTTATATTTGTGTTTTATACAAATTA
CTCTGGTTGCTGTGTTGATAGGACAGCAGAAGGGTAGGAGCAGGGACACC
AGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTGAGAGGTGGTGGCTGGGCCTAGGC
CTTTTTGGAGTGAACAAGCTATTTGCTTGGCTTCCATGATCCTTCTCCCT
CCACTGGAATGGAAG

>Sequence 2632

GCAGTCATCCACTTACTTCTACTATACGGCGAATTGGTTCTCCACCGAGG
TGGCGGGCGCCCGGGCAGGTACTAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGT
TTTTATAGACGCAGACCAATTGTTAGGAACAGGGGCAAATTGGAGCACCA
TTAACCAACAATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCT
ATTTGCCTCAGGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCC
TATTAATTCAATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGG
CAAGATTACAAGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGA
AAAGTTATTGTAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCA
GTCGGCCATAAAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAAGAGTTGATGTAA
TTACAGAATG

>Sequence 2633

GGAATGTCCTTTAACTCTCATATAGGACGACTTGGAGCTCCTTCGCGGTG
GCGGCCGAGGTACATATATATGTATGCTTGTAATGAGCTTTTATTAGCT
GTGTATATTAAAGGTTTTCTCCATCCTGTGATCTGCTTTTAGATTTTGGA
ACACATTTCAATTGTGCACATTCCATTTGTATTATTAATATGACAACATTT
ATTACTATTATTATCATCATTAATTCAATCACATCTACTATATCCCT
GATAATGACCATGATCCTTTTAATAATCACAAAACCTCTTCCCTTCATC
ACGGGGTAAATAACCTACCACAATGCTGTAAGTCTCCATCAGCACCCAG
GCTGCCCTGCTCACTTACCAGATCTGCTACTTTAGCCAGATCAATCATC
ATGTTAATGTCACACCCACATTCAATAATGGTGAGTCTGCGCTTTTACC
TGACACGATCG

>Sequence 2634

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCTTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTG
GATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCT

>Sequence 2635

AGGTACGATATATGAAGGAGCTTCCAACATCCAGTTGAACACCATTTGCAA
AGCATATCGATGCAGAATACTGACGTCTATAGGAGTGGGACCCCTCCCTG
GTGTCACCTGCTGTAAAATTTTAAACGGTTGTGTCTTGTTGGGAGTAAGTG
CCCTTGCGTGGGGAATAAACCTTCCACAGCCATTCCGAATATTTTAAAT
GAAGCCCCCTTAAATCCAGGGTTCCTTGGTTGTTTGGCCCTATTTTGGTT
TTTACTCTTTTTTCAAGGCCTGTTTTAAACTTTAGGCCACCAGGGAGTATC
CCAACCTTTTTAATACTTGGGGGAAAATAAAGCCACCTTGTGATTTTTTTT
TTCCCAAAAAACTGGGTTTTTAAAAACCTTGTATAACGGCCATACAATA
TTATAATCATTTTTTTTACCTTCTGATCCTTTAACTTCTTGTTCACCCC
ATAGGCTTAAGAGGTTGCCAGTTGGCCGTTGA

Table 3

487/1077

>Sequence 2636

GCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTCTATGAAAGTTTTT
GCGTGACCTATTTTTCCTCTCTCCATGCAAAGGTAAGCCTGGAAATAATA
CATTTTATTTTATAGTTAAAAAACAAGAATAGAAAAGAGCCTCATTTAGT
AATGAAGGGAACGTAACCTTTATTCAATGCAAAGGGCAATGGATTCTATA
TTCATCTATGTGCCAAGCAGCCCTCTGAGCTTTAAAACTAATTATAGGG
GGAGATTGTGACTTTTCAGTCTTTTTGGCTCATGCCATATTCTATGGTAC
TGGTCTCCTGAGTTCACCTGTTTAAATAATTTCCCCTCACCTTCCCATGC
AAGGCATTAAAGAGCACAAACAGGCAGCTGCCACTTTGGGGACCTTTTTAG
TATTGCTGC

>Sequence 2637

CCGGGCAGGTACCACCCCCTTGCTGAAAGCACTGGTTCCCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTTACATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAATAATAGAGAAATGGTAAGAAAAGAAGGAAAAGCAAGAAAAATG

>Sequence 2638

CCGGGCAGGTACGGTGAATAGAAAATTCCCCATATGATGTCAACTACCAG
GTGCTTGTAAGTTTGAGGGCTCTGAAGGCCATCCTAGGGATACCCACATG
ATTTACAGCGGTGTCTGTTGGGCAGTGCCAGTCTTGGAAGGTGGGCAAGC
ATAAATTCCACAACCTTATACTAATATTAGATGAAGTTTCTCAAACATT
CCTTTGAGACATGGCAGGACAGCGCCAGGGATCCTCCTTCAGGAAGAAAC
TAGATTTTACATTGGTACGCGGGGGTTCCGGGCGTCACCATCGTCCGTGC
GCACCGCCCGGCGTCCAGATTTGGCAATTCTTCGCTGAAGTCATCATGAG
CTTTTCCAACCTCCTGATGAAAAGGAAGGAACCTCATTCCCTTGGTGGTGT
TCAT

>Sequence 2639

AGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTAAATC
AACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGC
CCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATCTGGAAA
TAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCATACT
GGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAAAACAGG
AAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATGGAGGCAG
AGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCCACCCAGA
AGCTGGAAGGAAATGAGGGATTCTCTCCTAGAACCTTTAGAGAGAACATG

>Sequence 2640

AGGTACCTAATATAAAGTTAAGTGGTTTTATTAACTTTTTTCTGAC
CATGATTATGTTATAAATAAGAGGATTTATAGTTTGCATGCCTGATATAA
TCTATTTAATTTCTTTACAAAATTTTTGCACATGAAAGATAAATGTCTT
CATTTTACCAGCTACCTCCTTCCAGATTGAATGCTTCAGTGCACCTTTGAT
TTTCAAATTGGCTATTATTTTTTAATGTAATTAACCTTCACAATTTAAAT
TGAAGGATATTCTGATCCTTAGGTTATAAATATGTGACTTGATGGTTTAT
GTAACATTCAAGTAGCATGTTTTCTATAACAATATGATAAAAGTTTTGAT
ACATACCTTGTATGTTGCTTGACAGATCTGTTTTAGAAAACATTCCTCTG
CCTTT

>Sequence 2641

CCGGGCAGGTACATTATTTCTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAAAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGACATGATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGT
CTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCTAGAACACA
TGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTAG
AGGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGA
GGCCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAACAGAAGGATGAGTGAGTAG

Table 3

488/1077

GGCACTACCAGCAGCTCAATAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAG
GGCTAT

>Sequence 2642

GGCATTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCCTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGAATGTGTGGGCCTCAAAATGGTAAAAGTTAAGCAAGCCCTTTCTTA
ATTTCTCAACCCTCTGTAATTCATTCAGGGTCCTTTCCCCACCAATGCAA
GAATCNTGTCCTGGTTCTTCCCTTCGGGCTGGCAGCCCACAACAAAATTC
TCCCCCTCCCCATCTTTCTCTACCCCTCGCCCTACCCTCGCGCCCGGGT
CCTGCGACACTTATTAGAAAACACTACGCTGGGATCCCCCACGGAACATTG
CAAGGATATTACGACTTTATAAAAACCTTAATTCCAATACCCTGTTTCAGA
ACCCTGGGAACGGGGGGGAGCCCCACGGTACCCGCAGTCTTC

>Sequence 2643

AGGTACGCGGGGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACG
TCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGGCCTTGCTTNNAANAGGGCCATATCCAGGCTAACTCTT
GAAANNNAANNCTCAAACCTTAATTGGCCACTTTTTCTTCTGTCAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAA

>Sequence 2644

AGGTACTCCAGGGAAACTGACAGTGATCGTAAACTTGTTGATAAAGAAGA
TATCGACACTAGCAGCAAAGGAGGCTGTGTCCAACAGGCTACTGGCTGGA
GGAAAGGGACAGGCCTGGGATATGGCCATCCTGGATTGGCTTCATCAGAG
GAGGCTGAAGGCCGGATGAGGGGGCCCCAGTGTTGGAGCCTCAGGAAAGAA
CCAGCATAAAGACAGTTCCAACGGGAGACTTATCGAAGATGCTGTTTCGAA
AGAGTCATGGTTTGCTTCGATTTATAAGAACTTCGATTTAAGTAAAGGGA
GGACAAGTTTCCATTGGGTATTACATACCTTCCCTTCTTGTATTTGGTTT
TGTATTCTTCCTTTTTCTTTTTGTTAACTAGTATCTTGGCTGCTTAGAAC
CTTTTTTTAATATAAAAACCTTTTTTTTTTCCCTCTGGCAATAATTATAAAA
TATAAATAATAAAAAAAAAGTCTG

>Sequence 2645

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTTGCTTTT
TATAGGCTTTCCTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGCTTTGA
ATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCATAGGCT
GAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTAAGAGTA
TACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTTACAGGACCATGTTCT
CTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCCCTTCCAGCTTCTGGGTG
GCTGCTGG

>Sequence 2646

AGGTACAGCAGTCGAAGTGAGCTGCCATCTCTGATTCTGTATCCCTGATG
GCTCTGCACAGCCTAGTCTTCCCTGGTGGGAAGAGTGTCCCTTGTCCACA
GAGGTGGTGGGGACCCACATTGCTTGTAGCTCCCGTGAGCATGCAAAGAA
GGCCATTACCAGGAGGAACCGCCTCTCAGGATCTGATCTTTTCTTCCCTC
TTTCTTGACTTCCTTCTATTTCTAATGGCAGTGCTTATCTTCTTCTTTT
GCAGGTTGTAACCTCCATTTCTGACATCCCCACTGGTATTCCAGTTCACC
TAGAGCTGGCCAGTATGACTAACAGGGAGCTCATGAGCAGCATTGTCCAT
CAGCAGGTCTTTCCCGCGGTGACTTCCCTTGGGCTGAATGAACAGGAGCT
GTTAT

>Sequence 2647

AGGTACGCGGGGAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCC
TTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTG

Table 3

489/1077

TGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAAT
TGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCA
GGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTC
TGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAG
AATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTA
GAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGC
CCCTGA

>Sequence 2648

AGGTACCTGTCTCATATGTGGCAACTACGTGGGGCAGCACACTCAAGGAA
TGAAGGAAGTTTCAGTGAATGACAACCTTTATAAAGACAGTGTTGAGGCAG
CCCAGTGCAGCGGTTTGGGAGCCAGGAACAGCGTGTGGGCCGGAGTGTGG
CTGCAGGACAGGAGGTCAAAAATAAGGGTTGAGGGTGGAATAGGAAGACC
CCGGAACGTCATCCTGGGAGCTTGAGATTTTATTCTACATTTCTCTTGTT
CTTAACCTATTTAGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCA
TGGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATCTG
GAAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCA
TACTG

>Sequence 2649

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTAGAGCCTTTCATTA
CAATTCAGCCATTCTGCAATTAATTGTCACAAATTTCTGGCCAATACATT
CATTTCTATCATATTCAAAGAAAATTATTTGAATTTAAAATTCTTACTC
TAAATGAGGTATATTGAACATTTTCGAATCTTGACAGTTTAATTCTATATT
TGTGTCATGAAATCAGTTCTTTTCTTTTACCTGTCTTATTTCTTTAAGT
TAGTTATAGGTAAAATTGTAACCTGACTGTTATCTCATGTTAACGCAAG
ACAAGAAAATATGTATGAATGTCGGGAAGAGATTTGACCTGGAACTTTT
CATTTATTGAAAAGGCTGCTTTTGAATTTTGCCACATGAATTATTACT

>Sequence 2650

AGGTACTGAGGCTGTATACAGCCACAGCCTCTCCCCATCCCTCCAGCCTT
ATCTGTCATCACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAATCTAACTT
GTAATTCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCCATCTGCCTGAGAAGC
TCTTCCTTGGTTCTTAAATCTAGAATGATGTAAAGTTTTGAATTAAGTTG
ACTATCTTACTTCATGCAAAGAAGGGACACATATGAGTATTCATCATCAC
ATGAAGACAGCTAAATACTAAAAGTTGTAATTTGATTATAAGAAGTTTAG
ATATAATATATGAAATGCAAAGAGCCACAAAGGGAATGTTTATGGGGCAC
GTTTTGTAAGCCCTGGGATGTGAAGCAAAGGCAGGGAAACCTCATAGTAT
CTTATATAATACTTCATTTCTTTATCTCTATCACAATT

>Sequence 2651

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTCTTGG

>Sequence 2652

AGGTACCTAATAAATATTTTTGGCATATGTGAATGAATGAATGAGTGAAT
AAATAATCAGATTAGTTGATGAAAGATTCTAAGGGAAGATTAGGTAATGT
GATTATAAGAGAAAGATCCTGAAGAATGCTTGGAATGGATCCTTTACCC
ATACATGATTTTGTTTCATCAGCTTATATGTAGGATCACAGTCATTTGGAA
AATATTGGTCCATTGAAATTTATACATTTTCCAAATGGTGACACACTTCA
TTATACAGTGTCAAAGTTAGCCTTCATGACTATCACCCTGATCTCATC
AGGAAGTTTTAAGTATTGGATAGCTATAAGCTCACAATGGCAGTCCTAGA
TAGTGCAGCCGTGGATTGAAAAAGTGTTCTAGTTTCCTCTTTTAAAGCCA
AGAATCCATCCTTAAATATAAGA

Table 3

490/1077

>Sequence 2653

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCATCGTAAATCTCAACATCCACATGAACTT
CACCCATATCTGCAGAAGCCACAATTCTATCAACCAGTCCTTGGATGAGT
CTGTGATTTATGGACCAGGAAACCTGTCAACCAACAATACTCTCAGA
GACCACTTCAAAGGGATTCTTCCCATAGCAGAAGCTCACTCATGCCCCCT
GAGAAATGATGTGGATAAGAGAGGGGAGACGACCTCAGCATCCTTGCTAA
ATGCTGGATTAAGCCACACTGAATACCAGATAGTCACAGACCCTGGGGAC
GTCCCAGCTTTTTTGAAATGGCTGTCCTTAGCCAGCTTGCTTGTTTATGT
TGCTGCTTTTTCAATTGGTCTAGGACCAATGCCCTGNCTGGTG

>Sequence 2654

AGGTACCAATCCTTATCATTTTTATTACCAAGAGTTACTGAAGGAAAACA
CCAACCTTTGTGTTGGCTGCAATCCAATTGGAGGTTTCACTGTCATCATC
ACACTTTTTAATCCATTTCTTTAACCCTGTTTGAAAATAACAACGGTTA
GGATAACAANAAGACTTTTAAAAATAGCAAATTACTTTAGCACTTAACT
ATGGTCAAGCTTAAATGTAAAAGCCAATGAATAAGATTATCACTAGGCTC
ACATCCTCTTAAGCCAGGGAAGTCCCATAGCTACAATGTCCAGTATATAT
AAAATCAACCAAAGCAGGATTTTCTTTGGCAGAAGCTGAGTGGGGAACCT
AGAGCTTGAAGAGAAGCCCAACTGCAAGGTGTGTATTCCCCTAATTACAA
AGCCTGACAAAGAGGTGCCTTAGCCATGG

>Sequence 2655

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAGGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AA

>Sequence 2656

AGGTACAACACCATCTGGCTTCTCTATTTTGAAACTCCACACCAGGTAA
TCTTGTCATGGCTGTGGCTTAAATCTAAAGTCAGGTTCTGGTGTTTTCT
GGAATCCATGCCTAGCTCTTTGATTCTGAAACCAAATCTGGATTCTGGAC
TCTTCTGTATTGATTGCTAAAGCAAGTTTTTGTGTTGGTAGCATAACCTGG
GTAAGGTTTTTGAGTGAAGGTATTGGTGAGGATTTTCAATTGATCTTCTG
TGAATTTGGTGCAATTGCACCTATGATTTGTTGCTACCATCTTGTGTGAA
GAGGGGTCTTCAACTATGCAGAAAGAGAGTTCTGGAGGCTGAGCTACTGT
CTGGGAGACTGCTTACAGCTCATTTTTTAAAAAGAAAGGTCACA

>Sequence 2657

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCTTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAA

>Sequence 2658

CCGGGCAGGTACCTCAAGGTGTGTTGTCGTAGTCATATAATTCCTTTGCT
TGTAAGTCCCAATAAATGGATGAGGACTCACTTCACCCATAAATAAGAA
AGGTGAACAGCACATGGGGCCTGTAGATGCCTTTTGCAGGGCCCTCTTTT
TCTCTTCCTAAAGTTGCAATTTGAGTATTTCTCTAGATGGGCACATCATA
GAAACTGTCGTCCTAGATCAGAGCCTGGGGAGAGAGATACAGGTGTCATG
CTTACATCTGCAGAGTGGGAACAAGCCCAGAAAAATCAAGATGATTAAGC
AGAGAGCTTCCATACTGGAGATAAACCAGCTGTGTAAAAAATCATTGCAC
CAAAAAAGCATTGCACCATCGACATAACTGCTTTAACTAAGAAGTAAAGG

Table 3

491/1077

AACTGATGCCCCAGCAGAGCAT

>Sequence 2659

CCGGGCAGGTACAAATATTACTATACCAAGGTGTAGAGGAGTATGTCTAA
GCCTGTAATGATAGCAGGTGGCAAGGTGGAGGTAGATGGCCTTCTGTGGT
AGTTCACGGGGAGGAAGACAGTGGATCCAAGCAAATAAGAAAGGCCACAT
TTTTTTTTTTAATTTTGCATCTCAAGGTATTTTAGTCAAAATTTTTTTT
TTAGTTTTCCACAGCAAACGATTACGTAAAATATAAACCTAATGTATTCT
TTAGGACTAAGTGTGCCTTTTCTCTATATGCTAAGAGGTGTAAGTAGAGA
ATAGACGTTATAGTATCCTAGCAAATGAATATTCACAAGAAAGGCTACAA
AACTTCATTATCTTGGCTTATTCTAAATCTACCTAAAGTCATCTTGCTCT
CCTAACA

>Sequence 2660

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCTTTTTGTTTTCCCCA
ATTTTAACATAAGGCCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATCCCCCTTTAT
AATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGA
CTTGATCTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATAC
CCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATT
GGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGC
TGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTTTCTGT
AGG

>Sequence 2661

CCGGGCAGGTACAGGTTGCTGTAGGAGCCCTTAATCTATGAGATCTTGAC
AGATTGCTTGCTTTCTTCTTTCCACCATGGGAGAATGCAACAAGGTCTTC
ACCAGATGGCCGAACAGATCCAAGTGTCATGACCTTGGACTGTCCATCCT
CCAGAACCATAAGCCAAATAAATTTCTTTTCTTCATAAATTTCCAGTCT
GTGGTATCTTGAAATCAACTGAAATCAGTCACTAAGGAACAAAATTCTCC
AGAGAACTGTTTCTTCTTGAATCTGAATGCCTGACTGTCAATCATTTA
GCACTGAAACAAGGAGAGCCTCTCTGAATGTTGAGCAGCCAAGAGAGCTG
CCCACACTGGACATCAATCAGCAGCAGGGCCTGTCCTCAGGGTGACTCCG
TTTACC

>Sequence 2662

CCGGGCAGGTACATTGGATGTGAACTCTTTTAAACTATAACATGGACACT
TTATTGGAACCAAACCTTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTAAC
TTTGCTTCATTGAAAAAATAATTGCTTGTTCTCTGTCAGATGCACTTCGT
CTTAGTAACATGGCCATGGGGAAGACAACCACAGGCCAGATAGTCAATCT
GCTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTTCCTTACACT
TCCTGTGGGCAGGACCACTGCAGACGATCGCAGTGAAGTGCCTACTCTGG
ATGGAGATAGGAATATCTTGCCTTGCTGGGATGGCAGATTTTATCATTTT
TTCTGCCCTTGCAAAGCTGTTTTGGGAAGTTGTTCTCATCACTGAAGGAT
AAT

>Sequence 2663

CCGGGCAGGTGCATGGCGAAGCTAGAGACTGTAACCTGAAGATTGGGACA
AATTAAAGAAAAAATGTGATTTAACACAATTACAAAAACTGTTACGTTA
GGGTCAAACAAGAACCATTTTATGAAACTGAATTACAACAATGACATTA
TATCTAACTCTTCCGGGTCTCCACAGCACTTATACTTACTTAAGCAGCTT
AAACACTTCCGAGTCTCCACAGCACTCTGATACTTACTTAAACAGCTCTT
TTAACCTGCCCTAGTATTCTTAAGTGCAGCATATCTAATTTTTTTTTTTC
CTCAGTAGTTTGAACACTTGCTGGCTATTTTTTCTGTCCAAGTTCTCAGT
AACTTCGGCCTGTGTAGTCAGTGGTTCTACACAGCCGACACTACTTTTT

>Sequence 2664

AGGTACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGTGAATCATCTGAGGGCAGGACTTCG
AGACCAGCCTGCCTAACACGGTGAAACCTCATCTCCACTAAAAATACAAA
AAAATTAGCCAGGCGTGCTGGCAAGCACCTATAATCCCAGCTAATTTCTT
CTAGTTTTAATAGTCCAAGCTTCGGGAGAAAAGATAGTTTTAGCATAGGT
AGATGAAAGGAAAAATTATTTTCTTAAAGATGTTGACACTCACTGGGAAG

Table 3

492/1077

CTGATTTTCCTTTAGACAAATTCAACTGAAGAGATGTTGAAGAGTACGCG
GGGGTCAGAAGCTGGAGGAGTTGAAGGCAGAGGAGCCAGATAACTTCAGC
AGCAAAGTAGTGCAGAGGGGGCCGAGAGTTCTTTGACAGCAACGGGAACCTT
CCTGTACCTGCCCCGGGCGGCA

>Sequence 2665

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCCTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GG

>Sequence 2666

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AA

>Sequence 2667

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCC
CGTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCATACCT
GGCCCTTTATTTATTCTCTTTAAAGAGAAGAGAAAACCTTATGAGAGGGCC
AAAATTTATTTAATTTAAATCTTTTTACCATTAGCTGCAAGGGGAAAAAA
ATGGAATTTTGCTTAATATAAGGTGATGTAAACGCATTACACAATGTAAAC
AGGAAACAATTCACAATTTTATTAAAAGTGCAAAAATTTTGTGAGAACT
TAATAAGCCTATAATGGGTAAGCTTTATTTTTTGGGGTGGGGGAAAGAAT
ATGAGAAAAAGGAATATTAACATTCTTTTTTACTGGCCATGAACCCATT
TTGATAAAAAAATCTTTATTTGTCCCTTTC

>Sequence 2668

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCTTCCTTCCAGTAAGGAGTCGGGGTCTTCCT
CAGTTTTCTCAGCCAGGCGGCGGCGGCGACTGGCAATGTTTGGCCTCAAA
AGAAACCCGCCAAGGGTGGGTGGAAACCGAAACGAGTCAGTGTTGAAAC
GTGTCTCATCCTATTCTGAAGCCAGAATATTCTGGCCATGAGTCATTGT
TTCCGCCCATCTTGATTCTTTTGGAAATGGCAGCTCTTGTTCAAAGACCG
GAAAGGGTGGGATGTCAATTTCAAGTGGGGTCAACCTGAGTTCTGTAAAT
CCCAGTAGCGATTTTCCCGCCGCGGGTGGGTAGGCGAATCTTGCGCCGGT
TTATACAAAGGAGGCCGTGAGGACCTGCATGCTTTTCTTTCTTAGGCATG

>Sequence 2669

CCGGGCAGGTACTCCAAGCCAAAGATGATGGAGAGTGAATTAAGTTAGTG
CAATGGGACCAAGTCTAGAGCTATTTAGAAGTGAGAAGTGACACGGAAAA
AAAAAAGATTGATTGGATGTAGAACAAGTTGGATAAGAATCCAGGACAA
CCCCAGGTGTCAGGCTGGGGCAGCTAGGTAGGTGCTATTGCCATATAAAG
TGTTAAAAAAGAATAGAGAAGGGGCTAGTTGTCGGGGGAAGGAGTTCAGT
TTTAGACATGTTGAACTGCAAGGAGATTTGATACTATAATTAAGGAATGT
GTTTTAATAAATTTAATAAACAATGAACACACATTATTCGCATTTCCCAA
ACAATTTGGATGGTAGATCAAAAAGAATGAGAGTGAAAATAAGGGGTCTG
TGACCACTCAATTAAGATTGA

>Sequence 2670

AGGTACAGATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCTGCAGCTCAGG

Table 3

493/1077

GGAGAGCTGGGTAAAGAACCGCCAAGGCAGTAATCATCTGCATTTAGATG
GCGAGTGAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCCAGCAAGAATAAATCAA
ACCATGAGAAACACATACATTTAAGAATAAGGAGATGTGGTCAGGCGCGG
TGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGGTGGATC
ACTTGAGGTCAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACCTAGTGAAATCCCG
TCTCTGCTAAAAATACAGAACTTAGCTGGGTGTGGTGGTGCCTGCTATA
GTCCCAGCTGCTTGGGAGGCTGAGGCACAAGAATCGGTTGAACCCGGGAG
GTG

>Sequence 2671

AGGTACTTTCCCGTGTGGAGGCGCGCCCAGTCACCTTGTTGCGGTAGCCT
CAAGGTGAGGAATCGAGACCCACCAAGTATGATGAATAAACCCAGACTCT
CAGCAATGCAGGAAAGGAACAAACGGGCAGCTTGGGAAAAGGGGGCTCAC
ATACCACAGCGACTAGGTAACTCTACACAGACCAAGATTTTGATAGTTT
ACCTGTGCAAATTACAGTTCCGGAGAAAATACGGTCAATAATAAGGAAG
GAATTGAATCGCAGGCATCCTACAAAATTGTAATTGAAGGGAAACCATAT
ACTGTGAATTTAATGCAAAAGTAGGTAATCATCATTATTTTATCAATTCT
CTTTGTTCTACTTATAATTTTTGCTTGAAATTGTCCAGAATGGAATTATT
TTGTATTTG

>Sequence 2672

CCGGGCAGGTACCACCCTCTTGCTGAAAGCACTGGTTCCCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTTCATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAATAATAGAGAAATGGTTAGAAAAGAAGGAAAAGCAAGAAAAATG
TCGTTAC

>Sequence 2673

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTTACTCT
AGAAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGG
ACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACT
GCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAA
GGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATG
TGGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAAC
AACTTGGCATG

>Sequence 2674

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCAATAATTACTTTTAT
TGTATACTGCACAATATAAACAGCATGTTGCAAAGAAATATATATATTG
TGTGCTTTGTGTATGATATAAATCCATTTCTGCAAAAATAAAATACAAACC
CGATTTATCTAACAATATGAACTCAATGAAAAACAAATCCCAAATA
ATACTATTTATGTAAAATATAGAAGCTAAACAATAAATTAATAATACATA
CATAAATAGCAAAAGAGTAAAGCATAGTAAAAAATAATAAGCACCCAAGT
AAAGAAAAGAAATAACGTAAAATTTGGGATGGAGTGATTTCTATGACGGG
GAATAGAAAAGAGATGTGGCCACGCATGAGAATATTCAGGCTCATTGGTA
ATGTTCTGG

>Sequence 2675

AGGTACGAGTTGAATCATTGTTCAAATAAGGTGTAATTGAAAAGTGATCC
TCTCTTCAGAGATGTCAAAAACAAACAAATCCAAGTCTGGATCTCGCTCT
TCTCGCTCAAGATCTGCATCAAGATCTCGTTCTCGTTTCATTTTCGAAAGT
CTTCTGTTCCCCAAACCCGAATCTCTTCTCTCGTTTCAAGGAAAGCGCAG
GCCTGTAGTTCCTAAGGTCTCGGTTCTCAAATCATTATTTCTTCCAGCCT
TCATAACCAGTAGAAAATGAAAACCAACCCCAAGGAAGTATATTCCAGAA
TTCGGGGATTTTCCGAAGGTTCAAAAACAGAGGGCTTATAGGAAAGGG

Table 3

494/1077

CCCTTAATTATTTTTCCGTTGTGGTCGTTAAACAAGCAGTGGCTTTTTTA
TTCCCAATTGGGGGCCCCAAATATTAACCCCGTAGGTAAGGGCCTATTGG
AAAAACCTAACTCGGCTTCAAAAATTTGGGCAAGGAATTTAACCCGGGCC
AAAGGCA

>Sequence 2676

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAAT

>Sequence 2677

CCGGGCAGGTACAGTAGTATTTAACCTGGATGTGAGGACTAAGGAGGAAA
TTTTCTGGTGAATACCGAAGAGCAAAGAGCAGCAGGTCAGCAGGAATGAC
TAATGTTTTTCTATGCACGTTTAATGGAAAATTCATGTAGGATATTTTGA
GTAGGTAATTGGATAACCAGCATTATAACTCGCATCCTACTAGTTTGAC
TCTACTAATAAGACTTGTCAAAGATCCAAGAATCTGAAAGTTGATGATA
AATGTCCATGTGTATCACCATCAATGATCAAAAGTTAGCATCCACAACAT
AGAATGGGACAGATGAACTTAATGGATAAAGATGAATATCGGAGTTGTTC
CTTTTAGGGAATGATACTCTCCATGACCTGTGTGAGTCACAGCCCCCGA
T

>Sequence 2678

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTTTTAAGCA
CATGACCTT'CCCCAAATATGGCCCAAGCTTCTACTTTGGGGAGATTAAG
ATTTATCTAGAAGAAATGCATATGCAAAGACCAAGAAAGATGAAATATTC
AACTTTTTGACTTTCGGAAAATAAGATACTGCATCAAAACAAGAGCTCTG
CAAATCAAATTATGTTGAGAACAGATTGCATAAAACTTTTACCCCTTTAT
CCTCTCTTCCCATCTCTGCCGAGCTAAATTTTATTAGTTATACATAAAG
ACGACCTAGGAGAAAGAAGAAGAGCATTCTGCCCATTTTTTGATATTAGAA
TAGTTGTGCGGAAAATTAAAGAGAAGAAAAGAAAGAAACCTAAGTTT

>Sequence 2679

AGGTACTTTTTTTTTTCAAATTTTCTTTTTTCTCAAGCCCTTTGANTCTC
TTTGTCTCATACTTCATTCAGAATGATTTACAGAGAAAATAGAGGATATC
AGATGGAACCTTTACTCAAACCTCCTGCCACATTTGCACACCTTCCCTT
CTTTTAGTTCCCTTCCCTTCTGCAGATGTCTCACCTCTGCCCAAGGCTCTT
CCCCTTCCCTATGTCTGGATCCCACCTGCTTCCAGTTCCCTCTTTAACTTT
CTACTATATCCTCTCTTTCTTCTCCAACACTACCACCCTCCTTGCCACAA
GGTTTCTTCCCACCAGCATTATAAATACATGCTCATCCTCTACTGTTTAA
TTAACAACCAAGCCAACCTTTCTCCCCATCTGTCTTTCCCCAACTACCATC
TTTCTCTTTTAA

>Sequence 2680

AGGTACCAGGCACTGGAAACGCCAGACAAACAAGGTCTCTAACCTTGCCA
TCTTTCAACAGGAAACACTCCCCTCGCCCCACCCCAGGGGAATGTAGTAG
TGTAATGGTAAAAACATAAAGAGAACTATACGGACTTCACCGAACTGACA
TGAGGTTTAAATGCGATATGGCAGACAAAGCATATAACGGTAGAAAAAGT
GAACACTTAAGAAATGTTTAATTCCCATCGCCTTTCCAGTGTGATCGCT
CAGCAGCTAAATTACTGTAAACACTGGCTATCTCATGCTATATAAATCT
AAGACACGATAATAAGCAAAAAAACAATAATAACAACAAACATTTTAA
CTACTTATCCTCTCTAGACTCTTATTAGAATATCCCTGGGCAGTTGATTC
G

>Sequence 2681

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA

Table 3

495/1077

ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTTA
GGGCCTGGGGAAAAATTTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTAAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCGGCAGGAGTTGATGTAATTA

>Sequence 2682

AGGTACTAAAAATAATAATCTGTTGTGAGATACAGGATAATTATTATTC
CATTTTATAGATGAGAACTGAAGCTTAAATTTTAAGTAACTTGTCCGAAT
TATTAAGTGGTGAGGTAAGGGCTTATATCCAGGTTTTCCGTCTTTAAATA
CAAGATTTTAAACATTATTCCACATTGCTTCACATGCCTCAGATTGTGACC
AGCTGAGGGAAATTGTAATTTTTCTTTCTAATAGGTAATCAGGTGCTCCC
TTTCAATATTAATTTTACATAGGTAAAACCTTGTAAGTAAGCCAAATAG
TATATATAGATATTCCAAATGACTGTTCTCACATAGAGGTCTTCTGACAC
ACTGACAACACACCAAGTCATTCAGAACCAGTGGGACTCATTAATAAAGT
TAGTGCTT

>Sequence 2683

CCGGGCAGGACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTA
GAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCCTTTTCTTCTGTGAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTG
GTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAA

>Sequence 2684

AGGTACCTGTCTCATATGTGGCAACTACGTGGGGCAGCACACTCAAGGAA
TGAAGGAAGTTTCAGTGAATGACAACCTTTATAAAGACAGTGTTGAGGCAG
CCCAGTGCAGCGGTTTGGGAGCCAGGAACAGCGTGTGGGCCGGAGTGTGG
CTGCAGGACAGGAGGTCAAAAATAAGGGTTGAGGGTGGAATAGGAAGACC
CCGGAACGTCATCCTGGGAGCTTGAGATTTTATTCTACATTTCTCTTGTT
CTTAACCTATTTAGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCA
TGGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACCTTCAGCACGTAATTTTCATCTG
GAAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAAACCTGAAGATGAGATC

>Sequence 2685

AGGTACCTTTTTTTCATAGCATAGAGCTCTGCTATGAAGAATACATAACAC
ATACACAGTATTTAAGATTACATGTGCACACATGAACACACACACACACA
CACACCACCCCTTCTTTAAAGAAAAAAGAACCCATCCCCTTGATATAAAC
TGTTAGACTCGTTTTTCAGAATGTCTCTTGCCATTATGTCAATTCAGCCTG
CAAACAAAATTTAACATTTTTGTTTTTTTAAAAAAATCAACTTTTAACCA
AACTTCTTAGAATTATTTTTCAATATTAGCATAAAATATTTGTTGGTGT
TTTGCTATTATTTAACTGCAGTGGTCAGGTATCTCCTTCACAAAAAGAA
ACTCAAACCTGAAGCTGATGTAGATGAAAATGAAAACCAATCACCTTTATC
CAATTAC

>Sequence 2686

AGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCTTTTTGTTTTCCCAATTTTA
ACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACT
CCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTG
AATAAATTACCCCAAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGAT
CTCCCTCAAAGGCCTACCCCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTCT
AGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATTGTTGGTGG
AACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGCTGTTGG
ATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTTTCTGTAGGGGT
T

>Sequence 2687

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT

Table 3

496/1077

AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTGGTCTTGCAA
GCCTCA

>Sequence 2688

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAATCAGAACAGGCTTA
ATAGGAACTTTGAATTTTAATCCTTCTATTCATCTGTTATAGATTATTTT
CCCTAGTGATTTCTGTATTAATAAACTTAAACATGGCAAGTTTTTTCTA
ATAAGCAAATAACCAACAGCTTAATATATTTGTATTAACTCTAACAGT
GCACTAACTTTAAATGTTGAAATAGATTACACATTTTAGGGCATAATGGC
AGAATATTTGGCTACAATAGACCATAGGATTTTGTGGAAGCAAATAACAA
AATGATGATTTATCATTTTAATGCAAACCTCAATTTTATTGTTTAATGGGA
ATTTAATTTTTGTCTTTGGGAAATCTTTTGAGTAGCTGATTTTGTGCCC
T

>Sequence 2689

AGGTACGCGGGGAGGAAAGAAGGGGCACATGAGCAAACATGATGGCCCCTT
TATGAGAGGTAATTTACTGAAATGCACAGCGATTACCTGCTACCCAGCC
CTGATGTAATTAATAAATGGCAGGCTAGGGGCTCTGTTTCCCCCGGCTCTG
GCAGAGAAACCTGGGTTTCGACTTGTGAAGCTTGAGGTTGGATGTGGGAA
TTGGCTTGAGTCATAGGCGATGAGAGGGGCATTAGGATATTATGAAGCC
CGTGAACCTCAACTCCTGAGAAGGACACAGCAGAGCGAGAGAAAAGATGGA
ATAAAAAGGCCTACCTCATTAGGCTCGTGTGGGTGAGGAGAACTGAAGAG
TCTGAGAGCGCGGCACGAGCCAGAGGCTACGGAAAACACTGCCCTCCTAC
ACTCCACCTTG

>Sequence 2690

AGGTACAAAAGGATCCGCTACTGTGTGCCTTTCTCTAGCTAGCTCATTTT
ATTCTTGTTATGCATTTCCCAGACAATGCATGCTGAGGGCCTACTATGCA
TGAGACACTGTCCTAGGAACAGAGGTGGTTCCTGGTGGCCCTACTACGT
CATTATCATTGTGGATTTTGGATTGCAGAATATTGAACTGACACATTTT
TGATGGCACATGTCTTGAGGGAGAGACTGCAGTAGGGCAGGTGAATCTTT
GCCACCTGTGCAGACCCTAATGTTTGCCACAATGTTTGTATCTGGTTGAC
AGCTGAGCGTGAGATTGTCCGGGACATCAAGGAGAAACTGTGTTATGTAG
CTCTGGACTTTGAAAATGAGATGGCCACTGCCGCATCCTCATCCTCCCTT
GA

>Sequence 2691

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGGGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTT

>Sequence 2692

CCGGGCAGGTACAAGGGAGGCCCTCAAGAAGGTCTGTCATCTCCTTACAC
TGAATCAGGACTGGCGTAGTGTGACCTGTGGAATACAGTAGAAGTAAAGA
TGTGTGACTCCCAAAGCTTGGTCATATAAGGCATTGCAGCTTCAGCCTTG
CTCTCTTGGATCACTTACCCTGGAGAAAGTCATCTCCCATGCTCTGAGGA
TACTCAAGCAACTCTGTGGAGTGTTCCACATGGAGAGGAAGTGCCGAAGA
CCCGCACCAACTGGCCAAAAAAGTTTGTCAAAATTGACAAATGGGATCTA
ATTAAACTCAAGAGCTTCTGCACAGCAAAAGAACTACCATCAGAGTGAA
CAGGCAACCTACAAAATGGGAGAAAATTTTCGCAACCTACTCATCTGACA

Table 3

497/1077

AAGGGCTAA

>Sequence 2693

AGGTACGCGGAGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCATGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGACAA
TTTTATATCTCAATACTTAGTTCGGCCCTCTTTATTCATTCTGTCAAGAG
GACGCATTCTGTAGTGGCATCTGGGGAAGATCTCTGGCACTCCAGATAGA
ATTCACACTGCGCTCATCTGCACAAATACAAGTGGCCTACNATTGGATTT
GTAGAAGGAGAAAAGGAGCCCTGTATATGTGAGCATGTGCTATGAGACAA
TTCTGTGCCCACTGAATGATGGTCGATGCCAAAGGGAAGAATCCTTGGA
GAAGTCATCATATGCGTATGAAACAAACATTGGCATTGGATCACTGTTTT
TGTGGTGTGTAAGCCTTGTGCGAAAAGCCCAATTCGGGAACAAATGGTTT
TTCAACTTTGGAAGGATGGGTGAGACTCTAACTGTGAGGACTTGATTTAT
TATGGCCCCCTCGTTTGAGTACTCTGCCCCAGGGCCGGTCGGGTCTAAGAA
ACTAGTAGGATTCCCCCGGGGCTTGCATGAATTTTCGATATTCAAAGCTT
AATCGGATACCCCGGTTCGACCCTCGAAGGGTGGGGCCCCCGGTCACCCCA
GCCTTTTTTGGTTCCCATTTTAAGTGAAAGGGTTAATTTGCCCCGCCTTGG
GCGTAATCCATTGGGCCATAACTGGACTCCCCTGTGTGGAATAATTGGTAT
TCCCTTTACCAAATTCACAACATATTACTAAACCGGGAGCCATTAAAGGG
TAAACGCTCGTGGGGGCCTAAATGAGTGAACCTAACCCACATTTATTT
GTGGTTCGCGCACATTGCTCCGTTTTTCACATACGGAAAACCTTGTCGTGCC
ATGATGTCTATAG

>Sequence 2694

CCGGGCAGGTACCTTGAATTGATTTTCTGACTTTCTTTTATTGGTTTTCA
GATTTCTTCTGCATCTCACTAAGCTTCTTTAAAATTAATGTTTTGTATTT
TTAGGGGATGATGAATATGTTTATTATCATGATAGTGNGTGTGGTTTT
AATGGGTATACCATATGTNNCAAATCTTAACCAAATTTTATACTATAAAC
ATGTGCAGTTTATTGTATGGCAATTATACATCAAGATGTTAAAATAGGGC
CACAAACTCTTTTCTGTTTCTCTCAGTAAGAGATGCATTATAATTCTCTT
CCCACTGAGTCTGGGGTGGCCTTGGTGTATCGTTTGACCATTAGGATATA
GCACATACTGGGACTTCTGAACATAAGTCTTAGGCATTGCATCTGGCCAG
ACGAGGTGGCTTATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGG
CGGATCATGAGGTCAGGAGATGGAGACCATCCTGGTTAACATGGTGAAAC
CCCGTCTCTACTAAAAATACAAAACANAAAAAAATTAAGGCGTGGTG
GTGGGTGCCTGTAGTCCCAACTTCTTGGGAAGCTGAGGCAAGAGAATAGT
GTGAAACCTGGGAGGAAAGCTTGGAGTTAGCCCAAATTGCACCACTGCAC
TTCAGCCTGGGTGACAGAGCCAAGACTCCTTTTAAAAAAAAGAAAGAGAT
TAAAAAGAAGGTCCTTCGCCGCTCTAAAACCAATGGATCCCCCGGCCTGA
GGAATTCAATTTAAGCCTATTGTTCCGTCAACCTAGAGGGGGGGCCCGGCC
CCAATTTTTGTCCCTTTTGTGAGGGTAATTTGGCCCTTGGT

>Sequence 2695

AGGTACGTTTCATCTACCTACTTTGCACTTGGATGGAAGTCCTAGATTGGG
TCTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTTCCTGATACTGT
CACAAGATTTTTTTCCCTTAATTCTTTTAAAATAGGGCACATTTCAACTC
CCTGCCCGCTGCCATTTGATGATATTTTTGTTTCTCTTTAGGTATCGTCC
TATTTTCTTTTCTTTACCACTGACAGCGGCTTATTCATATGAATAATA
TATTAAATACATATGCATTTAAAATATTGTTTTGATTTGTTTGCGAATTG
TTTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAAATGAGTAATTTTTCATATCCTGT
TCTTGCAGGAAGAATTTTAAATCGTTGCTCCAAAGACATTGGCACTTGG
ATGATTTGCTGCCGCTGACGTTTTTAGATTTTCATCCAGGTAACGTTGAGA
GTAATGTCAGGATCTCAAATGGAAAACGGAAGTTCCTATTTTTTCAAGCC
CTTTTCATGGNGTCTGGGGGTGGGACTCTCGGCCTGGCTGTGTGTAATGT
TAACTAATAAAAAGGCCATGTTTGTAAAAGAAAAGTGCGGTTATAACTCA
AAAGCTAAATTGGCATGAAGTATACCTTGTGTGGTGGAGTGGCTATTCAG
TCCCGTTAAGGGTTGTTGGAAGCAGCTTTCTGCTTGTAAAGTGGCTCTCCG
GCTGGCTTAGGTATTTGGCGTGGATTTTGCCTTACTGGGAACCCATTTA

Table 3

498/1077

TTATTCAGAAACATTCCCCCTACGGAAGGAAAGCCCAAATTAACATAAT
TTCCATGGGATTACCCCAAGGGCAAATACTTAGGCT ,

>Sequence 2696

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGATACAGCGCC
GCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGTA
TGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGAA
CCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGAT
TTTCTCTTGGGGTTTGTGCTTGTCTAACCTGCGTTTGAGGTTGTAATGTT
ACAGGCATCTGAACCGCGGGAGGAGGAGTTGATGGCGATCGTGGTTTAAG
CTTTGATGGCCCCAATGATTGTGGGACCTTCTTTCCCAATTTTGGAGGA
TTCAAGGGTATTTTATCCTTCTGTAATTGACTGTAGTCAACATTTTGCG
TTGGACTGAACCATTTCAAACTTTGCTTCATTTTACAATGTGAACTTTA
CGTTCATTGGTGGGATTCTGTCCCGGCCTCTTTTTTAACAATATGTTACA
CAGCTTTTAAGGGCAGTTGAGAACTTGAAAACAATATTTTTCCTGGTAGG
AAAGGATAAAAAGTTGCTTTAATATTGCGCCAGACAATCCCAACCTTAAG
TGGGGATAATGTTACCTTGCCTATTACGCTGTCTAAAATCTTTAGCAATG
CG

>Sequence 2697

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGT
GCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCA
CATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCACACCCATGAGTT
CAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGC
ATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAAC
TAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGG
AAATCTTGGCACCCAGAAAGAAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAAT
GGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGT
GCTATGGGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGGAAGATC
CTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACTTGGCATGTTTCCTGTTT
TGTGTGTGTAGCCTGTGGAAAGCCCATTCGGAACAATGTTTTTCACTTGG
AGGATGGGGAACCCTACTGTGAGACTGATTATTATGCCCTCTTTGGTACC
T

>Sequence 2698

CCGCCAGGTACCACTGCACTACCAGGTTCTAGCAAGAGGAGAAGAAAGGA
GGAAACCACAGGGAAAAATGTTAAGAAGACACAGCATGAATTAGATCACA
ATGGTCTCGTTCCCTTACCCGTCAAAGTCTGCTTCACGTGTAACAGGAGT
TGCCGTGTGGCTCCTCTCATCCAGTGTGACTATTGCCCTCTCCTGTTCCA
CATGGATTGCCTCGAGCCGCGCTCACTGCCATGCCCTGGGCAGATGGA
TGTGTCCGAATCACATCGAACATGTGGTGCTGAACCAGAAGAATATGACA
CTGAGCAATCGGTGCCAGGTGTTTGATCGTTTCCAGGACACCGTTTCGCA
GCATGTCGTCAAAGTGGACTTCCTGAACCGAATCCACAAGAAGCACCCCC
CTAACCGGCGTGTGCTCCAGTCGGTCAAAGAAGAAGCTTGAAGGTTCT
GATGCTATAAAATCTCAGTACCT

>Sequence 2699

CCGGGCAGGTACTTATTTTATGTGTTTTTTTTTTGTTTGGCGACCTCAATA
ACCATTTATTTCTGGCACAGCTTTCCCTCTCTCTCCAGGTGAAGTTTG
TGCAAGCGTGAGTTAAGAGATTGGATGAAATATTCACCCAAATGTAAGTG
TCGGTATGTTATTAATACTTTCTCCAAGAACATGCACATCTTCACCTGGG
CTTGCTGCTGCCCCATGTAGTAAGGATGCAACAGTTTGTGGTTCTCTAGA
GAGCTTTGCCACCATTTTTCAGGGAGAGGGCTTTTAGTGTCTTAACCAT
AGTGACATGTGAACAATCGATATGAGAGTTTTTCTTGAGAATGAATTTT
ATCCAACGAAAAGGGAGAGGAACAGAACATTGCTGGCCTTGGAATCTCA
AATAAAAGGCTACGCATGGGCTCAATATATCATCTCAATGAAATGGAGGT

Table 3

499/1077

GACAGAGGATGGAATCCGGGACCTTGAGGATAGCTCAATGGAATTTGGCC
ATTTTATACAGCGGGCGCCGCACATGGATGGGGCAGTTCTTGATTACTTT
ATTCACACCATCTGAGTATGACTGCATACAGTCTGGGATGGCAAACCTCCG
GGTGAAAGAATATTAAGGGCCAAGAAATTTCTTGACCAACGGTGTTAC
CAACCTTTTTTGGTTGGACGCATTGAATCCCGGTACCTTGGGCCTTGTA
GAACAGGGGGATCCCCGGGTGGGCGGAATTGGTGATCAGCTTATTTTACC
CGGCGGCCCCGAGGGGGGCCCCGGCCCCAGGTTTGGTCCCTTTAAGGGGGT
AATGGACCCCT

>Sequence 2700

CCGGCAGGTACGCGGGGACTCGCGTCGGTTGGCGACTCCCCGGACGTAGGT
AGTTTGTGGGGCCGGGTTCTGAGGCCTTGCTTCTCTTTACTTTTCCACTC
TAGGCCACGATGCCGCAGTACCCCAACATGAGCATTCTTCTATTAAAATTT
CTCATCTTCTGTGCCATCTTCCATGTTGCTTTGAACATGTGGAAATTCAT
TTCCTCATGCACTCATATACAGACCAAAAATTTGGGAGAAACAATATTGGC
GATGGAACAGCAACACTGTTGCATGTCTTCTTATTCTTCTGTGCATATAA
TTATGATTGAACCAGTCTGTAACCTTCATTAGGCTTCTTCAGGCAGATATG
GCTTTAACTCATAAAAGCTCAAGGAATTTTCGTCAGCTGGAAGGAATACCA
ATGCAGACACATGATGCATGTTTAAACTGAAGTTGTCATCTTTGCCGTAT
CACATGGCCAATTCCTCATTGTAATTGTCTGTCAAATGCATTGGGCTGA
ATGGAAAAAACAATTATTATTGGTAACAGCATGAATTCCTTTCAGAAG
CCTNGACTGTATATAATTCTAAATCGGNCATTGGTGCTTGAGAATCAATT
AGACATTACGGATTTTAGACTGTAAGGAATTAGACTTTAAGGAATTTGGC
CTTTGGGAATTCAACATTCAGAATATGGCGTTCGGGATTGCCTCTCTTGG
GAATCATAATCCAACCCCCATGGGAGAATCCTTTGGCCGGTCTAAACTA
ATGGAATCCCCCGGCTGGAAGAAATACGAGTTAAGCTTAATCGTACCGTT
GAACTTGAGGGGGGCCCCG

>Sequence 2701

CCGGGCAGGTACTATAGATTATTTGTCTTGAAGAAGAGCTTTGATATGTT
TCAAAATTCGACGTTGGCTTTGGAAGGAAACTGTAAATTTACAGATCTTT
GTCCTTCCCCACAAAGAGCCTTAATCTCACAGGTTGGATTATGTGGAAC
CACTGCTATTTTTTCAGTTCTCCTTTAAGTGACTAAGGAACATCCAGATAC
TTCCAAAAAAGTCTAAGTTTTTCACTTTGTCCATTGCCATTT
AATTATCTTCTGCATATTTTAAAGCATTTTCTGTGAACATAAGTATTGCC
CATCCAGAAAATTTGCGTCTACATTGATTTTATGTTTAAATGAAACCTGTT
CTTCTCAAGTTCTTTATTTAATCACATAACATAGTATCTTCAAAGGTGAG
ATAAAAAAATCACTGGAGAAATGTTAAACTTCATTTATTTAAGATGACT
AGTGATGCAGCTAGCAAACCCAAGAAGCCAACCTGGAATGGAAATGCTCAG
TGGTGCTCAGCCATTACCCAGGACCAGAGATTCCTTTGTAAACAGTTCAA
TTTGTGAGGCACAAGTGAAGATAAATNGGGCCATGACAAAACCTATGAGA
ATGAATGATNATCATAGTAACATCTGACATATATTAAAATTTGTGTTATG
CCATTTCTCAGTTCCACCAAATGTACCCTC

>Sequence 2702

GGTACTTTTTTTTTTTTTTTGTGACAGGGTCTTGCTCTGTCACAAAAAAA
AAAAAAGGAAAGGAAAAAGAAGAAGAAATATGTATATTGGATAT
ACTATGTGCCAGGCACGATTCCAAGCCCCTGATACATCTTACATTTTACA
GATGGGGGAAGGAGGTCCAGAGATGTTAAATACTTGCCCAAGGTCACACA
GAAAGTGGAACACTGGGATTTGAACAAGGTTTTGGTTGGGCATCTTCTCC
TATGGGAGCTCAGAAATATCTGTTGTCTAGCCCTTTCTCAGCCTCCCAAC
CTTGTCGGTTCCTTACCTATGTACAGCTGACTTTGAGCTAAAGTCATCT
CGGGGCAACTAGGTGCCTATGTGAGCTGGCGTTCATTTCTCACTGATTCT
CCTTCCAAATACCTCCAGGAAGAAAAGCAAGTCCTTTTTTGGTCCAAGACA
TAAAAAAGCCAAGCTCAATGGCTCATGCCTATAATCCCAACACTTGGGG
AGGCTGAAGCAGGAAGATCGCTTGAGCCCGGGAAGTGGAGACCAGCCTGG
ACATGTTAACAATAGCAGACCCCTCTACAAAAATGTTCAAAAGAGCTGGG
GTGGTGGGGCACACCTGTAGTCCCACTTACTTGGAAGCTGAGGCACGGGG
GTCTTTAGGCCCCGGAAGTTGAGGTGCCATAAGCTATGGGGGGCAATTTT

Table 3

500/1077

ACTCCAGGTGGCAGGCAAGAAACAAGACCTTAATGGGAGATTGGAAAAAT
GGTGGAAGCCGACCGTGACATTTAGGAAGGGAAAAACCCGAGATTATGGG
CACAGCT

>Sequence 2703

CCGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACG
CAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAA
TCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAG
GGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAA
TTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAA
GATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGT
AGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAA
AGCCATTAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATAT
GTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAAT
GGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAAGACAAGTTAGAACATTTG
GGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAAGTGC
CCAAGCTTAAATAAACCGAATATATAAATCANGCTATTAACAGCATAAAA
ATAAAAGGCCATCTGGCCTGTGTGCCAAATGTGGAAAGGCAAACATTGGG
CCCATCAATGTCATTCTAAATTGATAAGAAGGGCCACCATGGTCTGGAAC
AGGAAAGGGGCCAGCCTTAGGCCCCCAACAAACGGGGCATTCCAAATAAA
CTGTTGTTCCCTCAGGTTTCAGGCCACCACCCCTACAAAAAATACACACTT
TAGGGATCGCCT

>Sequence 2704

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGCTATTTGCCTCAG
GGCCTGNGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAAGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTT
GGGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAGTNG
CCCAGGCTTANATAAACCGAATATATAAATCAAGCTATTACAAGCAAAAA
TAAAAAGCATCTGGCCTGTGTCCAANATGTGGAAAAGCAAAACATTGGGC
CAATCCATGTCAATCTAAAATTGATAAAAAATGGCAACCATTTGCTTGAAAC
AAGGAAGAGGGGCCAGCCTAAGCCCCCACAAAACCTGGGCATTTCCAGTT
AAACTGTTGTTCTTCAGGTTTAAGGACCACCACCCCTACGAAAAACCACC
ATTCAGGG

>Sequence 2705

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAACTGTAAAAATG
TGAAGATACTAGAATGTTAATTTGACTGCTCTAAGAAGTAATTTTTTTAA
CTTTGCACAAAACATAGTATGAATGTCATATATTCAATTAATAAATGTGCT
TATGCATCTAGTAAGCAAAGCTGAACTACCCTTGCGGAAATGTGTTACCT
GTTCAATGGCCTAAGGGATAATAGGTAATTTTAAAGAGGGTGATACGAGC
ATTTGTAGAGCTCTATAAAGTGTATAACATCATGTAAATTTGTATGATT
TTGTTTTGTGAATATAGTTTCAACTTGCTAAGTAAAGCAGTAAGGGGCAA
ACACTAAACTTACCAGTTAAAAAGCATTAAACAGTTAGACTTTGTAATGA
TAGTCTTTCAAGGTTTACCCTTGCTGCCATTA

>Sequence 2706

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTCCTTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA